

*IBM SPSS Modeler 16 Python
Handbuch für Scripterstellung
und Automatisierung*

IBM

Hinweis

Vor Verwendung dieser Informationen und des darin beschriebenen Produkts sollten die Informationen unter „Bemerkungen“ auf Seite 265 gelesen werden.

Produktinformation

Diese Ausgabe bezieht sich auf Version 16, Release 0, Modifikation 0 von IBM SPSS Modeler und alle nachfolgenden Releases und Modifikationen, bis dieser Hinweis in einer Neuauflage geändert wird.

Diese Veröffentlichung ist eine Übersetzung des Handbuchs *IBM SPSS Modeler 16 Python Scripting and Automation Guide*, herausgegeben von International Business Machines Corporation, USA

© Copyright International Business Machines Corporation 2013

Informationen, die nur für bestimmte Länder Gültigkeit haben und für Deutschland, Österreich und die Schweiz nicht zutreffen, wurden in dieser Veröffentlichung im Originaltext übernommen.

Möglicherweise sind nicht alle in dieser Übersetzung aufgeführten Produkte in Deutschland angekündigt und verfügbar; vor Entscheidungen empfiehlt sich der Kontakt mit der zuständigen IBM Geschäftsstelle.

Änderung des Textes bleibt vorbehalten.

Herausgegeben von:
TSC Germany
Kst. 2877
Oktober 2013

Inhaltsverzeichnis

Kapitel 1. Scripting 1

| | |
|--|----|
| Scripting - Überblick. | 1 |
| Scripttypen | 1 |
| Stream-Scripts | 2 |
| Standalone-Scripts | 3 |
| Superknotenscripts | 3 |
| Verwendung von Schleifen und bedingte Ausführung in Streams | 4 |
| Verwendung von Schleifen in Streams | 5 |
| Bedingte Ausführung in Streams. | 8 |
| Ausführen und Unterbrechen von Scripts | 10 |
| Suchen und ersetzen | 10 |

Kapitel 2. Scriptsprache 13

| | |
|--|----|
| Scriptsprache - Überblick. | 13 |
| Python und Jython | 13 |
| Python-Scripting. | 14 |
| Operationen | 14 |
| Listen | 14 |
| Zeichenfolgen | 15 |
| Anmerkungen | 17 |
| Anweisungssyntax | 17 |
| IDs | 17 |
| Codeblöcke | 18 |
| Übergeben von Argumenten an ein Script | 18 |
| Beispiele | 18 |
| Mathematische Methoden | 19 |
| Verwendung von Nicht-ASCII-Zeichen | 21 |
| Objektorientierte Programmierung. | 22 |
| Definieren einer Klasse | 22 |
| Erstellen einer Klasseninstanz | 23 |
| Hinzufügen von Attributen zu einer Klassenins- tanz | 23 |
| Definieren von Klassenattributen und Methoden | 23 |
| Ausgeblendete Variablen | 24 |
| Vererbung | 24 |

Kapitel 3. Scripting in IBM SPSS Mode- ler. 25

| | |
|---|----|
| Scripttypen | 25 |
| Streams, Superknotenstreams und Diagramme. | 25 |
| Streams. | 25 |
| Superknotenstreams | 25 |
| Diagramme | 25 |
| Ausführen eines Streams | 26 |
| Scriptingkontext. | 26 |
| Referenzieren vorhandener Knoten | 27 |
| Suchen von Knoten. | 27 |
| Festlegen von Eigenschaften. | 28 |
| Erstellen von Knoten und Ändern von Streams | 29 |
| Erstellen von Knoten | 29 |
| Aktivieren und Aufheben von Links für Knoten | 30 |
| Importieren, Ersetzen und Löschen von Knoten | 31 |
| Traversieren durch Knoten in einem Stream | 32 |
| Abrufen von Informationen zu Knoten | 33 |

Kapitel 4. Scripting-API. 37

| | |
|--|----|
| Einführung in die Scripting-API | 37 |
| Beispiel: Mit einem benutzerdefinierten Filter nach Knoten suchen | 37 |
| Metadaten: Informationen über Daten | 37 |
| Zugriff auf generierte Objekte | 40 |
| Fehlerbehandlung | 42 |
| Stream-, Sitzungs- und Superknotenparameter. | 42 |
| Globale Werte | 46 |
| Arbeiten mit mehreren Streams: Standalone-Scripts | 47 |

Kapitel 5. Tipps zur Scripterstellung . . . 49

| | |
|---|----|
| Ändern der Streamausführung | 49 |
| Arbeiten mit Modellen | 49 |
| Erstellen eines verschlüsselten Kennworts | 49 |
| Scriptprüfung | 50 |
| Scripts in der Befehlszeile | 50 |
| Angaben von Dateipfaden | 50 |
| Kompatibilität zu früheren Versionen. | 51 |

Kapitel 6. Befehlszeilenargumente . . . 53

| | |
|--|----|
| Aufrufen der Software. | 53 |
| Verwenden von Befehlszeilenargumenten | 53 |
| Systemargumente | 54 |
| Parameterargumente | 55 |
| Argumente zum Herstellen einer Serververbin- dung | 56 |
| Argumente zum Herstellen einer IBM SPSS Col- laboration and Deployment Services Repository- Verbindung | 57 |
| Kombinieren mehrerer Argumente. | 57 |

Kapitel 7. Eigenschaftsreferenz 59

| | |
|---|----|
| Überblick über die Eigenschaften | 59 |
| Abkürzungen. | 59 |
| Beispiele für Knoten- und Streameigenschaften | 59 |
| Überblick über Knoteneigenschaften | 60 |
| Allgemeine Knoteneigenschaften | 60 |

Kapitel 8. Streameigenschaften 61

Kapitel 9. Eigenschaften von Quellen- knoten 65

| | |
|--|----|
| Allgemeine Eigenschaften von Quellenknoten | 65 |
| Eigenschaften des Knotens "asimport" | 66 |
| Eigenschaften des Knotens "cognosimport" | 67 |
| Eigenschaften des Knotens "database" | 68 |
| Eigenschaften des Knotens "datacollectionimport" | 69 |
| Eigenschaften des Knotens "excelimport" | 72 |
| Eigenschaften des Knotens "evimport" | 72 |
| Eigenschaften des Knotens "fixedfile" | 73 |
| Eigenschaften des Knotens "sasimport" | 75 |
| Eigenschaften des Knotens "simgen" | 75 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticsimport" | 78 |

| | |
|--|----|
| Eigenschaften des Knotens "userinput" | 78 |
| Eigenschaften des Knotens "variablefile" | 79 |
| Eigenschaften des Knotens "xmlimport" | 82 |

Kapitel 10. Eigenschaften von Datensatzoperationsknoten 83

| | |
|--|----|
| Eigenschaften des Knotens "append" | 83 |
| Eigenschaften des Knotens "aggregate" | 83 |
| Eigenschaften des Knotens "balance" | 84 |
| Eigenschaften des Knotens "derive_stb" | 84 |
| Eigenschaften des Knotens "distinct" | 86 |
| Eigenschaften des Knotens "merge" | 87 |
| Eigenschaften des Knotens "rfmaggregate" | 88 |
| Eigenschaften des Knotens "Rprocess" | 89 |
| Eigenschaften des Knotens "sample" | 90 |
| Eigenschaften des Knotens "select" | 91 |
| Eigenschaften des Knotens "sort" | 92 |
| Eigenschaften des Knotens "streamingts" | 92 |

Kapitel 11. Eigenschaften von Feldoperationsknoten 97

| | |
|--|-----|
| Eigenschaften des Knotens "anonymize" | 97 |
| Eigenschaften des Knotens "autodataprep" | 97 |
| Eigenschaften des Knotens "binning" | 100 |
| Eigenschaften des Knotens "derive" | 103 |
| Eigenschaften des Knotens "ensemble" | 104 |
| Eigenschaften des Knotens "filler" | 105 |
| Eigenschaften des Knotens "filter" | 105 |
| Eigenschaften des Knotens "history" | 106 |
| Eigenschaften des Knotens "partition" | 106 |
| Eigenschaften des Knotens "reclassify" | 107 |
| Eigenschaften des Knotens "reorder" | 108 |
| Eigenschaften des Knotens "restructure" | 108 |
| Eigenschaften des Knotens "rfmanalysis" | 109 |
| Eigenschaften des Knotens "settoflag" | 110 |
| Eigenschaften des Knotens "statistictransform" | 111 |
| Eigenschaften des Knotens "timeintervals" | 111 |
| Eigenschaften des Knotens "transpose" | 115 |
| Eigenschaften des Knotens "type" | 116 |

Kapitel 12. Eigenschaften von Diagrammknoten 121

| | |
|---|-----|
| Allgemeine Eigenschaften von Diagrammknoten | 121 |
| Eigenschaften des Knotens "collection" | 122 |
| Eigenschaften des Knotens "distribution" | 123 |
| Eigenschaften des Knotens "evaluation" | 123 |
| Eigenschaften des Knotens "graphboard" | 125 |
| Eigenschaften des Knotens "histogram" | 127 |
| Eigenschaften des Knotens "multiplot" | 128 |
| Eigenschaften des Knotens "plot" | 129 |
| Eigenschaften des Knotens "timeplot" | 131 |
| Eigenschaften des Knotens "web" | 132 |

Kapitel 13. Eigenschaften von Modellierungsknoten 133

| | |
|--|-----|
| Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten | 133 |
| Eigenschaften des Knotens "anomalydetection" | 133 |
| Eigenschaften des Knotens "apriori" | 135 |

| | |
|--|-----|
| Eigenschaften des Knotens "autoclassifier" | 136 |
| Festlegen der Algorithmuseigenschaften | 137 |
| Eigenschaften des Knotens "autocluster" | 138 |
| Eigenschaften des Knotens "autonumeric" | 139 |
| Eigenschaften des Knotens "bayesnet" | 140 |
| Eigenschaften des Knotens "buildr" | 142 |
| Eigenschaften des Knotens "c50" | 142 |
| Eigenschaften des Knotens "carma" | 143 |
| Eigenschaften des Knotens "cart" | 144 |
| Eigenschaften des Knotens "chaid" | 146 |
| Eigenschaften des Knotens "coxreg" | 147 |
| Eigenschaften des Knotens "decisionlist" | 149 |
| Eigenschaften des Knotens "discriminant" | 150 |
| Eigenschaften des Knotens "factor" | 152 |
| Eigenschaften des Knotens "featureselection" | 153 |
| Eigenschaften des Knotens "genlin" | 155 |
| Eigenschaften des Knotens "glm" | 158 |
| Eigenschaften des Knotens "kmeans" | 162 |
| Eigenschaften des Knotens "knn" | 163 |
| Eigenschaften des Knotens "kohonen" | 164 |
| Eigenschaften des Knotens "linear" | 165 |
| Eigenschaften des Knotens "logreg" | 166 |
| Eigenschaften des Knotens "neuralnet" | 169 |
| Eigenschaften des Knotens "neuralnetwork" | 171 |
| Eigenschaften des Knotens "quest" | 172 |
| Eigenschaften des Knotens "regression" | 174 |
| Eigenschaften des Knotens "sequence" | 175 |
| Eigenschaften des Knotens "slrm" | 176 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticsmodel" | 177 |
| Eigenschaften des Knotens "svm" | 177 |
| Eigenschaften des Knotens "timeseries" | 178 |
| Eigenschaften des Knotens "twostep" | 179 |

Kapitel 14. Eigenschaften von Modellnuggetknoten 181

| | |
|--|-----|
| Eigenschaften des Knotens "applyanomalydetection" | 181 |
| Eigenschaften des Knotens "applyapriori" | 181 |
| Eigenschaften des Knotens "applyautoclassifier" | 182 |
| Eigenschaften des Knotens "applyautocluster" | 182 |
| Eigenschaften des Knotens "applyautonumeric" | 182 |
| Eigenschaften des Knotens "applybayesnet" | 183 |
| Eigenschaften des Knotens "applyc50" | 183 |
| Eigenschaften des Knotens "applycarma" | 183 |
| Eigenschaften des Knotens "applycart" | 183 |
| Eigenschaften des Knotens "applychaid" | 184 |
| Eigenschaften des Knotens "applycoxreg" | 184 |
| Eigenschaften des Knotens "applydecisionlist" | 185 |
| Eigenschaften des Knotens "applydiscriminant" | 185 |
| Eigenschaften des Knotens "applyfactor" | 185 |
| Eigenschaften des Knotens "applyfeatureselection" | 185 |
| Eigenschaften des Knotens "applygeneralizedlinear" | 186 |
| Eigenschaften des Knotens "applyglm" | 186 |
| Eigenschaften des Knotens "applykmeans" | 187 |
| Eigenschaften des Knotens "applyknn" | 187 |
| Eigenschaften des Knotens "applykohonen" | 187 |
| Eigenschaften des Knotens "applylinear" | 187 |
| Eigenschaften des Knotens "applylogreg" | 188 |
| Eigenschaften des Knotens "applyneuralnet" | 188 |
| Eigenschaften des Knotens "applyneuralnetwork" | 188 |

| | |
|---|-----|
| Eigenschaften des Knotens "applyquest" | 189 |
| Eigenschaften des Knotens "applyregression" | 189 |
| Eigenschaften des Knotens "applyr" | 189 |
| Eigenschaften des Knotens "applyselflearning" | 190 |
| Eigenschaften des Knotens "applysequence" | 190 |
| Eigenschaften des Knotens "applysvm" | 190 |
| Eigenschaften des Knotens "applytimeseries" | 191 |
| Eigenschaften des Knotens "applytostep" | 191 |

Kapitel 15. Eigenschaften von Datenbankmodellierungsknoten 193

| | |
|--|-----|
| Knoteneigenschaften für Microsoft-Modellierung | 193 |
| Eigenschaften von Microsoft-Modellierungsknoten | 193 |
| Eigenschaften von Microsoft-Modellnuggets | 195 |
| Knoteneigenschaften für Oracle-Modellierung | 197 |
| Eigenschaften von Oracle-Modellierungsknoten | 197 |
| Eigenschaften von Oracle-Modellnuggets | 202 |
| Knoteneigenschaften für IBM DB2-Modellierung | 203 |
| Eigenschaften von IBM DB2-Modellierungsknoten | 203 |
| Eigenschaften von IBM DB2-Modellnuggets | 208 |
| Knoteneigenschaften für IBM Netezza Analytics-Modellierung | 209 |
| Eigenschaften von Netezza-Modellierungsknoten | 209 |
| Eigenschaften von Netezza-Modellnuggets | 219 |

Kapitel 16. Eigenschaften von Ausgabeknoten 221

| | |
|--|-----|
| Eigenschaften von Analyseknotten | 221 |
| Eigenschaften des Knotens "dataaudit" | 222 |
| Eigenschaften des Knotens "matrix" | 223 |
| Eigenschaften des Knotens "means" | 224 |
| Eigenschaften des Knotens "report" | 226 |
| Eigenschaften des Knotens "Routput" | 227 |
| Eigenschaften des Knotens "setglobals" | 227 |
| Eigenschaften des Knotens "simeval" | 228 |
| Eigenschaften des Knotens "simfit" | 228 |
| Eigenschaften des Knotens "statistics" | 229 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticsoutput" | 230 |
| Eigenschaften des Knotens "table" | 230 |
| Eigenschaften des Knotens "transform" | 233 |

Kapitel 17. Eigenschaften von Exportknoten 235

| | |
|--|-----|
| Allgemeine Eigenschaften von Exportknoten | 235 |
| Eigenschaften des Knotens "asexport" | 235 |
| Eigenschaften des Knotens "cognosexport" | 236 |
| Eigenschaften des Knotens "databaseexport" | 237 |
| Eigenschaften des Knotens "datacollectionexport" | 240 |
| Eigenschaften des Knotens "excelexport" | 240 |

| | |
|--|-----|
| Eigenschaften des Knotens "outputfile" | 241 |
| Eigenschaften des Knotens "sasexport" | 242 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticsexport" | 243 |
| Eigenschaften des Knotens "xmlexport" | 243 |

Kapitel 18. IBM SPSS Statistics-Knoteneigenschaften 245

| | |
|---|-----|
| Eigenschaften des Knotens "statisticsimport" | 245 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticstransform" | 245 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticsmodel" | 246 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticsoutput" | 246 |
| Eigenschaften des Knotens "statisticsexport" | 246 |

Kapitel 19. Superknoteneigenschaften 249

Anhang A. Knotennamenreferenz . . . 251

| | |
|--|-----|
| Modellnuggetnamen | 251 |
| Vermeidung doppelter Modellnamen | 253 |
| Namen der Ausgabetypen | 253 |

Anhang B. Migration von traditionellem Scripting zu Python-Scripting . . 255

| | |
|---|-----|
| Übersicht über die Migration traditioneller Scripts | 255 |
| Allgemeine Unterschiede | 255 |
| Scriptingkontext | 255 |
| Befehle und Funktionen | 255 |
| Literale und Kommentare | 256 |
| Operatoren | 256 |
| Bedingte Befehle und Schleifenbefehle | 257 |
| Variablen | 258 |
| Knoten-, Ausgabe- und Modelltypen | 258 |
| Eigenschaftsnamen | 258 |
| Knotenreferenzen | 258 |
| Abrufen und Festlegen von Eigenschaften | 259 |
| Bearbeiten von Streams | 259 |
| Knotenoperationen | 260 |
| Verwendung von Schleifen | 261 |
| Streams ausführen | 261 |
| Zugriff auf Objekte über das Dateisystem und das Repository | 262 |
| Streamoperationen | 263 |
| Modelloperationen | 263 |
| Dokumentausageoperationen | 263 |
| Weitere Unterschiede zwischen traditionellem und Python-Scripting | 264 |

Bemerkungen 265

| | |
|------------------|-----|
| Marken | 266 |
|------------------|-----|

Index 267

Kapitel 1. Scripting

Scripting - Überblick

Scripting in IBM® SPSS Modeler ist ein leistungsstarkes Tool, mit dem Prozesse in der Benutzerschnittstelle automatisiert werden. Scripts können dieselben Arten von Aktionen durchführen, die Sie mit einer Maus oder einer Tastatur durchführen. So können Sie Aufgaben automatisieren, die bei einer manuellen Durchführung sehr viele Wiederholungen verlangen oder sehr viel Zeit beanspruchen.

Scripts können zu folgenden Zwecken verwendet werden:

- Eine bestimmte Reihenfolge für Knotenausführungen in einem Stream erzwingen und Knoten bedingt ausführen, in Abhängigkeit davon, ob die Bedingungen für die Ausführung erfüllt wurden.
- Schleifen erstellen, um Knoten im Stream wiederholt auszuführen.
- Eine automatische Abfolge von Aktionen festlegen, für die normalerweise Benutzeraktivitäten erforderlich sind. So können Sie beispielsweise ein Modell erstellen und dieses anschließend testen.
- Komplexe Prozesse einrichten, für die häufige Interventionen des Benutzers notwendig sind, wie dies beispielsweise bei Kreuzvalidierungen der Fall ist, bei denen ein Modell wiederholt generiert und getestet werden muss.
- Prozesse einrichten, mit denen Streams bearbeitet werden. Sie können zum Beispiel einen Modelltrainings-Stream ausführen und automatisch den entsprechenden Modelltest-Stream erstellen.

In diesem Kapitel finden Sie allgemeine Beschreibungen und Beispiele für Scripts auf der Streamebene, Standalone-Scripts und Scripts innerhalb von Superknoten auf der IBM SPSS Modeler-Benutzerschnittstelle. Weitere Informationen zu Scriptsprache, Syntax und Befehlen finden Sie in den nachfolgenden Kapiteln.¹

Hinweis: Sie können keine Scripts importieren und ausführen, die in IBM SPSS Statistics innerhalb von IBM SPSS Modeler erstellt wurden.

Scripttypen

IBM SPSS Modeler verwendet drei Scripttypen:

- **Stream-Scripts** werden als Streameigenschaft gespeichert und daher zusammen mit einem bestimmten Stream gespeichert und geladen. Beispielsweise können Sie ein Stream-Script schreiben, das das Trainieren und Anwenden eines Modellnuggets automatisiert. Außerdem können Sie angeben, dass bei jeder Ausführung eines bestimmten Streams statt des Inhalts des Streamerstellungsbereichs das Script ausgeführt werden soll.
- **Standalone-Scripts** sind mit keinem bestimmten Stream verknüpft und werden in externen Textdateien gespeichert. Mit einem Standalone-Script können beispielsweise mehrere Streams gemeinsam bearbeitet werden.
- **Superknotenscripts** werden als Streameigenschaft von Superknoten gespeichert. Superknotenscripts stehen nur in Endsuperknoten zur Verfügung. Mit Superknotenscripts kann die Ausführungssequenz der Superknoteninhalte gesteuert werden. Bei Superknoten, bei denen es sich nicht um Endknoten handelt (also Quellen- oder Prozessknoten), können Sie Eigenschaften für den Superknoten bzw. die Knoten, die er enthält, direkt im Stream-Script definieren.

1. Die traditionelle IBM SPSS Modeler-Scriptsprache ist noch zur Verwendung in Verbindung mit IBM SPSS Modeler 16 verfügbar. Weitere Informationen finden Sie im *IBM SPSS Modeler 16 Handbuch für Scripterstellung und Automatisierung*. Anleitungen zur Zuordnung Ihrer vorhandenen traditionellen IBM SPSS Modeler-Scripts zu Python-Scripts finden Sie in Anhang B, „Migration von traditionellem Scripting zu Python-Scripting“, auf Seite 255.

Stream-Scripts

Mit Scripts können in einem bestimmten Stream enthaltene Operationen angepasst und zusammen mit dem Stream gespeichert werden. Stream-Scripts können verwendet werden, um eine bestimmte Ausführungsreihenfolge der in einem Stream enthaltenen Endknoten vorzugeben. Die Bearbeitung des mit dem aktuellen Stream gespeicherten Scripts erfolgt im Dialogfeld "Script" des Streams.

So können Sie im Dialogfeld "Streameigenschaften" auf die Registerkarte für das Stream-Script zugreifen:

1. Wählen Sie im Menü "Extras" folgende Optionsfolge aus:
Streameigenschaften > Ausführung
2. Klicken Sie auf die Registerkarte **Ausführung**, um mit den Scripts des aktuellen Streams zu arbeiten.
3. Wählen Sie den Ausführungsmodus aus: **Standard (optionales Script)**.

Mit den Symbolleistenymbolen oben im Dialogfeld "script" des Streams können Sie folgende Operationen durchführen:

- Inhalte eines bereits vorhandenen Standalone-Scripts in das Fenster importieren.
- Script als Textdatei speichern.
- Script drucken.
- Standardscript anhängen.
- Script bearbeiten (Rückgängig machen, Ausschneiden, Kopieren, Einfügen und andere gängige Editierfunktionen).
- Gesamtes aktuelles Script ausführen.
- Ausgewählte Zeilen eines Scripts ausführen.
- Script während der Ausführung stoppen. (Dieses Symbol ist nur während einer Scriptausführung aktiviert.)
- Syntax des Scripts überprüfen und etwaige Fehler zur Untersuchung im unteren Fensterbereich des Dialogfelds anzeigen.

Außerdem können Sie angeben, ob dieses Script bei Ausführung des Streams ausgeführt werden soll oder nicht. Mit der Option **Dieses Script ausführen** legen Sie fest, dass das Script bei jedem Ausführen des Streams gestartet und die im Script angegebene Ausführungsreihenfolge verwendet werden soll. Diese Einstellung führt zu einer Automatisierung auf Streamebene und sorgt für eine schnellere Modellbildung. In der Standardeinstellung wird das Script allerdings während der Streamausführung ignoriert. Auch wenn Sie die Option **Dieses Script ignorieren** auswählen, können Sie das Script stets direkt über dieses Dialogfeld ausführen.

Sie können auch den Scripting-Typ von Python-Scripting in traditionelles Scripting ändern.

Der Scripteditor umfasst die folgenden Funktionen zur Unterstützung von Script-Authoring:

- Syntaxhervorhebung; Schlüsselwörter, Literalwerte (wie Zeichenfolgen und Zahlen) und Kommentare werden hervorgehoben.
- Zeilennummerierung.
- Blockabgleich; wenn der Cursor an den Anfang eines Programmblocks gesetzt wird, wird der entsprechende Endblock ebenfalls hervorgehoben.
- Vorschlag für Auto-Vervollständigen.

Die von der Syntaxhervorhebung verwendeten Farben und Textstile können mit den Anzeigevorgaben von IBM SPSS Modeler angepasst werden. Sie können die Anzeigevorgaben aufrufen, indem Sie **Extras > Optionen > Benutzeroptionen** auswählen und auf die Registerkarte **Syntax** klicken.

Eine Liste vorgeschlagener Syntaxvervollständigungen kann aufgerufen werden, indem Sie im Kontextmenü **Automatisch vorschlagen** auswählen oder Strg+Leertaste drücken. Mit den Cursortasten können

Sie sich in der Liste nach oben und unten bewegen. Zum Einfügen des ausgewählten Texts drücken Sie dann die Eingabetaste. Drücken Sie Esc, um die automatische Vervollständigung zu verlassen, ohne den vorhandenen Text zu ändern.

Die Registerkarte **Debug** zeigt Debugnachrichten an und kann verwendet werden, um den Scriptstatus auszuwerten, sobald das Script ausgeführt wurde. Die Registerkarte **Debug** besteht aus einem schreibgeschützten Textbereich und einem einzeiligen Eingabetextfeld. Der Textbereich zeigt Text an, der an eine Standardausgabe gesendet wird, z. B. über den Python-Befehl `print`, oder die Standard-Fehlerausgabe der Scripts, z. B. über den Fehlernachrichtentext. Das Eingabetextfeld übernimmt die Eingabe des Benutzers. Diese Eingabe wird dann im Kontext des Scripts ausgewertet, das zuletzt im Dialog ausgeführt wurde (so genannter *Scriptingkontext*). Der Textbereich enthält den Befehl und die resultierende Ausgabe, sodass der Benutzer einen Trace der Befehle sehen kann. Das Eingabetextfeld enthält immer die Eingabeaufforderung (`>>>` bei Python-Scripting).

In den folgenden Fällen wird ein neuer Scriptingkontext erstellt:

- Ein Script wird über die Schaltfläche "Dieses Script ausführen" oder die Schaltfläche "Ausgewählte Zeilen ausführen" ausgeführt.
- Die Scriptsprache wird geändert.

Wenn ein neuer Scriptingkontext erstellt wird, wird der Inhalt des Textbereichs gelöscht.

Anmerkung: Durch die Ausführung eines Streams außerhalb des Scriptbereichs wird der Scriptkontext des Scriptbereichs nicht geändert. Die Werte von Variablen, die als Teil dieser Ausführung erzeugt werden, sind im Scriptdialog nicht sichtbar.

Standalone-Scripts

Im Dialogfeld "Standalone-Script" wird ein Script erstellt oder bearbeitet, das als Textdatei gespeichert wird. Es zeigt den Namen der Datei und bietet Optionen zum Laden, Speichern, Importieren und Ausführen von Scripts.

So öffnen Sie das Dialogfeld für Standalone-Scripts:

Wählen Sie im Hauptmenü Folgendes:

Extras > Standalone-Script

Für Standalone-Scripts stehen dieselbe Symbolleiste und dieselben Optionen zur Überprüfung der Script-Syntax zur Verfügung wie für Stream-Scripts. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Stream-Scripts“ auf Seite 2.

Superknotenscripts

Mithilfe der Scriptsprache von IBM SPSS Modeler können Sie Scripts innerhalb jedes beliebigen Endsuperknotens erstellen und speichern. Diese Scripts stehen ausschließlich für Endsuperknoten zur Verfügung und werden häufig beim Erstellen von Vorlagenstreams oder zum Erzwingen einer bestimmten Ausführungsreihenfolge für die Superknoteninhalte verwendet. Mit Superknotenscripts können Sie außerdem mehrere Scripts in einem Stream ausführen.

Beispiel: Angenommen, Sie müssen die Ausführungsreihenfolge für einen komplexen Stream angeben und Ihr Superknoten enthält mehrere Knoten, darunter einen Globalwerteknoten, der ausgeführt werden muss, bevor ein neues Feld, das in einem Plotknoten verwendet wird, abgeleitet wird. In diesem Fall können Sie ein Superknotenscript erstellen, das zuerst den Globalwerteknoten ausführt. Die durch diesen Knoten berechneten Werte, wie Durchschnitt oder Standardabweichung, können anschließend bei der Ausführung des Plotknotens verwendet werden.

Innerhalb eines Superknotenscripts können Sie Knoteneigenschaften auf dieselbe Weise angeben wie bei anderen Scripts. Alternativ können Sie die Eigenschaften für einen beliebigen Superknoten oder den darin gekapselten Knoten direkt über ein Stream-Script ändern und definieren. Weitere Informationen finden Sie in Kapitel 19, „Superknoteneigenschaften“, auf Seite 249. Diese Methode funktioniert für Quellen- und Prozess-Superknoten ebenso wie für Endsuperknoten.

Hinweis: Da nur Endsuperknoten ihre eigenen Scripts ausführen können, steht die Registerkarte "Scripts" des Dialogfelds "Superknoten" nur für Endsuperknoten zur Verfügung.

So öffnen Sie das Dialogfeld "Superknotenscript" im Hauptstellungsbereich:

Wählen Sie einen Endsuperknoten im Streamerstellungsbereich aus und wählen Sie folgende Option im Menü "Superknoten":

Superknotenscript...

So öffnen Sie das Dialogfeld "Superknotenscript" im vergrößerten Superknoten-Erstellungsbereich:

Klicken Sie mit der rechten Maustaste auf den Superknoten-Erstellungsbereich und wählen Sie aus dem Kontextmenü folgende Optionen:

Superknotenscript...

Verwendung von Schleifen und bedingte Ausführung in Streams

Ab Version 16.0 ermöglicht SPSS Modeler es Ihnen, einige grundlegende Scripts in einem Stream zu erstellen, indem Sie Werte in verschiedenen Dialogfeldern auswählen, statt die Anweisungen direkt in der Scriptsprache schreiben zu müssen. Die beiden Haupttypen von Scripts, die Sie auf diese Weise erstellen können, sind einfache Schleifen sowie eine Möglichkeit zum Ausführen von Knoten, wenn eine Bedingung erfüllt ist.

Sie können Regeln zur Verwendung von Schleifen und für die bedingte Ausführung in einem Stream kombinieren. Sie haben z. B. Daten über den Kfz-Verkauf von Herstellern weltweit. Sie könnten eine Schleife definieren, um die Daten in einem Stream zu verarbeiten, Details nach dem Herstellerland ermitteln und die Daten in unterschiedlichen Diagrammen ausgeben mit Details wie Umsatzvolumen nach Modell, Emissionsstufen nach Hersteller und Motorgröße usw. Wenn Sie nur Daten europäischer Hersteller analysieren wollen, könnten Sie auch Bedingungen zur Schleife hinzufügen, die verhindern, dass Diagramme für amerikanische und asiatische Hersteller erstellt werden.

Anmerkung: Da sowohl die Verwendung von Schleifen als auch die bedingte Ausführung auf Hintergrundscripts basieren, werden sie nur auf einen gesamten Stream bei dessen Ausführung angewendet.

- **Verwendung von Schleifen.** Sie können mit Schleifen sich wiederholende Tasks automatisieren. Dabei könnte z. B. eine bestimmte Anzahl von Knoten zu einem Stream hinzugefügt und jeweils ein Knotenparameter einzeln geändert werden. Alternativ könnten Sie die wiederholte Ausführung eines Streams oder einer Verzweigung für eine bestimmte Anzahl von Malen steuern (siehe folgende Beispiele):
 - Führen Sie den Stream eine bestimmte Anzahl Male aus und ändern Sie die Quelle bei jeder Ausführung.
 - Führen Sie den Stream eine bestimmte Anzahl Male aus und ändern Sie bei jeder Ausführung den Wert einer Variablen.
 - Führen Sie den Stream eine bestimmte Anzahl Male aus und geben Sie bei jeder Ausführung ein Extrafeld ein.
 - Erstellen Sie ein Modell eine bestimmte Anzahl Male und ändern Sie bei jeder Erstellung eine Modelleinstellung.

- **Bedingte Ausführung.** Damit können Sie steuern, wie Endknoten in Abhängigkeit von vordefinierten Bedingungen ausgeführt werden (siehe folgende Beispiele):
 - Steuern Sie, ob ein Knoten ausgeführt wird, in Abhängigkeit davon, ob ein bestimmter Wert "true" oder "false" ist.
 - Definieren Sie, ob Schleifen parallel oder sequenziell ausgeführt werden.

Sowohl die Verwendung von Schleifen als auch die bedingte Ausführung werden auf der Registerkarte **Ausführung** im Dialogfeld **Streameigenschaften** definiert. Alle Knoten, die in bedingten oder Schleifenanforderungen verwendet werden, werden mit einem zusätzlichen Symbol im Streamerstellungsbereich angezeigt, um darauf hinzuweisen, dass sie Teil einer Schleifen- oder einer bedingten Ausführung sind.

Sie können auf drei Arten auf die Registerkarte **Ausführung** zugreifen:

- Über die Menüs oben im Hauptdialogfeld:
 1. Wählen Sie im Menü "Extras" folgende Optionsfolge aus:
Streameigenschaften > Ausführung
 2. Klicken Sie auf die Registerkarte **Ausführung**, um mit den Scripts des aktuellen Streams zu arbeiten.
- Aus einem Stream:
 1. Klicken Sie mit der rechten Maustaste auf einen Knoten und wählen Sie **Verwendung von Schleifen/bedingte Ausführung** aus.
 2. Wählen Sie die entsprechende Option aus dem Untermenü aus.
- Klicken Sie in der Grafiksymbolliste oben im Hauptdialogfeld auf das Symbol für die Streameigenschaften.

Wenn Sie zum ersten Mal Details zur Schleifen- oder zur bedingten Ausführung eingeben, wählen Sie auf der Registerkarte **Ausführung** den Ausführungsmodus **Verwendung von Schleifen/bedingte Ausführung** aus und wählen Sie dann die Unterregisterkarte **Bedingt** oder **Verwendung von Schleifen** aus.

Verwendung von Schleifen in Streams

Mit Schleifen können Sie sich wiederholende Tasks in Streams automatisieren (siehe folgende Beispiele):

- Führen Sie den Stream eine bestimmte Anzahl Male aus und ändern Sie die Quelle bei jeder Ausführung.
- Führen Sie den Stream eine bestimmte Anzahl Male aus und ändern Sie bei jeder Ausführung den Wert einer Variablen.
- Führen Sie den Stream eine bestimmte Anzahl Male aus und geben Sie bei jeder Ausführung ein Extrafeld ein.
- Erstellen Sie ein Modell eine bestimmte Anzahl Male und ändern Sie bei jeder Erstellung eine Modelleinstellung.

Sie definieren die zu erfüllenden Bedingungen auf der Unterregisterkarte **Verwendung von Schleifen** der Registerkarte **Ausführung** des Streams. Um die Unterregisterkarte anzuzeigen, wählen Sie den Ausführungsmodus **Verwendung von Schleifen/Bedingte Ausführung** aus.

Alle definierten Anforderungen für die Verwendung von Schleifen werden bei der Ausführung des Streams wirksam, wenn der Ausführungsmodus **Verwendung von Schleifen/Bedingte Ausführung** aktiviert wurde. Optional können Sie den Script-Code für Ihre Schleifenanforderungen generieren und ihn in den Scripteditor einfügen, indem Sie unten rechts auf der Unterregisterkarte **Verwendung von Schleifen** auf **Einfügen...** klicken. Die Anzeige der Hauptregisterkarte **Ausführung** ändert sich und der Ausführungsmodus **Standard (optionales Script)** wird mit dem Script im oberen Teil der Registerkarte angezeigt. Dies bedeutet, dass Sie eine Schleifenstruktur mithilfe der verschiedenen Optionen im Dialogfeld **Verwendung von Schleifen** definieren können, bevor Sie ein Script generieren, das Sie im Scripteditor

weiter anpassen können. Wenn Sie auf **Einfügen...** klicken, werden auch alle Bedingungen für die bedingte Ausführung, die Sie definiert haben, im generierten Script angezeigt.

So definieren Sie eine Schleife:

1. Erstellen Sie einen Iterationsschlüssel, um die Hauptschleifenstruktur zu definieren, die in einem Stream ausgeführt werden soll. Weitere Informationen finden Sie in Erstellen eines Iterationsschlüssels zur Verwendung von Schleifen in Streams.
2. Definieren Sie bei Bedarf eine oder mehrere Iterationsvariablen. Weitere Informationen finden Sie in Erstellen einer Iterationsvariablen zur Verwendung von Schleifen in Stream.
3. Die Iterationen und die Variablen, die Sie erstellt haben, werden im Hauptteil der Unterregisterkarte angezeigt. Standardmäßig werden Iterationen in der aufgeführten Reihenfolge ausgeführt. Um eine Iteration in der Liste nach oben oder unten zu verschieben, wählen Sie sie durch Anklicken aus und ändern Sie die Reihenfolge mit dem Auf- oder Abwärts Pfeil in der rechten Spalte der Unterregisterkarte.

Erstellen eines Iterationsschlüssels zur Verwendung von Schleifen in Streams

Sie verwenden einen Iterationsschlüssel, um die Hauptschleifenstruktur zu definieren, die in einem Stream ausgeführt werden soll. Bei der Analyse von Kfz-Verkäufen könnten Sie z. B. einen Streamparameter namens *Herstellerland* erstellen und diesen als Iterationsschlüssel verwenden. Beim Ausführen des Streams wird dieser Schlüssel während jeder Iteration auf die einzelnen Länderwerte in Ihren Daten gesetzt. Verwenden Sie das Dialogfeld **Iterationsschlüssel definieren**, um den Schlüssel zu definieren.

Zum Öffnen des Dialogfelds wählen Sie entweder die Schaltfläche **Iterationsschlüssel...** unten links auf der Unterregisterkarte **Verwendung von Schleifen** aus oder klicken Sie mit der rechten Maustaste auf einen beliebigen Knoten im Stream und wählen Sie entweder **Verwendung von Schleifen/Bedingte Ausführung > Iterationsschlüssel definieren (Felder)** oder **Verwendung von Schleifen/Bedingte Ausführung > Iterationsschlüssel definieren (Werte)** aus. Wenn Sie das Dialogfeld vom Stream aus öffnen, sind einige der Felder wie der Knotenname möglicherweise bereits ausgefüllt.

Füllen Sie die folgenden Felder aus, um einen Iterationsschlüssel zu definieren:

Iteration nach. Sie können eine der folgenden Optionen auswählen:

- **Streamparameter - Felder.** Verwenden Sie diese Option, um eine Schleife zu erstellen, die den Wert eines vorhandenen Streamparameters nacheinander auf jedes angegebene Feld setzt.
- **Streamparameter - Werte.** Verwenden Sie diese Option, um eine Schleife zu erstellen, die den Wert eines vorhandenen Streamparameters nacheinander auf jeden angegebenen Wert setzt.
- **Knoteneigenschaft - Felder.** Verwenden Sie diese Option, um eine Schleife zu erstellen, die den Wert einer Knoteneigenschaft nacheinander auf jedes angegebene Feld setzt.
- **Knoteneigenschaft - Werte.** Verwenden Sie diese Option, um eine Schleife zu erstellen, die den Wert einer Knoteneigenschaft nacheinander auf jeden angegebenen Wert setzt.

Festzulegen. Wählen Sie das Element aus, dessen Wert bei jeder Schleifenausführung festgelegt werden soll. Sie können eine der folgenden Optionen auswählen:

- **Parameter.** Nur verfügbar, wenn Sie **Streamparameter - Felder** oder **Streamparameter - Werte** auswählen. Wählen Sie den erforderlichen Parameter aus der Liste der verfügbaren Parameter aus.
- **Knoten.** Nur verfügbar, wenn Sie **Knoteneigenschaft - Felder** oder **Knoteneigenschaft - Werte** auswählen. Wählen Sie den Knoten aus, für die Sie eine Schleife definieren wollen. Klicken Sie auf die Suchschaltfläche, um das Dialogfeld für die Knotenauswahl zu öffnen, und wählen Sie den gewünschten Knoten aus. Werden zu viele Knoten angezeigt, können Sie die Anzeige so filtern, dass nur bestimmte Knotentypen angezeigt werden. Wählen Sie dazu eine der folgenden Kategorien aus: Quellen-, Prozess-, Diagramm-, Modellierungs-, Ausgabe-, Export- oder Modellanwendungsknoten.

- **Eigenschaft.** Nur verfügbar, wenn Sie **Knoteneigenschaft - Felder** oder **Knoteneigenschaft - Werte** auswählen. Wählen Sie die Eigenschaft des Knotens aus der Liste aus.

Zu verwendende Felder. Nur verfügbar, wenn Sie **Streamparameter - Felder** oder **Knoteneigenschaft - Felder** auswählen. Wählen Sie die Felder in einem Knoten aus, um die Iterationswerte anzugeben. Sie können eine der folgenden Optionen auswählen:

- **Knoten.** Nur verfügbar, wenn Sie **Streamparameter - Felder** auswählen. Wählen Sie den Knoten mit den Details aus, für die Sie eine Schleife konfigurieren möchten. Klicken Sie auf die Suchschaltfläche, um das Dialogfeld für die Knotenauswahl zu öffnen, und wählen Sie den gewünschten Knoten aus. Werden zu viele Knoten angezeigt, können Sie die Anzeige so filtern, dass nur bestimmte Knotentypen angezeigt werden. Wählen Sie dazu eine der folgenden Kategorien aus: Quellen-, Prozess-, Diagramm-, Modellierungs-, Ausgabe-, Export- oder Modellanwendungsknoten.
- **Feldliste.** Klicken Sie auf die Listenschaltfläche in der rechten Spalte, um das Dialogfeld **Felder auswählen** anzuzeigen, in dem Sie die Felder im Knoten zur Angabe der Iterationsdaten auswählen können. Weitere Informationen finden Sie in „Auswählen von Feldern für Iterationen“ auf Seite 8.

Zu verwendende Werte. Nur verfügbar, wenn Sie **Streamparameter - Werte** oder **Knoteneigenschaft - Werte** auswählen. Wählen Sie die Werte im ausgewählten Feld aus, die als Iterationswerte verwendet werden sollen. Sie können eine der folgenden Optionen auswählen:

- **Knoten.** Nur verfügbar, wenn Sie **Streamparameter - Werte** auswählen. Wählen Sie den Knoten mit den Details aus, für die Sie eine Schleife konfigurieren möchten. Klicken Sie auf die Suchschaltfläche, um das Dialogfeld für die Knotenauswahl zu öffnen, und wählen Sie den gewünschten Knoten aus. Werden zu viele Knoten angezeigt, können Sie die Anzeige so filtern, dass nur bestimmte Knotentypen angezeigt werden. Wählen Sie dazu eine der folgenden Kategorien aus: Quellen-, Prozess-, Diagramm-, Modellierungs-, Ausgabe-, Export- oder Modellanwendungsknoten.
- **Feldliste.** Wählen Sie das Feld im Knoten aus, das die Iterationsdaten angeben soll.
- **Werteliste.** Klicken Sie auf die Listenschaltfläche in der rechten Spalte, um das Dialogfeld **Werte auswählen** anzuzeigen, in dem Sie die Werte im Feld zur Angabe der Iterationsdaten auswählen können.

Erstellen einer Iterationsvariablen zur Verwendung von Schleifen in Streams

Sie können Iterationsvariablen verwenden, um die Werte von Streamparametern oder Eigenschaften ausgewählter Knoten in einem Stream bei jeder Schleifenausführung zu ändern. Wenn Ihre Streamschleife z. B. Kfz-Verkaufsdaten analysiert und *Herstellerland* als Iterationsschlüssel verwendet, können Sie eine Diagrammausgabe erhalten, die den Umsatz nach Modell anzeigt, und eine andere Diagrammausgabebegabe, die Abgasemissionen anzeigt. In diesen Fällen könnten Sie Iterationsvariablen erstellen, die neue Titel für die entsprechenden Diagramme erstellen, z. B. *Schwedische Fahrzeugemissionen* und *Japanische Kfz-Verkäufe nach Modell*. Verwenden Sie das Dialogfeld **Iterationsvariable definieren**, um die erforderlichen Variablen zu definieren.

Zum Öffnen des Dialogfelds wählen Sie entweder die Schaltfläche **Iterationsvariable...** unten links auf der Unterregisterkarte **Verwendung von Schleifen** aus oder klicken Sie mit der rechten Maustaste auf einen beliebigen Knoten im Stream und wählen Sie **Verwendung von Schleifen/Bedingte Ausführung > Iterationsvariable definieren** aus.

Füllen Sie die folgenden Felder aus, um eine Iterationsvariable zu definieren:

Ändern. Wählen Sie den Typ von Attribut aus, den Sie ändern wollen. Sie können zwischen **Streamparameter** oder **Knoteneigenschaft** wählen.

- Wenn Sie **Streamparameter** auswählen, wählen Sie den erforderlichen Parameter aus und definieren Sie dann mit einer der folgenden Optionen (sofern für Ihren Stream verfügbar), auf welchen Wert dieser Parameter bei jeder Schleifeniteration gesetzt werden soll:

- **Globale Variable.** Wählen Sie die globale Variable aus, auf die der Streamparameter gesetzt werden soll.
- **Tabellenausgabezeile.** Um einen Streamparameter auf den Wert in einer Tabellenausgabezeile zu setzen, wählen Sie die Tabelle aus der Liste aus und geben Sie die zu verwendende Zeile und Spalte ein.
- **Manuell eingeben.** Wählen Sie diese Option aus, wenn Sie manuell einen Wert eingeben wollen, den dieser Parameter in den einzelnen Iterationen annehmen soll. Wenn Sie zur Unterregisterkarte **Verwendung von Schleifen** zurückkehren, wird eine neue Spalte erstellt, in die Sie den erforderlichen Text eingeben können.
- Wenn Sie **Knoteneigenschaft** auswählen, wählen Sie den erforderlichen Knoten und eine seiner Eigenschaften aus und legen Sie dann den Wert fest, der für diese Eigenschaft verwendet werden soll. Definieren Sie den neuen Eigenschaftswert mit einer der folgenden Optionen:
 - **Allein.** Der Eigenschaftswert verwendet den Iterationsschlüsselwert. Weitere Informationen finden Sie in „Erstellen eines Iterationsschlüssels zur Verwendung von Schleifen in Streams“ auf Seite 6.
 - **Als Präfix für Stamm.** Verwendet den Iterationsschlüsselwert als Präfix für den Wert, den Sie in das Feld **Stamm** eingeben.
 - **Als Suffix für Stamm.** Verwendet den Iterationsschlüsselwert als Suffix für den Wert, den Sie in das Feld **Stamm** eingeben.

Wenn Sie die Präfix- oder die Suffix-Option ausgewählt haben, werden Sie aufgefordert, den zusätzlichen Text in das Feld **Stamm** einzugeben. Wenn Ihr Iterationsschlüssel z. B. *Herstellerland* lautet und Sie die Option **Als Präfix für Stamm** auswählen, könnten Sie in dieses Feld - *Verkauf nach Modell* eingeben.

Auswählen von Feldern für Iterationen

Beim Erstellen von Iterationen können Sie über das Dialogfeld **Felder auswählen** ein oder mehrere Felder auswählen.

Sortieren nach. Sie können verfügbare Felder für die Anzeige sortieren, indem Sie eine der folgenden Optionen auswählen:

- **Natürlich.** Zeigt die Felder in der Reihenfolge an, in der im aktuellen Datenstream an den aktuellen Knoten übergeben wurden.
- **Name.** Verwendet eine alphabetische Reihenfolge zum Sortieren der Felder für die Anzeige.
- **Typ.** Zeigt Felder sortiert nach ihrem Messniveau an. Diese Option ist hilfreich bei der Auswahl von Feldern mit einem bestimmten Messniveau.

Wählen Sie Felder einzeln aus der Liste aus oder wählen Sie bei gedrückter Umschalttaste oder bei gedrückter Steuertaste mehrere Felder aus. Sie können auch die Schaltflächen unter der Liste verwenden, um Gruppen von Feldern basierend auf deren Messniveau auszuwählen oder um alle Felder in der Tabelle aus- oder abzuwählen.

Die zur Auswahl verfügbaren Felder werden gefiltert, sodass nur die Felder angezeigt werden, die für den verwendeten Streamparameter oder die verwendete Knoteneigenschaft geeignet sind. Wenn Sie z. B. einen Streamparameter mit dem Speichertyp "Zeichenfolge" verwenden, werden nur Felder mit diesem Speichertyp angezeigt.

Bedingte Ausführung in Streams

Mit bedingter Ausführung können Sie steuern, wie Endknoten ausgeführt werden, und zwar in Abhängigkeit davon, ob die Streaminhalte den definierten Bedingungen entsprechen. Beispiele:

- Steuern Sie, ob ein Knoten ausgeführt wird, in Abhängigkeit davon, ob ein bestimmter Wert "true" oder "false" ist.
- Definieren Sie, ob Schleifen parallel oder sequenziell ausgeführt werden.

Sie definieren die zu erfüllenden Bedingungen auf der Unterregisterkarte **Bedingt** der Registerkarte **Ausführung** des Streams. Um die Unterregisterkarte anzuzeigen, wählen Sie den Ausführungsmodus **Verwendung von Schleifen/Bedingte Ausführung** aus.

Alle definierten Anforderungen für die bedingte Ausführung werden bei der Ausführung des Streams wirksam, wenn der Ausführungsmodus **Verwendung von Schleifen/Bedingte Ausführung** aktiviert wurde. Optional können Sie den Script-Code für die Anforderungen Ihrer bedingten Ausführung generieren und ihn in den Scripteditor einfügen, indem Sie unten rechts auf der Unterregisterkarte **Bedingt** auf **Einfügen...** klicken. Die Anzeige der Hauptregisterkarte **Ausführung** ändert sich und der Ausführungsmodus **Standard (optionales Script)** wird mit dem Script im oberen Teil der Registerkarte angezeigt. Dies bedeutet, dass Sie Bedingungen mithilfe der verschiedenen Optionen im Dialogfeld **Verwendung von Schleifen** definieren können, bevor Sie ein Script generieren, das Sie im Scripteditor weiter anpassen können. Wenn Sie auf **Einfügen...** klicken, werden auch alle von Ihnen definierten Schleifenanforderungen im generierten Script angezeigt.

So definieren Sie eine Bedingung:

1. Klicken Sie in der rechten Spalte der Unterregisterkarte **Bedingt** auf die Schaltfläche **Ausführungsanweisung hinzufügen** , um das Dialogfeld für bedingte Ausführungsanweisungen zu öffnen. In diesem Dialogfeld geben Sie die Bedingung an, die erfüllt sein muss, damit der Knoten ausgeführt wird.
2. Geben Sie im Dialogfeld für bedingte Ausführungsanweisungen Folgendes an:
 - a. **Knoten**. Wählen Sie den Knoten aus, für die Sie eine bedingte Ausführung konfigurieren wollen. Klicken Sie auf die Suchschaltfläche, um das Dialogfeld für die Knotenauswahl zu öffnen, und wählen Sie den gewünschten Knoten aus. Werden zu viele Knoten angezeigt, können Sie die Anzeige so filtern, dass nur Knoten einer der folgenden Kategorien angezeigt werden: Export-, Diagramm-, Modellierungs- oder Ausgabeknoten.
 - b. **Bedingung basierend auf**. Geben Sie die Bedingung an, die erfüllt sein muss, damit der Knoten ausgeführt wird. Sie können unter vier Optionen wählen: **Streamparameter**, **Globale Variable**, **Tabellenausgabezelle** oder **Immer wahr**. Welche Details Sie in der unteren Hälfte des Dialogfelds angeben können, wird von der ausgewählten Bedingung gesteuert.
 - **Streamparameter**. Wählen Sie den Parameter aus der Liste der verfügbaren Parameter aus und wählen Sie dann den Operator für diesen Parameter aus. Beispielsweise kann der Operator **Größer als**, **Gleich**, **Kleiner als**, **Zwischen** usw. sein. Dann geben Sie je nach Operator den Wert oder Minimal- oder Maximalwerte ein.
 - **Globale Variable**. Wählen Sie die Variable aus der Liste der verfügbaren Variablen aus. Beispielsweise kann die Variable **Mittelwert**, **Summe**, **Minimum**, **Maximum** oder **Standardabweichung** sein. Wählen Sie dann den Operator und die erforderlichen Werte aus.
 - **Tabellenausgabezelle**. Wählen Sie den Tabellenknoten aus der Liste der verfügbaren Elemente aus und wählen Sie dann die Zeile oder Spalte in der Tabelle aus. Wählen Sie dann den Operator und die erforderlichen Werte aus.
 - **Immer wahr**. Wählen Sie diese Option aus, wenn der Knoten immer ausgeführt werden muss. Wenn Sie diese Option auswählen, müssen keine weiteren Parameter mehr ausgewählt werden.
3. Wiederholen Sie Schritt 1 und 2 so oft, bis Sie alle erforderlichen Bedingungen definiert haben. Der ausgewählte Knoten und die Bedingung, die erfüllt werden muss, damit der Knoten ausgeführt wird, werden im Hauptteil der Unterregisterkarte in den Spalten **Ausführungsknoten** bzw. **Wenn diese Bedingung wahr ist** angezeigt.
4. Standardmäßig werden Knoten und Bedingungen in der aufgeführten Reihenfolge ausgeführt. Um einen Knoten und eine Bedingung in der Liste nach oben oder unten zu verschieben, wählen Sie diese durch Anklicken aus und ändern Sie die Reihenfolge mit dem Auf- oder Abwärtspfeil in der rechten Spalte der Unterregisterkarte.

Darüber hinaus können Sie die folgenden Optionen unten in der Unterregisterkarte **Bedingt** festlegen:

- **Alle der Reihenfolge nach auswerten.** Wählen Sie diese Option aus, um jede Bedingung in der auf der Unterregisterkarte aufgeführten Reihenfolge auszuwerten. Die Knoten, für die die Bedingungen erfüllt sind, werden ausgeführt, sobald alle Bedingungen ausgewertet wurden.
- **Jeweils nur einen ausführen.** Nur verfügbar, wenn **Alle der Reihenfolge nach auswerten** ausgewählt wurde. Wenn Sie diese Option auswählen und eine Bedingung als "True" ausgewertet wird, wird der Knoten ausgeführt, dem diese Bedingung zugeordnet ist, bevor die nächste Bedingung ausgewertet wird.
- **Auswerten bis zum ersten Treffer.** Wenn Sie diese Option auswählen, wird nur der erste Knoten ausgeführt, für den die angegebenen Bedingungen als "True" ausgewertet werden.

Ausführen und Unterbrechen von Scripts

Es gibt mehrere Möglichkeiten zur Ausführung von Scripts. Beispielsweise führt die Schaltfläche "Dieses Script ausführen" im Dialogfeld für das Stream-Script oder Standalone-Script das vollständige Script aus:



Abbildung 1. Schaltfläche "Dieses Script ausführen"

Die Schaltfläche "Ausgewählte Zeilen ausführen" führt eine einzelne Zeile oder einen Block benachbarter Zeilen aus, die Sie im Script ausgewählt haben:



Abbildung 2. Schaltfläche "Ausgewählte Zeilen ausführen"

Zum Ausführen von Scripts stehen folgende Methoden zur Auswahl:

- Klicken Sie im Dialogfeld für ein Stream-Script oder ein Standalone-Script auf die Schaltfläche "Dieses Script ausführen" oder "Ausgewählte Zeilen ausführen".
- Ausführen eines Streams mit **Dieses Script ausführen** als Standardausführungsmethode.
- Verwenden Sie das Flag `-execute` beim Start im interaktiven Modus. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Verwenden von Befehlszeilenargumenten“ auf Seite 53.

Hinweis: Ein Superknotenscript wird bei der Ausführung des Superknotens ausgeführt, sofern Sie **Dieses Script ausführen** im Superknotenscript-Dialogfeld ausgewählt haben.

Unterbrechen der Scriptausführung

Während der Scriptausführung ist im Dialogfeld "Stream-Script" die rote Stoppschaltfläche aktiviert. Mit dieser Schaltfläche können Sie die Ausführung des Scripts und aller aktuellen Streams abbrechen.

Suchen und ersetzen

Das Dialogfeld "Suchen/Ersetzen" ist in Situationen verfügbar, in denen Sie Script- oder Ausdruckstext bearbeiten, z. B. im Script-Editor und bei der Definition von Vorlagen im Berichtsknoten. Während der Bearbeitung von Text in einem dieser Bereiche können Sie durch Drücken von `Strg+F` das Dialogfeld aufrufen. Achten Sie dabei darauf, dass sich der Cursor über einem Textbereich befindet. So können Sie beispielsweise bei der Arbeit in einem Füllerknoten das Dialogfeld aus einem der Textbereiche auf der Registerkarte "Einstellungen" aufrufen oder über das Textfeld im Expression Builder.

1. Achten Sie darauf, dass sich der Cursor in einem Textfeld befindet, und drücken Sie `Strg+F`, um das Dialogfeld "Suchen/Ersetzen" aufzurufen.

2. Geben Sie den Text ein, nach dem Sie suchen möchten, oder treffen Sie eine Auswahl aus der Drop-down-Liste der kürzlich durchsuchten Elemente.
3. Geben Sie, falls erforderlich, den Ersatztext ein.
4. Klicken Sie auf **Weitersuchen**, um die Suche zu starten.
5. Klicken Sie auf **Ersetzen**, um die aktuelle Auswahl zu ersetzen, oder **Alle ersetzen**, um alle bzw. die ausgewählten Instanzen zu ersetzen.
6. Das Dialogfeld wird nach jedem Vorgang geschlossen. Drücken Sie in einem Textbereich die Taste F3, um den letzten Suchvorgang zu wiederholen, bzw. drücken Sie Strg+F, um erneut auf das Dialogfeld zuzugreifen.

Suchoptionen

Groß-/Kleinschreibung beachten. Gibt an, ob beim Suchvorgang die Groß- und Kleinschreibung berücksichtigt wird; beispielsweise, ob *myvar* als identisch mit *myVar* betrachtet wird. Ersetzungstext wird unabhängig von dieser Einstellung stets genau so eingefügt, wie er eingegeben wurde.

Nur ganze Wörter. Gibt an, ob beim Suchvorgang auch Wortteile gefunden werden. Wenn diese Option ausgewählt ist, werden bei einer Suche nach *Tag* Terme wie *Tagesordnung* oder *Tag-und-Nacht-Gleiche* nicht als Treffer ausgegeben.

Reguläre Ausdrücke. Gibt an, ob die Syntax für reguläre Ausdrücke verwendet werden soll (siehe nächsten Abschnitt). Bei Auswahl dieser Option wird die Option **Nur ganze Wörter** inaktiviert und ihr Wert ignoriert.

Nur ausgewählter Text. Legt den Suchumfang bei Verwendung der Option **Alle ersetzen** fest.

Syntax für reguläre Ausdrücke

Mithilfe von regulären Ausdrücken können Sie nach Sonderzeichen (z. B. Tabulatoren oder Zeilenumbrüche), Zeichenklassen bzw. -bereichen, wie *a* bis *d*, beliebige Ziffer oder Nichtziffer, und nach Begrenzungen, wie beispielsweise Zeilenanfang bzw. Zeilenende, suchen. Ein Muster mit regulärem Ausdruck beschreibt die Struktur der Zeichenfolge, die der Ausdruck in einer Eingabezeichenfolge zu finden versucht. Die folgenden Arten von Konstrukten mit regulärem Ausdruck werden unterstützt.

Table 1. Zeichenübereinstimmungen

| Zeichen | Übereinstimmung/Bedeutung |
|---------|---|
| x | Das Zeichen x |
| \\ | Umgekehrter Schrägstrich |
| \0n | Das Zeichen mit dem Oktalwert 0n (0 <= n <= 7) |
| \0nn | Das Zeichen mit dem Oktalwert 0nn (0 <= n <= 7) |
| \0mnn | Das Zeichen mit dem Oktalwert 0mnn (0 <= m <= 3; 0 <= n <= 7) |
| \xhh | Das Zeichen mit dem Hexadezimalwert 0xhh |
| \uhhhh | Das Zeichen mit dem Hexadezimalwert 0xhhhh |
| \t | Das Tabulatorzeichen ('\u0009') |
| \n | Das Zeilenvorschubzeichen ('\u000A') |
| \r | Das Rücklaufzeichen ('\u000D') |
| \f | Das Formularvorschubzeichen ('\u000C') |
| \a | Das Alarmzeichen ('\u0007') |
| \e | Das Escapezeichen ('\u001B') |
| \cx | Das Steuerzeichen, das x entspricht |

Tabelle 2. Übereinstimmende Zeichenklassen

| Zeichenklassen | Übereinstimmung/Bedeutung |
|----------------|---|
| [abc] | a, b oder c (einfache Klasse) |
| [^abc] | Beliebiges Zeichen mit Ausnahme von a, b oder c (Differenzmenge) |
| [a-zA-Z] | a bis einschließlich z bzw. A bis einschließlich Z (Bereich) |
| [a-d[m-p]] | a bis d bzw. m bis P (Vereinigungsmenge) Alternative Angabemöglichkeit: [a-dm-p] |
| [a-z&&[def]] | a bis z und d, e bzw. f (Schnittmenge) |
| [a-z&&[^bc]] | a bis z mit Ausnahme von b und c (Differenzmenge) Alternative Angabemöglichkeit: [ad-z] |
| [a-z&&[^m-p]] | a bis z mit Ausnahme von m bis p (Differenzmenge) Alternative Angabemöglichkeit: [a-lq-z] |

Tabelle 3. Vordefinierte Zeichenklassen

| Vordefinierte Zeichenklassen | Übereinstimmung/Bedeutung |
|------------------------------|---|
| . | Beliebiges Zeichen (evtl. Übereinstimmung mit Zeilenabschlusszeichen) |
| \d | Beliebige Ziffer: [0-9] |
| \D | Nichtziffer: [^0-9] |
| \s | Ein Leerzeichen: [\t\n\x0B\f\r] |
| \S | Ein Nichtleerzeichen: [^\s] |
| \w | Ein Zeichen: [a-zA-Z_0-9] |
| \W | Ein Nichtzeichen: [^\w] |

Tabelle 4. Übereinstimmungen mit Begrenzungszeichen

| Zeichen(folgen) für Begrenzungszeichen | Übereinstimmung/Bedeutung |
|--|---|
| ^ | Zeilenanfang |
| \$ | Zeilenende |
| \b | Wortgrenze |
| \B | Nichtwortgrenze |
| \A | Beginn der Eingabe |
| \Z | Ende der Eingabe mit Ausnahme des letzten Abschlusszeichens, sofern vorhanden |
| \z | Ende der Eingabe |

Weitere Informationen zur Verwendung regulärer Ausdrücke und einige Beispiele finden Sie in <http://www.ibm.com/developerworks/java/tutorials/j-introjava2/section9.html>.

Beispiele

Der folgende Code sucht nach drei Ziffern am Anfang einer Zeichenfolge und gleicht diese ab:

```
^[0-9]{3}
```

Der folgende Code sucht nach drei Ziffern am Ende einer Zeichenfolge und gleicht diese ab:

```
[0-9]{3}$
```

Kapitel 2. Scriptsprache

Scriptsprache - Überblick

Mit den Scriptfunktionen für IBM SPSS Modeler können Sie Scripts erstellen, die mit der SPSS Modeler-Benutzerschnittstelle arbeiten, Ausgabeobjekte manipulieren und Befehlssyntax ausführen. Sie können Scripts direkt aus SPSS Modeler ausführen.

Scripts in IBM SPSS Modeler werden in der Scriptsprache Python geschrieben. Die von IBM SPSS Modeler verwendete Java-basierte Implementierung von Python wird als Jython bezeichnet. Die Scriptsprache besteht aus folgenden Elementen:

- Format für die Referenzierung von Knoten, Streams, Projekten, Ausgaben und anderen IBM SPSS Modeler-Objekten
- Set mit Scriptanweisungen bzw. Befehlen, die zur Bearbeitung dieser Objekte verwendet werden können.
- Script-Ausdrucksprache für die Festlegung der Werte von Variablen, Parametern und anderen Objekten.
- Unterstützung für Kommentare, Fortsetzungen und Blöcke mit Literaltext.

In den folgenden Abschnitten werden die Python-Scriptsprache, die Jython-Implementierung von Python und die grundlegende Syntax für das erste Arbeiten mit Scripting in IBM SPSS Modeler beschrieben. Informationen zu speziellen Eigenschaften und Befehlen finden Sie in den nachfolgenden Abschnitten.

Python und Jython

Jython ist eine Implementierung der Python-Scriptsprache, die in Java geschrieben ist und in die Java-Plattform integriert ist. Python ist eine leistungsfähige objektorientierte Scriptsprache. Jython ist nützlich, da es die Produktivitätsfunktionen einer ausgereiften Scriptsprache bereitstellt und anders als Python in einer beliebigen Umgebung ausgeführt werden kann, die Java Virtual Machine (JVM) unterstützt. Dies bedeutet, dass die Java-Bibliotheken in JVM beim Schreiben von Programmen zur Verfügung stehen. Mit Jython können Sie sich diesen Unterschied zunutze machen und die Syntax und die meisten Funktionen der Python-Sprache verwenden.

Als Scriptsprache ist Python (und deren Jython-Implementierung) einfach zu erlernen und effizient zu codieren und sie hat die minimal erforderliche Struktur zum Erstellen eines lauffähigen Programms. Code kann zeilenweise interaktiv eingegeben werden. Python ist eine interpretierte Scriptsprache; es gibt keinen Vorkompilierungsschritt wie in Java. Python-Programme sind einfache Textdateien, die bei ihrer Eingabe (nach der Analyse auf Syntaxfehler) interpretiert werden. Einfache Ausdrücke wie z. B. definierte Werte und auch komplexere Aktionen wie Funktionsdefinitionen werden unverzüglich ausgeführt und sind sofort einsatzbereit. Änderungen am Code können schnell getestet werden. Die Scriptinterpretation hat jedoch einige Nachteile. So ist beispielsweise die Verwendung einer nicht definierten Variablen kein Compilerfehler und wird deshalb erst bei der Ausführung der Anweisung erkannt, in der die Variable verwendet wird. In diesem Fall kann das Programm bearbeitet und ausgeführt werden, um den Fehler zu beheben.

Python betrachtet alles, d. h. alle Daten und den gesamten Code, als Objekt. Sie können diese Objekte daher mit Codezeilen manipulieren. Einige Typen wie Zahlen und Zeichenfolgen werden praktischerweise als Werte und nicht als Objekte betrachtet; dies wird von Python unterstützt. Es gibt einen unterstützten Nullwert. Dieser Nullwert hat den reservierten Namen None.

Eine umfassendere Einführung in Python- und Jython-Scripting sowie einige Beispielscripts finden Sie in www.ibm.com/developerworks/java/tutorials/j-jython1 und www.ibm.com/developerworks/java/tutorials/j-jython2.

Python-Scripting

Dieses Handbuch zur Python-Scriptsprache bietet eine Einführung in die Komponenten, die am häufigsten beim Scripting in IBM SPSS Modeler verwendet werden, einschließlich der Konzepte und Programmiergrundlagen. Es liefert Ihnen ausreichend Kenntnisse, um mit der Entwicklung Ihrer eigenen Python-Scripts zu beginnen, die in IBM SPSS Modeler verwendet werden sollen.

Operationen

Die Zuordnung erfolgt mittels eines Gleichheitszeichens (=). Wenn Sie z. B. den Wert "3" einer Variablen namens "x" zuweisen wollen, würden Sie die folgende Anweisung verwenden:

```
x = 3
```

Das Gleichheitszeichen wird auch für die Zuordnung von Zeichenfolgedaten zu einer Variablen verwendet. Wenn Sie z. B. den Wert "ein Zeichenfolgewert" einer Variablen namens "y" zuweisen wollen, würden Sie die folgende Anweisung verwenden:

```
y = "ein Zeichenfolgewert"
```

In der folgenden Tabelle werden einige der gängigen Vergleichs- und numerischen Operationen sowie deren Beschreibungen aufgelistet.

Tabelle 5. Allgemeine Vergleichsoperationen und numerische Operationen

| Operation | Beschreibung |
|-------------|-------------------------|
| $x < y$ | Ist x kleiner als y? |
| $x > y$ | Ist x größer als y? |
| $x \leq y$ | Ist x kleiner-gleich y? |
| $x \geq y$ | Ist x größer-gleich y? |
| $x == y$ | Ist x gleich y? |
| $x != y$ | Ist x ungleich y? |
| $x \lt;> y$ | Ist x ungleich y? |
| $x + y$ | y zu x addieren |
| $x - y$ | y von x substrahieren |
| $x * y$ | x mit y multiplizieren |
| x / y | x durch y dividieren |
| $x ** y$ | x hoch y. |

Listen

Listen sind Folgen von Elementen. Eine Liste kann eine beliebige Anzahl von Elementen enthalten und die Elemente der Liste können einen beliebigen Objekttyp haben. Listen kann man sich auch als Arrays vorstellen. Die Anzahl der Elemente in einer Liste kann sich durch Hinzufügen, Entfernen oder Ersetzen von Elementen verringern oder erhöhen.

Beispiele

```
[]
```

Eine beliebige Liste ohne Inhalt.

| | |
|--|---|
| [1] | Eine Liste mit einem einzigen Element: einer ganzen Zahl. |
| ["Mike", 10, "Don", 20] | Eine Liste mit vier Elementen: zwei Zeichenfolgeelemente und zwei ganzzahlige Elemente. |
| [[], [7], [8, 9]] | Eine aus Listen bestehende Liste. Jede Unterliste ist entweder eine Liste ohne Inhalt oder eine Liste mit ganzzahligen Elementen. |
| x = 7; y = 2; z = 3; [1, x, y, x + y] | Eine Liste mit ganzen Zahlen. Dieses Beispiel veranschaulicht die Verwendung von Variablen und Ausdrücken. |

Sie können eine Liste einer Variablen zuordnen. Beispiel:

```
mylist1 = ["one", "two", "three"]
```

Sie können dann auf bestimmte Elemente der Liste zugreifen. Beispiel:

```
mylist[0]
```

Dies resultiert in der folgenden Ausgabe:

```
one
```

Die Zahl in eckigen Klammern ([]) wird als *Index* bezeichnet und verweist auf ein bestimmtes Element der Liste. Die Elemente einer Liste werden mit 0 beginnend indexiert.

Sie können auch einen Bereich von Elementen einer Liste auswählen. Dies wird als *Slicing* bezeichnet. `x[1:3]` beispielsweise wählt das zweite und das dritte Element von `x` aus. Der Index für das Bereichsende muss um 1 größer sein als der Index des letzten auszuwählenden Elements.

Zeichenfolgen

Eine *Zeichenfolge* ist eine unveränderliche Folge von Zeichen, die als Wert behandelt wird. Zeichenfolgen unterstützen alle Funktionen und Operationen mit unveränderlichen Folgen, die in einer neuen Zeichenfolge resultieren. Beispiel: `"abcdef"[1:4]` wird als `"bcd"` ausgegeben.

In Python werden Zeichen als Zeichenfolgen der Länge 1 dargestellt.

Zeichenfolgeliterale werden durch die Verwendung von ein- oder dreifachen Anführungszeichen definiert. Zeichenfolgen, die mit einfachen Anführungszeichen definiert sind, können nicht mehrere Zeilen umfassen, Zeichenfolgen in dreifachen Anführungszeichen dagegen schon. Eine Zeichenfolge kann in einfache Anführungszeichen (') oder doppelte Anführungszeichen (") eingeschlossen werden. Ein Hervorhebungszeichen kann das andere Hervorhebungszeichen ohne Escape-Zeichen enthalten oder das Hervorhebungszeichen wird durch ein Escapezeichen entwertet, d. h., ihm wird der umgekehrte Schrägstrich (\) vorangestellt.

Beispiele

```
"Dies ist eine Zeichenfolge"
'Dies ist auch eine Zeichenfolge'
"Es ist eine Zeichenfolge"
'Dieses Handbuch heißt "Handbuch für Python-Scripting und -Automatisierung".'
"Dies ist ein durch Escapezeichen entwertetes Anführungszeichen (\") in einer Zeichenfolge in Anführungszeichen"
```

Mehrere durch Leerzeichen voneinander getrennte Zeichenfolgen werden vom Python-Parser automatisch verkettet. Dies vereinfacht die Eingabe langer Zeichenfolgen und das Mischen unterschiedlicher Anführungszeichen in einer einzigen Zeichenfolge. Beispiel:

```
"Diese Zeichenfolge verwendet ' und " 'diese Zeichenfolge verwendet ".'
```

Dies resultiert in der folgenden Ausgabe:

Diese Zeichenfolge verwendet ' und diese Zeichenfolge verwendet ".

Zeichenfolgen unterstützen mehrere nützliche Methoden. Einige dieser Methoden werden in der folgenden Tabelle genannt.

Tabelle 6. Zeichenfolgemethoden

| Methoden | Verwendung |
|---|---|
| <code>s.capitalize()</code> | Anfangsbuchstabe von <code>s</code> wird großgeschrieben. |
| <code>s.count(ss {,start {,end}})</code> | Zählt die Vorkommen von <code>ss</code> in <code>s[start:end]</code> |
| <code>s.startswith(str {, start {, end}})</code> <code>s.endswith(str {, start {, end}})</code> | Testet, ob <code>s</code> mit <code>str</code> beginnt. Testet, ob <code>s</code> mit <code>str</code> endet. |
| <code>s.expandtabs({size})</code> | Ersetzt Tabstopps durch Leerzeichen. Standardgröße (<code>size</code>) ist 8. |
| <code>s.find(str {, start {, end}})</code> <code>s.rfind(str {, start {, end}})</code> | Sucht den ersten Index von <code>str</code> in <code>s</code> ; wird er nicht gefunden, lautet das Ergebnis -1. <code>rfind</code> sucht von rechts nach links. |
| <code>s.index(str {, start {, end}})</code> <code>s.rindex(str {, start {, end}})</code> | Sucht den ersten Index von <code>str</code> in <code>s</code> ; wenn er nicht gefunden wird, wird <code>ValueError</code> ausgelöst. <code>rindex</code> sucht von rechts nach links. |
| <code>s.isalnum</code> | Testet, ob die Zeichenfolge alphanumerisch ist. |
| <code>s.isalpha</code> | Testet, ob die Zeichenfolge alphabetisch ist. |
| <code>s.isnum</code> | Testet, ob die Zeichenfolge numerisch ist. |
| <code>s.isupper</code> | Testet, ob die Zeichenfolge ganz in Großbuchstaben geschrieben ist. |
| <code>s.islower</code> | Testet, ob die Zeichenfolge ganz in Kleinbuchstaben geschrieben ist. |
| <code>s.isspace</code> | Testet, ob die Zeichenfolge nur aus Leerzeichen besteht. |
| <code>s.istitle</code> | Testet, ob die Zeichenfolge eine Folge von alphanumerischen Zeichen mit Großschreibung des ersten Buchstaben ist. |
| <code>s.lower()</code> <code>s.upper()</code> <code>s.swapcase()</code> <code>s.title()</code> | Konvertiert alles in Kleinbuchstaben. Konvertiert alles in Großbuchstaben. Invertiert die Groß-/Kleinschreibung. Konvertiert alles in Schreibung mit großem Anfangsbuchstaben. |
| <code>s.join(seq)</code> | Verknüpft die Zeichenfolgen in <code>seq</code> mit <code>s</code> als Trennzeichen. |
| <code>s.splitlines({keep})</code> | Teilt <code>s</code> in Zeilen auf. Wenn 'keep' true ist, werden die neuen Zeilen beibehalten. |
| <code>s.split({sep {, max}})</code> | Teilt <code>s</code> mithilfe von <code>sep</code> (Standardeinstellung von <code>sep</code> ist ein Leerzeichen) bis zu <code>max</code> Male in "Wörter" auf. |
| <code>s.ljust(width)</code> <code>s.rjust(width)</code> <code>s.center(width)</code> <code>s.zfill(width)</code> | Richtet die Zeichenfolge in einem Feld der Breite <code>width</code> links aus. Richtet die Zeichenfolge in einem Feld der Breite <code>width</code> rechts aus. Zentriert die Zeichenfolge in einem Feld der Breite <code>width</code> . Füllt mit 0 auf. |

Tabelle 6. Zeichenfolgemethoden (Forts.)

| Methoden | Verwendung |
|---------------------------------------|---|
| s.lstrip() s.rstrip() s.strip() | Entfernt führende Leerzeichen. Entfernt folgende Leerzeichen. Entfernt führende und folgende Leerzeichen. |
| s.translate(str {,delc}) | Setzt s mithilfe einer Tabelle um, nachdem Zeichen in delc entfernt wurden. str sollte eine Zeichenfolge der Länge == 256 sein. |
| s.replace(old, new {, max}) | Ersetzt alle oder maximal max Vorkommen der Zeichenfolge old durch die Zeichenfolge new. |

Anmerkungen

Anmerkungen sind Kommentare, die durch das Rautenzeichen (Hashzeichen) (#) eingeleitet werden. Der Text, der in derselben Zeile auf die Raute folgt, wird als Teil der Anmerkung betrachtet und ignoriert. Eine Anmerkung kann in einer beliebigen Spalte beginnen. Das folgende Beispiel veranschaulicht die Verwendung von Anmerkungen:

```
#The HelloWorld application is one of the most simple
print 'Hello World' # print the Hello World line
```

Anweisungssyntax

Die Anweisungssyntax für Python ist sehr einfach. Im Allgemeinen ist jede Quellcodezeile eine einzelne Anweisung. Außer bei expression- und assignment-Anweisungen wird jede Anweisung durch ein Schlüsselwort wie if oder for eingeleitet. Leerzeilen oder Anmerkungszeilen können an beliebiger Stelle zwischen Anweisungen im Code eingefügt werden. Wenn mehrere Anweisungen in einer Zeile stehen, müssen sie durch ein Semikolon (;) voneinander getrennt werden.

Sehr lange Anweisungen können in weiteren Zeilen fortgesetzt werden. In diesem Fall muss die Anweisung, die in der nächsten Zeile fortgesetzt werden soll, mit einem umgekehrten Schrägstrich (\) enden. Beispiel:

```
x = "Eine laaaaaaaaaaaaaaaaaaange Zeichenfolge" + \
    "noch eine laaaaaaaaaaaaaaaaaaange Zeichenfolge"
```

Wenn eine Struktur in runde Klammern (()), eckige Klammern ([]) oder geschweifte Klammern ({}), eingeschlossen ist, kann die Anweisung ohne umgekehrten Schrägstrich nach einem Komma in der nächsten Zeile fortgesetzt werden. Beispiel:

```
x = (1, 2, 3, "hallo",
    "auf Wiedersehen", 4, 5, 6)
```

IDs

IDs werden verwendet, um Variablen, Funktionen, Klassen und Schlüsselwörter zu bezeichnen. IDs können eine beliebige Länge haben. Sie müssen jedoch entweder mit einem Groß- oder Kleinbuchstaben oder mit einem Unterstrich (_) beginnen. Namen, die mit einem Unterstrich beginnen, sind im Allgemeinen für interne oder nicht öffentliche Namen reserviert. Nach dem ersten Zeichen kann die ID eine beliebige Anzahl von Buchstaben, Ziffern und Unterstrichen in beliebiger Kombination enthalten.

Es gibt in Python einige reservierte Wörter, die nicht zur Benennung von Variablen, Funktionen oder Klassen verwendet werden können. Sie sind in die folgenden Kategorien aufgeteilt:

- **Einführungszeichen für Anweisungen:** assert, break, class, continue, def, del, elif, else, except, exec, finally, for, from, global, if, import, pass, print, raise, return, try und while
- **Einführungszeichen für Parameter:** as, import und in
- **Operatoren:** and, in, is, lambda, not und or

Bei inkorrekt Schlüsselwortverwendung tritt in der Regel ein Syntaxfehler auf.

Codeblöcke

Codeblöcke sind Gruppen von Anweisungen, die an Stellen verwendet werden, an denen einzelne Anweisungen erwartet werden. Codeblöcke können auf jede der folgenden Anweisungen folgen: `if`, `elif`, `else`, `for`, `while`, `try`, `except`, `def` und `class`. Diese Anweisungen führen den Codeblock mit dem Doppelpunkt (`:`) ein. Beispiel:

```
if x == 1:
    y = 2
    z = 3
elif:
    y = 4
    z = 5
```

Zur Begrenzung von Codeblöcken wird Einrückung verwendet (anstelle der geschweiften Klammern, die in Java verwendet werden). Alle Zeilen in einem Block müssen an dieselbe Position eingerückt werden. Eine Änderung der Einrückung bedeutet das Ende eines Codeblocks. Gewöhnlich wird pro Ebene um vier Leerschritte eingerückt. Zur Einrückung der Zeilen empfiehlt es sich, Leerzeichen anstelle von Tabstopps zu verwenden. Leerzeichen und Tabstopps dürfen nicht gemischt werden. Die Zeilen im äußersten Block eines Moduls, müssen in Spalte 1 beginnen, da sonst ein Syntaxfehler auftritt.

Die Anweisungen, aus denen ein Codeblock besteht (und die auf einen Doppelpunkt folgen), können auch in einer einzigen Zeile durch Semikolons getrennt angeordnet werden. Beispiel:

```
if x == 1: y = 2; z = 3;
```

Übergeben von Argumenten an ein Script

Die Übergabe von Argumenten an ein Script ist nützlich, da dadurch ein Script wiederholt ohne Änderung verwendet werden kann. Die Argumente, die in der Befehlszeile übergeben werden, werden als Werte in der Liste `sys.argv` übergeben. Die Anzahl der übergebenen Werte kann über den Befehl `len(sys.argv)` abgerufen werden. Beispiel:

```
import sys
print "test1"
print sys.argv[0]
print sys.argv[1]
print len(sys.argv)
```

In diesem Beispiel importiert der Befehl `import` die gesamte Klasse `sys`, sodass die für diese Klasse vorhandenen Methoden wie `argv` verwendet werden können.

Das Script in diesem Beispiel kann über die folgende Befehlszeile aufgerufen werden:

```
/u/mjloos/test1 mike don
```

Daraus resultiert die folgende Ausgabe:

```
/u/mjloos/test1 mike don
test1
mike
don
3
```

Beispiele

Das Schlüsselwort `print` gibt die ihm direkt nachfolgenden Argumente aus. Wenn auf die Anweisung ein Komma folgt, enthält die Ausgabe keinen Zeilenumbruch. Beispiel:

```
print "Dies veranschaulicht die Verwendung eines",
print " Kommas am Ende einer Druckanweisung."
```

Dies resultiert in der folgenden Ausgabe:

```
Dies veranschaulicht die Verwendung eines Kommas am Ende einer Druckanweisung.
```


Die Anweisung `for` wird zum Durchlaufen eines Codeblocks verwendet. Beispiel:

```
mylist1 = ["eins", "zwei", "drei"]
for lv in mylist1:
    print lv
    continue
```

In diesem Beispiel werden drei Zeichenfolgen der Liste `mylist1` zugeordnet. Die Elemente der Liste werden dann ausgegeben, wobei jeweils ein Element in jeder Zeile steht. Dies resultiert in der folgenden Ausgabe:

```
eins
zwei
drei
```

In diesem Beispiel nimmt der Iterator `lv` nacheinander den Wert jedes Elements in der Liste `mylist1` an, während die For-Schleife den Codeblock für jedes Element implementiert. Ein Iterator kann eine gültige Kennung beliebiger Länge sein.

Die Anweisung `if` ist eine bedingte Anweisung. Sie wertet die Bedingung aus und gibt je nach Ergebnis der Bewertung entweder `"true"` oder `"false"` zurück. Beispiel:

```
mylist1 = ["eins", "zwei", "drei"]
for lv in mylist1:
    if lv == "zwei":
        print "Der Wert von lv ist zwei ", lv
    else:
        print "Der Wert von lv ist nicht zwei, sondern ", lv
    continue
```

In diesem Beispiel wird der Wert des Iterators `lv` ausgewertet. Wenn `lv` den Wert `zwei` hat, wird eine andere Zeichenfolge zurückgegeben als in den Fällen, in denen `lv` nicht den Wert `zwei` hat. Dies resultiert in der folgenden Ausgabe:

```
Der Wert von lv ist nicht zwei, sondern eins
Der Wert von lv ist zwei
Der Wert von lv ist nicht zwei, sondern drei
```

Mathematische Methoden

Aus dem Modul `math` können Sie auf nützliche mathematische Methoden zugreifen. Einige dieser Methoden werden in der folgenden Tabelle genannt. Sofern nichts anderes angegeben ist, werden alle Werte als Gleitkommazahlen zurückgegeben.

Tabelle 7. Mathematische Methoden

| Methode | Verwendung |
|----------------------------------|---|
| <code>math.ceil(x)</code> | Gibt die obere Grenze (ceiling) von <code>x</code> als Gleitkommazahl zurück. Dies ist die kleinste ganze Zahl, die größer-gleich <code>x</code> ist. |
| <code>math.copysign(x, y)</code> | Gibt <code>x</code> mit dem Vorzeichen von <code>y</code> zurück. <code>copysign(1, -0.0)</code> gibt <code>-1</code> zurück. |
| <code>math.fabs(x)</code> | Gibt den absoluten Wert von <code>x</code> zurück. |
| <code>math.factorial(x)</code> | Gibt <code>x</code> -Fakultät zurück. Wenn <code>x</code> eine negative Zahl oder keine ganze Zahl ist, tritt ein <code>ValueError</code> auf. |
| <code>math.floor(x)</code> | Gibt die Untergrenze (floor) von <code>x</code> als Gleitkommazahl zurück. Dies ist die größte ganze Zahl, die kleiner-gleich <code>x</code> ist. |

Tabelle 7. Mathematische Methoden (Forts.)

| Methoden | Verwendung |
|----------------------------------|---|
| <code>math.frexp(x)</code> | Gibt die Mantisse (m) und den Exponenten (e) von x als Paar (m, e) zurück. m ist eine Gleitkommazahl und e ist eine ganze Zahl, sodass sich genau $x == m * 2^{**e}$ ergibt. Wenn x Null ist, wird (0.0, 0) zurückgegeben, sonst wird $0.5 \leq \text{abs}(m) < 1$ zurückgegeben. |
| <code>math.fsum(iterable)</code> | Gibt eine genaue Gleitkommasumme von Werten in iterable zurück. |
| <code>math.isinf(x)</code> | Prüft, ob die Gleitkommazahl x positiv oder negativ unendlich ist. |
| <code>math.isnan(x)</code> | Prüft, ob die Gleitkommazahl x eine Nichtzahl (NaN -not a number) ist. |
| <code>math.ldexp(x, i)</code> | Gibt $x * (2^{**i})$ zurück. Dies ist im Wesentlichen die Umkehrfunktion von frexp. |
| <code>math.modf(x)</code> | Gibt die ganzzahligen und die Bruchteile von x zurück. Beide Ergebnisse übernehmen das Vorzeichen von x und sind Gleitkommazahlen. |
| <code>math.trunc(x)</code> | Gibt den reellen Wert x zurück, der auf eine ganze Zahl abgeschnitten wurde. |
| <code>math.exp(x)</code> | Gibt e^{**x} zurück. |
| <code>math.log(x[, base])</code> | Gibt den Logarithmus von x zur Basis base zurück. Ohne Angabe von base wird der natürliche Logarithmus von x zurückgegeben. |
| <code>math.log1p(x)</code> | Gibt den natürlichen Logarithmus von 1+x (base e) zurück. |
| <code>math.log10(x)</code> | Gibt den Logarithmus von x zur Basis 10 zurück. |
| <code>math.pow(x, y)</code> | Gibt x hoch y zurück. <code>pow(1.0, x)</code> und <code>pow(x, 0.0)</code> geben immer 1 zurück, selbst wenn x Null oder eine Nichtzahl ist. |
| <code>math.sqrt(x)</code> | Gibt die Quadratwurzel von x zurück. |

Zusätzlich zu den mathematischen Funktionen gibt es einige nützliche trigonometrische Methoden. Diese Methoden werden in der folgenden Tabelle dargestellt.

Tabelle 8. Trigonometrische Methoden

| Methoden | Verwendung |
|-------------------------------|--|
| <code>math.acos(x)</code> | Gibt den Arkuskosinus von x in Radianten zurück. |
| <code>math.asin(x)</code> | Gibt den Arkussinus von x in Radianten zurück. |
| <code>math.atan(x)</code> | Gibt den Arkustangens von x in Radianten zurück. |
| <code>math.atan2(y, x)</code> | Gibt <code>atan(y / x)</code> in Radianten zurück. |
| <code>math.cos(x)</code> | Gibt den Kosinus von x in Radianten zurück. |
| <code>math.hypot(x, y)</code> | Gibt die euklidische Norm $\text{sqrt}(x*x + y*y)$ zurück. Dies ist die Länge des Vektors vom Ursprung zum Punkt (x, y). |
| <code>math.sin(x)</code> | Gibt den Sinus von x in Radianten zurück. |
| <code>math.tan(x)</code> | Gibt den Tangens von x in Radianten zurück. |
| <code>math.degrees(x)</code> | Konvertiert den Winkel x von Radianten in Grad. |

Tabelle 8. Trigonometrische Methoden (Forts.)

| Method | Verwendung |
|------------------------------|--|
| <code>math.radians(x)</code> | Konvertiert den Winkel x von Grad in Radianten. |
| <code>math.acosh(x)</code> | Umkehrfunktion des Hyperbelkosinus von x zurückgeben |
| <code>math.asinh(x)</code> | Umkehrfunktion des Hyperbelsinus von x zurückgeben |
| <code>math.atanh(x)</code> | Umkehrfunktion des Hyperbeltangens von x zurückgeben |
| <code>math.cosh(x)</code> | Hyperbelkosinus von x zurückgeben |
| <code>math.sinh(x)</code> | Hyperbelsinus von x zurückgeben |
| <code>math.tanh(x)</code> | Hyperbeltangens von x zurückgeben |

Es gibt auch zwei mathematische Konstanten. Der Wert von `math.pi` ist die mathematische Konstante Pi. Der Wert von `math.e` ist die mathematische Konstante e.

Verwendung von Nicht-ASCII-Zeichen

Damit Nicht-ASCII-Zeichen verwendet werden können, ist bei Python eine explizite Codierung und Decodierung von Zeichenfolgen in Unicode erforderlich. In IBM SPSS Modeler wird davon ausgegangen, dass Python-Skripts in UTF-8 codiert sind, einer Standard-Unicode-Codierung, die Nicht-ASCII-Zeichen unterstützt. Das folgende Skript wird kompiliert, da der Python-Compiler von SPSS Modeler auf UTF-8 gesetzt wurde.

```
stream = modeler.script.stream()
filenode = stream.createAt("variablefile", "テストノード", 96, 64)
```

Der resultierende Knoten hat jedoch eine falsche Beschriftung.



Abbildung 3. Falsch dargestellte Knotenbeschriftung mit Nicht-ASCII

Die Beschriftung ist falsch, da das Zeichenfolgeliteral von Python in eine ASCII-Zeichenfolge konvertiert wurde.

Python erlaubt die Angabe von Unicode-Zeichenfolgeliteralen, indem das Zeichenpräfix `u` vor dem Zeichenfolgeliteral hinzugefügt wird:

```
stream = modeler.script.stream()
filenode = stream.createAt("variablefile", u"テストノード", 96, 64)
```

Hiermit wird eine Unicode-Zeichenfolge erstellt und die Beschriftung wird korrekt dargestellt.



テストノード

Abbildung 4. Korrekt dargestellte Knotenbeschriftung mit Nicht-ASCII

Die Verwendung von Python und Unicode ist ein umfassendes Thema, das über den Rahmen dieses Dokuments hinausgeht. Es gibt viele Handbücher und Onlineresourcen, die sich ausführlich mit diesem Thema befassen.

Objektorientierte Programmierung

Objektorientierte Programmierung basiert auf der Erstellung eines Modells des Zielproblems in Ihren Programmen. Objektorientierte Programmierung verringert Programmierfehler und fördert die Wiederverwendung von Code. Python ist eine objektorientierte Sprache. In Python definierte Objekte haben die folgenden Funktionen:

- **Identität.** Jedes Objekt muss eindeutig sein und diese Bedingung muss testbar sein. Zu diesem Zweck gibt es die Tests `is` und `is not`.
- **Status.** Jedes Objekt muss den Status speichern können. Zu diesem Zweck gibt es Attribute wie Felder und Instanzvariablen.
- **Verhalten.** Jedes Objekt muss seinen Status manipulieren können. Zu diesem Zweck gibt es Methoden.

Python umfasst die folgenden Funktionen zur Unterstützung objektorientierter Programmierung:

- **Klassenbasierte Objekterstellung.** Klassen sind Vorlagen für die Erstellung von Objekten. Objekte sind Datenstrukturen mit zugehörigem Verhalten.
- **Vererbung mit Polymorphie.** Python unterstützt sowohl Einfach- als auch Mehrfachvererbung. Alle Python-Instanzdefinitionsmethoden sind polymorph und können von Unterklassen außer Kraft gesetzt werden.
- **Kapselung mit Ausblenden von Daten.** Python erlaubt das Ausblenden von Attributen. Wenn Attribute ausgeblendet sind, kann von außerhalb der Klasse nur über Methoden der Klasse auf sie zugegriffen werden. Klassen implementieren Methoden, um die Daten zu ändern.

Definieren einer Klasse

In einer Python-Klasse können sowohl Variablen als auch Methoden definiert werden. Anders als in Java können Sie in Python eine beliebige Anzahl öffentlicher Klassen pro Quellendatei (oder *Modul*) definieren. Ein Modul in Python kann daher als Entsprechung eines Pakets in Java betrachtet werden.

In Python werden Klassen mit der Anweisung `class` definiert. Die Anweisung `class` hat das folgende Format:

```
class name (superclasses): statement
```

ODER

```
class name (superclasses):  
    Zuweisung  
    :  
    Funktion  
    :  
    :
```

Beim Definieren einer Klasse haben Sie die Möglichkeit, null oder mehr *Zuordnungsanweisungen* anzugeben. Diese erstellen Klassenattribute, die von allen Instanzen der Klasse gemeinsam genutzt werden. Sie können auch null oder mehr *Funktionsdefinitionen* angeben. Diese Funktionsdefinitionen erstellen Methoden. Die Superklassenliste ist optional.

Der Klassenname sollte in seinem Bereich, d. h. in einem Modul, einer Funktion oder einer Klasse, eindeutig sein. Sie können mehrere Variablen zum Verweis auf dieselbe Klasse definieren.

Erstellen einer Klasseninstanz

Klassen werden zur Aufnahme von (gemeinsam genutzten) Klassenattributen oder zum Erstellen von Klasseninstanzen verwendet. Wenn Sie eine Instanz einer Klasse erstellen wollen, rufen Sie die Klasse so auf, als wäre sie eine Funktion. Beispiel einer Klasse:

```
class MyClass:
    pass
```

Hier wird die Anweisung `pass` verwendet, da eine Anweisung zum Abschließen der Klasse erforderlich ist. Vom Programm aus ist jedoch keine Aktion erforderlich.

Die folgende Anweisung erstellt eine Instanz der Klasse `MyClass`:

```
x = MyClass()
```

Hinzufügen von Attributen zu einer Klasseninstanz

Anders als in Java können Clients in Python Attribute einer Instanz einer Klasse hinzufügen. Nur diese eine Instanz wird geändert. Wenn Sie z. B. Attribute einer Instanz `x` hinzufügen wollen, legen Sie neue Werte für diese Instanz fest:

```
x.attr1 = 1
x.attr2 = 2
.
.
x.attrN = n
```

Definieren von Klassenattributen und Methoden

Jede Variable, die in einer Klasse gebunden ist, ist ein *Klassenattribut*. Jede in einer Klasse definierte Funktion ist eine *Methode*. Methoden erhalten als erstes Argument eine Instanz der Klasse, die normalerweise `self` genannt wird. Sie könnten z. B. den folgenden Code eingeben, um einige Klassenattribute und Methoden zu definieren:

```
class MyClass
    attr1 = 10          #class attributes
    attr2 = "hello"

    def method1(self):
        print MyClass.attr1  #reference the class attribute

    def method2(self):
        print MyClass.attr2  #reference the class attribute

    def method3(self, text):
        self.text = text     #instance attribute
        print text, self.text #print my argument and my attribute

    method4 = method3  #make an alias for method3
```

In einer Klasse sollten Sie alle Verweise auf Klassenattribute mit dem Klassennamen qualifizieren, z. B. `MyClass.attr1`. Alle Verweise auf Instanzattribute sollten mit der Variablen `self` qualifiziert werden, z. B. `self.text`. Außerhalb der Klasse sollte Sie alle Verweise auf Klassenattribute mit dem Klassennamen

(z. B. `MyClass.attr1`) oder mit einer Instanz der Klasse qualifizieren (z. B. `x.attr1`, wobei `x` eine Instanz der Klasse ist). Außerhalb der Klasse sollten alle Verweise auf Instanzvariablen mit einer Instanz der Klasse qualifiziert werden, z. B. `x.text`.

Ausgeblendete Variablen

Daten können durch das Erstellen *nicht öffentlicher* Variablen ausgeblendet werden. Auf nicht öffentliche Variablen kann nur von der Klasse selbst zugegriffen werden. Wenn Sie Namen der Form `__xxx` oder `__xxx_yyy` deklarieren, d. h. mit zwei vorausgehenden Unterstrichen, fügt der Python-Parser dem deklarierten Namen automatisch den Klassennamen hinzu und erstellt so ausgeblendete Variablen. Beispiel:

```
class MyClass:
    __attr = 10    #private class attribute

    def method1(self):
        pass

    def method2(self, p1, p2):
        pass

    def __privateMethod(self, text):
        self.__text = text    #private attribute
```

Anders als in Java müssen in Python alle Verweise auf Instanzvariablen mit `self` qualifiziert werden; es gibt keine implizierte Verwendung von `this`.

Vererbung

Die Fähigkeit zur Vererbung von Klassen ist elementar für die objektorientierte Programmierung. Python unterstützt sowohl Einfach- als auch Mehrfachvererbung. *Einfachvererbung* bedeutet, dass es nur eine Superklasse geben kann. *Mehrfachvererbung* bedeutet, dass es mehrere Superklasse geben kann.

Die Vererbung wird durch Unterklassenbildung anderer Klassen implementiert. Eine beliebige Anzahl von Python-Klassen können Superklassen sein. In der Jython-Implementierung von Python kann die Vererbung direkt oder indirekt nur von einer Java-Klasse erfolgen. Es muss keine Superklasse angegeben werden.

Jedes Attribut oder jede Methode in einer Superklasse ist auch in jeder Unterklasse enthalten und kann von der Klasse selbst oder von jedem beliebigen Client verwendet werden, sofern das Attribut oder die Methode nicht ausgeblendet ist. Jede Instanz einer Unterklasse kann überall verwendet werden, wo auch eine Instanz einer Superklasse verwendet werden kann; dies ist ein Beispiel für *Polymorphie*. Durch diese Funktionen wird die Wiederverwendung ermöglicht und die Erweiterung erleichtert.

Beispiel

```
class Class1: pass    #no inheritance

class Class2: pass

class Class3(Class1): pass    #single inheritance

class Class4(Class3, Class2): pass    #multiple inheritance
```

Kapitel 3. Scripting in IBM SPSS Modeler

Scripttypen

In IBM SPSS Modeler gibt es drei Typen von Scripts:

- *Stream-Scripts* werden verwendet, um die Ausführung eines einzelnen Streams zu steuern. Sie werden im Stream gespeichert.
- *Superknotenscripts* werden verwendet, um das Verhalten von Superknoten zu steuern.
- *Standalone- oder Sitzungsscripts* können verwendet werden, um die Ausführung über eine Reihe unterschiedlicher Streams zu koordinieren.

Es stehen verschiedene Methoden zur Verfügung, die in Scripts in IBM SPSS Modeler verwendet werden können. Mit diesen können Sie auf eine Vielzahl von SPSS Modeler-Funktionen zugreifen. Diese Methoden werden auch in Kapitel 4, „Scripting-API“, auf Seite 37 zur Erstellung erweiterter Funktionen verwendet.

Streams, Superknotenstreams und Diagramme

Meistens bedeutet der Begriff *Stream* dasselbe, unabhängig davon, ob es sich um einen Stream handelt, der aus einer Datei geladen oder der in einem Superknoten verwendet wird. Im Allgemeinen ist damit eine Sammlung von Knoten gemeint, die miteinander verbunden sind und ausgeführt werden können. Beim Scripting werden jedoch nicht alle Operationen an allen Stellen unterstützt. Ein Scriptautor sollte sich deshalb bewusst sein, welche Streamvariante er verwendet.

Streams

Ein Stream ist der Hauptdokumenttyp von IBM SPSS Modeler. Er kann gespeichert, geladen, bearbeitet und ausgeführt werden. Streams können auch Parameter, globale Werte, ein Script und weitere zugehörige Informationen haben.

Superknotenstreams

Ein *Superknotenstream* ist der Typ von Stream, der in einem Superknoten verwendet wird. Wie ein normaler Stream enthält er Knoten, die miteinander verbunden sind. Superknotenstreams unterscheiden sich durch eine Reihe von Punkten von einem normalen Stream:

- Parameter und Scripts sind dem Superknoten zugeordnet, dem der Superknotenstream gehört, und nicht dem Superknotenstream selbst.
- Superknotenstreams haben je nach Typ des Superknotens zusätzliche Ein- und Ausgabe-Verbindungsknoten. Diese Verbindungsknoten werden verwendet, um Informationen in den und aus dem Superknotenstream zu leiten. Sie werden automatisch bei der Erstellung des Superknotens erstellt.

Diagramme

Der Begriff *Diagramm* deckt die Funktionen ab, die sowohl von normalen Streams als auch von Superknotenstreams unterstützt werden, z. B. das Hinzufügen und Entfernen von Knoten und das Ändern von Verbindungen zwischen den Knoten.

Ausführen eines Streams

Das folgende Beispiel führt alle ausführbaren Knoten im Stream aus. Es ist der einfachste Typ von Stream-Script:

```
modeler.script.stream().runAll(None)
```

Das folgende Beispiel führt ebenfalls alle ausführbaren Knoten im Stream aus:

```
stream = modeler.script.stream()
stream.runAll(None)
```

In diesem Beispiel wird der Stream in einer Variablen namens `stream` gespeichert. Das Speichern des Streams in einer Variablen ist hilfreich, da typischerweise ein Script verwendet wird, um entweder den Stream oder die Knoten in einem Stream zu ändern. Durch die Erstellung einer Variablen, die die Stream-ergebnisse speichert, ergibt sich ein knapperes Script.

Scriptingkontext

Das Modul `modeler.script` stellt den Kontext bereit, in dem ein Script ausgeführt wird. Das Modul wird zur Laufzeit automatisch in ein SPSS Modeler-Script importiert. Das Modul definiert vier Funktionen, die ein Script mit Zugriff auf seine Ausführungsumgebung bereitstellen:

- Die Funktion `session()` gibt die Sitzung für das Script zurück. Die Sitzung definiert Informationen wie die Ländereinstellung und das SPSS Modeler-Back-End (entweder ein lokaler Prozess oder eine vernetzte SPSS Modeler Server-Instanz) für die Ausführung von Streams.
- Die Funktion `stream()` kann in Verbindung mit Stream- und Superknotenscripts verwendet werden. Diese Funktion gibt den Stream zurück, dem das ausgeführte Streamscript oder Superknotenscript gehört.
- Die Funktion `diagram()` kann in Verbindung mit Superknotenscripts verwendet werden. Diese Funktion gibt das Diagramm im Superknoten zurück. Bei anderen Scripttypen hat diese Funktion dieselbe Rückgabe wie die Funktion `stream()`.
- Die Funktion `supernode()` kann in Verbindung mit Superknotenscripts verwendet werden. Diese Funktion gibt den Superknoten zurück, dem das ausgeführte Script gehört.

Die vier Funktionen und ihre Ausgaben sind in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 9. Zusammenfassung der `modeler.script`-Funktionen

| Scripttyp | <code>session()</code> | <code>stream()</code> | <code>diagram()</code> | <code>supernode()</code> |
|-------------|--------------------------|---|-------------------------------------|-------------------------------|
| Standalone | Gibt eine Sitzung zurück | Gibt den aktuellen verwalteten Stream zum Zeitpunkt des Scriptaufrufs zurück (z. B. den Stream, der über die Stapelmodusoption <code>-stream</code> übergeben wird), bzw. <code>None</code> . | Wie bei <code>stream()</code> | Nicht zutreffend |
| Stream | Gibt eine Sitzung zurück | Gibt einen Stream zurück | Wie bei <code>stream()</code> | Nicht zutreffend |
| Superknoten | Gibt eine Sitzung zurück | Gibt einen Stream zurück | Gibt einen Superknotenstream zurück | Gibt einen Superknoten zurück |

Das Modul `modeler.script` definiert auch eine Möglichkeit zum Beenden des Scripts mit einem Beendigungscode. Die Funktion `exit(exit-code)` stoppt die Ausführung des Scripts und gibt den angegebenen ganzzahligen Beendigungscode zurück.

Eine der für einen Stream definierten Methoden ist `runAll(List)`. Diese Methode führt alle ausführbaren Knoten aus. Alle Modelle oder Ausgaben, die durch die Ausführung der Knoten generiert werden, werden der angegebenen Liste hinzugefügt.

Üblicherweise generiert eine Streamausführung Ausgaben wie Modelle, Grafiken oder andere Ausgaben. Zur Erfassung dieser Ausgabe kann ein Script eine Variable angeben, die in eine Liste initialisiert wird. Beispiel:

```
stream = modeler.script.stream()
results = []
stream.runAll(results)
```

Wenn die Ausführung abgeschlossen ist, kann von der Ergebnisliste auf die von der Ausführung generierten Objekte zugegriffen werden.

Referenzieren vorhandener Knoten

Ein Stream ist oft mit einigen Parametern vordefiniert, die geändert werden müssen, bevor der Stream ausgeführt werden kann. Die Änderung dieser Parameter umfasst die folgenden Tasks:

1. Suchen der Knoten im entsprechenden Stream.
2. Ändern der Knoten- und/oder Streameinstellungen.

Suchen von Knoten

Streams bieten eine Reihe von Möglichkeiten zum Suchen eines vorhandenen Knotens. Diese Methoden werden in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 10. Methoden zum Lokalisieren eines vorhandenen Knotens

| Methoden | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|---|---------------|---|
| <code>s.findAll(type, label)</code> | Sammlung | Gibt eine Liste aller Knoten mit dem angegebenen Typ und der angegebenen Beschriftung zurück. Entweder der Typ oder die Beschriftung kann <code>None</code> sein. In diesem Fall wird der jeweils andere Parameter verwendet. |
| <code>s.findAll(filter, recursive)</code> | Sammlung | Gibt eine Sammlung aller Knoten zurück, die vom angegebenen Filter akzeptiert werden. Wenn das rekursive Flag <code>True</code> lautet, werden auch Superknoten im angegebenen Stream gesucht. |
| <code>s.findById(id)</code> | Knoten | Gibt den Knoten mit der angegebenen ID zurück bzw. <code>None</code> , wenn kein derartiger Knoten vorhanden ist. Die Suche ist auf den aktuellen Stream eingeschränkt. |

Tabelle 10. Methoden zum Lokalisieren eines vorhandenen Knotens (Forts.)

| Methoden | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|--|---------------|--|
| <code>s.findByType(type, label)</code> | Knoten | Gibt den Knoten mit dem angegebenen Typ und/oder der angegebenen Beschriftung zurück. Entweder der Typ oder der Name kann None sein. In diesem Fall wird der jeweils andere Parameter verwendet. Wenn sich für mehreren Knoten eine Übereinstimmung ergibt, wird ein beliebiger ausgewählt und zurückgegeben. Wenn sich für keinen Knoten eine Übereinstimmung ergibt, lautet der Rückgabewert None. |
| <code>s.findDownstream(fromNodes)</code> | Sammlung | Sucht in der angegebenen Liste von Knoten und gibt das Set von Knoten an, die den angegebenen Knoten nachfolgen. Die zurückgegebene Liste enthält die ursprünglich bereitgestellten Knoten. |
| <code>s.findUpstream(fromNodes)</code> | Sammlung | Sucht in der angegebenen Liste von Knoten und gibt das Set von Knoten an, die den angegebenen Knoten vorausgehen. Die zurückgegebene Liste enthält die ursprünglich bereitgestellten Knoten. |

Wenn z. B. ein Stream einen einzigen Filterknoten enthält, auf den das Script zugreifen muss, kann der Filterknoten mithilfe des folgenden Scripts gefunden werden:

```
stream = modeler.script.stream()
node = stream.findByType("filter", None)
...
```

Wenn die ID des Knotens (siehe Registerkarte "Anmerkungen" im Knotendialogfeld) bekannt ist, kann anhand der ID nach dem Knoten gesucht werden. Beispiel:

```
stream = modeler.script.stream()
node = stream.findById("id32FJT71G2") # the filter node ID
...
```

Festlegen von Eigenschaften

Knoten, Streams, Modelle und Ausgaben haben Eigenschaften, die abgerufen und in den meisten Fällen auch festgelegt werden können. Eigenschaften werden üblicherweise verwendet, um das Verhalten oder Aussehen des Objekts zu ändern. Die verfügbaren Methoden für den Zugriff und das Festlegen von Objekteigenschaften sind in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 11. Methoden zum Zugreifen auf Objekteigenschaften und zum Festlegen dieser Eigenschaften

| Methoden | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|--|------------------|---|
| <code>p.getPropertyValue(propertyName)</code> | Objekt | Gibt den Wert der angegebenen Eigenschaft zurück, bzw. None, wenn keine solche Eigenschaft vorhanden ist. |
| <code>p.setPropertyValue(propertyName, value)</code> | Nicht zutreffend | Definiert den Wert der angegebenen Eigenschaft. |

Tabelle 11. Methoden zum Zugreifen auf Objekteigenschaften und zum Festlegen dieser Eigenschaften (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|--|------------------|---|
| <code>p.setPropertyValues(properties)</code> | Nicht zutreffend | Definiert die Werte der angegebenen Eigenschaften. Jeder Eintrag in der Eigenschaftszuordnung besteht aus einem Schlüssel, der den Eigenschaftsnamen und den Wert darstellt, der der entsprechenden Eigenschaft zugewiesen werden sollte. |
| <code>p.getKeyedPropertyValue(propertyName, keyName)</code> | Objekt | Gibt den Wert der angegebenen Eigenschaft und des zugehörigen Schlüssels zurück, bzw. None, wenn keine solche Eigenschaft oder kein solcher Schlüssel vorhanden ist. |
| <code>p.setKeyedPropertyValue(propertyName, keyName, value)</code> | Nicht zutreffend | Definiert den Wert der angegebenen Eigenschaft und des Schlüssels. |

Wenn Sie z. B. den Wert eines Knotens des Typs 'Variable Datei' am Anfang eines Streams festlegen wollen, können Sie das folgende Script verwenden:

```
stream = modeler.script.stream()
node = stream.findByType("variablefile", None)
node.setPropertyValue("full_filename", "$CLEO/DEMOS/DRUG1n")
...
```

Alternativ könnten Sie ein Feld aus einem Filterknoten filtern. In diesem Fall wird der Wert auch in den Feldnamen eingegeben. Beispiel:

```
stream = modeler.script.stream()
# Locate the filter node ...
node = stream.findByType("filter", None)
# ... and filter out the "Na" field
node.setKeyedPropertyValue("include", "Na", False)
```

Erstellen von Knoten und Ändern von Streams

In einigen Situationen wollen Sie möglicherweise vorhandenen Streams neue Knoten hinzufügen. Die Hinzufügung von Knoten zu vorhandenen Streams umfasst die folgenden Tasks:

1. Erstellen der Knoten.
2. Aktivieren von Links für die Knoten in der vorhandenen Streamfolge.

Erstellen von Knoten

Streams bieten eine Reihe von Möglichkeiten zum Erstellen von Knoten. Diese Methoden werden in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 12. Methoden zum Erstellen von Knoten

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|---|-------------|---|
| <code>s.create(nodeType, name)</code> | Knoten | Erstellt einen Knoten des angegebenen Typs und fügt ihn dem angegebenen Stream hinzu. |
| <code>s.createAt(nodeType, name, x, y)</code> | Knoten | Erstellt einen Knoten des angegebenen Typs und fügt ihn dem angegebenen Stream an der angegebenen Position hinzu. Bei $x < 0$ oder $y < 0$ ist die Position nicht festgelegt. |

Table 12. Methoden zum Erstellen von Knoten (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|--|-------------|---|
| <code>s.createModelApplier(modelOutput, name)</code> | Knoten | Erstellt einen Modellanwendungsknoten, der vom angegebenen Modellausgabeobjekt abgeleitet wird. |

Sie können das folgende Script verwenden, um z. B. einen neuen Typknoten in einem Stream zu erstellen:

```
stream = modeler.script.stream()
# Create a new type node
node = stream.create("type", "My Type")
```

Aktivieren und Aufheben von Links für Knoten

Wenn in einem Stream ein neuer Knoten erstellt wird, muss er in der Folge von Knoten verbunden werden, bevor er verwendet werden kann. Streams bieten eine Reihe von Möglichkeiten zum Aktivieren und Aufheben von Links für Knoten. Diese Methoden werden in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Table 13. Methoden zum Aktivieren und Aufheben von Links für Knoten

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|--|------------------|---|
| <code>s.link(source, target)</code> | Nicht zutreffend | Erstellt einen neuen Link zwischen dem Quellen- und dem Zielknoten. |
| <code>s.link(source, targets)</code> | Nicht zutreffend | Erstellt neue Links zwischen dem Quellenknoten und jedem Zielknoten in der angegebenen Liste. |
| <code>s.linkBetween(inserted, source, target)</code> | Nicht zutreffend | Verbindet einen Knoten zwischen zwei anderen Knoteninstanzen (dem Quellen- und dem Zielknoten) und legt die Position des eingefügten Knotens zwischen diesen beiden fest. Jeder direkte Link zwischen dem Quellen- und dem Zielknoten wird zuerst entfernt. |
| <code>s.linkPath(path)</code> | Nicht zutreffend | Erstellt einen neuen Pfad zwischen Knoteninstanzen. Der erste Knoten wird mit dem zweiten verbunden, der zweite wird mit dem dritten verbunden usw. |
| <code>s.unlink(source, target)</code> | Nicht zutreffend | Entfernt jeden direkten Link zwischen dem Quellen- und dem Zielknoten. |
| <code>s.unlink(source, targets)</code> | Nicht zutreffend | Entfernt alle direkten Links zwischen dem Quellenknoten und jedem Objekt in der Zielliste. |
| <code>s.unlinkPath(path)</code> | Nicht zutreffend | Entfernt jeden Pfad zwischen Knoteninstanzen. |
| <code>s.disconnect(node)</code> | Nicht zutreffend | Entfernt alle Links zwischen dem angegebenen Knoten und allen anderen Knoten im angegebenen Stream. |

Tabelle 13. Methoden zum Aktivieren und Aufheben von Links für Knoten (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|-------------------------------|-------------|--|
| s.isValidLink(source, target) | boolesch | Gibt True zurück, wenn die Erstellung eines Links zwischen dem angegebenen Quellen- und Zielknoten zulässig wäre. Diese Methode prüft, dass beide Objekte zum angegebenen Stream gehören, dass der Quellenknoten einen Link bereitstellen kann, dass der Zielknoten einen Link empfangen kann und dass die Erstellung eines solchen Links keinen Zirkelbezug im Stream verursacht. |

Das folgende Beispielscript führt die folgenden fünf Tasks durch:

1. Es erstellt einen Eingabeknoten von Typ 'Variable Datei', einen Filterknoten und einen Tabellenausgabeknoten.
2. Es verbindet die Knoten miteinander.
3. Es legt den Dateinamen im Eingabeknoten von Typ 'Variable Datei' fest.
4. Es filtert das Feld "Drug" aus der Ergebnisausgabe.
5. Es führt den Tabellenknoten aus.

```
stream = modeler.script.stream()
filenode = stream.createAt("variablefile", "My File Input ", 96, 64)
filternode = stream.createAt("filter", "Filter", 192, 64)
tablenode = stream.createAt("table", "Table", 288, 64)
stream.link(filenode, filternode)
stream.link(filternode, tablenode)
filenode.setPropertyValue("full_filename", "$CLEO_DEMOS/DRUG1n")
filternode.setKeyedPropertyValue("include", "Drug", False)
results = []
tablenode.run(results)
```

Importieren, Ersetzen und Löschen von Knoten

Neben dem Erstellen und Verbinden von Knoten ist es oft auch erforderlich, Knoten zu ersetzen oder aus dem Stream zu löschen. Die verfügbaren Methoden zum Importieren, Ersetzen und Löschen von Knoten sind in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 14. Methoden zum Importieren, Ersetzen oder Löschen von Knoten

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|---|------------------|--|
| s.replace(originalNode, replacementNode, discardOriginal) | Nicht zutreffend | Ersetzt den angegebenen Knoten im angegebenen Stream. Sowohl der Originalknoten als auch der Ersetzungsknoten müssen dem angegebenen Stream gehören. |

Table 14. Methoden zum Importieren, Ersetzen oder Löschen von Knoten (Forts.)

| Methoden | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|--|------------------|--|
| <code>s.insert(source, nodes, newIDs)</code> | Liste | Fügt Kopien der Knoten in der angegebenen Liste ein. Es wird angenommen, dass alle Knoten in der angegebenen Liste im angegebenen Stream enthalten sind. Das Flag <code>newIDs</code> gibt an, ob für jeden Knoten eine neue ID generiert werden soll oder ob die vorhandene ID kopiert und verwendet werden soll. Es wird angenommen, dass alle Knoten in einem Stream eine eindeutige ID haben. Dieses Flag muss daher auf <code>True</code> gesetzt werden, wenn der Quellenstream dem angegebenen Stream entspricht. Die Methode gibt die Liste neu eingefügter Knoten zurück, wobei die Reihenfolge der Knoten nicht definiert ist (d. h. die Reihenfolge entspricht nicht unbedingt der Reihenfolge der Knoten in der Eingabeliste). |
| <code>s.delete(node)</code> | Nicht zutreffend | Löscht den angegebenen Knoten aus dem angegebenen Stream. Der Knoten muss dem angegebenen Stream gehören. |
| <code>s.deleteAll(nodes)</code> | Nicht zutreffend | Löscht alle angegebenen Knoten aus dem angegebenen Stream. Alle Knoten in der Sammlung müssen dem angegebenen Stream gehören. |
| <code>s.clear()</code> | Nicht zutreffend | Löscht alle Knoten aus dem angegebenen Stream. |

Traversieren durch Knoten in einem Stream

Eine allgemeine Voraussetzung ist die Ermittlung von Knoten, die einem bestimmten Knoten vorangehen oder nachfolgen. Der Stream bietet eine Reihe von Methoden, die verwendet werden können, um diese Knoten zu ermitteln. Diese Methoden werden in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Table 15. Methoden zum Angeben vorausgehender und nachfolgender Streams

| Methoden | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|---|---------------|---|
| <code>s.iterator()</code> | Iterator | Gibt einen Iterator über die Knotenobjekte zurück, die im angegebenen Stream enthalten sind. Wenn der Stream zwischen Aufrufen der Funktion <code>next()</code> geändert wird, kann das Verhalten des Iterators undefiniert sein. |
| <code>s.predecessorAt(node, index)</code> | Knoten | Gibt den angegebenen unmittelbaren Vorgänger des angegebenen Knotens zurück, bzw. <code>None</code> , wenn der Index außerhalb des gültigen Bereichs liegt. |
| <code>s.predecessorCount(node)</code> | Ganzz | Gibt die Anzahl der unmittelbaren Vorgänger des angegebenen Knotens zurück. |

Tabelle 15. Methoden zum Angeben vorausgehender und nachfolgender Streams (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|----------------------------|-------------|--|
| s.predecessors(node) | Liste | Gibt die unmittelbaren Vorgänger des angegebenen Knotens zurück. |
| s.successorAt(node, index) | Knoten | Gibt den angegebenen unmittelbaren Nachfolger des angegebenen Knotens zurück, bzw. None, wenn der Index außerhalb des gültigen Bereichs liegt. |
| s.successorCount(node) | Ganzz | Gibt die Anzahl der unmittelbaren Nachfolger des angegebenen Knotens zurück. |
| s.successors(node) | Liste | Gibt die unmittelbaren Nachfolger des angegebenen Knotens zurück. |

Abrufen von Informationen zu Knoten

Knoten fallen in eine Reihe unterschiedlicher Kategorien wie Datenimport- und -exportknoten, Modellerstellungsknoten und andere Typen von Knoten. Jeder Knoten stellt eine Reihe von Methoden bereit, mit denen Informationen zum Knoten abgerufen werden können.

Die Methoden, mit denen die ID, der Name und die Beschriftung eines Knotens abgerufen werden können, sind in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 16. Methoden zum Abrufen von ID, Name und Beschriftung eines Knotens

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|-------------------|------------------|--|
| n.getLabel() | Zeichenfolge | Gibt die Anzeigebeschriftung des angegebenen Knotens zurück. Die Beschriftung entspricht nur dann dem Wert der Eigenschaft custom_name, wenn diese Eigenschaft eine nicht leere Zeichenfolge ist und die Eigenschaft use_custom_name nicht definiert ist; andernfalls entspricht die Beschriftung dem Wert von getName(). |
| n.setLabel(label) | Nicht zutreffend | Legt die Anzeigebeschriftung des angegebenen Knotens fest. Wenn die neue Beschriftung eine nicht leere Zeichenfolge ist, wird sie der Eigenschaft custom_name zugewiesen und die Eigenschaft use_custom_name wird auf False gesetzt, damit die angegebene Beschriftung Vorrang hat; andernfalls wird der Eigenschaft custom_name eine leere Zeichenfolge zugewiesen und die Eigenschaft use_custom_name wird auf True gesetzt. |
| n.getName() | Zeichenfolge | Gibt den Namen des angegebenen Knotens zurück. |

Table 16. Methoden zum Abrufen von ID, Name und Beschriftung eines Knotens (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|-----------|--------------|--|
| n.getID() | Zeichenfolge | Gibt die ID des angegebenen Knotens zurück. Bei jeder Erstellung eines neuen Knotens wird eine neue ID erzeugt. Die ID wird im Knoten als persistent definiert, wenn dieser als Teil eines Streams gespeichert wird, damit beim Öffnen des Streams die Knoten-IDs beibehalten werden. Wenn jedoch ein gespeicherter Knoten in einen Stream eingefügt wird, gilt der eingefügte Knoten als neues Objekt und ihm wird eine neue ID zugewiesen. |

Die Methoden, mit denen weitere Informationen zu einem Knoten abgerufen werden können, sind in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Table 17. Methoden zum Abrufen von Informationen zu einem Knoten

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|--------------------------------------|------------------|--|
| n.getTypeName() | Zeichenfolge | Gibt den Scriptnamen dieses Knotens zurück. Dies ist derselbe Name, der zum Erstellen einer neuen Instanz dieses Knoten verwendet werden könnte. |
| n.isInitial() | boolesch | Gibt True zurück, wenn dies ein Ursprungsknoten ist, d. h. ein Knoten, der am Anfang eines Streams auftritt. |
| n.isInline() | boolesch | Gibt True zurück, wenn dies ein Inline-Knoten ist, d. h. ein Knoten, der in der Mitte eines Streams auftritt. |
| n.isTerminal() | boolesch | Gibt True zurück, wenn dies ein Endknoten ist, d. h. ein Knoten, der am Ende eines Streams auftritt. |
| n.getXPosition() | Ganzz | Gibt den Offset der X-Position des Knotens im Stream an. |
| n.getYPosition() | Ganzz | Gibt den Offset der Y-Position des Knotens im Stream an. |
| n.setXYPosition(x, y) | Nicht zutreffend | Legt die Position des Knotens im Stream fest. |
| n.setPositionBetween(source, target) | Nicht zutreffend | Legt die Position des Knotens im Stream so fest, dass er zwischen den angegebenen Knoten angeordnet ist. |
| n.isCacheEnabled() | boolesch | Gibt True zurück, wenn der Cache aktiviert ist; andernfalls wird False zurückgegeben. |
| n.setCacheEnabled(val) | Nicht zutreffend | Aktiviert oder inaktiviert den Cache für dieses Objekt. Wenn der Cache voll ist und das Caching inaktiviert wird, wird der Cache geleert. |

Tabelle 17. Methoden zum Abrufen von Informationen zu einem Knoten (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|-----------------|------------------|---|
| n.isCacheFull() | boolesch | Gibt True zurück, wenn der Cache voll ist; andernfalls wird False zurückgegeben. |
| n.flushCache() | Nicht zutreffend | Leert den Cache dieses Knotens. Hat keine Auswirkung, wenn der Cache nicht aktiviert oder nicht voll ist. |

Kapitel 4. Scripting-API

Einführung in die Scripting-API

Die Scripting-API bietet Zugriff auf eine Vielzahl von SPSS Modeler-Funktionen. Alle bisher beschriebenen Methoden sind Teil der API und können ohne weitere Importe implizit im Script aufgerufen werden. Wenn Sie jedoch auf die API-Klassen verweisen wollen, müssen Sie die API mit der folgenden Anweisung explizit importieren:

```
import modeler.api
```

Diese Importanweisung ist für viele Beispiele der Scripting-API erforderlich.

Beispiel: Mit einem benutzerdefinierten Filter nach Knoten suchen

Im Abschnitt „Suchen von Knoten“ auf Seite 27 ist ein Beispiel für die Suche nach einem Knoten in einem Stream enthalten, wobei der Typname des Knotens als Suchkriterium verwendet wird. In einigen Situationen ist eine allgemeinere Suche erforderlich. Diese kann mit der Klasse `NodeFilter` und der Streammethode `findAll()` implementiert werden. Diese Art von Suche umfasst die folgenden beiden Schritte:

1. Erstellen einer neuen Klasse, die `NodeFilter` erweitert und eine benutzerdefinierte Version der Methode `accept()` implementiert.
2. Aufrufen der Streammethode `findAll()` mit einer Instanz dieser neuen Klasse. Dadurch werden alle Knoten zurückgegeben, die die in der Methode `accept()` definierten Kriterien erfüllen.

Im folgenden Beispiel wird gezeigt, wie in einem Stream nach Knoten mit aktiviertem Knotencache gesucht werden kann. Die Liste der zurückgegebenen Knoten könnte verwendet werden, um die Caches dieser Knoten zu leeren oder zu inaktivieren.

```
import modeler.api

class CacheFilter(modeler.api.NodeFilter):
    """A node filter for nodes with caching enabled"""
    def accept(this, node):
        return node.isCacheEnabled()

cachingnodes = modeler.script.stream().findAll(CacheFilter(), False)
```

Metadaten: Informationen über Daten

Da Knoten in einem Stream miteinander verbunden sind, sind Informationen über die in jedem Knoten verfügbaren Spalten oder Felder verfügbar. In der Modeler-Benutzerschnittstelle können Sie so z. B. auswählen, nach welchen Felder sortiert oder kumuliert werden soll. Diese Informationen werden als Datenmodell bezeichnet.

Scripts können auch auf das Datenmodell zugreifen, indem sie die Felder betrachten, die in einen Knoten eintreten oder aus einem Knoten austreten. Bei einigen Knoten sind das Eingabe- und das Ausgabedatenmodell gleich. Beispielsweise ordnet ein Knoten "sort" die Datensätze einfach um, ändert jedoch nicht das Datenmodell. Einige, wie der Knoten "derive", können neue Felder hinzufügen. Andere, wie der Knoten "filter", können Felder umbenennen oder entfernen.

Im folgenden Beispiel nimmt das Script den IBM SPSS Modeler-Standardstream `druglearn.str` und erstellt für jedes Feld ein Modell, wobei eines der Eingabefelder gelöscht wird. Die Vorgehensweise sieht dabei folgendermaßen aus:

1. Zugreifen auf das Ausgabedatenmodell aus dem Typknoten
2. Durchlaufen jedes Felds im Ausgabedatenmodell in einer Schleife

3. Ändern des Knotens "filter" für jedes Eingabefeld
4. Ändern des Namens des zu erstellenden Modells
5. Ausführen des Modellerstellungsknotens

Anmerkung: Bevor Sie das Script im Stream `druglean.str` ausführen, müssen Sie die Scriptsprache auf Python setzen. (Der Stream wurde in einer Vorgängerversion von IBM SPSS Modeler erstellt; die Scriptsprache des Streams ist also auf "Legacy" eingestellt.)

```
import modeler.api

stream = modeler.script.stream()
filternode = stream.findByType("filter", None)
typenode = stream.findByType("type", None)
c50node = stream.findByType("c50", None)
# Always use a custom model name
c50node.setPropertyValue("use_model_name", True)

lastRemoved = None
fields = typenode.getOutputDataModel()
for field in fields:
    # If this is the target field then ignore it
    if field.getModelingRole() == modeler.api.ModelingRole.OUT:
        continue

    # Re-enable the field that was most recently removed
    if lastRemoved != None:
        filternode.setKeyedPropertyValue("include", lastRemoved, True)

    # Remove the field
    lastRemoved = field.getColumnName()
    filternode.setKeyedPropertyValue("include", lastRemoved, False)

    # Set the name of the new model then run the build
    c50node.setPropertyValue("model_name", "Exclude " + lastRemoved)
    c50node.run([])
```

Das Datenmodellobjekt bietet eine Reihe von Methoden für den Zugriff auf Informationen über die Felder oder Spalten im Datenmodell. Diese Methoden werden in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 18. Methoden des Datenmodellobjekts für den Zugriff auf Informationen über Felder oder Spalten

| Methoden | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|---------------------------------|-----------------|--|
| <code>d.getColumnCount()</code> | <i>Ganzz</i> | Gibt die Anzahl der Spalten im Datenmodell zurück. |
| <code>d.columnIterator()</code> | Iterator | Gibt einen Iterator zurück, der seinerseits jede Spalte in der "natürlichen" Einfügereihenfolge zurückgibt. Der Iterator gibt Spalteninstanzen zurück. |
| <code>d.nameIterator()</code> | Iterator | Gibt einen Iterator zurück, der seinerseits den Namen jeder Spalte in der "natürlichen" Einfügereihenfolge zurückgibt. |
| <code>d.contains(name)</code> | <i>boolesch</i> | Gibt True zurück, wenn eine Spalte mit dem angegebenen Namen in diesem Datenmodell vorhanden ist; andernfalls wird False zurückgegeben. |
| <code>d.getColumn(name)</code> | Spalte | Gibt die Spalte mit dem angegebenen Namen zurück. |

Tabelle 18. Methoden des Datenmodellobjekts für den Zugriff auf Informationen über Felder oder Spalten (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|-------------------------|---------------|---|
| d.getColumnGroup(name) | Spaltengruppe | Gibt die angegebene Spaltengruppe zurück, bzw. None, wenn keine solche Spaltengruppe vorhanden ist. |
| d.getColumnGroupCount() | Ganzz | Gibt die Anzahl der Spaltengruppen in diesem Datenmodell zurück. |
| d.columnGroupIterator() | Iterator | Gibt einen Iterator zurück, der nacheinander jede Spaltengruppe zurückgibt. |
| d.toArray() | Spalte[] | Gibt das Datenmodell als Array von Spalten zurück. Die Spalten sind in ihrer "natürlichen" Einfügereihenfolge geordnet. |

Jedes Feld (Spaltenobjekt) umfasst eine Reihe von Methoden für den Zugriff auf Informationen über die Spalte. Die folgende Tabelle enthält eine Auswahl davon.

Tabelle 19. Spaltenobjektmethoden für den Zugriff auf Informationen über die Spalte

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|-------------------------|--------------------|--|
| c.columnName() | Zeichenfolge | Gibt den Namen der Spalte zurück. |
| c.columnLabel() | Zeichenfolge | Gibt die Beschriftung der Spalte zurück bzw. eine leere Zeichenfolge, wenn der Spalte keine Beschriftung zugeordnet ist. |
| c.measureType() | Maßtyp | Gibt den Maßtyp für die Spalte zurück. |
| c.storageType() | Speichertyp | Gibt den Speichertyp für die Spalte zurück. |
| c.isMeasureDiscrete() | boolesch | Gibt True zurück, wenn die Spalte diskret ist. Spalten, die entweder ein Set oder ein Flag sind, werden als diskret betrachtet. |
| c.isModelOutputColumn() | boolesch | Gibt True zurück, wenn die Spalte eine Modellausgabespalte ist. |
| c.isStorageDatetime() | boolesch | Gibt True zurück, wenn der Speicher der Spalte ein Uhrzeit-, ein Datum- oder ein Zeitmarkenwert ist. |
| c.isStorageNumeric() | boolesch | Gibt True zurück, wenn der Speicher der Spalte eine ganze oder eine reelle Zahl ist. |
| c.isValidValue(value) | boolesch | Gibt True zurück, wenn der angegebene Wert für diesen Speicher gültig ist, und gibt valid zurück, wenn die gültigen Spaltenwerte bekannt sind. |
| c.getModelingRole() | Modellierungsrolle | Gibt die Modellierungsrolle für die Spalte zurück. |
| c.getSetValues() | Objekt[] | Gibt ein Array gültiger Werte für die Spalte zurück, bzw. None, wenn die Werte nicht bekannt sind oder wenn die Spalte kein Set ist. |

Tabelle 19. Spaltenobjektmethoden für den Zugriff auf Informationen über die Spalte (Forts.)

| Methoden | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|------------------------|---------------|---|
| c.getValueLabel(value) | Zeichenfolge | Gibt die Beschriftung für den Wert in der Spalte zurück bzw. eine leere Zeichenfolge, wenn dem Wert keine Beschriftung zugeordnet ist. |
| c.getFalseFlag() | Objekt | Gibt den Indikatorwert "false" für die Spalte zurück, bzw. None, wenn der Wert nicht bekannt ist oder wenn die Spalte kein Flag ist. |
| c.getTrueFlag() | Objekt | Gibt den Indikatorwert "true" für die Spalte zurück, bzw. None, wenn der Wert nicht bekannt ist oder wenn die Spalte kein Flag ist. |
| c.getLowerBound() | Objekt | Gibt den unteren Grenzwert für die Werte in der Spalte zurück, bzw. None, wenn der Wert nicht bekannt ist oder wenn die Spalte nicht fortlaufend ist. |
| c.getUpperBound() | Objekt | Gibt den oberen Grenzwert für die Werte in der Spalte zurück, bzw. None, wenn der Wert nicht bekannt ist oder wenn die Spalte nicht fortlaufend ist. |

Für die meisten der Methoden, die auf Informationen über eine Spalte zugreifen, sind entsprechende Methoden im Datenmodellobjekt selbst definiert. Die folgenden beiden Anweisungen sind beispielsweise funktional entsprechend:

```
dataModel.getColumn("someName").getModelingRole()
dataModel.getModelingRole("someName")
```

Zugriff auf generierte Objekte

Bei der Ausführung eines Streams werden in der Regel zusätzliche Ausgabeobjekte erzeugt. Diese zusätzlichen Objekte könnten ein neues Modell oder eine Ausgabe sein, die Informationen bereitstellt, die in nachfolgenden Ausführungen verwendet werden.

Im Beispiel unten wird der Stream `druglearn.str` erneut als Ausgangspunkt für den Stream verwendet. In diesem Beispiel werden alle Knoten im Stream ausgeführt und die Ergebnisse werden in einer Liste gespeichert. Das Script durchläuft die Ergebnisse dann in einer Schleife und alle Modellausgaben aus der Ausführung werden als IBM SPSS Modeler-Modelldatei (`.gm`) gespeichert und das Modell wird im PMML-Format exportiert.

```
import modeler.api

stream = modeler.script.stream()

# Set this to an existing folder on your system.
# Include a trailing directory separator
modelFolder = "C:/temp/models/"

# Execute the stream
models = []
stream.runAll(models)

# Save any models that were created
taskrunner = modeler.script.session().getTaskRunner()
```

```

for model in models:
    # If the stream execution built other outputs then ignore them
    if not(isinstance(model, modeler.api.ModelOutput)):
        continue

    label = model.getLabel()
    algorithm = model.getModelDetail().getAlgorithmName()

    # save each model...
    modelFile = modelFolder + label + algorithm + ".gm"
    taskrunner.saveModelToFile(model, modelFile)

    # ...and export each model PMML...
    modelFile = modelFolder + label + algorithm + ".xml"
    taskrunner.exportModelToFile(model, modelFile, modeler.api.FileFormat.XML)

```

Die Klasse der ausführbaren Komponente bietet eine praktische Möglichkeit zum Ausführen verschiedener allgemeiner Tasks. Die in dieser Klasse verfügbaren Methoden werden in der folgenden Tabelle zusammengefasst.

Tabelle 20. Methode der Klasse der ausführbaren Komponente zum Ausführen allgemeiner Tasks

| Methodenname | Rückgabebetyp | Beschreibung |
|--|------------------|--|
| t.createStream(Name, autoVerbindung, autoVerwaltung) | Stream | Erstellt einen neuen Stream und gibt ihn zurück. Für Code, der Streams nicht öffentlich erstellen muss, ohne sie dem Benutzer sichtbar zu machen, sollte das Flag autoManage auf False gesetzt werden. |
| t.exportDocumentToFile(DokumentaAusgabe, Dateiname, Dateiformat) | Nicht zutreffend | Exportiert die Streambeschreibung unter Verwendung des angegebenen Dateiformats in eine Datei. |
| t.exportModelToFile(modelOutput, filename, fileFormat) | Nicht zutreffend | Exportiert das Modell unter Verwendung des angegebenen Dateiformats in eine Datei. |
| t.exportStreamToFile(stream, filename, fileFormat) | Nicht zutreffend | Exportiert den Stream unter Verwendung des angegebenen Dateiformats in eine Datei. |
| t.insertNodeFromFile(filename, diagram) | Knoten | Liest einen Knoten aus der angegebenen Datei, gibt ihn zurück und fügt ihn in das angegebene Diagramm ein. Damit können sowohl Knoten als auch Superknotenobjekte gelesen werden. |
| t.openDocumentFromFile(filename, autoManage) | DokumentaAusgabe | Liest ein Dokument aus der angegebenen Datei und gibt es zurück. |
| t.openModelFromFile(filename, autoManage) | Modellausgabe | Liest ein Modell aus der angegebenen Datei und gibt es zurück. |
| t.openStreamFromFile(filename, autoManage) | Stream | Liest einen Stream aus der angegebenen Datei und gibt ihn zurück. |
| t.saveDocumentToFile(documentOutput, filename) | Nicht zutreffend | Speichert das Dokument an der angegebenen Dateiposition. |
| t.saveModelToFile(modelOutput, filename) | Nicht zutreffend | Speichert das Modell an der angegebenen Dateiposition. |
| t.saveStreamToFile(stream, filename) | Nicht zutreffend | Speichert den Stream an der angegebenen Dateiposition. |

Fehlerbehandlung

Die Python-Sprache bietet Fehlerbehandlung über den Codeblock `try...except`. Dieser kann in Scripts verwendet werden, um Ausnahmebedingungen abzufangen und um Probleme zu behandeln, die sonst zur Beendigung des Scripts führen würden.

Im Beispielscript unten wird versucht, ein Modell aus IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository abzurufen. Diese Operation kann dazu führen, dass eine Ausnahmebedingung ausgelöst wird. Beispielsweise könnten die Berechtigungsnachweise für die Repository-Anmeldung nicht korrekt eingerichtet sein oder der Repository-Pfad ist falsch. Im Script kann dies dazu führen, dass eine `ModelerException`-Ausnahmebedingung ausgelöst wird (alle von IBM SPSS Modeler generierten Ausnahmebedingungen sind von `modeler.api.ModelerException` abgeleitet).

```
import modeler.api

session = modeler.script.session()
try:
    repo = session.getRepository()
    m = repo.retrieveModel("/some-non-existent-path", None, None, True)
    # print goes to the Modeler UI script panel Debug tab
    print "Everything OK"
except modeler.api.ModelerException, e:
    print "An error occurred:", e.getMessage()
```

Anmerkung: Einige Scriptoperation können dazu führen, dass Java-Standardausnahmebedingungen ausgelöst werden. Diese sind nicht von `ModelerException` abgeleitet. Zum Abfangen aller Java-Ausnahmebedingungen kann ein zusätzlicher `except`-Block verwendet werden. Beispiel:

```
import modeler.api

session = modeler.script.session()
try:
    repo = session.getRepository()
    m = repo.retrieveModel("/some-non-existent-path", None, None, True)
    # print goes to the Modeler UI script panel Debug tab
    print "Everything OK"
except modeler.api.ModelerException, e:
    print "An error occurred:", e.getMessage()
except java.lang.Exception, e:
    print "A Java exception occurred:", e.getMessage()
```

Stream-, Sitzungs- und Superknotenparameter

Parameter sind eine praktische Möglichkeit, um Werte zur Laufzeit zu übergeben, statt sie direkt im Script fest zu codieren. Parameter und ihre Werte werden auf dieselbe Weise definiert wie für Streams, d. h. als Einträge in der Parametertabelle eines Streams oder Superknotens oder als Parameter in der Befehlszeile. Die Stream- und Superknotenklassen implementieren eine Gruppe von Funktionen, die vom `ParameterProvider`-Objekt definiert werden (siehe folgende Tabelle). Die Sitzung stellt einen Aufruf `getParameters()` bereit, der ein Objekt zurückgibt, das diese Funktionen definiert.

Tabelle 21. Vom ParameterProvider-Objekt definierte Funktionen

| Methode | Rückgabotyp | Beschreibung |
|------------------------------------|-------------|--|
| <code>p.parameterIterator()</code> | Iterator | Gibt einen Iterator von Parameternamen für dieses Objekt zurück. |

Tabelle 21. Vom ParameterProvider-Objekt definierte Funktionen (Forts.)

| Methoden | Rückgabotyp | Beschreibung |
|---|---------------------|--|
| p.getParameterDefinition(parameterName) | ParameterDefinition | Gibt die Parameterdefinition für den Parameter mit dem angegebenen Namen zurück bzw. None, wenn kein solcher Parameter in diesem Provider existiert. Das Ergebnis kann eine Momentaufnahme der Definition zum Zeitpunkt des Aufrufs der Methode sein und spiegelt nicht unbedingt nachfolgende Änderungen am Parameter durch den Provider wider. |
| p.getParameterLabel(parameterName) | Zeichenfolge | Gibt die Beschriftung des angegebenen Parameters zurück bzw. None, wenn kein solcher Parameter vorhanden ist. |
| p.setParameterLabel(parameterName, label) | Nicht zutreffend | Definiert die Beschriftung des angegebenen Parameters. |
| p.getParameterStorage(parameterName) | ParameterStorage | Gibt den Speicher des angegebenen Parameters zurück bzw. None, wenn kein solcher Parameter vorhanden ist. |
| p.setParameterStorage(parameterName, storage) | Nicht zutreffend | Definiert den Speicher des angegebenen Parameters. |
| p.getParameterType(parameterName) | ParameterType | Gibt den Typ des angegebenen Parameters zurück bzw. None, wenn kein solcher Parameter vorhanden ist. |
| p.setParameterType(parameterName, type) | Nicht zutreffend | Definiert den Typ des angegebenen Parameters. |
| p.getParameterValue(parameterName) | Objekt | Gibt den Wert des angegebenen Parameters zurück bzw. None, wenn kein solcher Parameter vorhanden ist. |
| p.setParameterValue(parameterName, value) | Nicht zutreffend | Definiert den Wert des angegebenen Parameters. |

Im folgenden Beispiel aggregiert das Script einige Telekommunikationsdaten, um die Region mit den niedrigsten durchschnittlichen Einnahmen zu ermitteln. Dann wird ein Streamparameter mit dieser Region definiert. Dieser Streamparameter wird dann in einem Auswahlknoten verwendet, um diese Region aus den Daten auszuschließen, bevor mit den restlichen Daten ein Abwanderungsmodell erstellt wird.

Dieses Beispiel ist konstruiert, da das Script den Auswahlknoten selbst generiert und daher den korrekten Wert direkt in den Ausdruck für den Auswahlknoten generiert haben könnte. Streams sind jedoch in der Regel vordefiniert, weshalb die Festlegung von Parametern auf diese Weise ein nützliches Beispiel darstellt.

Der erste Teil des Beispielscripts erstellt den Streamparameter, der die Region mit den niedrigsten durchschnittlichen Einnahmen enthält. Das Script erstellt auch die Knoten in der Aggregationsverzweigung und in der Modellerstellungsverzweigung und verbindet diese miteinander.

```
import modeler.api

stream = modeler.script.stream()

# Initialize a stream parameter
stream.setParameterStorage("LowestRegion", modeler.api.ParameterStorage.INTEGER)
```

```

# First create the aggregation branch to compute the average income per region
statisticsimportnode = stream.createAt("statisticsimport", "SPSS File", 114, 142)
statisticsimportnode.setPropertyValue("full_filename", "$CLEO_DEMOS/telco.sav")
statisticsimportnode.setPropertyValue("use_field_format_for_storage", True)

aggregatenode = modeler.script.stream().createAt("aggregate", "Aggregate", 294, 142)
aggregatenode.setPropertyValue("keys", ["region"])
aggregatenode.setKeyedPropertyValue("aggregates", "income", ["Mean"])

tablenode = modeler.script.stream().createAt("table", "Table", 462, 142)

stream.link(statisticsimportnode, aggregatenode)
stream.link(aggregatenode, tablenode)

selectnode = stream.createAt("select", "Select", 210, 232)
selectnode.setPropertyValue("mode", "Discard")
# Reference the stream parameter in the selection
selectnode.setPropertyValue("condition", "'region' = '$P-LowestRegion'")

typenode = stream.createAt("type", "Type", 366, 232)
typenode.setKeyedPropertyValue("direction", "churn", "Target")

c50node = stream.createAt("c50", "C5.0", 534, 232)

stream.link(statisticsimportnode, selectnode)
stream.link(selectnode, typenode)
stream.link(typenode, c50node)

```

Das Beispielscript erzeugt den folgenden Stream.

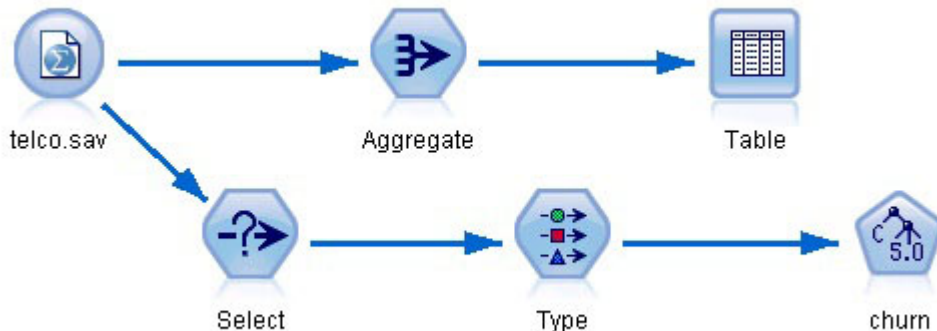


Abbildung 5. Stream, der aus dem Beispielscript resultiert

Der folgende Teil des Beispielscripts führt den Tabellenknoten am Ende der Aggregationsverzweigung aus.

```

# First execute the table node
results = []
tablenode.run(results)

```

Der folgende Teil des Beispielscripts greift auf die Tabellenausgabe zu, die durch die Ausführung des Tabellenknotens generiert wurde. Das Script durchläuft dann die Zeilen in der Tabelle und sucht nach den niedrigsten Durchschnittseinnahmen.

```

# Running the table node should produce a single table as output
table = results[0]

# table output contains a RowSet so we can access values as rows and columns
rowset = table.getRowSet()
min_income = 1000000.0

```

```

min_region = None

# From the way the aggregate node is defined, the first column
# contains the region and the second contains the average income
row = 0
rowcount = rowset.getRowCount()
while row < rowcount:
    if rowset.getValueAt(row, 1) < min_income:
        min_income = rowset.getValueAt(row, 1)
        min_region = rowset.getValueAt(row, 0)
    row += 1

```

Der folgende Teil des Scripts verwendet die Region mit den niedrigsten Durchschnittseinnahmen zur Definition des zuvor erstellten Streamparameters "LowestRegion". Das Script führt dann das Modellerstellungsprogramm aus, wobei die angegebene Region aus den Trainingsdaten ausgeschlossen wird.

```

# Check that a value was assigned
if min_region != None:
    stream.setParameterValue("LowestRegion", min_region)
else:
    stream.setParameterValue("LowestRegion", -1)

# Finally run the model builder with the selection criteria
c50node.run([])

```

Das vollständige Beispielscript ist im Folgenden aufgeführt.

```

import modeler.api

stream = modeler.script.stream()

# Create a stream parameter
stream.setParameterStorage("LowestRegion", modeler.api.ParameterStorage.INTEGER)

# First create the aggregation branch to compute the average income per region
statisticsimportnode = stream.createAt("statisticsimport", "SPSS File", 114, 142)
statisticsimportnode.setPropertyValue("full_filename", "$CLEO_DEMOS/telco.sav")
statisticsimportnode.setPropertyValue("use_field_format_for_storage", True)

aggregatenode = modeler.script.stream().createAt("aggregate", "Aggregate", 294, 142)
aggregatenode.setPropertyValue("keys", ["region"])
aggregatenode.setKeyedPropertyValue("aggregates", "income", ["Mean"])

tablenode = modeler.script.stream().createAt("table", "Table", 462, 142)

stream.link(statisticsimportnode, aggregatenode)
stream.link(aggregatenode, tablenode)

selectnode = stream.createAt("select", "Select", 210, 232)
selectnode.setPropertyValue("mode", "Discard")
# Reference the stream parameter in the selection
selectnode.setPropertyValue("condition", "'region' = '$P-LowestRegion'")

typenode = stream.createAt("type", "Type", 366, 232)
typenode.setKeyedPropertyValue("direction", "churn", "Target")

c50node = stream.createAt("c50", "C5.0", 534, 232)

stream.link(statisticsimportnode, selectnode)
stream.link(selectnode, typenode)
stream.link(typenode, c50node)

# First execute the table node
results = []
tablenode.run(results)

```

```

# Running the table node should produce a single table as output
table = results[0]

# table output contains a RowSet so we can access values as rows and columns
rowset = table.getRowSet()
min_income = 1000000.0
min_region = None

# From the way the aggregate node is defined, the first column
# contains the region and the second contains the average income
row = 0
rowcount = rowset.getRowCount()
while row < rowcount:
    if rowset.getValueAt(row, 1) < min_income:
        min_income = rowset.getValueAt(row, 1)
        min_region = rowset.getValueAt(row, 0)
    row += 1

# Check that a value was assigned
if min_region != None:
    stream.setParameterValue("LowestRegion", min_region)
else:
    stream.setParameterValue("LowestRegion", -1)

# Finally run the model builder with the selection criteria
c50node.run([])

```

Globale Werte

Globale Werte werden zum Berechnen verschiedener Auswertungsstatistiken für angegebene Felder verwendet. Diese Auswertungswerte sind überall im Stream zugänglich. Globale Werte sind den Streamparametern darin ähnlich, dass über den Stream anhand des Namens auf sie zugegriffen wird. Sie unterscheiden sich von Streamparametern darin, dass die zugehörigen Werte automatisch bei der Ausführung eines Globalwerteknotens aktualisiert werden und nicht vom Scripting oder von der Befehlszeile zugewiesen werden. Der Zugriff auf die globalen Werte für einen Stream erfolgt über den Aufruf der Methode `getGlobalValues()` des Streams.

Das `GlobalValues`-Objekt definiert die Funktionen, die in der folgenden Tabelle aufgelistet werden.

Tabelle 22. Vom `GlobalValues`-Objekt definierte Funktionen

| Methode | Rückgabetyp | Beschreibung |
|--|-------------|--|
| <code>g.fieldNameIterator()</code> | Iterator | Gibt einen Iterator für jeden Feldnamen mit mindestens einem globalen Wert zurück. |
| <code>g.getValue(type, fieldName)</code> | Objekt | Gibt den globalen Wert für den angegebenen Typ und Feldnamen zurück bzw. <code>None</code> , wenn kein Wert gefunden werden kann. Als zurückgegebener Wert wird im Allgemeinen eine Zahl erwartet. Einige künftige Funktionen könnten jedoch auch andere Wertetypen zurückgeben. |
| <code>g.getValues(fieldName)</code> | Zuordnung | Gibt eine Zuordnung zurück, die die bekannten Einträge für den angegebenen Feldnamen enthält, bzw. <code>None</code> , wenn es keine vorhandenen Einträge für das Feld gibt. |

GlobalValues.Type definiert den Typ der verfügbaren Auswertungsstatistiken. Die folgenden Auswertungsstatistikdaten sind verfügbar:

- MAX: Maximalwert des Felds.
- MEAN: Mittelwert des Felds.
- MIN: Minimalwert des Felds.
- STDDEV: Standardabweichung des Felds.
- SUM: Summe der Werte im Feld.

Das folgende Script z. B. greift auf den Mittelwert des Felds "income" zu, das von einem Globalwerteknoten berechnet wird:

```
import modeler.api

globals = modeler.script.stream().getGlobalValues()
mean_income = globals.getValue(modeler.api.GlobalValues.Type.MEAN, "income")
```

Arbeiten mit mehreren Streams: Standalone-Scripts

Zum Arbeiten mit mehreren Streams muss ein Standalone-Script verwendet werden. Das Standalone-Script kann in der Benutzerschnittstelle von IBM SPSS Modeler bearbeitet und ausgeführt oder als Befehlszeilenparameter im Stapelmodus übergeben werden.

Das folgende Standalone-Script öffnet zwei Streams. Einer dieser Streams erstellt ein Modell, der zweite plottet die Verteilung der vorhergesagten Werte.

```
# Change to the appropriate location for your system
demosDir = "C:/Program Files/IBM/SPSS/Modeler/16/DEMOS/streams/"

session = modeler.script.session()
tasks = session.getTaskRunner()

# Open the model build stream, locate the C5.0 node and run it
buildstream = tasks.openStreamFromFile(demosDir + "druglearn.str", True)
c50node = buildstream.findByType("c50", None)
results = []
c50node.run(results)

# Now open the plot stream, find the Na_to_K derive and the histogram
plotstream = tasks.openStreamFromFile(demosDir + "drugplot.str", True)
derivenode = plotstream.findByType("derive", None)
histogramnode = plotstream.findByType("histogram", None)

# Create a model applier node, insert it between the derive and histogram nodes
# then run the histogram
applyc50 = plotstream.createModelApplier(results[0], results[0].getName())
applyc50.setPositionBetween(derivenode, histogramnode)
plotstream.linkBetween(applyc50, derivenode, histogramnode)
histogramnode.setPropertyValue("color_field", "$C-Drug")
histogramnode.run([])

# Finally, tidy up the streams
buildstream.close()
plotstream.close()
```

Kapitel 5. Tipps zur Scripterstellung

In diesem Abschnitt erhalten Sie einen Überblick über Tipps und Verfahren für die Verwendung von Scripts, wie beispielsweise die Änderung der Streamausführung und die Verwendung von verschlüsselten Kennwörtern in Scripts.

Ändern der Streamausführung

Wenn ein Stream ausgeführt wird, werden die Terminal-Knoten in einer für die Standardsituation optimierten Reihenfolge ausgeführt. In bestimmten Fällen kann eine andere Ausführungsreihenfolge wünschenswert sein. Um die Ausführungsreihenfolge eines Streams zu ändern, führen Sie im Dialogfeld "Streameigenschaften" auf der Registerkarte "Ausführung" folgende Schritte aus:

1. Starten Sie mit einem leeren Script.
2. Klicken Sie in der Symbolleiste auf die Schaltfläche **Standardscript anhängen**, um ein Standard-Stream-Script hinzuzufügen.
3. Bringen Sie die im Standard-Stream-Script enthaltenen Anweisungen in die für die Ausführung gewünschte Reihenfolge.

Arbeiten mit Modellen

Wenn die automatische Modellerersetzung in IBM SPSS Modeler aktiviert ist und ein Modellerstellungsknoten über die IBM SPSS Modeler-Benutzerschnittstelle ausgeführt wird, wird ein vorhandenes mit dem Modellerstellungsknoten verbundenes Modellnugget durch das neue Modellnugget ersetzt. Wenn der Modellerstellungsknoten über ein Script ausgeführt wird, wird das vorhandene verbundene Modellnugget nicht ersetzt. Wenn das vorhandene Modellnugget ersetzt werden soll, müssen Sie die Ersetzung des Nuggets explizit in Ihrem Script angeben.

Erstellen eines verschlüsselten Kennworts

In bestimmten Fällen müssen Sie möglicherweise ein Kennwort in ein Script aufnehmen, beispielsweise um auf eine kennwortgeschützte Datenquelle zuzugreifen. Verschlüsselte Kennwörter können in folgenden Elementen verwendet werden:

- Knoteneigenschaften für Datenbankquellenknoten und Ausgabeknoten
- Befehlszeilenargumente für die Anmeldung beim Server
- Die Datenbankverbindungseigenschaften, die in einer *.par*-Datei (die über die Registerkarte "Veröffentlichen" eines Exportknotens generierte Parameterdatei) gespeichert sind.

Über die Benutzerschnittstelle steht ein Tool zur Verfügung, mit dem Sie verschlüsselte Kennwörter auf der Grundlage des Blowfish-Algorithmus erstellen können. (Weitere Informationen finden Sie unter <http://www.schneier.com/blowfish.html>.) Nach der Verschlüsselung können Sie das Kennwort in Scriptdateien und Befehlszeilenargumente kopieren und dort speichern. Die Knoteneigenschaft `epassword`, die für `database` und `databaseexport` verwendet wird, speichert das verschlüsselte Kennwort.

1. Um ein verschlüsseltes Kennwort zu erstellen, wählen Sie im Menü "Extras" folgende Befehlsfolge aus:
Kennwort verschlüsseln...
2. Geben Sie ein Kennwort im Textfeld "Kennwort" ein.
3. Klicken Sie auf **Verschlüsseln**, um eine Zufallsverschlüsselung des Kennworts zu generieren.
4. Klicken Sie auf die Schaltfläche "Kopieren", um das verschlüsselte Kennwort in die Zwischenablage zu kopieren.
5. Fügen Sie das Kennwort in das gewünschte Script bzw. den gewünschten Parameter ein.

Scriptprüfung

Die Syntax aller Scripttypen können Sie sehr schnell prüfen, indem Sie in der Symbolleiste des Dialogfelds "Standalone-Script" auf die rote Prüfschaltfläche klicken.



Abbildung 6. Symbolleistenschaltflächen für Stream-Scripts

Die Scriptprüfung informiert Sie über alle in Ihrem Code enthaltenen Fehler und macht Verbesserungsvorschläge. Um die den Fehler enthaltende Zeile anzuzeigen, klicken Sie auf das in der unteren Hälfte des Dialogfelds angezeigte Feedback. Der Fehler wird dann rot hervorgehoben.

Scripts in der Befehlszeile

Mit Scripts können Sie Vorgänge ausführen, die normalerweise über die Benutzerschnittstelle durchgeführt werden. Geben Sie in der Befehlszeile beim Start von IBM SPSS Modeler einfach einen Standalone-Stream an und führen Sie ihn aus.

Beispiel:

```
client -script scores.py -execute
```

Das Flag `-script` lädt das angegebene Script, während das Flag `-execute` alle im Script enthaltenen Befehle ausführt.

Angeben von Dateipfaden

Bei der Angabe von Dateipfaden zu Verzeichnissen und Dateien können Sie entweder einen normalen Schrägstrich (/) oder einen doppelten umgekehrten Schrägstrich (\\) als Verzeichnistrennzeichen verwenden. Beispiel:

```
c:/demos/druglearn.str
```

oder

```
c:\\demos\\druglearn.str
```

Kompatibilität zu früheren Versionen

In früheren IBM SPSS Modeler-Versionen erstellte traditionelle Scripts laufen in der aktuellen Version normalerweise unverändert. Damit die Scripts funktionieren, muss **Traditionell** auf der Registerkarte für das Stream-Script im Dialogfeld **Streameigenschaften** oder im Dialogfeld **Standalone-Script** ausgewählt werden. Modellnuggets können nun automatisch in den Stream aufgenommen werden (das ist die Standardeinstellung) und ein vorhandenes Nugget dieses Typs im Stream ersetzen oder ergänzen. Ob dies tatsächlich geschieht, hängt von den Einstellungen der Optionen **Modell zu Stream hinzufügen** und **Bisheriges Modell ersetzen** ab (**Extras > Optionen > Benutzeroptionen > Benachrichtigungen**). Es kann beispielsweise erforderlich sein, ein Script aus einer früheren Version zu modifizieren, bei der die Nugget-Ersetzung durch Löschen des vorhandenen Nuggets und Einsetzen des neuen erfolgt.

In der aktuellen Version erstellte Scripts funktionieren eventuell nicht in früheren Versionen.

In der aktuellen Version erstellte Python-Scripts funktionieren nicht in früheren Versionen.

Wenn ein in einer älteren Version erstelltes Script einen Befehl verwendet, der mittlerweile ersetzt wurde (oder nicht mehr verwendet wird), wird die alte Form weiterhin unterstützt, es wird jedoch eine Warnnachricht angezeigt. Beispielsweise wurde das alte Schlüsselwort `generated` durch `model` und `clear generated` ersetzt. Scripts, die die alten Formen verwenden, werden weiterhin ausgeführt, es wird jedoch eine Warnnachricht angezeigt.

Kapitel 6. Befehlszeilenargumente

Aufrufen der Software

Sie können die Befehlszeile Ihres Betriebssystems wie folgt verwenden, um IBM SPSS Modeler zu starten:

1. Öffnen Sie auf einem Computer, auf dem IBM SPSS Modeler installiert ist, ein DOS- oder Befehlszeilenfenster.
2. Um die IBM SPSS Modeler-Schnittstelle im interaktiven Modus zu starten, geben Sie den Befehl `modelerclient` gefolgt von den erforderlichen Argumenten ein. Beispiel:

```
modelerclient -stream report.str -execute
```

Mithilfe der verfügbaren Argumente (Flags) können Sie eine Verbindung zu einem Server herstellen, Streams laden, Scripts ausführen oder je nach Bedarf weitere Parameter angeben.

Verwenden von Befehlszeilenargumenten

Sie können Befehlszeilenargumente (auch als **Flags** bezeichnet) an den ursprünglichen Befehl `modelerclient` anhängen, um die Vorgehensweise beim Aufrufen von IBM SPSS Modeler zu ändern.

Es sind mehrere Typen von Befehlszeilenargumenten verfügbar, die später in diesem Abschnitt beschrieben werden.

Tabelle 23. Typen von Befehlszeilenargumenten.

| Argumenttyp | Wo beschrieben |
|---|---|
| Systemargumente | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Systemargumente“ auf Seite 54. |
| Parameterargumente | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Parameterargumente“ auf Seite 55. |
| Argumente zum Herstellen einer Serververbindung | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Argumente zum Herstellen einer Serververbindung“ auf Seite 56. |
| Argumente zum Herstellen einer Verbindung mit IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Argumente zum Herstellen einer IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository-Verbindung“ auf Seite 57. |

Beispielsweise können Sie mit den Flags `-server`, `-stream` und `-execute` wie folgt eine Verbindung zu einem Server herstellen und dann einen Stream laden und ausführen:

```
modelerclient -server -hostname myserver -port 80 -username dminer  
-password 1234 -stream mystream.str -execute
```

Beachten Sie: Bei der Ausführung unter einer lokalen Clientinstallation sind die Argumente für die Serververbindung nicht erforderlich.

Parameterwerte, die Leerzeichen enthalten können, können in doppelte Anführungszeichen eingeschlossen werden, z. B.:

```
modelerclient -stream mystream.str -Pusername="Joe User" -execute
```

Sie können auf diese Weise auch IBM SPSS Modeler-Scripts mithilfe des Flags `-script` ausführen.

Fehlersuche bei Befehlszeilenargumenten

Um die Fehlersuche in einer Befehlszeile durchzuführen, starten Sie IBM SPSS Modeler mithilfe des Befehls `modelerclient` mit den gewünschten Argumenten. Dadurch können Sie prüfen, ob die Befehle erwartungsgemäß ausgeführt werden. Außerdem können Sie die Werte jedes Parameters bestätigen, der von der Befehlszeile in das Dialogfeld "Sitzungsparameter" (Menü "Extras", "Sitzungsparameter festlegen") übergeben wird.

Systemargumente

In der nachstehenden Tabelle werden die Systemargumente beschrieben, die für das Aufrufen der Benutzerschnittstelle über die Befehlszeile zur Verfügung stehen.

Tabelle 24. Systemargumente

| Argument | Verhalten/Beschreibung |
|---------------------------------|---|
| @ <Befehlsdatei> | Das Symbol @, gefolgt von einem Dateinamen, bezeichnet eine Liste von Befehlen. Wenn der Befehl <code>modelerclient</code> auf ein Argument mit dem Symbol @ trifft, werden die Befehle in dieser Datei so abgearbeitet, als hätten Sie diese Befehle direkt in der Befehlszeile eingegeben. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Kombinieren mehrerer Argumente“ auf Seite 57. |
| -directory <Verzeichnis> | Bestimmt das Standardarbeitsverzeichnis. Im lokalen Modus wird dieses Verzeichnis sowohl für Daten als auch für die Ausgabe herangezogen. Beispiel: <code>-directory c:/</code> oder <code>-directory c:\\</code> |
| -server_directory <Verzeichnis> | Bestimmt das Serverstandardverzeichnis für Daten. Das Arbeitsverzeichnis, das mithilfe des Flag <code>-directory</code> angegeben wird, wird für die Ausgabe genutzt. |
| -execute | Nach dem Starten: Alle Streams, Statusangaben oder Scripts ausführen, die beim Starten geladen waren. Wird ein Script zusätzlich zu einem Stream oder einem Status geladen, wird nur das Script ausgeführt. |
| -stream <Stream> | Beim Starten: Angegebenen Stream laden. Sie können mehrere Streams angeben; der zuletzt genannte Stream wird dabei als aktueller Stream festgelegt. |
| -script <Script> | Beim Starten: Angegebenes Standalone-Script laden. Sie können dieses Script zusätzlich zu einem Stream oder einem Status angeben (siehe unten); beim Starten kann jedoch nur ein einziges Script geladen werden. Wenn das Suffix der Scriptdatei <code>.py</code> ist, wird die Datei als Python-Script behandelt; andernfalls wird sie als traditionelles Script behandelt. |
| -model <Modell> | Beim Starten: Angegebenes generiertes Modell (Datei im Format <code>.gm</code>) laden. |
| -state <Status> | Beim Starten: Angegebenen gespeicherten Status laden. |
| -project <Projekt> | Angegebenes Projekt laden. Beim Starten kann nur ein einziges Projekt geladen werden. |
| -output <Ausgabe> | Beim Starten: Gespeichertes Ausgabeobjekt (Formatdatei <code>.cou</code>) laden. |
| -help | Liste der Befehlszeilenargumente abrufen. Wenn diese Option angegeben ist, werden alle anderen Argumente ignoriert und der Hilfebildschirm wird geöffnet. |
| -P <Name>=<Wert> | Bestimmt einen Startparameter. Kann auch zum Festlegen von Knoteneigenschaften (Slotparameter) herangezogen werden. |
| -scriptlang <python legacy> | Dieses Argument kann verwendet werden, um die Scriptsprache im Zusammenhang mit der Option <code>-script</code> unabhängig vom Suffix der Scriptdatei anzugeben. Beispiel <code>client -scriptlang python -script scores.txt -execute</code> Dieser Befehl führt die angegebene Scriptdatei mit Python aus, obwohl das Dateisuffix nicht <code>.py</code> ist. |

Hinweis: Die Standardverzeichnisse können auch in der Benutzerschnittstelle festgelegt werden. Wählen Sie hierzu im Menü "Datei" die Option **Arbeitsverzeichnis festlegen** bzw. **Server-Verzeichnis festlegen**.

Laden mehrerer Dateien

Über die Befehlszeile können Sie beim Start mehrere Streams, Status und Ausgaben laden, indem Sie für jedes geladene Objekt das relevante Argument wiederholen. Sollen beispielsweise zwei Streams mit den Bezeichnungen *report.str* und *train.str* geladen werden, geben Sie den folgenden Befehl ein:

```
modelerclient -stream report.str -stream train.str -execute
```

Laden von Objekten aus IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository

Da Sie bestimmte Objekte aus einer Datei oder aus IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository laden können (sofern lizenziert), gibt das Dateinamenspräfix `spsscr:` und optional `file:` (für Objekte auf Datenträgern) IBM SPSS Modeler an, wo nach dem Objekt gesucht werden soll. Das Präfix funktioniert mit folgenden Flags:

- `-stream`
- `-script`
- `-output`
- `-model`
- `-project`

Das Präfix wurde zur Erstellung eines URI verwendet, der den Speicherort des Objekts angibt. Beispiel: `-stream "spsscr:///folder_1/scoring_stream.str"`. Für die Anwesenheit des Präfixes `spsscr:` ist es erforderlich, dass in demselben Befehl eine gültige Verbindung zu IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository angegeben wurde. Der vollständige Befehl sieht also etwa wie folgt aus:

```
modelerclient -spsscr_hostname myhost -spsscr_port 8080  
-spsscr_username myusername -spsscr_password mypassword  
-stream "spsscr:///folder_1/scoring_stream.str" -execute
```

Beachten Sie: In der Befehlszeile *müssen* Sie einen URI verwenden. Das einfachere REPOSITORY-PFAD wird nicht unterstützt. (Es funktioniert nur innerhalb von Scripts.)

Parameterargumente

Bei der Ausführung von IBM SPSS Modeler über die Befehlszeile können Parameter als Flags herangezogen werden. In Befehlszeilenargumenten wird das Flag `-P` verwendet, um einen Parameter der Form `-P <Name>=<Wert>` zu kennzeichnen.

Die folgenden Parameter stehen zur Auswahl:

- **Einfache Parameter**
- **Slotparameter** (auch als **Knoteneigenschaften** bezeichnet). Mit diesen Parametern werden die Einstellungen für die Knoten im Stream bearbeitet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Überblick über Knoteneigenschaften“ auf Seite 60.
- **Befehlszeilenparameter** dienen zum Ändern der Vorgehensweise beim Aufrufen von IBM SPSS Modeler.

Geben Sie beispielsweise die Benutzernamen und Kennwörter für Datenquellen in Form von Befehlszeilen-Flags an:

```
modelerclient -stream response.str -P:database.datasource={"ORA 10gR2", user1, mypsw, true}
```

Das Format stimmt mit dem Parameter `datasource` der Eigenschaft des Knotens `database` überein. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens `database`“ auf Seite 68.

Argumente zum Herstellen einer Serververbindung

Das Flag `-server` besagt, dass IBM SPSS Modeler eine Verbindung zu einem öffentlichen Server aufbauen soll. Mit den Flags `-hostname`, `-use_ssl`, `-port`, `-username`, `-password` und `-domain` legen Sie fest, auf welche Weise IBM SPSS Modeler diese Verbindung zum öffentlichen Server herstellen soll. Wenn kein Argument vom Typ `-server` angegeben wurde, wird der Standardserver bzw. der lokale Server verwendet.

Beispiele

So stellen Sie eine Verbindung mit einem öffentlichen Server her:

```
modelerclient -server -hostname myserver -port 80 -username dminer
-password 1234 -stream mystream.str -execute
```

So stellen Sie eine Verbindung mit einem Server-Cluster her:

```
modelerclient -server -cluster "QA Machines" \
-spsscr_hostname pes_host -spsscr_port 8080 \
-spsscr_username asmith -spsscr_epassword xyz
```

Beachten Sie, dass zum Herstellen einer Verbindung mit einem Server-Cluster der Coordinator of Processes über IBM SPSS Collaboration and Deployment Services erforderlich ist. Das Argument `-cluster` muss also in Verbindung mit den Optionen für eine Repository-Verbindung (`spsscr_*`) verwendet werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Argumente zum Herstellen einer IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository-Verbindung“ auf Seite 57.

Table 25. Argumente zum Herstellen einer Serververbindung.

| Argument | Verhalten/Beschreibung |
|---|---|
| <code>-server</code> | Startet IBM SPSS Modeler im Servermodus. Hierzu wird eine Verbindung zu einem öffentlichen Server mit den Flags <code>-hostname</code> , <code>-port</code> , <code>-username</code> , <code>-password</code> und <code>-domain</code> hergestellt. |
| <code>-hostname <Name></code> | Hostname des Server-Computers. Nur im Servermodus verfügbar. |
| <code>-use_ssl</code> | Gibt an, dass die Verbindung SSL (Secure Socket Layer) verwenden sollte. Dieses Flag ist optional, bei der Standardeinstellung wird SSL <i>nicht</i> verwendet. |
| <code>-port <Nummer></code> | Portnummer des angegebenen Servers. Nur im Servermodus verfügbar. |
| <code>-cluster <Name></code> | Gibt eine Verbindung zu einem Server-Cluster und nicht zu einem benannten Server an; dieses Argument ist eine Alternative zu den Argumenten <code>hostname</code> , <code>port</code> und <code>use_ssl</code> . Bei dem Namen handelt es sich um den Clusternamen oder um einen eindeutigen URI, der den Cluster im IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository identifiziert. Der Server-Cluster wird von Coordinator of Processes über IBM SPSS Collaboration and Deployment Services verwaltet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Argumente zum Herstellen einer IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository-Verbindung“ auf Seite 57. |
| <code>-username <Name></code> | Benutzername, mit dem die Anmeldung beim Server erfolgt. Nur im Servermodus verfügbar. |
| <code>-password <Kennwort></code> | Kennwort, mit dem die Anmeldung beim Server erfolgt. Nur im Servermodus verfügbar. <i>Hinweis:</i> Falls das Argument <code>-password</code> nicht verwendet wird, werden Sie aufgefordert, ein Kennwort einzugeben. |
| <code>-epassword <codierte Kennwortzeichenfolge></code> | Codiertes Kennwort, mit dem die Anmeldung beim Server erfolgt. Nur im Servermodus verfügbar. <i>Hinweis:</i> Ein codiertes Kennwort kann in IBM SPSS Modeler mit den Befehlen im Menü "Extras" erzeugt werden. |
| <code>-domain <Name></code> | Domäne, mit der die Anmeldung beim Server erfolgt. Nur im Servermodus verfügbar. |
| <code>-P <Name>=<Wert></code> | Bestimmt einen Startparameter. Kann auch zum Festlegen von Knoteneigenschaften (Slotparameter) herangezogen werden. |

Argumente zum Herstellen einer IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository-Verbindung

Hinweis: Für den Zugriff auf ein IBM SPSS Collaboration and Deployment Services-Repository ist eine separate Lizenz erforderlich. Weitere Informationen finden Sie unter <http://www.ibm.com/software/analytics/spss/products/deployment/cds/>.

Wenn Sie Objekte aus IBM SPSS Collaboration and Deployment Services mithilfe der Befehlszeile speichern oder abrufen möchten, müssen Sie eine gültige Verbindung zum IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository angeben. Beispiel:

```
modelerclient -spsscr_hostname myhost -spsscr_port 8080  
-spsscr_username myusername -spsscr_password mypassword  
-stream "spsscr:///folder_1/scoring_stream.str" -execute
```

In der folgenden Tabelle sind die Argumente aufgeführt, die zum Einrichten der Verbindung verwendet werden können.

Tabelle 26. Argumente zum Herstellen einer Verbindung mit IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository

| Argument | Verhalten/Beschreibung |
|---|---|
| -spsscr_hostname <Hostname oder IP-Adresse> | Der Hostname bzw. die IP-Adresse des Servers, auf dem IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository installiert ist. |
| -spsscr_port <Nummer> | Die Nummer des Ports, an dem IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository Verbindungen akzeptiert (üblicherweise standardmäßig 8080). |
| -spsscr_use_ssl | Gibt an, dass die Verbindung SSL (Secure Socket Layer) verwenden sollte. Dieses Flag ist optional, bei der Standardeinstellung wird SSL <i>nicht</i> verwendet. |
| -spsscr_username <Name> | Benutzername, mit dem die Anmeldung beim IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository erfolgt. |
| -spsscr_password <Kennwort> | Kennwort, mit dem die Anmeldung beim IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository erfolgt. |
| -spsscr_epassword <codiertes Kennwort> | Codiertes Kennwort, mit dem die Anmeldung beim IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository erfolgt. |
| -spsscr_domain <Name> | Domäne, mit der die Anmeldung beim IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository erfolgt. Dieses Flag ist optional. Verwenden Sie es nur, wenn Sie sich nicht mithilfe von LDAP oder Active Directory anmelden. |

Kombinieren mehrerer Argumente

Sie können mehrere Argumente in einer einzigen Befehlsdatei kombinieren, die mit dem Symbol @, gefolgt vom Dateinamen, beim Aufrufen angegeben wird. Auf diese Weise können Sie das Aufrufen über die Befehlszeile verkürzen und die im Betriebssystem geltenden Einschränkungen für die Befehlslänge umgehen. Beim nachstehenden Startbefehl werden beispielsweise die Argumente verwendet, die in der durch <Befehlsdateiname> referenzierten Datei angegeben sind.

```
modelerclient @<Befehlsdateiname>
```

Schließen Sie den Dateinamen und den Pfad in Anführungszeichen ein, falls Leerzeichen erforderlich sind, beispielsweise:

```
modelerclient @ "C:\Program Files\IBM\SPSS\Modeler\nn\scripts\my_command_file.txt"
```

Die Befehlsdatei kann alle Argumente umfassen, die zuvor beim Starten einzeln angegeben wurden, und zwar mit jeweils einem Argument pro Zeile. Beispiel:

```
-stream report.str  
-Porder.full_filename=APR_orders.dat  
-Preport.filename=APR_report.txt  
-execute
```

Beim Schreiben und Referenzieren von Befehlsdateien sind die folgenden Einschränkungen zu beachten:

- Geben Sie nur je einen Befehl pro Zeile ein.
- Betten Sie kein @Befehlsdatei-Argument in eine Befehlsdatei ein.

Kapitel 7. Eigenschaftsreferenz

Überblick über die Eigenschaften

Für Knoten, Streams, Superknoten und Projekte können Sie eine Reihe von verschiedenen Eigenschaften festlegen. Einige Eigenschaften wie Name, Anmerkung und QuickInfo gelten für alle Knoten, während andere sich nur auf bestimmte Knotentypen beziehen. Wieder andere Eigenschaften beziehen sich auf Streamoperationen auf hoher Ebene wie Zwischenspeichern oder das Verhalten von Superknoten. Der Zugriff auf Eigenschaften erfolgt über die Standardbenutzerschnittstelle (z. B. beim Öffnen eines Dialogfelds zum Bearbeiten von Optionen für einen Knoten). Eigenschaften können auf vielfältige Weise verwendet werden.

- Eigenschaften lassen sich mit Scripts ändern, wie in diesem Abschnitt beschrieben. Weitere Informationen finden Sie in „Festlegen von Eigenschaften“ auf Seite 28.
- Knoteneigenschaften können in Superknotenparametern verwendet werden.
- Knoteneigenschaften können auch als Teil einer Befehlszeilenoption (mit dem Flag -P) beim Starten von IBM SPSS Modeler verwendet werden.

Im Zusammenhang mit Scripts in IBM SPSS Modeler werden Knoten- und Streameigenschaften häufig als **Slotparameter** bezeichnet. In diesem Handbuch werden sie als Knoten- oder Streameigenschaften beschrieben.

Weitere Informationen zur Scriptsprache finden Sie in Kapitel 2, „Scriptsprache“, auf Seite 13.

Abkürzungen

Für die Syntax der Knoteneigenschaften werden Standardabkürzungen verwendet. Sich mit den Abkürzungen vertraut zu machen kann beim Erstellen von Scripts sehr hilfreich sein.

Tabelle 27. In der Syntax verwendete Standardabkürzungen.

| Abkürzung | Bedeutung |
|-----------|--|
| abs | Absoluter Wert |
| len | Länge |
| min | Minimum |
| max | Maximum |
| correl | Korrelation |
| covar | Kovarianz |
| num | Zahl oder numerisch |
| pct | Prozent oder Prozentsatz |
| transp | Transparenz |
| xval | Kreuzvalidierung |
| var | Varianz oder Variable (in Quellenknoten) |

Beispiele für Knoten- und Streameigenschaften

Mit IBM SPSS Modeler können Knoten- und Streameigenschaften auf vielfältige Weise verwendet werden. Meistens werden sie in einem Script, entweder einem **Standalone-Script** zur Automatisierung mehrerer Streams oder Operationen oder einem **Stream-Script** zur Automatisierung von Prozessen innerhalb eines einzelnen Streams, verwendet. Superknotenparameter können ebenfalls innerhalb des Superknotens anhand der Knoteneigenschaften angegeben werden. Auf niedrigster Ebene können Eigenschaften auch als

Befehlszeilenoption zum Starten von IBM SPSS Modeler verwendet werden. Mit dem Argument `-p` als Teil des Befehlszeilenaufrufs können Sie eine Streameigenschaft verwenden, um eine Einstellung im Stream zu ändern.

Weitere Scriptbeispiele finden Sie in „Stream-, Sitzungs- und Superknotenparameter“ auf Seite 42 und „Systemargumente“ auf Seite 54.

Überblick über Knoteneigenschaften

Jeder Knotentyp besitzt eine eigene Gruppe zulässiger Eigenschaften und jede Eigenschaft besitzt einen Typ. Dabei kann es sich um einen allgemeinen Typ einer Zahl, eines Flags, oder einer Zeichenfolgen handeln. In diesem Fall wird für die Einstellungen der Eigenschaft der richtige Typ erzwungen. Wenn sie nicht erzwungen werden können, wird ein Fehler ausgegeben. Alternativ kann die Eigenschaftsreferenz den Bereich zulässiger Werte, wie `Discard`, `PairAndDiscard` und `IncludeAsText`, angeben. In diesem Fall tritt bei Verwendung eines anderen Werts ein Fehler auf. Flageigenschaften sollten anhand der Werte `True` und `False` gelesen bzw. festgelegt werden. Die Referenztabelle in diesem Handbuch weisen strukturierte Eigenschaften als solche in der Spalte *Eigenschaftsbeschreibung* aus und geben ihr Verwendungsformat an.

Allgemeine Knoteneigenschaften

Zahlreiche Eigenschaften beziehen sich in IBM SPSS Modeler auf alle Knoten (einschließlich Superknoten).

Table 28. Allgemeine Knoteneigenschaften.

| Eigenschaftsname | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------|---|---|
| <code>use_custom_name</code> | <i>boolesch</i> | |
| <code>name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Schreibgeschützte Eigenschaft zum Lesen des Namens (entweder automatisch oder benutzerdefiniert) für einen Knoten im Erstellungsbereich. |
| <code>custom_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Legt einen benutzerdefinierten Namen für den Knoten fest. |
| <code>tooltip</code> | <i>Zeichenfolge</i> | |
| <code>annotation</code> | <i>Zeichenfolge</i> | |
| <code>keywords</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Strukturierter Slot, der eine Liste der mit dem Objekt verknüpften Schlüsselwörter angibt. |
| <code>cache_enabled</code> | <i>boolesch</i> | |
| <code>node_type</code> | <code>source_supernode</code> <code>process_supernode</code> <code>terminal_supernode</code> alle Knotennamen, wie für Scripts angegeben | Schreibgeschützte Eigenschaft, die den Bezug zu einem Knoten nach Typ herstellt. Statt auf den Knoten nur mit dem Namen zu verweisen, wie <code>real_income</code> , können Sie beispielsweise auch den Typ, wie <code>userinput</code> oder <code>filter</code> , angeben. |

Superknotenspezifische Eigenschaften werden wie alle anderen Knoten separat erörtert. Weitere Informationen finden Sie in Kapitel 19, „Superknoteneigenschaften“, auf Seite 249.

Kapitel 8. Streameigenschaften

Verschiedene Streameigenschaften können durch Scripts gesteuert werden.

Das Script kann mit der Funktion `stream()` im Modul `modeler.script` auf den aktuellen Stream zugreifen. Beispiel:

```
mystream = modeler.script.stream()
```

Um Streameigenschaften zu referenzieren, müssen Sie eine bestimmte Streamvariable verwenden, die durch das Zeichen `^` vor dem Stream gekennzeichnet ist.

Die Knoteneigenschaft dient zur Referenzierung der Knoten im aktuellen Stream.

In der folgenden Tabelle werden die Streameigenschaften beschrieben.

Tabelle 29. Streameigenschaften.

| Eigenschaftsname | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|---|--------------------------|
| <code>execute_method</code> | Normal Script | |
| <code>date_format</code> | "TTMMJJ" "MMTTJJ" "JJMMTT" "JJJJMMTT" "JJJJTTT" DAY MONTH "TT-MM-JJ" "TT-MM-JJJJ" "MM-TT-JJ" "MM-TT-JJJJ" "TT-MON-JJ" "TT-MON-JJJJ" "JJJJ-MM-TT" "TT.MM.JJ" "TT.MM.JJJJ" "MM.TT.JJ" "MM.TT.JJJJ" "TT.MON.JJ" "TT.MON.JJJJ" "TT/MM/JJ" "TT/MM/JJJJ" "MM/TT/JJ" "MM/TT/JJJJ" "TT/MON/JJ" "TT/MON/JJJJ" MON JJJJ q Q JJJJ ww WK JJJJ | |
| <code>date_baseline</code> | Zahl | |
| <code>date_2digit_baseline</code> | Zahl | |

Tabella 29. Streameigenschaften (Forts.).

| Eigenschaftsname | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|---|
| time_format | "HHMMSS" "HHMM" "MMSS" "HH:MM:SS" "HH:MM" "MM:SS" "(H)H:(M)M:(S)S" "(H)H:(M)M" "(M)M:(S)S" "HH.MM.SS" "HH.MM" "MM.SS" "(H)H.(M)M.(S)S" "(H)H.(M)M" "(M)M.(S)S" | |
| time_rollover | boolesch | |
| import_datetime_as_string | boolesch | |
| decimal_places | Zahl | |
| decimal_symbol | Default Period Comma | |
| angles_in_radians | boolesch | |
| use_max_set_size | boolesch | |
| max_set_size | Zahl | |
| ruleset_evaluation | Voting FirstHit | |
| refresh_source_nodes | boolesch | Dient zur automatischen Aktualisierung von Quellenknoten nach Ausführung des Streams. |
| script | Zeichenfolge | |
| script_language | Python Legacy | Legt die Scriptsprache für das Stream-Script fest. |
| annotation | Zeichenfolge | |
| encoding | SystemDefault "UTF-8" | |
| stream_rewriting | boolesch | |
| stream_rewriting_maximise_sql | boolesch | |
| stream_rewriting_optimise_clem_execution | boolesch | |
| stream_rewriting_optimise_syntax_execution | boolesch | |
| enable_parallelism | boolesch | |
| sql_generation | boolesch | |
| database_caching | boolesch | |
| sql_logging | boolesch | |
| sql_generation_logging | boolesch | |
| sql_log_native | boolesch | |
| sql_log_prettyprint | boolesch | |

Tabelle 29. Streameigenschaften (Forts.).

| Eigenschaftsname | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--|--|
| record_count_suppress_input | <i>boolesch</i> | |
| record_count_feedback_interval | <i>ganze Zahl</i> | |
| use_stream_auto_create_node_settings | <i>boolesch</i> | Bei "true" werden die für den Stream spezifischen Einstellungen verwendet. Andernfalls werden die Vorgaben verwendet. |
| create_model_applier_for_new_models | <i>boolesch</i> | Bei "true" wird ein neuer Modellanwender hinzugefügt, wenn ein Modellerstellungsprogramm ein neues Modell erstellt und es keine aktiven Update-Links hat. |
| create_model_applier_update_links | createEnabled createDisabled doNotCreate | Definiert den Typ von Link, wenn ein Modellanwendungsknoten automatisch hinzugefügt wird. |
| create_source_node_from_builders | <i>boolesch</i> | Bei "true" wird ein neuer Quellenknoten hinzugefügt, wenn ein Quellenerstellungsprogramm eine neue Quellenausgabe erstellt und sie keine aktiven Update-Links hat. |
| create_source_node_update_links | createEnabled createDisabled doNotCreate | Definiert den Typ von Link, wenn ein Quellenknoten automatisch hinzugefügt wird. |

Kapitel 9. Eigenschaften von Quellenknoten

Allgemeine Eigenschaften von Quellenknoten

Eigenschaften, die alle Quellenknoten besitzen, sind unten aufgelistet. Die darauf folgenden Themen enthalten Informationen über spezifische Knoten.

Table 30. Allgemeine Eigenschaften von Quellenknoten.

| Eigenschaftsname | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------|--|--|
| direction | Input Target Both None Partition Split Frequency RecordID | Verschlüsselte Eigenschaft für Feldrollen. <i>Hinweis:</i> Die Werte In und Out werden nicht mehr verwendet. In zukünftigen Versionen fällt möglicherweise die Unterstützung dafür weg. |
| type | Range Flag Set Typeless Discrete Ordered Set Default | Feldtyp. Wenn diese Eigenschaft auf <i>Default</i> (Standard) gesetzt wird, werden alle Eigenschafteneinstellungen vom Typvalues gelöscht, und wenn value_mode den Wert <i>Default</i> (Angeben) besitzt, wird er auf <i>Read</i> (Lesen) zurückgesetzt. Wenn value_mode bereits auf <i>Pass</i> (Übergeben) oder <i>Read</i> (Lesen) gesetzt ist, hat das Einstellen von type keinerlei Auswirkung. |
| storage | Unknown String Integer Real Zeit Datum Timestamp | Schreibgeschützte verschlüsselte Eigenschaft für Feldspeichertyp. |
| check | None Nullify Coerce Discard Warn Abort | Verschlüsselte Eigenschaft für das Überprüfen von Feldtyp und Bereich. |
| values | [Wert Wert] | Bei einem stetigen Feld (Bereich) ist der erste Wert das Minimum und der letzte das Maximum. Geben Sie für nominale Felder (Setfelder) alle Werte an. Bei Flagfeldern steht der erste Wert für <i>falsch</i> und der letzte für <i>wahr</i> . Bei automatischer Festlegung dieser Eigenschaft wird die Eigenschaft value_mode auf <i>Specify</i> (Angeben) festgelegt. |
| value_mode | Read Pass Read+ Current Specify | Bestimmt, wie Werte beim nächsten Datendurchlauf für ein Feld festgelegt werden. Beachten Sie, dass Sie diese Eigenschaft nicht direkt auf <i>Angeben</i> festlegen können. Um bestimmte Werte zu verwenden, legen Sie die Eigenschaft Werte fest. |

Tabelle 30. Allgemeine Eigenschaften von Quellenknoten (Forts.).

| Eigenschaftsname | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------|-----------------|--|
| default_value_mode | Read Pass | Gibt die Standardmethode für das Festlegen von Werten für alle Felder an. Diese Einstellung kann mithilfe der Eigenschaft value_mode für bestimmte Felder überschrieben werden. |
| extend_values | boolesch | Gilt, wenn value_mode auf <i>Read</i> (Lesen) gesetzt ist. Setzen Sie den Wert auf <i>T</i> , um neu gelesene Werte zu bereits für das Feld vorhandenen Werten hinzuzufügen. Setzen Sie den Wert auf <i>F</i> , um vorhandene Werte zu verwerfen und sie durch neu gelesene Werte zu ersetzen. |
| value_labels | Zeichenfolge | Wird zur Angabe einer Wertbeschriftung verwendet. Beachten Sie, dass Werte zuerst angegeben werden müssen. |
| enable_missing | boolesch | Bei Festlegung auf <i>T</i> wird die Verfolgung von fehlenden Werten für das Feld aktiviert. |
| missing_values | [Wert Wert ...] | Gibt Datenwerte an, die fehlende Daten kennzeichnen. |
| range_missing | boolesch | Wenn diese Eigenschaft auf <i>T</i> gesetzt ist, wird angegeben, ob ein Bereich fehlender Werte (leer) für ein Feld definiert ist. |
| missing_lower | Zeichenfolge | Wenn range_missing wahr ist, gibt diese Eigenschaft die Untergrenze des Bereichs fehlender Werte an. |
| missing_upper | Zeichenfolge | Wenn range_missing wahr ist, gibt diese Eigenschaft die Obergrenze des Bereichs fehlender Werte an. |
| null_missing | boolesch | Wenn diese Eigenschaft auf <i>T</i> gesetzt ist, werden Nullen (undefinierte Werte, die in der Software als \$null\$ angezeigt werden) als fehlende Werte betrachtet. |
| whitespace_missing | boolesch | Wenn diese Eigenschaft auf <i>T</i> festgelegt ist, werden Werte, die nur leere Bereiche enthalten (Leerzeichen, Tabulatoren und Zeilenumbrüche), als fehlende Werte betrachtet. |
| Beschreibung | Zeichenfolge | Dient zur Angabe einer Feldbeschriftung oder Beschreibung. |
| default_include | boolesch | Verschlüsselte Eigenschaft zur Angabe, ob das Standardverhalten übergeben wird oder Felder gefiltert werden: |
| include | boolesch | Verschlüsselte Eigenschaft, mit der bestimmt wird, ob einzelne Felder aufgenommen oder gefiltert werden: |
| new_name | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "asimport"

Die Analytic Server-Quelle ermöglicht Ihnen die Ausführung eines Streams unter HDFS (Hadoop Distributed File System).

Tabelle 31. Eigenschaften des Knotens "asimport".

| Eigenschaften des Knotens asimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------|-------------------------------------|
| data_source | Zeichenfolge | Der Name der Datenquelle. |
| host | Zeichenfolge | Der Name des Analytic Server-Hosts. |

Tabelle 31. Eigenschaften des Knotens "asimport" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens asimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------|--|
| Port | ganze Zahl | Der Port, an dem Analytic Server empfangsbereit ist. |
| tenant | Zeichenfolge | In einer Multi-Tenant-Umgebung der Name des Nutzers (Tenants), zu dem Sie gehören. In einer Single-Tenant-Umgebung ist dies standardmäßig ibm . |
| set_credentials | boolesch | Wenn die Benutzerauthentifizierung für Analytic Server und den SPSS Modeler-Server identisch ist, setzen Sie diesen Parameter auf false . Geben Sie andernfalls true an. |
| user_name | Zeichenfolge | Der Benutzername für die Anmeldung bei Analytic Server. Nur erforderlich, wenn set_credentials auf "true" gesetzt ist. |
| password | Zeichenfolge | Das Kennwort für die Anmeldung bei Analytic Server. Nur erforderlich, wenn set_credentials auf "true" gesetzt ist. |

Eigenschaften des Knotens "cognosimport"



Der IBM Cognos BI-Quellenknoten importiert Daten aus Cognos BI-Datenbanken.

Tabelle 32. Eigenschaften des Knotens "cognosimport".

| Eigenschaften des Knotens cognosimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|---|
| mode | Data Report | Gibt an, ob Cognos BI-Daten (Standard) oder Berichte importiert werden sollen. |
| cognos_connection | { "Zeichenfolge", boolean, "Zeichenfolge", "Zeichenfolge", "Zeichenfolge" } | <p>Eine Listeneigenschaft mit den Verbindungsdetails für den Cognos-Server. Format: {"Cognos-Server-URL", Anmeldemodus, "Namespace", "Benutzername", "Kennwort"}</p> <p>Dabei gilt:</p> <p><i>Cognos-Server-URL</i> ist die URL des Cognos-Servers, der die Quelle enthält.</p> <p><i>Anmeldemodus</i> gibt an, ob eine anonyme Anmeldung verwendet wird, und ist entweder true oder false; bei Angabe von true sollten die folgenden Felder auf "" gesetzt werden.</p> <p><i>Namespace</i> gibt den Sicherheitsanbieter für die Authentifizierung an, mit dem Sie sich beim Server anmelden.</p> <p><i>Benutzername</i> und <i>Kennwort</i> sind die Daten, die zur Anmeldung beim Cognos-Server verwendet werden.</p> |

Tabelle 32. Eigenschaften des Knotens "cognosimport" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens cognosimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------------------------------|---|
| cognos_package_name | Zeichenfolge | Pfad und Name des Cognos-Pakets, von dem Sie Datenobjekte importieren, z. B.: /Public Folders/GOSALES Hinweis: Nur normale Schrägstriche sind gültig. |
| cognos_items | {"Feld", "Feld", ... ,"Feld"} | Der Name eines oder mehrerer Datenobjekte, die importiert werden sollen. Das Format von <i>Feld</i> ist [Namespace].[Abfragesubjekt].[Abfrageelement] |
| cognos_filters | Feld | Der Name eines oder mehrerer Filter, die vor dem Datenimport angewendet werden sollen. |
| cognos_data_parameters | Liste | Werte für Eingabeaufforderungsparameter für Daten. Paare aus Name und Wert sind in geschweifte Klammern eingeschlossen und mehrere Paare werden durch Kommas getrennt. Die gesamte Zeichenfolge steht in eckigen Klammern. Format: [{"Param1", "Wert"},...,{"ParamN", "Wert"}] |
| cognos_report_directory | Feld | Der Cognos-Pfad eines Ordners bzw. Pakets, aus dem Berichte importiert werden sollen. Beispiel: /Public Folders/GOSALES Hinweis: Nur normale Schrägstriche sind gültig. |
| cognos_report_name | Feld | Der Pfad und Name innerhalb des Speicherorts eines zu importierenden Berichts. |
| cognos_report_parameters | Liste | Werte für Berichtsparameter. Paare aus Name und Wert sind in geschweifte Klammern eingeschlossen und mehrere Paare werden durch Kommas getrennt. Die gesamte Zeichenfolge steht in eckigen Klammern. Format: [{"Param1", "Wert"},...,{"ParamN", "Wert"}] |

Eigenschaften des Knotens "database"



Mit dem Datenbankknoten lassen sich Daten aus einer Reihe von anderen Paketen importieren, die ODBC (Open Database Connectivity) verwenden, darunter u. a. Microsoft SQL Server, DB2 und Oracle.

Tabelle 33. Eigenschaften des Knotens "database".

| Eigenschaften des Knotens database | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|------------------|--|
| mode | Tabelle Query | Legen Sie <i>Table</i> (Tabelle) fest, um die Verbindung zu einer Datenbanktabelle über Dialogfeldsteuerelemente herzustellen, oder <i>Query</i> (Abfrage), um die ausgewählte Datenbank mit SQL abzufragen. |
| datasource | Zeichenfolge | Datenbankname (siehe auch Hinweis unten). |
| username | Zeichenfolge | Datenbankverbindungsdetails (siehe auch Hinweis unten). |

Tabelle 33. Eigenschaften des Knotens "database" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens database | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|-------------------------------|--|
| password | Zeichenfolge | |
| epassword | Zeichenfolge | Gibt ein codiertes Kennwort an, als Alternative zum festen Codieren eines Kennworts in einem Skript. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Erstellen eines verschlüsselten Kennworts“ auf Seite 49. Diese Eigenschaft ist während der Ausführung schreibgeschützt. |
| tablename | Zeichenfolge | Name der Tabelle, auf die Sie zugreifen wollen. |
| strip_spaces | None Left Right Both | Optionen zum Verwerfen von führenden und nachfolgenden Leerzeichen in Zeichenfolgen. |
| use_quotes | AsNeeded Always Never | Geben Sie an, ob die Tabellen- und Spaltennamen in Anführungszeichen eingeschlossen sind, wenn Abfragen an die Datenbank gesendet werden (wenn sie z. B. Leerzeichen oder Satzzeichen enthalten). |
| query | Zeichenfolge | Gibt den SQL-Code für die Abfrage an, die Sie senden wollen. |

Hinweis: Wenn der Datenbankname (in der Eigenschaft datasource) Leerzeichen enthält, verwenden Sie anstatt der individuellen Eigenschaften für Datenquelle, Benutzername und Kennwort eine einzige Datenquelleneigenschaft in folgendem Format:

Tabelle 34. Datenquellenspezifische Eigenschaften des Knotens "database".

| Eigenschaften des Knotens database | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------|--|
| datasource | Zeichenfolge | Format: [Datenbankname, Benutzername, Kennwort [, true false]] Der letzte Parameter ist für die Verwendung bei verschlüsselten Kennwörtern gedacht. Wenn er auf true gesetzt ist, wird das Kennwort vor der Nutzung verschlüsselt. |

Verwenden Sie dieses Format auch für Änderungen der Datenquelle; wenn Sie allerdings nur den Benutzernamen oder das Kennwort ändern möchten, können Sie die Eigenschaften Benutzername oder Kennwort verwenden.

Eigenschaften des Knotens "datacollectionimport"



Der IBM SPSS Data Collection-Datenimportknoten importiert Umfragedaten auf der Grundlage des von den IBM SPSS Data Collection-Marktforschungsprodukten verwendeten IBM Data Model. Um diesen Knoten verwenden zu können, muss die IBM SPSS Data Collection Data Library installiert sein.

Abbildung 7.
Dimensionsdatenimportknoten

Tabelle 35. Eigenschaften des Knotens "datacollectionimport".

| Eigenschaften des Knotens datacollectionimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|---|
| metadata_name | Zeichenfolge | Der Name des MDSC. Der spezielle Wert DimensionsMDD gibt an, dass das standardmäßige IBM SPSS Data Collection-Metadatendokument verwendet werden soll. Weitere mögliche Werte: mrAD0Dsc mrI2dDsc mrLogDsc mrQdiDrsDsc mrQvDsc mrSampleReportingMDSC mrSavDsc mrSCDsc mrScriptMDSC Der spezielle Wert none zeigt an, dass es keinen MDSC gibt. |
| metadata_file | Zeichenfolge | Name der Datei, in der die Metadaten gespeichert werden. |
| casedata_name | Zeichenfolge | Der Name des CDSC. Mögliche Werte: mrAD0Dsc mrI2dDsc mrLogDsc mrPunchDSC mrQdiDrsDsc mrQvDsc mrRdbDsc2 mrSavDsc mrScDSC mrXm1Dsc Der spezielle Wert none zeigt an, dass es keinen CDSC gibt. |
| casedata_source_type | Unknown File Folder UDL DSN | Gibt den Quellentyp des CDSC an. |
| casedata_file | Zeichenfolge | Wenn casedata_source_type den Wert <i>File</i> aufweist, wird hier die Datei angegeben, die die Falldaten enthält. |
| casedata_folder | Zeichenfolge | Wenn casedata_source_type den Wert <i>Folder</i> aufweist, wird hier der Ordner angegeben, der die Falldaten enthält. |
| casedata_udl_string | Zeichenfolge | Wenn casedata_source_type den Wert <i>UDL</i> aufweist, wird hier die OLD-DB-Verbindungszeichenfolge für die Datenquelle angegeben, die die Falldaten enthält. |
| casedata_dsn_string | Zeichenfolge | Wenn casedata_source_type den Wert <i>DSN</i> , aufweist, wird hier die ODBC-Verbindungszeichenfolge für die Datenquelle angegeben. |

Tabelle 35. Eigenschaften des Knotens "datacollectionimport" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens datacollectionimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------------|--|
| casedata_project | Zeichenfolge | Beim Lesen von Falldaten aus einer IBM SPSS Data Collection-Datenbank, können Sie den Namen des Projekts eingeben. Bei allen anderen Falldatentypen sollte diese Einstellung leer bleiben. |
| version_import_mode | All Latest Specify | Gibt an, wie mit Versionen umgegangen werden soll. |
| specific_version | Zeichenfolge | Wenn version_import_mode den Wert <i>Specify</i> aufweist, wird hier die Version der zu importierenden Falldaten festgelegt. |
| use_language | Zeichenfolge | Gibt an, ob Beschriftungen einer bestimmten Sprache verwendet werden sollen. |
| language | Zeichenfolge | Wenn use_language den Wert "true" aufweist, wird hier der beim Import zu verwendende Sprachcode festgelegt. Bei diesem Sprachcode sollte es sich um einen der in den Falldaten verfügbaren Sprachcodes handeln. |
| use_context | Zeichenfolge | Gibt an, ob ein bestimmter Kontext importiert werden sollte. Kontexte dienen dazu, die den Antworten zugeordnete Beschreibung zu variieren. |
| context | Zeichenfolge | Wenn use_context den Wert "true" aufweist, wird hier der zu importierende Kontext festgelegt. Bei diesem Kontext sollte es sich um einen der in den Falldaten verfügbaren Kontexte handeln. |
| use_label_type | Zeichenfolge | Gibt an, ob ein bestimmter Beschriftungstyp importiert werden sollte. |
| label_type | Zeichenfolge | Wenn use_label_type den Wert "true" aufweist, wird hier der zu importierende Beschriftungstyp festgelegt. Bei diesem Beschriftungstyp sollte es sich um einen der in den Falldaten verfügbaren Beschriftungstypen handeln. |
| user_id | Zeichenfolge | Bei Datenbanken, bei denen eine explizite Anmeldung erforderlich ist, können Sie eine Benutzer-ID und ein Kennwort für den Zugriff auf die Datenquelle angeben. |
| password | Zeichenfolge | |
| import_system_variables | Common None All | Gibt an, welche Systemvariablen importiert werden sollen. |
| import_codes_variables | boolesch | |
| import_sourcefile_variables | boolesch | |
| import_multi_response | MultipleFlags Single | |

Eigenschaften des Knotens "excelimport"



Der Excel-Importknoten importiert Daten aus einer beliebigen Version von Microsoft Excel. Es ist keine ODBC-Datenquelle erforderlich.

Tabelle 36. Eigenschaften des Knotens "excelimport".

| Eigenschaften des Knotens excelimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------------------|--|
| excel_file_type | Excel2003 Excel2007 | |
| full_filename | Zeichenfolge | Der vollständige Dateiname mit Pfad. |
| use_named_range | boolesch | Gibt an, ob ein benannter Bereich verwendet werden soll. Bei "true" wird die Eigenschaft named_range zur Angabe des zu lesenden Bereichs verwendet. Andere Einstellungen für Arbeitsblatt und Datenbereich werden ignoriert. |
| named_range | Zeichenfolge | |
| worksheet_mode | Index Name | Gibt an, ob das Arbeitsblatt durch Index oder durch Namen definiert wird. |
| worksheet_index | ganze Zahl | Index des zu lesenden Arbeitsblattes, beginnend mit 0 für das erste Arbeitsblatt, 1 für das zweite usw. |
| worksheet_name | Zeichenfolge | Name des zu lesenden Arbeitsblattes. |
| data_range_mode | FirstNonBlank ExplicitRange | Gibt an, wie der Bereich festgelegt werden sollte. |
| blank_rows | StopReading ReturnBlankRows | Wenn data_range_mode den Wert FirstNonBlank aufweist, wird hier angegeben, wie mit leeren Zeilen umgegangen werden soll. |
| explicit_range_start | Zeichenfolge | Wenn data_range_mode den Wert ExplicitRange aufweist, wird hier der Startpunkt des zu lesenden Bereichs angegeben. |
| explicit_range_end | Zeichenfolge | |
| read_field_names | boolesch | Gibt an, ob die erste Zeile im angegebenen Bereich als Feldnamen (Spaltennamen) verwendet werden soll. |

Eigenschaften des Knotens "evimport"



Der Enterprise-Ansichtsknoten erstellt eine Verbindung mit einem IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository, was es Ihnen ermöglicht, Enterprise-Ansichtsdaten in einen Stream einzulesen und ein Modell in ein Szenario zu packen, auf das andere Benutzer über das Repository zugreifen können.

Tabelle 37. Eigenschaften des Knotens "evimport".

| Eigenschaften des Knotens evimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------|--|
| connection | Liste | Strukturierte Eigenschaft - Liste der Parameter, die eine Enterprise-Ansichtsverbindung ergeben. |
| tablename | Zeichenfolge | Der Name einer Tabelle in der Anwendungsansicht. |

Eigenschaften des Knotens "fixedfile"



Der Knoten des Typs "Datei (fest)" importiert Daten aus Textdateien mit festen Feldern, also aus Dateien, deren Felder nicht begrenzt sind, sondern an derselben Position beginnen und eine feste Länge haben. Maschinell erzeugte Daten oder Legacydaten werden häufig im Format mit festen Feldern gespeichert.

Tabelle 38. Eigenschaften des Knotens "fixedfile".

| Eigenschaften des Knotens fixedfile | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|-------------------------------|---|
| record_len | Zahl | Legt die Zahl der Zeichen in jedem Datensatz fest. |
| line_oriented | boolesch | Überspringt am Ende jedes Datensatzes das Zeilenwechselzeichen. |
| decimal_symbol | Default Comma Period | Der Typ des in Ihrer Datenquelle verwendeten Dezimaltrennzeichens. |
| skip_header | Zahl | Gibt die Anzahl der ab dem Beginn des ersten Datensatzes zu ignorierenden Zeilen an. Dies ist nützlich, um Spaltenkopfzeilen zu ignorieren. |
| auto_recognize_datetime | boolesch | Gibt an, ob Datums- oder Zeitangaben automatisch in den Quelldaten identifiziert werden. |
| lines_to_scan | Zahl | |
| fields | Liste | Strukturierte Eigenschaft. |
| full_filename | Zeichenfolge | Vollständiger Name der zu lesenden Datei, einschließlich Pfadangabe. |
| strip_spaces | None Left Right Both | Verwirft beim Importieren führende und nachfolgende Leerzeichen in Zeichenfolgen. |
| invalid_char_mode | Discard Replace | Entfernt ungültige Zeichen (null, 0 oder jedes nicht in der aktuellen Codierung enthaltene Zeichen) aus der Dateneingabe oder ersetzt ungültige Zeichen durch das festgelegte, aus einem Zeichen bestehende Symbol. |
| invalid_char_replacement | Zeichenfolge | |
| use_custom_values | boolesch | |

Tabelle 38. Eigenschaften des Knotens "fixedfile" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens fixedfile | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---|--|
| custom_storage | Unknown String Integer Real Zeit Datum Timestamp | |
| custom_date_format | "TTMMJJ" "MMTTJJ" "JJMMTT" "JJJJMMTT" "JJJJTTT" DAY MONTH "TT-MM-JJ" "TT-MM-JJJJ" "MM-TT-JJ" "MM-TT-JJJJ" "TT-MON-JJ" "TT-MON-JJJJ" "JJJJ-MM-TT" "TT.MM.JJ" "TT.MM.JJJJ" "MM.TT.JJ" "MM.TT.JJJJ" "TT.MON.JJ" "TT.MON.JJJJ" "TT/MM/JJ" "TT/MM/JJJJ" "MM/TT/JJ" "MM/TT/JJJJ" "TT/MON/JJ" "TT/MON/JJJJ" MON JJJJ q Q JJJJ ww WK JJJJ | Diese Eigenschaft ist nur anwendbar, wenn ein benutzerdefinierter Speichertyp angegeben wurde. |
| custom_time_format | "HHMMSS" "HHMM" "MMSS" "HH:MM:SS" "HH:MM" "MM:SS" "(H)H:(M)M:(S)S" "(H)H:(M)M" "(M)M:(S)S" "HH.MM.SS" "HH.MM" "MM.SS" "(H)H.(M)M.(S)S" "(H)H.(M)M" "(M)M.(S)S" | Diese Eigenschaft ist nur anwendbar, wenn ein benutzerdefinierter Speichertyp angegeben wurde. |
| custom_decimal_symbol | Feld | Nur anwendbar, wenn ein benutzerdefinierter Speichertyp angegeben wurde. |
| encoding | StreamDefault SystemDefault "UTF-8" | Legt die Textcodierungsmethode fest. |

Eigenschaften des Knotens "sasimport"



Der SAS-Importknoten importiert SAS-Daten in IBM SPSS Modeler.

Tabelle 39. Eigenschaften des Knotens "sasimport".

| Eigenschaften des Knotens sasimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--|--|
| format | Windows UNIX Transport SAS7 SAS8 SAS9 | Format der zu importierenden Datei. |
| full_filename | <i>Zeichenfolge</i> | Der vollständige, von Ihnen eingegebene Dateiname, einschließlich der Pfadangabe. |
| member_name | <i>Zeichenfolge</i> | Geben Sie ein Mitglied an, das aus der oben angegebenen SAS-Transportdatei importiert werden soll. |
| read_formats | <i>boolesch</i> | Liest Datenformate (wie z. B. Variablenbeschriftungen) aus der angegebenen Formatdatei. |
| full_format_filename | <i>Zeichenfolge</i> | |
| import_names | NamesAndLabels LabelsasNames | Gibt die Methode für die Zuordnung von Variablennamen und -beschriftungen beim Import an. |

Eigenschaften des Knotens "simgen"



Der Simulationsgenerierungsknoten bietet eine einfache Möglichkeit zum Generieren simulierter Daten - entweder völlig neu mit benutzerspezifischen statistischen Verteilungen oder automatisch mit den Verteilungen, die durch die Ausführung eines Simulationsanpassungsknotens an vorhandenen historischen Daten gewonnen wurden. Dies ist hilfreich, wenn Sie das Ergebnis eines Vorhersagemodells bei Unsicherheiten in den Modelleingaben auswerten wollen.

Tabelle 40. Eigenschaften des Knotens "simgen".

| Eigenschaften des Knotens simgen | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---------------------------|--|
| fields | Strukturierte Eigenschaft | |
| correlations | Strukturierte Eigenschaft | |
| max_cases | <i>ganze Zahl</i> | Minimalwert ist 1.000, Maximalwert ist 2.147.483.647 |
| create_iteration_field | <i>boolesch</i> | |
| iteration_field_name | <i>Zeichenfolge</i> | |
| replicate_results | <i>boolesch</i> | |
| random_seed | <i>ganze Zahl</i> | |
| overwrite_when_refitting | <i>boolesch</i> | |

Tabelle 40. Eigenschaften des Knotens "simgen" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens simgen | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|--|
| parameter_xml | Zeichenfolge | Gibt den Parameter Xml als Zeichenfolge zurück. |
| distribution | Bernoulli Beta Binomial Categorical Exponential Fixed Gamma Lognormal NegativeBinomialFailures NegativeBinomialTrials Normal Poisson Range Triangular Uniform Weibull | |
| bernoulli_prob | Zahl | $0 \leq \text{bernoulli_prob} \leq 1$ |
| beta_shape1 | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| beta_shape2 | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| beta_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als beta_max sein. |
| beta_max | Zahl | Optional. Muss größer als beta_min sein. |
| binomial_n | ganze Zahl | Muss > 0 sein. |
| binomial_prob | Zahl | $0 \leq \text{binomial_prob} \leq 1$ |
| binomial_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als binomial_max sein. |
| binomial_max | Zahl | Optional. Muss größer als binomial_min sein. |
| exponential_scale | Zahl | Muss > 0 sein. |
| exponential_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als exponential_max sein. |
| exponential_max | Zahl | Optional. Muss größer als exponential_min sein. |
| fixed_value | Zeichenfolge | |
| gamma_shape | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| gamma_scale | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| gamma_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als gamma_max sein. |
| gamma_max | Zahl | Optional. Muss größer als gamma_min sein. |
| lognormal_shape1 | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| lognormal_shape2 | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| lognormal_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als lognormal_max sein. |
| lognormal_max | Zahl | Optional. Muss größer als lognormal_min sein. |

Tabelle 40. Eigenschaften des Knotens "simgen" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens simgen | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|----------|---|
| negative_bin_failures_threshold | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| negative_bin_failures_prob | Zahl | $0 \leq \text{negative_bin_failures_prob} \leq 1$ |
| negative_bin_failures_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als negative_bin_failures_max sein. |
| negative_bin_failures_max | Zahl | Optional. Muss größer als negative_bin_failures_min sein. |
| negative_bin_trials_threshold | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| negative_bin_trials_prob | Zahl | $0 \leq \text{negative_bin_trials_prob} \leq 1$ |
| negative_bin_trials_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als negative_bin_trials_max sein. |
| negative_bin_trials_max | Zahl | Optional. Muss kleiner als negative_bin_trials_min sein. |
| normal_mean | Zahl | |
| normal_sd | Zahl | Muss > 0 sein. |
| normal_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als normal_max sein. |
| normal_max | Zahl | Optional. Muss größer als normal_min sein. |
| poisson_mean | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| poisson_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als poisson_max sein. |
| poisson_max | Zahl | Optional. Muss größer als poisson_min sein. |
| triangular_mode | Zahl | $\text{triangular_min} \leq \text{triangular_mode} \leq \text{triangular_max}$ |
| triangular_min | Zahl | Muss kleiner als triangular_mode sein. |
| triangular_max | Zahl | Muss größer als triangular_mode sein. |
| uniform_min | Zahl | Muss kleiner als uniform_max sein. |
| uniform_max | Zahl | Muss größer als uniform_min sein. |
| weibull_rate | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| weibull_scale | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| weibull_location | Zahl | Muss ≥ 0 sein. |
| weibull_min | Zahl | Optional. Muss kleiner als weibull_max sein. |
| weibull_max | Zahl | Optional. Muss größer als weibull_min sein. |

Die Korrelation kann eine beliebige Zahl zwischen +1 und -1 sein. Sie können beliebig viele Korrelationen angeben. Jede nicht angegebene Korrelation wird auf Null gesetzt. Wenn Felder unbekannt sind, sollte der Korrelationswert in der Korrelationsmatrix (oder -tabelle) festgelegt werden. Er wird als roter Text angezeigt. Wenn Felder unbekannt sind, kann der Knoten nicht ausgeführt werden.

Eigenschaften des Knotens "statisticsimport"



Der IBM SPSS Statistics-Dateiknoten liest Daten aus dem Dateiformat *.sav* ein, das von IBM SPSS Statistics verwendet wird, sowie in IBM SPSS Modeler gespeicherte Cache-Dateien, die ebenfalls dasselbe Format verwenden.

Eine Beschreibung der Eigenschaften für diesen Knoten finden Sie in „Eigenschaften des Knotens "statisticsimport"“ auf Seite 245.

Eigenschaften des Knotens "userinput"



Der Benutzereingabeknoten bietet eine einfache Möglichkeit, künstliche Daten zu erstellen. Dazu können entweder neue Daten ohne Vorlage erstellt oder vorhandene Daten geändert werden. Diese Funktion ist nützlich, wenn Sie z. B. ein Testdataset für die Modellierung erstellen möchten.

Tabelle 41. Eigenschaften des Knotens "userinput".

| Eigenschaften des Knotens userinput | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--|---|
| data | | Die Daten für die einzelnen Felder können eine unterschiedliche Länge aufweisen, müssen jedoch mit dem Speichertyp des Feldes konsistent sein. Durch Festlegen von Werten für ein nicht vorhandenes Feld wird dieses Feld erstellt. Durch Festlegen der Werte für eine leere Zeichenfolge (" ") wird das angegebene Feld gelöscht. Anmerkung: Die für diese Eigenschaft eingegebenen Werte müssen Zeichenfolgen sein, keine Zahlen. Die Zahlen 1, 2, 3 und 4 müssen beispielsweise als "1 2 3 4" eingegeben werden. |
| names | | Strukturierter Slot, der eine vom Knoten erstellte Liste der Feldnamen festlegt oder zurückgibt. |
| custom_storage | Unknown String Integer Real Zeit Datum Timestamp | Schlüsselslot, der den Speichertyp für ein Feld festlegt oder zurückgibt. |
| data_mode | Combined Ordered | Wenn Combined angegeben wird, werden Datensätze für jede Kombination aus Set-Werten und Min./Max.-Werten erstellt. Die Anzahl der erstellten Datensätze entspricht dem Produkt der Anzahl der Werte in jedem Feld. Wenn Ordered angegeben wird, wird zur Erstellung einer Datenzeile aus jeder Spalte für jeden Datensatz genau ein Wert abgerufen. Die Anzahl der erstellten Datensätze entspricht der höchsten Anzahl von Werten, die einem Feld zugeordnet sind. Alle Felder mit weniger Datenwerten werden mit Nullwerten aufgefüllt. |

Tabelle 41. Eigenschaften des Knotens "userinput" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens userinput | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|----------|---|
| values | | Diese Eigenschaft wird zugunsten von data nicht mehr verwendet und sollte nicht mehr eingesetzt werden. |

Eigenschaften des Knotens "variablefile"



Der Variablendateiknoten liest Daten aus Textdateien mit freien Feldern, also aus Dateien, deren Datensätze eine konstante Anzahl von Feldern, aber eine variable Anzahl von Zeichen enthalten. Dieser Knoten ist außerdem nützlich für Dateien mit fester Länge, Überschriftentext und bestimmten Anmerkungen.

Tabelle 42. Eigenschaften des Knotens "variablefile".

| Eigenschaften des Knotens variablefile | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------------------------|---|
| skip_header | Zahl | Gibt die Anzahl der ab dem Beginn des ersten Datensatzes zu ignorierenden Zeichen an. |
| num_fields_auto | boolesch | Stellt die Anzahl der Felder in jedem Datensatz automatisch fest. Datensätze müssen mit einem Zeilenwechselzeichen abgeschlossen werden. |
| num_fields | Zahl | Legt die Anzahl der Felder in jedem Datensatz manuell fest. |
| delimit_space | boolesch | Gibt an, welches Zeichen in der Datei für die Feldbegrenzungen verwendet wird. |
| delimit_tab | boolesch | |
| delimit_new_line | boolesch | |
| delimit_non_printing | boolesch | |
| delimit_comma | boolesch | Wenn das Komma sowohl als Feldtrennzeichen als auch als Dezimaltrennzeichen für Streams festgelegt ist, setzen Sie delimit_other auf true und legen Sie ein Komma als Trennzeichen fest, indem Sie die Eigenschaft other verwenden. |
| delimit_other | boolesch | Hier können Sie ein benutzerdefiniertes Trennzeichen festlegen, indem Sie die Eigenschaft other verwenden. |
| other | Zeichenfolge | Gibt an, welches Trennzeichen verwendet wird, wenn delimit_other auf true gesetzt ist. |
| decimal_symbol | Default Comma Period | Legt das in der Datenquelle verwendete Dezimaltrennzeichen fest. |
| multi_blank | boolesch | Behandelt mehrere angrenzende leere Trennzeichen als ein einziges Trennzeichen. |
| read_field_names | boolesch | Behandelt die erste Zeile der Datendatei als Beschriftungen für die Spalten. |

Tabelle 42. Eigenschaften des Knotens "variablefile" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens variablefile | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--|---|
| strip_spaces | None Left Right Both | Verwirft beim Importieren führende und nachfolgende Leerzeichen in Zeichenfolgen. |
| invalid_char_mode | Discard Replace | Entfernt ungültige Zeichen (null, 0 oder jedes nicht in der aktuellen Codierung enthaltene Zeichen) aus der Dateneingabe oder ersetzt ungültige Zeichen durch das festgelegte, aus einem Zeichen bestehende Symbol. |
| invalid_char_replacement | <i>Zeichenfolge</i> | |
| break_case_by_newline | <i>boolesch</i> | Gibt an, dass der Zeilenbegrenzer das Zeilenvorschubzeichen ist. |
| lines_to_scan | <i>Zahl</i> | Gibt an, wie viele Zeilen nach angegebenen Datentypen durchsucht werden sollen. |
| auto_recognize_datetime | <i>boolesch</i> | Gibt an, ob Datums- oder Zeitangaben automatisch in den Quelldaten identifiziert werden. |
| quotes_1 | Discard PairAndDiscard IncludeAsText | Gibt an, wie einfache Anführungszeichen beim Import behandelt werden. |
| quotes_2 | Discard PairAndDiscard IncludeAsText | Gibt an, wie doppelte Anführungszeichen beim Import behandelt werden. |
| full_filename | <i>Zeichenfolge</i> | Vollständiger Name der zu lesenden Datei, einschließlich Pfadangabe. |
| use_custom_values | <i>boolesch</i> | |
| custom_storage | Unknown String Integer Real Zeit Datum Timestamp | |

Tabelle 42. Eigenschaften des Knotens "variablefile" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens variablefile | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|--|
| custom_date_format | "TTMMJJ" "MMTTJJ" "JJMMTT" "JJJJMMTT" "JJJJTTT" DAY MONTH "TT-MM-JJ" "TT-MM-JJJJ" "MM-TT-JJ" "MM-TT-JJJJ" "TT-MON-JJ" "TT-MON-JJJJ" "JJJJ-MM-TT" "TT.MM.JJ" "TT.MM.JJJJ" "MM.TT.JJ" "MM.TT.JJJJ" "TT.MON.JJ" "TT.MON.JJJJ" "TT/MM/JJ" "TT/MM/JJJJ" "MM/TT/JJ" "MM/TT/JJJJ" "TT/MON/JJ" "TT/MON/JJJJ" MON JJJJ q Q JJJJ ww WK JJJJ | Nur anwendbar, wenn ein benutzerdefinierter Speichertyp angegeben wurde. |
| custom_time_format | "HHMMSS" "HHMM" "MMSS" "HH:MM:SS" "HH:MM" "MM:SS" "(H)H:(M)M:(S)S" "(H)H:(M)M" "(M)M:(S)S" "HH.MM.SS" "HH.MM" "MM.SS" "(H)H.(M)M.(S)S" "(H)H.(M)M" "(M)M.(S)S" | Nur anwendbar, wenn ein benutzerdefinierter Speichertyp angegeben wurde. |
| custom_decimal_symbol | <i>Feld</i> | Nur anwendbar, wenn ein benutzerdefinierter Speichertyp angegeben wurde. |
| encoding | StreamDefault SystemDefault "UTF-8" | Legt die Textcodierungsmethode fest. |

Eigenschaften des Knotens "xmlimport"



Der XML-Quellenknoten importiert Daten im XML-Format in den Stream. Sie können eine einzelne Datei oder alle Dateien in einem Verzeichnis importieren. Optional können Sie eine Schemadatei angeben, aus der die XML-Struktur gelesen werden soll.

Tabelle 43. Eigenschaften des Knotens "xmlimport".

| Eigenschaften des Knotens xmlimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---------------------|--|
| read | single directory | Liest eine einzige Datendatei (Standard) oder alle XML-Dateien in einem Verzeichnis. |
| recurse | boolesch | Legt fest, ob zusätzlich XML-Dateien aus allen Unterverzeichnissen des angegebenen Verzeichnisses gelesen werden sollen. |
| full_filename | Zeichenfolge | (erforderlich) Vollständiger Pfad und Dateiname der zu importierenden XML-Datei (falls read = single). |
| directory_name | Zeichenfolge | (erforderlich) Vollständiger Pfad und Dateiname des Verzeichnisses, in dem sich die zu importierenden XML-Dateien befinden (falls read = directory). |
| full_schema_filename | Zeichenfolge | Vollständiger Pfad und Dateiname der XSD- oder DTD-Datei, aus der die XML-Struktur gelesen werden soll. Wenn Sie diesen Parameter auslassen, wird die Struktur aus der XML-Quellendatei gelesen. |
| records | Zeichenfolge | XPath-Ausdruck (z. B. /author/name), der die Datensatzgrenze definiert. Jedes Mal, wenn dieses Element in der Quellendatei gefunden wird, wird ein neuer Datensatz erstellt. |
| mode | read specify | Alle Daten lesen (Standard) oder festlegen, welche Objekte gelesen werden sollen. |
| fields | | Liste der zu importierenden Objekte (Elemente und Attribute). Jedes Objekt in der Liste ist ein XPath-Ausdruck. |

Kapitel 10. Eigenschaften von Datensatzoperationsknoten

Eigenschaften des Knotens "append"



Der Anhangknoten verkettet Gruppen von Datensätzen miteinander. Er ist insbesondere nützlich für die Kombination von Datasets mit ähnlicher Struktur, aber unterschiedlichen Daten.

Tabelle 44. Eigenschaften des Knotens "append".

| Eigenschaften des Knotens append | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---------------------|--|
| match_by | Position Name | Datasets können Sie auf der Grundlage der Position der Felder in der Hauptdatenquelle oder auf der Grundlage der Namen von Feldern der Eingabedatasets anhängen. |
| match_case | <i>boolesch</i> | Aktiviert für die Übereinstimmung von Feldnamen die Unterscheidung zwischen Groß- und Kleinschreibung. |
| include_fields_from | Main All | |
| create_tag_field | <i>boolesch</i> | |
| tag_field_name | <i>Zeichenfolge</i> | |

Eigenschaften des Knotens "aggregate"



Der Aggregatknoten ersetzt eine Sequenz von Eingabedatensätzen durch zusammengefasste, aggregierte Ausgabedatensätze.

Tabelle 45. Eigenschaften des Knotens "aggregate".

| Eigenschaften des Knotens aggregate | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------------------|---|
| keys | <i>[Feld Feld ... Feld]</i> | Listet Felder auf, die als Schlüssel für die Aggregation verwendet werden können. Bei den Schlüsselfeldern Geschlecht und Region beispielsweise erhält jede eindeutige Kombination von M und W mit den Regionen N und S (vier eindeutige Kombinationen) einen aggregierten Datensatz. |
| contiguous | <i>boolesch</i> | Wählen Sie diese Option aus, wenn Sie wissen, dass alle Datensätze mit denselben Schlüsselwerten in der Eingabe als zusammenhängende Gruppe vorliegen (z. B. wenn die Eingabe nach Schlüsselfeldern sortiert ist). Dadurch lässt sich eventuell die Leistungsfähigkeit verbessern. |

Tabelle 45. Eigenschaften des Knotens "aggregate" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens aggregate | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---------------------|--|
| aggregates | | Strukturierte Eigenschaft, die die numerischen Felder auflistet, deren Werte aggregiert werden, sowie die ausgewählten Aggregationsmodi. |
| extension | <i>Zeichenfolge</i> | Geben Sie ein Präfix oder Suffix für doppelt aggregierte Felder an (Beispiel unten). |
| add_as | Suffix Prefix | |
| inc_record_count | <i>boolesch</i> | Erstellt ein zusätzliches Feld, das angibt, wie viele Eingabedatensätze aus den einzelnen Aggregatdatensätzen aggregiert wurden. |
| count_field | <i>Zeichenfolge</i> | Gibt den Namen des Felds für die Datensatzanzahl an. |

Eigenschaften des Knotens "balance"



Der Balancierungsknoten korrigiert Unausgewogenheiten in einem Dataset, sodass dieses eine bestimmte Bedingung erfüllt. Die Balancierungsanweisung passt den Anteil der Datensätze, bei denen eine Bedingung wahr ist, um den angegebenen Faktor an.

Tabelle 46. Eigenschaften des Knotens "balance".

| Eigenschaften des Knotens balance | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-----------------|---|
| directives | | Strukturierte Eigenschaft, die für eine auf der angegebenen Zahl basierenden Gewichtung des Anteils von Feldwerten verwendet wird (siehe Beispiel unten). |
| training_data_only | <i>boolesch</i> | Gibt an, dass nur Trainingsdaten balanciert werden sollen. Wenn im Stream kein Partitionsfeld vorhanden ist, wird diese Option ignoriert. |

Für die Eigenschaft des Knotens `directives` wird folgendes Format verwendet:

```
{ { Zahl Zeichenfolge } \ { Zahl Zeichenfolge } \ ... { Zahl Zeichenfolge } }
```

Hinweis: Wenn Zeichenfolgen (mithilfe von doppelten Anführungszeichen) in den Ausdruck eingebettet werden, muss ihnen das Escapezeichen " \ " vorangestellt werden. Das Zeichen " \ " dient außerdem als Fortsetzungszeichen, mit dem Sie die Argumente übersichtlich auflisten können.

Eigenschaften des Knotens "derive_stb"



Der Knoten "Space-Time-Boxes" leitet Space-Time-Boxes aus den Feldern für den Breitengrad, den Längengrad und die Zeitmarke ab. Sie können auch mehrere Space-Time-Boxes als Aufenthaltsorte angeben.

Tabelle 47. Eigenschaften des Knotens "derive_stb".

| Eigenschaften des Knotens derive_stb | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-------------------------------|--|
| mode | IndividualRecords Hangouts | |
| latitude_field | Feld | |
| longitude_field | Feld | |
| timestamp_field | Feld | |
| hangout_density | Dichte | Eine einfache Dichte. Gültige Dichtewerte siehe densities. |
| densities | [Dichte,Dichte,..., Dichte] | Jede Dichte ist eine Zeichenfolge, z. B. STB_GH8_1DAY. Anmerkung: Es gibt Einschränkungen dazu, welche Dichten gültig sind. Für den Geohash-Teil können Werte von GH1 bis GH15 verwendet werden. Für den Zeittel können die folgenden Werte verwendet werden: EVER 1YEAR 1MONTH 1DAY 12HOURS 8HOURS 6HOURS 4HOURS 3HOURS 2HOURS 1HOUR 30MINS 15MINS 10MINS 5MINS 2MINS 1MIN 30SECS 15SECS 10SECS 5SECS 2SECS 1SEC |
| id_field | Feld | |

Tabelle 47. Eigenschaften des Knotens "derive_stb" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens derive_stb | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--|--|
| qualifying_duration | 1DAY 12HOURS 8HOURS 6HOURS 4HOURS 3HOURS 2Hours 1HOUR 30MIN 15MIN 10MIN 5MIN 2MIN 1MIN 30SECS 15SECS 10SECS 5SECS 2SECS 1SECS | Muss eine Zeichenfolge sein. |
| min_events | ganze Zahl | Der gültige ganzzahlige Minimalwert ist 2. |
| qualifying_pct | ganze Zahl | Muss im Bereich von 1 bis 100 liegen. |
| add_extension_as | Präfix Suffix | |
| name_extension | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "distinct"



Der Duplikatknoten entfernt doppelte Datensätze, entweder indem jeweils der erste Datensatz an den Datenstream übergeben wird oder aber indem der erste Datensatz verworfen wird und stattdessen etwaige Duplikate an den Stream übergeben werden.

Tabelle 48. Eigenschaften des Knotens "distinct".

| Eigenschaften des Knotens distinct | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|---------------------|---|
| mode | Include Discard | Duplikatknoten entfernen doppelte Datensätze, entweder indem jeweils der erste Datensatz an den Datenstream übergeben wird oder aber indem der erste Datensatz verworfen wird und stattdessen etwaige Duplikate an den Stream übergeben werden. |
| grouping_fields | [Feld Feld Feld] | Listet die Felder auf, die verwendet werden, um zu bestimmen, ob die Datensätze identisch sind. Anmerkung: Diese Eigenschaft wird ab IBM SPSS Modeler 16 nicht mehr unterstützt. |
| composite_value | Strukturierter Slot | |
| composite_values | Strukturierter Slot | |
| inc_record_count | boolesch | Erstellt ein zusätzliches Feld, das angibt, wie viele Eingabedatensätze aus den einzelnen Aggregatdatensätzen aggregiert wurden. |

Tabelle 48. Eigenschaften des Knotens "distinct" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens distinct | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|----------------------------|--|
| count_field | Zeichenfolge | Gibt den Namen des Felds für die Datensatzanzahl an. |
| sort_keys | Strukturierte Eigenschaft. | Anmerkung: Diese Eigenschaft wird ab IBM SPSS Modeler 16 nicht mehr unterstützt. |
| default_ascending | boolesch | |
| low_distinct_key_count | boolesch | Gibt an, dass Sie nur über eine kleine Anzahl an Datensätzen und/oder eine kleine Anzahl an eindeutigen Werten der Schlüsselfelder verfügen. |
| keys_pre_sorted | boolesch | Gibt an, dass alle Datensätze mit denselben Schlüsselwerten in der Eingabe zusammengefasst werden. |
| disable_sql_generation | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "merge"



Der Zusammenführungsknoten erstellt aus mehreren Eingabedatensätzen einen einzelnen Ausgabedatensatz mit einigen oder allen der Eingabefelder. Er wird zum Zusammenführen von Daten aus verschiedenen Quellen verwendet, beispielsweise Daten über Auslandskunden und erworbene demografische Daten.

Tabelle 49. Eigenschaften des Knotens "merge".

| Eigenschaften des Knotens merge | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--|--|
| method | Order Keys Condition | Geben Sie an, ob die Datensätze in der Reihenfolge zusammengeführt werden sollen, in der sie in den Datendateien aufgeführt sind, ob eines oder mehrere Felder verwendet werden sollen, um Datensätze mit demselben Wert in den Schlüsselfeldern zusammenzuführen, oder ob die Datensätze zusammengeführt werden, wenn eine bestimmte Bedingung erfüllt ist. |
| condition | Zeichenfolge | Wenn method auf Condition gesetzt ist, wird hier die Bedingung für das Einschließen oder Verwerfen von Datensätzen angegeben. |
| key_fields | [Feld Feld Feld] | |
| common_keys | boolesch | |
| join | Inner FullOuter PartialOuter Anti | |
| outer_join_tag.n | boolesch | Bei dieser Eigenschaft ist <i>n</i> der im Dialogfeld für die Datasetauswahl angezeigte Tagname. Beachten Sie, dass mehrere Tagnamen angegeben werden können, da jede beliebige Zahl von Datasets unvollständige Datensätze beitragen könnte. |
| single_large_input | boolesch | Gibt an, ob die Optimierung verwendet werden soll, wenn eine Eingabe vorhanden ist, die im Vergleich mit den anderen Eingaben relativ groß ist. |

Tabelle 49. Eigenschaften des Knotens "merge" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens merge | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|---|--|
| single_large_input_tag | Zeichenfolge | Geben Sie den Tagnamen an, der im Dialogfeld "Großes Dataset auswählen" angezeigt wird. Beachten Sie, dass die Verwendung dieser Eigenschaft leicht von der Eigenschaft outer_join_tag abweicht (boolesch gegenüber Zeichenfolge), da nur ein einziges Eingabedataset angegeben werden kann. |
| use_existing_sort_keys | boolesch | Gibt an, ob die Eingaben bereits nach einem oder mehreren Schlüsselfeldern sortiert sind. |
| existing_sort_keys | [[{Zeichenfolge Ascending} \ {Zeichenfolge Descending}] | Gibt die bereits sortieren Felder und ihre Sortierrichtung an. |

Eigenschaften des Knotens "rfmaggregate"



Mit dem Knoten "RFM-Aggregat" (Recency-, Frequency-, Monetary-Aggregat) können Sie Daten über die früheren Transaktionen von Kunden verwenden, alle nicht benötigten Daten entfernen und alle verbliebenen Transaktionsdaten zu einer einzigen Zeile zusammenfassen, die angibt, wann der betreffende Kunde zuletzt mit Ihnen in Geschäftskontakt stand, wie viele Transaktionen er vorgenommen hat und wie hoch der Gesamtwert dieser Transaktionen ist.

Tabelle 50. Eigenschaften des Knotens "rfmaggregate".

| Eigenschaften des Knotens rfmaggregate | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------------|---|
| relative_to | Fixed Today | Dient zur Angabe des Datums, ausgehend von dem die Aktualität der Transaktionen berechnet werden soll. |
| reference_date | Datum | Nur verfügbar, wenn unter relative_to die Option Fixed festgelegt wurde. |
| contiguous | boolesch | Wenn die Daten vorsortiert sind, sodass alle Datensätze mit derselben ID zusammen im Datenstream erscheinen, können Sie mit dieser Option die Verarbeitung beschleunigen. |
| id_field | Feld | Dient zur Angabe des für die Identifizierung des Kunden und seiner Transaktionen zu verwendenden Felds. |
| date_field | Feld | Dient zur Angabe des Datumfelds, das für die Berechnung der Aktualität verwendet werden soll. |
| value_field | Feld | Dient zur Angabe des Felds, das für die Berechnung der Geldwerts verwendet werden soll. |
| extension | Zeichenfolge | Geben Sie ein Präfix oder Suffix für doppelt aggregierte Felder an. |
| add_as | Suffix Prefix | Gibt an, ob die Erweiterung (extension) als Suffix oder als Präfix hinzugefügt werden soll. |
| discard_low_value_records | boolesch | Ermöglicht die Verwendung der Einstellung discard_records_below. |

Tabelle 50. Eigenschaften des Knotens "rfmaggregate" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens rfmaggregate | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------------------------------|---|
| discard_records_below | Zahl | Dient zur Angabe eines Mindestwerts für die bei der Berechnung der RFM-Gesamtwerte verwendeten Transaktionsdetails. Die für den Wert geltenden Einheiten beziehen sich auf das ausgewählte Feld value. |
| only_recent_transactions | boolesch | Dient zur Aktivierung der Einstellung specify_transaction_date bzw. transaction_within_last. |
| specify_transaction_date | boolesch | |
| transaction_date_after | Datum | Nur verfügbar, wenn specify_transaction_date ausgewählt wurde. Dient zur Angabe des Transaktionsdatums, nach dem die Datensätze in die Analyse aufgenommen werden sollen. |
| transaction_within_last | Zahl | Nur verfügbar, wenn transaction_within_last ausgewählt wurde. Hier können Sie anhand von Anzahl und Typ der Zeiträume (Tage, Wochen, Monate oder Jahre) angeben, wie weit die in die Analyse aufzunehmenden Datensätze ausgehend von "Aktualität (Recency) berechnen relativ zu" zurückliegen dürfen. |
| transaction_scale | Days Weeks Months Years | Nur verfügbar, wenn transaction_within_last ausgewählt wurde. Hier können Sie anhand von Anzahl und Typ der Zeiträume (Tage, Wochen, Monate oder Jahre) angeben, wie weit die in die Analyse aufzunehmenden Datensätze ausgehend von "Aktualität (Recency) berechnen relativ zu" zurückliegen dürfen. |
| save_r2 | boolesch | Zeigt für jeden Kunden das Datum der zweitaktuellsten Transaktion an. |
| save_r3 | boolesch | Nur verfügbar, wenn save_r2 ausgewählt wurde. Zeigt für jeden Kunden das Datum der drittaktuellsten Transaktion an. |

Eigenschaften des Knotens "Rprocess"



Mit dem Knoten "R-Prozess" können Sie Daten aus einem IBM(r) SPSS(r) Modeler-Stream beziehen und diese mit ihrem eigenen benutzerdefinierten R-Script ändern. Nachdem die Daten geändert wurden, werden sie an den Stream zurückgegeben.

Tabelle 51. Eigenschaften des Knotens "Rprocess".

| Eigenschaften des Knotens Rprocess | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|------------------------------------|--------------------------|
| Syntax | Zeichenfolge | |
| convert_flags | StringsAndDoubles LogicalValues | |
| convert_datetime | boolesch | |

Tabelle 51. Eigenschaften des Knotens "Rprocess" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens Rprocess | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|--------------------|--------------------------|
| convert_datetime_class | POSIXct POSIXlt | |
| convert_missing | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "sample"



Der Stichprobenknoten wählt ein Subset der Datensätze aus. Es wird eine Vielzahl von Stichprobentypen unterstützt, darunter geschichtete, gruppierte (Clusterstichproben) und nichtzufällige (strukturierte) Stichproben. Eine Stichprobenziehung kann nützlich zur Verbesserung der Leistungsfähigkeit und zur Auswahl von verwandten Datensätzen bzw. Transaktionen für die Analyse sein.

Tabelle 52. Eigenschaften des Knotens "sample".

| Eigenschaften des Knotens sample | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|------------------------------|---|
| method | Simple Complex | |
| mode | Include Discard | Einschließen oder Verwerfen von Datensätzen, die die angegebene Bedingung erfüllen. |
| sample_type | First OneInN RandomPct | Gibt die Methode der Stichprobenziehung an. |
| first_n | ganze Zahl | Datensätze bis zum angegebenen Abbruchpunkt werden eingeschlossen oder verworfen. |
| one_in_n | Zahl | Jeden <i>n</i> -ten Datensatz einschließen oder verwerfen. |
| rand_pct | Zahl | Geben Sie den Prozentsatz der einzuschließenden oder zu verwerfenden Datensätze an. |
| use_max_size | boolesch | Aktivieren Sie die Verwendung der Einstellung maximum_size. |
| maximum_size | ganze Zahl | Geben Sie die größte Stichprobe an, die in den Datenstream eingeschlossen oder verworfen werden soll. Diese Option ist redundant und wird daher inaktiviert, wenn First und Include angegeben werden. |
| set_random_seed | boolesch | Aktiviert die Verwendung der Einstellung für den Zufallsstartwert. |
| random_seed | ganze Zahl | Geben Sie den Wert an, der als Startwert für den Zufallsgenerator verwendet wird. |
| complex_sample_type | Random Systematic | |
| sample_units | Proportions Counts | |
| sample_size_proportions | Fixed Custom Variable | |

Tabelle 52. Eigenschaften des Knotens "sample" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens sample | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---|--|
| sample_size_counts | Fixed Custom Variable | |
| fixed_proportions | Zahl | |
| fixed_counts | ganze Zahl | |
| variable_proportions | Feld | |
| variable_counts | Feld | |
| use_min_stratum_size | boolesch | |
| minimum_stratum_size | ganze Zahl | Diese Option gilt nur, wenn eine komplexe Stichprobe mit Sample units=Proportions gezogen wird. |
| use_max_stratum_size | boolesch | |
| maximum_stratum_size | ganze Zahl | Diese Option gilt nur, wenn eine komplexe Stichprobe mit Sample units=Proportions gezogen wird. |
| clusters | Feld | |
| stratify_by | [Feld1 ... FeldN] | |
| specify_input_weight | boolesch | |
| input_weight | Feld | |
| new_output_weight | Zeichenfolge | |
| sizes_proportions | [[string Zeichenfolgewart]{string Zeichenfolgewart}...] | Wenn sample_units=proportions und sample_size_proportions=Custom festgelegt wurden, wird hiermit ein Wert für jede mögliche Kombination der Werte von Schichtungsfeldern angegeben. |
| default_proportion | Zahl | |
| sizes_counts | [[string Zeichenfolgewart]{string Zeichenfolgewart}...] | Dient zur Angabe eines Werts für jede mögliche Kombination der Werte von Schichtungsfeldern. Die Verwendung ist ähnlich wie bei sizes_proportions, es wird jedoch statt eines Anteils eine ganze Zahl angegeben. |
| default_count | Zahl | |

Eigenschaften des Knotens "select"



Der Auswahlknoten wählt auf der Grundlage einer bestimmten Bedingung ein Subset von Datensätzen aus einem Datenstream aus oder verwirft sie. Sie können beispielsweise die Datensätze auswählen, die zu einer bestimmten Verkaufsregion gehören.

Tabelle 53. Eigenschaften des Knotens "select".

| Eigenschaften des Knotens select | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--------------------|--|
| mode | Include Discard | Definiert, ob die ausgewählten Datensätze eingeschlossen oder verworfen werden sollen. |

Tabelle 53. Eigenschaften des Knotens "select" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens select | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--------------|--|
| condition | Zeichenfolge | Bedingung für das Einschließen oder Verwerfen von Datensätzen. |

Eigenschaften des Knotens "sort"



Der Sortierknoten sortiert Datensätze anhand der Werte eines oder mehrerer Felder in aufsteigender oder absteigender Reihenfolge.

Tabelle 54. Eigenschaften des Knotens "sort".

| Eigenschaften des Knotens sort | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|---|---|
| keys | [[{Zeichenfolge Ascending} \ {Zeichenfolge Descending}] | Gibt die Felder an, nach denen sortiert werden soll. Wenn keine Richtung angegeben ist, wird der Standard verwendet. |
| default_ascending | boolesch | Gibt die Standardsortierreihenfolge an. |
| use_existing_keys | boolesch | Gibt an, ob die Sortierung durch Verwendung der vorherigen Sortierreihenfolge für bereits sortierte Felder optimiert werden soll. |
| existing_keys | | Gibt die bereits sortierten Felder und ihre Sortierrichtung an. Verwendet dasselbe Format wie die Eigenschaft keys. |

Eigenschaften des Knotens "streamingts"



Der Streaming-ZR-Knoten erstellt und bewertet Zeitreihenmodelle in einem Schritt, ohne dass ein Zeitintervallknoten erforderlich ist.

Tabelle 55. Eigenschaften des Knotens "streamingts".

| Eigenschaften des Knotens streamingts | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|------------------------------------|---|
| custom_fields | boolesch | Bei custom_fields=false werden die Einstellungen aus einem vorausgehenden Typknoten verwendet. Bei custom_fields=true müssen targets und inputs angegeben werden. |
| targets | [Feld1...FeldN] | |
| inputs | [Feld1...FeldN] | |
| method | ExpertModeler Exsmooth Arima | |
| calculate_conf | boolesch | |
| conf_limit_pct | real | |

Tabelle 55. Eigenschaften des Knotens "streamingts" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens streamingts | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|---|--|
| use_time_intervals_node | boolesch | Bei use_time_intervals_node=true werden die Einstellungen aus einem vorausgehenden Zeitintervallknoten verwendet. Andernfalls müssen interval_offset_position, interval_offset und interval_type angegeben werden. |
| interval_offset_position | LastObservation LastRecord | LastObservation bezieht sich auf Letzte gültige Beobachtung . LastRecord bezieht sich auf Vom letzten Datensatz rückwärts zählen . |
| interval_offset | Zahl | |
| interval_type | Periods Years Quarters Months WeeksNonPeriodic DaysNonPeriodic HoursNonPeriodic MinutesNonPeriodic SecondsNonPeriodic | |
| events | Felder | |
| expert_modeler_method | AllModels Exsmooth Arima | |
| consider_seasonal | boolesch | |
| detect_outliers | boolesch | |
| expert_outlier_additive | boolesch | |
| expert_outlier_level_shift | boolesch | |
| expert_outlier_innovational | boolesch | |
| expert_outlier_transient | boolesch | |
| expert_outlier_seasonal_additive | boolesch | |
| expert_outlier_local_trend | boolesch | |
| expert_outlier_additive_patch | boolesch | |
| exsmooth_model_type | Simple HoltsLinearTrend BrownsLinearTrend DampedTrend SimpleSeasonal WintersAdditive WintersMultiplicative | |
| exsmooth_transformation_type | None SquareRoot NaturalLog | |
| arima_p | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |
| arima_d | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |
| arima_q | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |

Tabelle 55. Eigenschaften des Knotens "streamingts" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens streamingts | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|----------------------------------|---|
| arma_sp | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |
| arma_sd | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |
| arma_sq | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |
| arma_transformation_type | None SquareRoot NaturalLog | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |
| arma_include_constant | boolesch | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten |
| tf_arma_p.Feldname | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten. Für Transferfunktionen. |
| tf_arma_d.Feldname | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten. Für Transferfunktionen. |
| tf_arma_q.Feldname | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten. Für Transferfunktionen. |
| tf_arma_sp.Feldname | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten. Für Transferfunktionen. |
| tf_arma_sd.Feldname | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten. Für Transferfunktionen. |
| tf_arma_sq.Feldname | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten. Für Transferfunktionen. |
| tf_arma_delay.Feldname | ganze Zahl | Dieselbe Eigenschaft wie für den Zeitreihenmodellierungsknoten. Für Transferfunktionen. |
| tf_arma_transformation_type.Feldname | None SquareRoot NaturalLog | |
| arma_detect_outlier_mode | None Automatic | |
| arma_outlier_additive | boolesch | |
| arma_outlier_level_shift | boolesch | |
| arma_outlier_innovational | boolesch | |
| arma_outlier_transient | boolesch | |
| arma_outlier_seasonal_additive | boolesch | |
| arma_outlier_local_trend | boolesch | |
| arma_outlier_additive_patch | boolesch | |
| deployment_force_rebuild | boolesch | |

Tabelle 55. Eigenschaften des Knotens "streamingts" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens streamingts | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------------|--------------------------|
| deployment_rebuild_mode | Count Percent | |
| deployment_rebuild_count | Zahl | |
| deployment_rebuild_pct | Zahl | |
| deployment_rebuild_field | <Feld> | |

Kapitel 11. Eigenschaften von Feldoperationsknoten

Eigenschaften des Knotens "anonymize"



Der Anonymisierungsknoten ändert die Art und Weise, wie Feldnamen und -werte weiter unten im Stream dargestellt werden, und verschleiert damit die ursprünglichen Daten. Dies kann sinnvoll sein, wenn andere Benutzer in die Lage versetzt werden sollen, Modelle unter Verwendung vertraulicher Daten wie beispielsweise Kundennamen zu erstellen.

Tabelle 56. Eigenschaften des Knotens "anonymize".

| Eigenschaften des Knotens anonymize | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------|--|
| enable_anonymize | <i>boolesch</i> | Bei Festlegung auf T wird die Anonymisierung von Feldwerten aktiviert (entspricht der Auswahl von Ja für das betreffende Feld in der Spalte "Werte anonymisieren"). |
| use_prefix | <i>boolesch</i> | Bei Festlegung auf T wird ein benutzerdefiniertes Präfix verwendet, sofern eines angegeben wurde. Gilt für Felder, die mit der Hash-Methode anonymisiert werden, und entspricht der Auswahl des Optionsfelds Benutzerdefiniert im Dialogfeld "Werte ersetzen" für das betreffende Feld. |
| prefix | <i>Zeichenfolge</i> | Entspricht der Eingabe eines Präfixes in das Textfeld im Dialogfeld "Werte ersetzen". Das Standardpräfix ist der Standardwert, wenn keine anderen Angaben gemacht wurden. |
| transformation | Random Fixed | Bestimmt, ob die Transformationsparameter für ein durch die Transformationsmethode anonymisiertes Feld zufällig oder fest sein sollen. |
| set_random_seed | <i>boolesch</i> | Bei Festlegung auf T wird der angegebene Startwert für den Zufallsgenerator verwendet (sofern außerdem "transformation" auf "Random" gesetzt ist). |
| random_seed | <i>ganze Zahl</i> | Wenn set_random_seed auf T gesetzt ist, wird dieser Wert als Startwert für den Zufallsgenerator verwendet. |
| scale | <i>Zahl</i> | Wenn "transformation" auf "Fixed" gesetzt ist, wird dieser Wert als Wert für "Skalieren um" verwendet. Der Höchstwert für die Skalierung ist normalerweise 10; er kann jedoch gesenkt werden, um einen Überlauf zu vermeiden. |
| translate | <i>Zahl</i> | Wenn "transformation" auf "Fixed" gesetzt ist, wird dieser Wert als Wert für die Verschiebung ("translate") verwendet. Der Höchstwert für die Verschiebung ist normalerweise 10; er kann jedoch gesenkt werden, um einen Überlauf zu vermeiden. |

Eigenschaften des Knotens "autodataprep"



Der Knoten "Automated Data Preparation" (ADP) kann Ihre Daten analysieren und Korrekturen identifizieren, problematische oder vermutlich überflüssige Felder ausschließen, wie erforderlich neue Attribute ableiten und die Leistung durch intelligente Prüf- und Stichprobenverfahren verbessern. Sie können den Knoten vollständig automatisiert nutzen, damit er Korrekturen wählen und anwenden kann. Sie können die Änderungen aber auch prüfen, bevor sie durchgeführt werden, und wie gewünscht akzeptieren, ablehnen oder ändern.

Tabelle 57. Eigenschaften des Knotens "autodataprep".

| Eigenschaften des Knotens autodataprep | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|--|
| objective | Balanced Speed Accuracy Custom | |
| custom_fields | boolesch | Bei "true" (wahr) können Sie Ziel-, Eingabe- und andere Felder für den aktuellen Knoten angeben. Bei "false" (falsch) werden die aktuellen Einstellungen aus einem vorausgehenden Typknoten verwendet. |
| target | Feld | Gibt ein einzelnes Zielfeld an. |
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | Im Modell verwendete Eingabe- bzw. Prädiktorfelder. |
| use_frequency | boolesch | |
| frequency_field | Feld | |
| use_weight | boolesch | |
| weight_field | Feld | |
| excluded_fields | Filter None | |
| if_fields_do_not_match | StopExecution ClearAnalysis | |
| prepare_dates_and_times | boolesch | Zugriff auf alle Datums- und Zeitfelder kontrollieren |
| compute_time_until_date | boolesch | |
| reference_date | Today Fixed | |
| fixed_date | Datum | |
| units_for_date_durations | Automatic Fixed | |
| fixed_date_units | Years Months Days | |
| compute_time_until_time | boolesch | |
| reference_time | CurrentTime Fixed | |
| fixed_time | time | |
| units_for_time_durations | Automatic Fixed | |
| fixed_date_units | Hours Minutes Seconds | |
| extract_year_from_date | boolesch | |
| extract_month_from_date | boolesch | |
| extract_day_from_date | boolesch | |
| extract_hour_from_time | boolesch | |
| extract_minute_from_time | boolesch | |

Tabelle 57. Eigenschaften des Knotens "autodataprep" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens autodataprep | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------------|--------------------------|
| extract_second_from_time | boolesch | |
| exclude_low_quality_inputs | boolesch | |
| exclude_too_many_missing | boolesch | |
| maximum_percentage_missing | Zahl | |
| exclude_too_many_categories | boolesch | |
| maximum_number_categories | Zahl | |
| exclude_if_large_category | boolesch | |
| maximum_percentage_category | Zahl | |
| prepare_inputs_and_target | boolesch | |
| adjust_type_inputs | boolesch | |
| adjust_type_target | boolesch | |
| reorder_nominal_inputs | boolesch | |
| reorder_nominal_target | boolesch | |
| replace_outliers_inputs | boolesch | |
| replace_outliers_target | boolesch | |
| replace_missing_continuous_inputs | boolesch | |
| replace_missing_continuous_target | boolesch | |
| replace_missing_nominal_inputs | boolesch | |
| replace_missing_nominal_target | boolesch | |
| replace_missing_ordinal_inputs | boolesch | |
| replace_missing_ordinal_target | boolesch | |
| maximum_values_for_ordinal | Zahl | |
| minimum_values_for_continuous | Zahl | |
| outlier_cutoff_value | Zahl | |
| outlier_method | Replace Delete | |
| rescale_continuous_inputs | boolesch | |
| rescaling_method | MinMax ZScore | |
| min_max_minimum | Zahl | |
| min_max_maximum | Zahl | |
| z_score_final_mean | Zahl | |
| z_score_final_sd | Zahl | |
| rescale_continuous_target | boolesch | |
| target_final_mean | Zahl | |
| target_final_sd | Zahl | |
| transform_select_input_fields | boolesch | |
| maximize_association_with_target | boolesch | |
| p_value_for_merging | Zahl | |
| merge_ordinal_features | boolesch | |

Tabelle 57. Eigenschaften des Knotens "autodataprep" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens autodataprep | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------|--------------------------|
| merge_nominal_features | boolesch | |
| minimum_cases_in_category | Zahl | |
| bin_continuous_fields | boolesch | |
| p_value_for_binning | Zahl | |
| perform_feature_selection | boolesch | |
| p_value_for_selection | Zahl | |
| perform_feature_construction | boolesch | |
| transformed_target_name_extension | Zeichenfolge | |
| transformed_inputs_name_extension | Zeichenfolge | |
| constructed_features_root_name | Zeichenfolge | |
| years_duration_name_extension | Zeichenfolge | |
| months_duration_name_extension | Zeichenfolge | |
| days_duration_name_extension | Zeichenfolge | |
| hours_duration_name_extension | Zeichenfolge | |
| minutes_duration_name_extension | Zeichenfolge | |
| seconds_duration_name_extension | Zeichenfolge | |
| year_cyclical_name_extension | Zeichenfolge | |
| month_cyclical_name_extension | Zeichenfolge | |
| day_cyclical_name_extension | Zeichenfolge | |
| hour_cyclical_name_extension | Zeichenfolge | |
| minute_cyclical_name_extension | Zeichenfolge | |
| second_cyclical_name_extension | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "binning"



Der Klassierknoten erstellt automatisch neue nominale Felder (Setfelder) auf der Grundlage der Werte eines oder mehrerer bestehender stetiger Felder (numerischer Bereich). Sie können beispielsweise ein stetiges Einkommensfeld in ein neues kategoriales Feld transformieren, das Einkommensgruppen als Abweichungen vom Mittelwert enthält. Nach der Erstellung von Klassen für das neue Feld können Sie einen Ableitungsknoten anhand der Trennwerte generieren.

Tabelle 58. Eigenschaften des Knotens "binning".

| Eigenschaften des Knotens binning | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|---|--|
| fields | [Feld1 Feld2 ... Feldn] | Stetige Felder (numerischer Bereich) mit ausstehender Transformation. Sie können mehrere Felder gleichzeitig klassieren. |
| method | FixedWidth EqualCount Rank SDev Optimal | Methode, die zur Ermittlung der Trennwerte für neue Feld-Bins (Kategorien) verwendet wird. |

Tabelle 58. Eigenschaften des Knotens "binning" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens binning | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|---------------------------|---|
| rcalculate_bins | Always IfNecessary | Gibt an, ob bei jeder Ausführung des Knotens die Klassen neu berechnet und die Daten in die relevante Klasse eingeordnet werden sollen oder ob Daten nur zu bestehenden Klassen und etwaig hinzugefügten neuen Klassen hinzugefügt werden sollen. |
| fixed_width_name_extension | Zeichenfolge | Die Standarderweiterung lautet <i>_BIN</i> . |
| fixed_width_add_as | Suffix Prefix | Gibt an, ob die Erweiterung am Ende (Suffix) oder am Anfang (Präfix) des Feldnamens eingefügt werden soll. Die Standarderweiterung lautet <i>income_BIN</i> . |
| fixed_bin_method | Width Count | |
| fixed_bin_count | ganze Zahl | Gibt eine ganze Zahl an, die zur Bestimmung der Anzahl der Klassen (Kategorien) mit fester Breite für die neuen Felder verwendet wird. |
| fixed_bin_width | real | Wert (ganzzahlig oder reell), der zu Berechnung der Breite der Klasse verwendet wird. |
| equal_count_name_extension | Zeichenfolge | Die Standarderweiterung lautet <i>_TILE</i> . |
| equal_count_add_as | Suffix Prefix | Gibt eine Erweiterung (Suffix oder Präfix) an, die für die mithilfe von Standard-N-Perzentilen generierten Felder verwendet wird. Die Standarderweiterung ist <i>_TILE</i> plus <i>N</i> ; dabei steht <i>N</i> für die Nummer des Perzentils. |
| tile4 | boolesch | Generiert vier Quantilklassen, die jeweils 25 % der Fälle enthalten. |
| tile5 | boolesch | Generiert fünf Quintilklassen. |
| tile10 | boolesch | Generiert 10 Dezilklassen. |
| tile20 | boolesch | Generiert 20 Vingtilklassen. |
| tile100 | boolesch | Generiert 100 Perzentilklassen. |
| use_custom_tile | boolesch | |
| custom_tile_name_extension | Zeichenfolge | Die Standarderweiterung lautet <i>_TILEN</i> . |
| custom_tile_add_as | Suffix Prefix | |
| custom_tile | ganze Zahl | |
| equal_count_method | RecordCount ValueSum | Die Methode RecordCount versucht, jeder Klasse eine gleich große Anzahl von Datensätzen zuzuweisen, während ValueSum Datensätze so zuweist, dass die Summe der Werte in jeder Klasse gleich groß ist. |
| tied_values_method | Next Current Random | Gibt an, in welche Klasse Daten mit gebundenen Werten (Werten mit Gleichstand) eingeordnet werden sollen. |
| rank_order | Ascending Descending | Diese Eigenschaft beinhaltet Ascending (der niedrigste Wert wird mit "1" gekennzeichnet) oder Descending (der höchste Wert wird mit "1" gekennzeichnet). |

Tabelle 58. Eigenschaften des Knotens "binning" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens binning | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|------------------------|--|
| rank_add_as | Suffix Prefix | Mit dieser Option werden Rang, relativer Rang und Prozentsatzrang angewendet. |
| rank | boolesch | |
| rank_name_extension | Zeichenfolge | Die Standarderweiterung lautet <i>_RANK</i> . |
| rank_fractional | boolesch | Weist Fällen Ränge zu, wobei der Wert des neuen Felds gleich dem Rang dividiert durch die Summe der Gewichtungen der nicht fehlenden Fälle ist. Relative Ränge fallen in den Bereich 0-1. |
| rank_fractional_name_extension | Zeichenfolge | Die Standarderweiterung lautet <i>_F_RANK</i> . |
| rank_pct | boolesch | Die einzelnen Ränge werden durch die Anzahl der Datensätze mit gültigen Werten dividiert und mit 100 multipliziert. Als Prozentsatz angegebene relative Ränge fallen in den Bereich 1-100. |
| rank_pct_name_extension | Zeichenfolge | Die Standarderweiterung lautet <i>_P_RANK</i> . |
| sdev_name_extension | Zeichenfolge | |
| sdev_add_as | Suffix Prefix | |
| sdev_count | One Two Three | |
| optimal_name_extension | Zeichenfolge | Die Standarderweiterung lautet <i>_OPTIMAL</i> . |
| optimal_add_as | Suffix Prefix | |
| optimal_supervisor_field | Feld | Als Supervisorfeld ausgewähltes Feld, mit dem die für die Klassierung ausgewählten Felder in Bezug stehen. |
| optimal_merge_bins | boolesch | Gibt an, dass alle Klassen mit kleinen Fallzahlen zu einer größeren, benachbarten Klasse hinzugefügt werden. |
| optimal_small_bin_threshold | ganze Zahl | |
| optimal_pre_bin | boolesch | Gibt an, dass eine Vorklassierung des Datasets durchgeführt werden soll. |
| optimal_max_bins | ganze Zahl | Gibt eine Obergrenze an, um das Erstellen einer übermäßig großen Anzahl von Feldern zu verhindern. |
| optimal_lower_end_point | Inclusive Exclusive | |
| optimal_first_bin | Unbounded Bounded | |
| optimal_last_bin | Unbounded Bounded | |

Eigenschaften des Knotens "derive"



Der Ableitungsknoten ändert Datenwerte oder erstellt neue Felder aus einem oder mehreren bestehenden Feldern. Er erstellt Felder vom Typ "Formel", "Flag", "Nominal", "Status", "Anzahl" und "Bedingt".

Tabelle 59. Eigenschaften des Knotens "derive".

| Eigenschaften des Knotens derive | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|--|
| new_name | Zeichenfolge | Name des neuen Felds. |
| mode | Single Multiple | Gibt eines oder mehrere Felder an. |
| fields | [Feld Feld Feld] | Wird nur im Modus "Multiple" (Mehrere) zur Auswahl mehrerer Felder verwendet. |
| name_extension | Zeichenfolge | Gibt die Erweiterung für die neuen Feldnamen an. |
| add_as | Suffix Prefix | Fügt die Erweiterung als Präfix (am Anfang) oder als Suffix (am Ende) des Feldnamens ein. |
| result_type | Formel Flag Set State Count Conditional | Die sechs Typen neuer Felder, die Sie erstellen können. |
| formula_expr | Zeichenfolge | Ausdruck zum Berechnen eines neuen Feldwerts in einem Ableitungsknoten. |
| flag_expr | Zeichenfolge | |
| flag_true | Zeichenfolge | |
| flag_false | Zeichenfolge | |
| set_default | Zeichenfolge | |
| set_value_cond | Zeichenfolge | Wird zur Bereitstellung der Bedingung, die einem bestimmten Wert zugeordnet ist, strukturiert. |
| state_on_val | Zeichenfolge | Dient zur Angabe des Werts für das neue Feld, wenn die Bedingung für "On" (Ein) erfüllt ist. |
| state_off_val | Zeichenfolge | Dient zur Angabe des Werts für das neue Feld, wenn die Bedingung für "Off" (Aus) erfüllt ist. |
| state_on_expression | Zeichenfolge | |
| state_off_expression | Zeichenfolge | |
| state_initial | On Off | Weist jedem Datensatz des neuen Felds einen Anfangswert On (Ein) oder Off (Aus) zu. Dieser Wert kann sich ändern, wenn die einzelnen Bedingungen erfüllt werden. |
| count_initial_val | Zeichenfolge | |
| count_inc_condition | Zeichenfolge | |
| count_inc_expression | Zeichenfolge | |
| count_reset_condition | Zeichenfolge | |

Tabelle 59. Eigenschaften des Knotens "derive" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens derive | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--------------|--------------------------|
| cond_if_cond | Zeichenfolge | |
| cond_then_expr | Zeichenfolge | |
| cond_else_expr | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "ensemble"



Der Ensemble-Knoten kombiniert zwei oder mehr Modellnuggets, um genauere Vorhersagen zu erzielen, als aus einem dieser Modelle allein gewonnen werden können.

Tabelle 60. Eigenschaften des Knotens "ensemble".

| Eigenschaften des Knotens ensemble | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|---|---|
| ensemble_target_field | Feld | Gibt das Zielfeld für alle im Ensemble verwendeten Modelle an. |
| filter_individual_model_output | boolesch | Gibt an, ob Scoring-Ergebnisse aus einzelnen Modellen unterdrückt werden sollen. |
| flag_ensemble_method | Voting ConfidenceWeightedVoting RawPropensityWeightedVoting AdjustedPropensityWeightedVoting HighestConfidence AverageRawPropensity AverageAdjustedPropensity | Gibt an, welche Methode für die Bestimmung des Ensemble-Score verwendet werden soll. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein Flagfeld ist. |
| set_ensemble_method | Voting ConfidenceWeightedVoting HighestConfidence | Gibt an, welche Methode für die Bestimmung des Ensemble-Score verwendet werden soll. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein nominales Feld ist. |
| flag_voting_tie_selection | Random HighestConfidence RawPropensity AdjustedPropensity | Wenn eine Voting-Methode ausgewählt ist, gibt diese Einstellung an, wie Gleichstände aufgelöst werden sollen. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein Flagfeld ist. |
| set_voting_tie_selection | Random HighestConfidence | Wenn eine Voting-Methode ausgewählt ist, gibt diese Einstellung an, wie Gleichstände aufgelöst werden sollen. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein nominales Feld ist. |
| calculate_standard_error | boolesch | Wenn das Zielfeld stetig ist, wird standardmäßig eine Standardfehlerberechnung durchgeführt, um den Unterschied zwischen den gemessenen oder geschätzten Werten und den wahren Werten zu berechnen sowie um zu zeigen, wie hoch die Übereinstimmung dieser Schätzungen war. |

Eigenschaften des Knotens "filler"



Der Füllerknoten ersetzt Feldwerte und ändert den Speichertyp. Sie können auswählen, dass die Werte auf der Grundlage einer CLEM-Bedingung wie beispielsweise @BLANK(@FIELD) ersetzt werden sollen. Alternativ können Sie auswählen, dass alle Leerstellen oder Nullwerte mit einem bestimmten Wert ersetzt werden sollen. Füllerknoten werden häufig zusammen mit einem Typknoten verwendet, um fehlende Werte zu ersetzen.

Tabelle 61. Eigenschaften des Knotens "filler".

| Eigenschaften des Knotens filler | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|--|
| fields | [Feld Feld Feld] | Felder aus dem Dataset, deren Werte untersucht und ersetzt werden. |
| replace_mode | Always Conditional Blank Null BlankAndNull | Sie können alle Werte, leere Werte, Nullwerte oder Werte ersetzen, die einer bestimmten Bedingung entsprechen. |
| condition | Zeichenfolge | |
| replace_with | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "filter"



Der Filterknoten filtert (verwirft) Felder, benennt Felder um und ordnet Felder von einem Quellenknoten einem anderen zu.

Verwenden der Eigenschaft default_include. Beachten Sie, dass die Festlegung des Werts der Eigenschaft default_include nicht automatisch zum Ein- oder Ausschluss aller Felder führt; es wird lediglich die Standardvorgehensweise für die ausgewählten Felder festgelegt. Diese Eigenschaft entspricht in ihrer Funktion dem Klicken auf die Schaltfläche **Felder standardmäßig einschließen** im Dialogfeld des Filterknotens.

Tabelle 62. Eigenschaften des Knotens "filter".

| Eigenschaften des Knotens filter | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--------------|---|
| default_include | boolesch | Verschlüsselte Eigenschaft zur Angabe, ob das Standardverhalten übergeben wird oder Felder gefiltert werden. Beachten Sie, dass die Festlegung dieser Eigenschaft nicht automatisch zum Ein- oder Ausschluss aller Felder führt; es wird lediglich festgelegt, ob die ausgewählten Felder standardmäßig ein- oder ausgeschlossen werden sollen. |
| include | boolesch | Verschlüsselte Eigenschaft zum Einbeziehen und Entfernen von Feldern. |
| new_name | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "history"



Der Verlaufsknoten erstellt neue Felder mit Daten aus Feldern in vorangegangenen Datensätzen. Verlaufsknoten werden am häufigsten für sequenzielle Daten, beispielsweise Zeitreihendaten, verwendet. Vor der Verwendung eines Verlaufsknotens sollten die Daten mithilfe eines Sortierknotens sortiert werden.

Tabelle 63. Eigenschaften des Knotens "history".

| Eigenschaften des Knotens history | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|--------------------------|--|
| fields | [Feld Feld Feld] | Felder, für die Sie einen Verlauf wollen. |
| offset | Zahl | Dient zur Angabe des jüngsten Datensatzes (vor dem aktuellen Datensatz), aus dem Verlaufsfeldwerte extrahiert werden sollen. |
| span | Zahl | Gibt an, aus wie vielen früheren Datensätzen Werte extrahiert werden sollen. |
| unavailable | Discard Leave Fill | Für die Behandlung von Datensätzen, die keine Verlaufswerte besitzen, bezieht sich dies normalerweise auf die ersten Datensätze oben im Dataset, für die es keine vorangegangenen Datensätze gibt, die als Verlauf dienen könnten. |
| fill_with | Zeichenfolge Zahl | Gibt einen Wert oder eine Zeichenfolge an, die für Datensätze verwendet werden soll, wenn kein Verlaufswert verfügbar ist. |

Eigenschaften des Knotens "partition"



Der Partitionsknoten erstellt ein Partitionsfeld, das Daten in getrennte Subsets für die Trainings-, Test- und Validierungsphase der Modellerstellung aufteilt.

Tabelle 64. Eigenschaften des Knotens "partition".

| Eigenschaften des Knotens partition | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--------------|---|
| new_name | Zeichenfolge | Der vom Knoten erstellte Name des Partitionsfelds. |
| create_validation | boolesch | Gibt an, ob eine Validierungspartition erstellt werden soll. |
| training_size | ganze Zahl | Prozentsatz der Datensätze (0-100), die der Trainingspartition zugeordnet werden sollen. |
| testing_size | ganze Zahl | Prozentsatz der Datensätze (0-100), die der Testpartition zugeordnet werden sollen. |
| validation_size | ganze Zahl | Prozentsatz der Datensätze (0-100), die der Validierungspartition zugeordnet werden sollen. Wird ignoriert, wenn keine Validierungspartition erstellt wird. |
| training_label | Zeichenfolge | Beschriftung der Trainingspartition. |
| testing_label | Zeichenfolge | Beschriftung der Testpartition. |

Tabelle 64. Eigenschaften des Knotens "partition" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens partition | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|-----------------------------------|--|
| validation_label | Zeichenfolge | Beschriftung der Validierungspartition. Wird ignoriert, wenn keine Validierungspartition erstellt wird. |
| value_mode | System SystemAndLabel Label | Gibt die Werte an, die für die einzelnen Partitionen in den Daten verwendet werden. Beispiel: Die Trainingsstichprobe kann durch die Systemganzzahl 1, die Beschriftung Training bzw. eine Kombination aus beiden durch 1_Training repräsentiert werden. |
| set_random_seed | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Startwert für den Zufallsgenerator verwendet werden soll. |
| random_seed | ganze Zahl | Ein benutzerdefinierter Startwert für den Zufallsgenerator festlegen. Damit dieser Wert verwendet wird, muss set_random_seed auf True (wahr) gesetzt sein. |
| enable_sql_generation | boolesch | Gibt an, ob SQL-Pushback für die Zuweisung von Datensätzen zu Partitionen verwendet werden soll. |
| unique_field | | Gibt das Eingabefeld an, mit dessen Hilfe sichergestellt werden soll, dass Datensätze auf zufällige, aber wiederholbare Weise zu Partitionen zugeordnet werden. Damit dieser Wert verwendet wird, muss enable_sql_generation auf True (wahr) gesetzt sein. |

Eigenschaften des Knotens "reclassify"



Der Umcodierungsknoten transformiert ein Set kategorialer Werte in ein anderes. Die Umcodierung dient zur Reduzierung von Kategorien bzw. Neugruppierung von Daten für die Analyse.

Tabelle 65. Eigenschaften des Knotens "reclassify".

| Eigenschaften des Knotens reclassify | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|-------------------------|---|
| mode | Single Multiple | Single codiert die Kategorien eines einzelnen Felds um. Multiple aktiviert Optionen, die die Transformation von mehreren Feldern gleichzeitig erlauben. |
| replace_field | boolesch | |
| field | Zeichenfolge | Wird nur im Modus "Single" verwendet. |
| new_name | Zeichenfolge | Wird nur im Modus "Single" verwendet. |
| fields | [Feld1 Feld2 ... Feldn] | Wird nur im Modus "Multiple" verwendet. |
| name_extension | Zeichenfolge | Wird nur im Modus "Multiple" verwendet. |
| add_as | Suffix Prefix | Wird nur im Modus "Multiple" verwendet. |
| reclassify | Zeichenfolge | Strukturierte Eigenschaft für Feldwerte. |
| use_default | boolesch | Standardwert verwenden. |

Tabelle 65. Eigenschaften des Knotens "reclassify" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens reclassify | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--|---|
| default | Zeichenfolge | Standardwert angeben. |
| pick_list | [Zeichenfolge ZeichenfolgeZeichenfolge ... Zeichenfolge] | Ermöglicht einem Benutzer den Import einer Liste bekannter neuer Werte, um die Dropdown-Liste in der Tabelle zu füllen. |

Eigenschaften des Knotens "reorder"



Der Knoten "Felder ordnen" definiert die natürliche Reihenfolge, die bei der Anzeige der nachfolgenden Felder verwendet wird. Diese Reihenfolge betrifft die Anzeige von Feldern an unterschiedlichen Stellen, beispielsweise in Tabellen, Listen und in der Feldauswahl. Dieser Vorgang dient beispielsweise dazu, um bei der Arbeit mit umfangreichen Datensets die relevanten Felder deutlicher hervorzuheben.

Tabelle 66. Eigenschaften des Knotens "reorder".

| Eigenschaften des Knotens reorder | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|-------------------------|--|
| mode | Custom Auto | Sie können Werte automatisch sortieren oder eine benutzerdefinierte Reihenfolge angeben. |
| sort_by | Name Type Storage | |
| ascending | boolesch | |
| start_fields | [Feld1 Feld2 ... Feldn] | Nach diesen Feldern werden neue Felder eingefügt. |
| end_fields | [Feld1 Feld2 ... Feldn] | Vor diesen Feldern werden neue Felder eingefügt. |

Eigenschaften des Knotens "restructure"



Der Knoten "Umstrukturieren" konvertiert ein nominales Feld oder ein Flagfeld in eine Gruppe von Feldern, die mit den Werten aus einem weiteren Feld ausgefüllt werden können. Beispiel: Aus einem Feld mit dem Namen *Zahlungsart*, mit den Werten *Kreditkarte*, *Bar* und *EC-Karte* werden drei neue Felder erstellt (*Kreditkarte*, *Bar*, *EC-Karte*), die jeweils den Wert der jeweiligen Zahlung enthalten.

Tabelle 67. Eigenschaften des Knotens "restructure".

| Eigenschaften des Knotens restructure | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|--|---|
| fields_from | [Kategorie Kategorie Kategorie] all | |
| include_field_name | boolesch | Gibt an, ob der Feldname im umstrukturierten Feldnamen verwendet werden soll. |
| value_mode | OtherFields Flags | Legt den Modus für die Angabe der Werte für die umstrukturierten Felder fest. Bei OtherFields müssen Sie angeben, welche Felder verwendet werden sollen (siehe unten). Bei Flags sind die Werte numerische Flags. |

Tabelle 67. Eigenschaften des Knotens "restructure" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens restructure | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|------------------|---|
| value_fields | [Feld Feld Feld] | Erforderlich, wenn value_mode auf OtherFields gesetzt ist. Gibt an, welche Felder als Wertfelder verwendet werden sollen. |

Eigenschaften des Knotens "rfmanalysis"



Mit dem Knoten "RFM-Analyse" (Recency-, Frequency-, Monetary-Analyse) können Sie quantitativ ermitteln, welche Kunden wahrscheinlich die besten sind, indem Sie untersuchen, wann sie zuletzt etwas von Ihnen erworben haben (Recency (Aktualität)), wie häufig sie eingekauft haben (Frequency (Häufigkeit)) und wie viel sie für alle Transaktionen zusammengekommen ausgegeben haben (Monetary (Geldwert)).

Tabelle 68. Eigenschaften des Knotens "rfmanalysis".

| Eigenschaften des Knotens rfmanalysis | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|----------------------------------|---|
| recency | Feld | Gibt das Feld für "Recency" (Aktualität) an. Dabei kann es sich um ein Datum, eine Zeitmarke oder eine einfache Zahl handeln. |
| frequency | Feld | Gibt das Feld für "Frequency" (Häufigkeit) an. |
| monetary | Feld | Gibt das Feld für "Monetary" (Geldwert) an. |
| recency_bins | ganze Zahl | Dient zur Angabe der Anzahl der zu generierenden Aktualitätsklassen. |
| recency_weight | Zahl | Dient zur Angabe der Gewichtung für die Aktualitätsdaten. Der Standardwert ist 100. |
| frequency_bins | ganze Zahl | Dient zur Angabe der Anzahl der zu generierenden Häufigkeitsklassen. |
| frequency_weight | Zahl | Dient zur Angabe der Gewichtung für die Häufigkeitsdaten. Der Standardwert ist 10. |
| monetary_bins | ganze Zahl | Dient zur Angabe der Anzahl der zu generierenden Klassen für den Geldwert. |
| monetary_weight | Zahl | Dient zur Angabe der Gewichtung für die Geldwertdaten. Der Standardwert lautet 1. |
| tied_values_method | Next Current | Gibt an, in welche Klasse Daten mit gebundenen Werten (Werten mit Gleichstand) eingeordnet werden sollen. |
| recalculate_bins | Always IfNecessary | |
| add_outliers | boolesch | Nur verfügbar, wenn recalculate_bins auf IfNecessary gesetzt ist. Wenn diese Einstellung festgelegt wurde, werden Datensätze, die unterhalb der untersten Klasse liegen, zur untersten Klasse hinzugefügt und Datensätze oberhalb der höchsten Klasse werden in die höchste Klasse aufgenommen. |
| binned_field | Recency Frequency Monetary | |

Tabelle 68. Eigenschaften des Knotens "rfanalysis" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens rfanalysis | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|-------------|---|
| recency_thresholds | value value | Nur verfügbar, wenn recalculate_bins auf Always gesetzt ist. Dient zur Angabe der oberen und unteren Schwellenwerte für die Aktualitätsklassen. Der obere Schwellenwert einer Klasse wird als unterer Schwellenwert der nächsten Klasse verwendet. So werden beispielsweise mit [10 30 60] zwei Klassen definiert, wobei für die erste Klasse die Schwellenwerte 10 und 30 gelten und für die zweite Klasse die Schwellenwerte 30 und 60. |
| frequency_thresholds | value value | Nur verfügbar, wenn recalculate_bins auf Always gesetzt ist. |
| monetary_thresholds | value value | Nur verfügbar, wenn recalculate_bins auf Always gesetzt ist. |

Eigenschaften des Knotens "settoflag"



Der Dichotomknoten leitet mehrere Flagfelder auf der Grundlage der kategorialen Werte ab, die für ein oder mehrere nominale Felder definiert sind.

Tabelle 69. Eigenschaften des Knotens "settoflag".

| Eigenschaften des Knotens settoflag | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--|--|
| fields_from | [Kategorie Kategorie Kategorie] all | |
| true_value | Zeichenfolge | Gibt den Wert "Wahr" an, den der Knoten zum Festlegen eines Flags verwendet. Der Standardwert lautet T. |
| false_value | Zeichenfolge | Gibt den Falsch-Wert an, den der Knoten zum Festlegen eines Flags verwendet. Der Standardwert lautet F. |
| use_extension | boolesch | Verwenden Sie eine Erweiterung als Suffix oder Präfix für das neue Flagfeld. |
| extension | Zeichenfolge | |
| add_as | Suffix Prefix | Gibt an, ob die Erweiterung als Suffix oder als Präfix hinzugefügt wird. |
| aggregate | boolesch | Fasst Datensätze anhand von Schlüsselfeldern zu Gruppen zusammen. Alle in einer Gruppe vorhandenen Flagfelder werden aktiviert, wenn einer der Datensätze auf "true" gesetzt wird. |
| keys | [Feld Feld Feld] | Schlüsselfelder. |

Eigenschaften des Knotens "statisticstransform"



Der Statistics-Transformationsknoten führt eine Auswahl von IBM SPSS Statistics-Syntaxbefehlen für Datenquellen in IBM SPSS Modeler aus. Für diesen Knoten ist eine lizenzierte Kopie von IBM SPSS Statistics erforderlich.

Eine Beschreibung der Eigenschaften für diesen Knoten finden Sie in „Eigenschaften des Knotens "statisticstransform"“ auf Seite 245.

Eigenschaften des Knotens "timeintervals"



Der Zeitintervallknoten gibt Intervalle an und erstellt (bei Bedarf) Beschriftungen für die Modellierung von Zeitreihendaten. Wenn die Werte nicht gleichmäßig verteilt sind, kann der Knoten nach Bedarf Werte auffüllen oder aggregieren, um ein gleichmäßiges Intervall zwischen den Datensätzen zu erzeugen.

Tabelle 70. Eigenschaften des Knotens "timeintervals".

| Eigenschaften des Knotens timeintervals | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|---|
| interval_type | None Periods CyclicPeriods Years Quarters Months DaysPerWeek DaysNonPeriodic HoursPerDay HoursNonPeriodic MinutesPerDay MinutesNonPeriodic SecondsPerDay SecondsNonPeriodic | |
| mode | Label Create | Gibt an, ob Sie die Datensätze nacheinander beschriftet werden sollen oder ob die Zeitreihe auf der Grundlage eines angegebenen Datums-, Zeitmarken- oder Zeitfelds erstellt werden soll. |
| field | <i>Feld</i> | Gibt beim Erstellen der Serie aus den Daten das Feld an, das das Datum bzw. die Uhrzeit für jeden Datensatz anzeigt. |
| period_start | <i>ganze Zahl</i> | Gibt das Startintervall für Perioden bzw. zyklische Perioden an. |
| cycle_start | <i>ganze Zahl</i> | Startzyklus für zyklische Perioden. |
| year_start | <i>ganze Zahl</i> | Bei entsprechenden Intervalltypen das Jahr, in das das erste Intervall fällt. |
| quarter_start | <i>ganze Zahl</i> | Bei entsprechenden Intervalltypen das Quartal, in das das erste Intervall fällt. |

Tabelle 70. Eigenschaften des Knotens "timeintervals" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens timeintervals | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|--|
| month_start | Januar Februar März April Mai Juni Juli August September Oktober November Dezember | |
| day_start | ganze Zahl | |
| hour_start | ganze Zahl | |
| minute_start | ganze Zahl | |
| second_start | ganze Zahl | |
| periods_per_cycle | ganze Zahl | Bei zyklischen Perioden, die Anzahl innerhalb jedes Zyklus. |
| fiscal_year_begins | Januar Februar März April Mai Juni Juli August September Oktober November Dezember | Gibt bei vierteljährlichen Intervallen den Monat an, in dem das Geschäftsjahr beginnt. |
| week_begins_on | Sunday Monday Tuesday Wednesday Donnerstag Friday Saturday Sunday | Gibt bei periodischen Intervallen (Tage pro Woche, Stunden pro Tag, Minuten pro Tag und Sekunden pro Tag) den Tag an, an dem die Woche beginnt. |
| day_begins_hour | ganze Zahl | Gibt bei periodischen Intervallen (Stunden pro Tag, Minuten pro Tag und Sekunden pro Tag) die Stunde an, zu der der Tag beginnt. Kann in Verbindung mit day_begins_minute und day_begins_second verwendet werden, um einen genauen Zeitpunkt anzugeben wie beispielsweise 8:05:01. Siehe unten stehendes Anwendungsbeispiel. |
| day_begins_minute | ganze Zahl | Gibt bei periodischen Intervallen (Stunden pro Tag, Minuten pro Tag und Sekunden pro Tag) die Minute an, in der der Tag beginnt (z. B. die 5 in 8:05). |

Tabelle 70. Eigenschaften des Knotens "timeintervals" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens timeintervals | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|---|
| day_begins_second | ganze Zahl | Gibt bei periodischen Intervallen (Stunden pro Tag, Minuten pro Tag und Sekunden pro Tag) die Sekunde an, in der der Tag beginnt (z. B. die 17 in 8:05:17). |
| days_per_week | ganze Zahl | Gibt bei periodischen Intervallen (Tage pro Woche, Stunden pro Tag, Minuten pro Tag und Sekunden pro Tag) die Anzahl der Tage pro Woche an. |
| hours_per_day | ganze Zahl | Gibt bei periodischen Intervallen (Stunden pro Tag, Minuten pro Tag und Sekunden pro Tag) die Anzahl der Stunden pro Tag an. |
| interval_increment | 1 2 3 4 5 6 10 15 20 30 | Gibt bei Minuten pro Tag und Sekunden pro Tag die Anzahl der Minuten bzw. Sekunden an, um die der Wert für jeden Datensatz erhöht werden soll. |
| field_name_extension | Zeichenfolge | |
| field_name_extension_as_prefix | boolesch | |
| date_format | "TTMMJJ" "MMTTJJ" "JJMMTT" "JJJJMMTT" "JJJJTTT" DAY MONTH "TT-MM-JJ" "TT-MM-JJJJ" "MM-TT-JJ" "MM-TT-JJJJ" "TT-MON-JJ" "TT-MON-JJJJ" "JJJJ-MM-TT" "TT.MM.JJ" "TT.MM.JJJJ" "MM.TT.JJ" "MM.TT.JJJJ" "TT.MON.JJ" "TT.MON.JJJJ" "TT/MM/JJ" "TT/MM/JJJJ" "MM/TT/JJ" "MM/TT/JJJJ" "TT/MON/JJ" "TT/MON/JJJJ" MON JJJJ q Q JJJJ ww WK JJJJ | |

Tabelle 70. Eigenschaften des Knotens "timeintervals" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens timeintervals | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|--|
| time_format | "HHMMSS" "HHMM" "MMSS" "HH:MM:SS" "HH:MM" "MM:SS" "(H)H:(M)M:(S)S" "(H)H:(M)M" "(M)M:(S)S" "HH.MM.SS" "HH.MM" "MM.SS" "(H)H.(M)M.(S)S" "(H)H.(M)M" "(M)M.(S)S" | |
| aggregate | Mean Sum Mode Min Max First Last TrueIfAnyTrue | Gibt die Aggregationsmethode für ein Feld an. |
| pad | Blank MeanOfRecentPoints True False | Gibt die Auffüllmethode für ein Feld an. |
| agg_mode | All Specify | Gibt an, ob alle Felder mit Standardfunktionen nach Bedarf aggregiert bzw. aufgefüllt werden sollen oder ob die zu verwendenden Felder und Funktionen angegeben werden sollen. |
| agg_range_default | Mean Sum Mode Min Max | Gibt die beim Aggregieren von stetigen Feldern zu verwendende Standardfunktion an. |
| agg_set_default | Mode First Last | Gibt die beim Aggregieren von nominalen Feldern zu verwendende Standardfunktion an. |
| agg_flag_default | TrueIfAnyTrue Mode First Last | |
| pad_range_default | Blank MeanOfRecentPoints | Gibt die beim Auffüllen von stetigen Feldern zu verwendende Standardfunktion an. |
| pad_set_default | Blank MostRecentValue | |
| pad_flag_default | Blank True False | |
| max_records_to_create | ganze Zahl | Gibt die maximale Anzahl der beim Auffüllen der Reihe zu erstellenden Datensätze an. |

Tabelle 70. Eigenschaften des Knotens "timeintervals" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens timeintervals | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------|--------------------------|
| estimation_from_beginning | boolesch | |
| estimation_to_end | boolesch | |
| estimation_start_offset | ganze Zahl | |
| estimation_num_holdouts | ganze Zahl | |
| create_future_records | boolesch | |
| num_future_records | ganze Zahl | |
| create_future_field | boolesch | |
| future_field_name | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "transpose"



Der Transponierknoten vertauscht die Daten in Zeilen und Spalten, sodass aus Datensätzen Felder und aus Feldern Datensätze werden.

Tabelle 71. Eigenschaften des Knotens "transpose".

| Eigenschaften des Knotens transpose | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------------------------|---|
| transposed_names | Prefix Read | Neue Felder können automatisch auf der Grundlage eines angegebenen Präfixes generiert oder aus einem bestehenden Feld in den Daten eingelesen werden. |
| prefix | Zeichenfolge | |
| num_new_fields | ganze Zahl | Bei Verwendung eines Präfixes wird die maximale Anzahl der zu erstellenden Felder angegeben. |
| read_from_field | Feld | Felder, aus denen Namen gelesen werden. Es muss sich um ein instanziiertes Feld handeln. Andernfalls tritt bei der Ausführung des Knotens ein Fehler auf. |
| max_num_fields | ganze Zahl | Beim Einlesen von Namen aus einem Feld wird eine Obergrenze angegeben, um das Erstellen einer übermäßig großen Anzahl von Feldern zu verhindern. |
| transpose_type | Numeric Zeichenfolge Custom | Standardmäßig werden nur stetige Felder (numerischer Bereich) transponiert, Sie können jedoch stattdessen auch ein benutzerdefiniertes Subset numerischer Felder auswählen oder alle Zeichenfolgenfelder transponieren. |
| transpose_fields | [Feld Feld Feld] | Gibt die bei Verwendung der Option Custom (Angepasst) zu transponierenden Felder an. |
| id_field_name | Feld | |

Eigenschaften des Knotens "type"



Der Typknoten gibt Feldmetadaten und Eigenschaften an. Sie können beispielsweise ein Messniveau (stetig, nominal, ordinal oder Flag) für die einzelnen Felder angeben, Optionen für den Umgang mit fehlenden Werten und systemdefinierten Nullwerten festlegen, die Rolle eines Felds zu Modellierungszwecken festlegen, Feld- und Wertbeschriftungen angeben oder die Werte für ein Feld angeben.

Beachten Sie: In einigen Fällen müssen Sie den Knoten "type" möglicherweise vollständig instanziiieren, damit die anderen Knoten ordnungsgemäß arbeiten, beispielsweise die Eigenschaft `fields from` (Felder aus) des Dichotomknotens. Sie können einfach einen Tabellenknoten anschließen und ausführen, um die Felder zu instanziiieren.

Tabelle 72. Eigenschaften des Knotens "type".

| Eigenschaften des Knotens type | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|--|--|
| direction | Input Target Both None Partition Split Frequency RecordID | Verschlüsselte Eigenschaft für Feldrollen. <i>Hinweis:</i> Die Werte Eingehend und Ausgehend werden nicht mehr verwendet. In zukünftigen Versionen fällt möglicherweise die Unterstützung dafür weg. |
| type | Range Flag Set Typeless Discrete OrderedSet Default | Messniveau des Felds (bisher als "type" bezeichnet). Wenn type auf Default gesetzt wird, werden alle Parametereinstellungen vom Typ values gelöscht, und wenn value_mode den Wert Specify besitzt, wird er auf Read gesetzt. Wird value_mode auf Pass oder Read gesetzt, hat das Einstellen von type keinerlei Auswirkung auf value_mode. <i>Hinweis:</i> Die intern verwendeten Datentypen unterscheiden sich von den im Typknoten sichtbaren Datentypen. Es ergibt sich folgende Korrespondenz: Range -> stetig Set - > nominal OrderedSet -> ordinal Discrete- > kategorial |
| storage | Unknown String Integer Real Zeit Datum Timestamp | Schreibgeschützte verschlüsselte Eigenschaft für Feldspeichertyp. |
| check | None Nullify Coerce Discard Warn Abort | Verschlüsselte Eigenschaft für das Überprüfen von Feldtyp und Bereich. |

Tabelle 72. Eigenschaften des Knotens "type" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens type | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|--|---|
| values | [Wert Wert] | Bei einem stetigen Feld ist der erste Wert das Minimum und der letzte das Maximum. Geben Sie für nominale Felder alle Werte an. Bei Flagfeldern steht der erste Wert für <i>falsch</i> und der letzte für <i>wahr</i> . Bei automatischer Festlegung dieser Eigenschaft wird die Eigenschaft <code>value_mode</code> auf <code>Specify</code> festgelegt. |
| value_mode | Read Pass Read+ Current Specify | Bestimmt, wie Werte festgelegt werden. Beachten Sie, dass Sie diese Eigenschaft nicht direkt auf Angeben festlegen können. Um bestimmte Werte zu verwenden, legen Sie die Eigenschaft <code>values</code> fest. |
| extend_values | <i>boolesch</i> | Gilt, wenn <code>value_mode</code> auf <code>Read</code> gesetzt ist. Setzen Sie den Wert auf <code>T</code> , um neu gelesene Werte zu bereits für das Feld vorhandenen Werten hinzuzufügen. Setzen Sie den Wert auf <code>F</code> , um vorhandene Werte zu verwerfen und sie durch neu gelesene Werte zu ersetzen. |
| enable_missing | <i>boolesch</i> | Bei Festlegung auf <code>T</code> wird die Verfolgung von fehlenden Werten für das Feld aktiviert. |
| missing_values | [Wert Wert ...] | Gibt Datenwerte an, die fehlende Daten kennzeichnen. |
| range_missing | <i>boolesch</i> | Gibt an, ob ein Bereich fehlender Werte (leer) für ein Feld definiert ist. |
| missing_lower | <i>Zeichenfolge</i> | Wenn <code>range_missing</code> wahr ist, gibt diese Eigenschaft die Untergrenze des Bereichs fehlender Werte an. |
| missing_upper | <i>Zeichenfolge</i> | Wenn <code>range_missing</code> wahr ist, gibt diese Eigenschaft die Obergrenze des Bereichs fehlender Werte an. |
| null_missing | <i>boolesch</i> | Bei Festlegung auf <code>T</code> werden <i>Nullen</i> (undefinierte Werte, die in der Software als <code>\$null\$</code> angezeigt werden) als fehlende Werte betrachtet. |
| whitespace_missing | <i>boolesch</i> | Bei Festlegung auf <code>T</code> werden Werte, die nur leere Bereiche enthalten (Leerzeichen, Tabulatoren und Zeilenumbrüche), als fehlende Werte betrachtet. |
| Beschreibung | <i>Zeichenfolge</i> | Gibt die Beschreibung für ein Feld an. |
| value_labels | [[{Wert Beschriftungszeichenfolge} {Wert Beschriftungszeichenfolge} ...] | Gibt Beschriftungen für Wertpaare an. |
| display_places | <i>ganze Zahl</i> | Legt die Dezimalstellen für das Feld bei der Anzeige fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp <code>REAL</code>). Der Wert <code>-1</code> verwendet den Streamstandard. |
| export_places | <i>ganze Zahl</i> | Legt die Dezimalstellen für das Feld beim Exportieren fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp <code>REAL</code>). Der Wert <code>-1</code> verwendet den Streamstandard. |

Tabelle 72. Eigenschaften des Knotens "type" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens type | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|---|---|
| decimal_separator | DEFAULT PERIOD COMMA | Legt das Dezimaltrennzeichen für das Feld fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp REAL). |
| date_format | "TTMMJJ" "MMTTJJ" "JJMMTT" "JJJJMMTT" "JJJJTTT" DAY MONTH "TT-MM-JJ" "TT-MM-JJJJ" "MM-TT-JJ" "MM-TT-JJJJ" "TT-MON-JJ" "TT-MON-JJJJ" "JJJJ-MM-TT" "TT.MM.JJ" "TT.MM.JJJJ" "MM.TT.JJ" "MM.TT.JJJJ" "TT.MON.JJ" "TT.MON.JJJJ" "TT/MM/JJ" "TT/MM/JJJJ" "MM/TT/JJ" "MM/TT/JJJJ" "TT/MON/JJ" "TT/MON/JJJJ" MON JJJJ q Q JJJJ ww WK JJJJ | Legt das Datumsformat für das Feld fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp DATE oder TIMESTAMP). |
| time_format | "HHMMSS" "HHMM" "MMSS" "HH:MM:SS" "HH:MM" "MM:SS" "(H)H:(M)M:(S)S" "(H)H:(M)M" "(M)M:(S)S" "HH.MM.SS" "HH.MM" "MM.SS" "(H)H.(M)M.(S)S" "(H)H.(M)M" "(M)M.(S)S" | Legt das Zeitformat für das Feld fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp TIME oder TIMESTAMP). |
| number_format | DEFAULT STANDARD SCIENTIFIC CURRENCY | Legt das Zahlenanzeigeformat für das Feld fest. |
| standard_places | <i>ganze Zahl</i> | Legt die Dezimalstellen für das Feld für die Anzeige im Standardformat fest. Der Wert -1 verwendet den Streamstandard. Der vorhandene Slot <code>display_places</code> ändert dies zwar auch, wird aber nicht mehr verwendet. |
| scientific_places | <i>ganze Zahl</i> | Legt die Dezimalstellen für das Feld für die Anzeige im wissenschaftlichen Format fest. Der Wert -1 verwendet den Streamstandard. |

Tabelle 72. Eigenschaften des Knotens "type" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens type | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|---|--|
| currency_places | <i>ganze Zahl</i> | Legt die Dezimalstellen für das Feld für die Anzeige im Währungsformat fest. Der Wert -1 verwendet den Streamstandard. |
| grouping_symbol | DEFAULT NONE LOCALE PERIOD COMMA SPACE | Legt das Symbol für die Zifferngruppierung für das Feld fest. |
| column_width | <i>ganze Zahl</i> | Legt die Spaltenbreite für das Feld fest. Mit dem Wert -1 wird die Spaltenbreite auf Auto (Automatisch) gesetzt. |
| justify | AUTO CENTER LEFT RIGHT | Legt die Spaltenausrichtung für das Feld fest. |

Kapitel 12. Eigenschaften von Diagrammknoten

Allgemeine Eigenschaften von Diagrammknoten

In diesem Abschnitt werden die für Diagrammknoten verfügbaren Eigenschaften, einschließlich allgemeiner Eigenschaften sowie knotenspezifischer Eigenschaften, beschrieben.

Table 73. Allgemeine Eigenschaften von Diagrammknoten.

| Allgemeine Eigenschaften von Diagrammknoten | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|--|
| title | Zeichenfolge | Gibt den Titel an. Beispiel: "Dies ist ein Titel." |
| caption | Zeichenfolge | Gibt die Titelzeile an. Beispiel: "Dies ist eine Titelzeile." |
| output_mode | Screen File | Gibt an, ob die Ausgabe des Diagrammknotens angezeigt oder in eine Datei geschrieben werden soll. |
| output_format | BMP JPEG PNG HTML output (.cou) | Gibt den Ausgabentyp an. Der zulässige Ausgabentyp ist für jeden Knoten unterschiedlich. |
| full_filename | Zeichenfolge | Gibt den Zielpfad und den Dateinamen für die vom Diagrammknoten generierten Ausgabe an. |
| use_graph_size | boolesch | Gibt an, ob die Größe des Diagramms mithilfe der unten angegebenen Eigenschaften für Breite und Höhe explizit festgelegt wird. Dies betrifft nur Diagramme, die auf dem Bildschirm ausgegeben werden. Nicht für den Verteilungsknoten verfügbar. |
| graph_width | Zahl | Wenn use_graph_size den Wert True aufweist, wird hier die Diagrammhöhe in Pixeln festgelegt. |
| graph_height | Zahl | Wenn use_graph_size den Wert True aufweist, wird hier die Diagrammhöhe in Pixeln festgelegt. |

Anmerkungen

Inaktivieren optionaler Felder. Optionale Felder, wie Überlagerungsfelder für Plots, können inaktiviert werden, indem der Eigenschaftswert auf " " (leere Zeichenfolge) gesetzt wird.

Angeben von Farben. Die Farben für Titel, Titelzeilen, Hintergründe und Beschriftungen können mit hexadezimalen Zeichenfolgen, die mit einem Hashzeichen (#) beginnen, festgelegt werden.

Die ersten beiden Stellen geben den roten Inhalt an, die mittleren Stellen legen den grünen Inhalt fest und die beiden letzten Stellen definieren den blauen Inhalt. Jede Stelle kann einen Wert im Bereich von 0-9 oder A-F annehmen. Zusammen können diese Werte eine Farbe des RGB-Farbraums (Rot, Grün, Blau) definieren.

Hinweis: Beim Angeben von Farben in Rot, Grün und Blau können Sie den richtigen Farbcode anhand des Field Choosers in der Benutzerschnittstelle festlegen. Bewegen Sie die Maus über die Farbe, um eine QuickInfo mit den gewünschten Informationen anzuzeigen.

Eigenschaften des Knotens "collection"



Der Sammlungsknoten zeigt die Verteilung der Werte für ein numerisches Feld im Verhältnis zu den Werten eines anderen an. (Er erstellt histogrammähnliche Diagramme.) Er eignet sich besonders für die Darstellung einer Variablen oder eines Felds, dessen Werte sich mit der Zeit verändern. Mithilfe eines 3-D-Diagramms können Sie außerdem eine symbolische Achse anlegen, auf der die Verteilungen nach Kategorie aufgetragen sind.

Tabelle 74. Eigenschaften des Knotens "collection".

| Eigenschaften des Knotens collection | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------------------------|--|
| over_field | Feld | |
| over_label_auto | boolesch | |
| over_label | Zeichenfolge | |
| collect_field | Feld | |
| collect_label_auto | boolesch | |
| collect_label | Zeichenfolge | |
| three_D | boolesch | |
| by_field | Feld | |
| by_label_auto | boolesch | |
| by_label | Zeichenfolge | |
| operation | Sum Mean Min Max SDev | |
| color_field | Zeichenfolge | |
| panel_field | Zeichenfolge | |
| animation_field | Zeichenfolge | |
| range_mode | Automatic UserDefined | |
| range_min | Zahl | |
| range_max | Zahl | |
| bins | ByNumber ByWidth | |
| num_bins | Zahl | |
| bin_width | Zahl | |
| use_grid | boolesch | |
| graph_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |
| page_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |

Eigenschaften des Knotens "distribution"



Der Verteilungsknoten zeigt das Auftreten symbolischer (kategorialer) Werte wie beispielsweise Hypothekenart oder Geschlecht. Verteilungsknoten eignen sich insbesondere zum Aufzeigen von Unausgewogenheiten in den Daten, die mithilfe eines Balancierungsknotens vor dem Erstellen eines Modells ausgeglichen werden können.

Tabelle 75. Eigenschaften des Knotens "distribution".

| Eigenschaften des Knotens distribution | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------------------------|--------------------------|
| plot | SelectedFields Flags | |
| x_field | Feld | |
| color_field | Feld | Überlagerungsfeld |
| normalize | boolesch | |
| sort_mode | ByOccurrence Alphabetic | |
| use_proportional_scale | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "evaluation"



Der Evaluierungsknoten erleichtert die Evaluation und den Vergleich von Vorhersagemodellen. Das Evaluierungsdiagramm zeigt, wie gut Modelle bestimmte Ergebnisse vorhersagen. Die Datensätze werden auf der Grundlage des vorhergesagten Werts und des Konfidenzwerts für die Vorhersage sortiert. Die Datensätze werden in gleich große Gruppen (**Quantile**) aufgeteilt. Anschließend wird der Wert des Geschäftskriteriums für jedes Quantil geplottet, vom höchsten Wert bis zum niedrigsten Wert. Mehrere Modelle werden als separate Linien im Plot dargestellt.

Tabelle 76. Eigenschaften des Knotens "evaluation".

| Eigenschaften des Knotens evaluation | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|--------------------------|
| chart_type | Gains Response Lift Profit ROI ROC | |
| inc_baseline | boolesch | |
| field_detection_method | Metadata Name | |
| use_fixed_cost | boolesch | |
| cost_value | Zahl | |
| cost_field | Zeichenfolge | |
| use_fixed_revenue | boolesch | |
| revenue_value | Zahl | |
| revenue_field | Zeichenfolge | |
| use_fixed_weight | boolesch | |
| weight_value | Zahl | |

Tabelle 76. Eigenschaften des Knotens "evaluation" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens evaluation | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--|--------------------------|
| weight_field | Feld | |
| n_tile | Quartiles Quintiles Deciles Vingtiles Percentiles 1000-tiles | |
| cumulative | Flag | |
| style | Line Point | |
| point_type | Rectangle Dot Triangle Hexagon Plus Pentagon Star BowTie HorizontalDash VerticalDash IronCross Factory House Cathedral OnionDome ConcaveTriangle OblateGlobe CatEye FourSidedPillow RoundRectangle Fan | |
| export_data | boolesch | |
| data_filename | Zeichenfolge | |
| delimiter | Zeichenfolge | |
| new_line | boolesch | |
| inc_field_names | boolesch | |
| inc_best_line | boolesch | |
| inc_business_rule | boolesch | |
| business_rule_condition | Zeichenfolge | |
| plot_score_fields | boolesch | |
| score_fields | [Feld1 ... FeldN] | |
| target_field | Feld | |
| use_hit_condition | boolesch | |
| hit_condition | Zeichenfolge | |
| use_score_expression | boolesch | |
| score_expression | Zeichenfolge | |
| caption_auto | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "graphboard"



Der Diagrammtafelknoten bietet viele verschiedene Diagrammtypen in einem einzigen Knoten. Bei Verwendung dieses Knotens können Sie die Datenfelder auswählen, die Sie untersuchen möchten, und anschließend eines der für die ausgewählten Daten verfügbaren Diagramme auswählen. Der Knoten filtert automatisch alle Diagrammtypen heraus, die nicht für die Feldauswahl geeignet sind.

Hinweis: Wenn Sie eine Eigenschaft festlegen, die für den Diagrammtyp ungültig ist (z. B. ein `y_field` für ein Histogramm), wird diese Eigenschaft ignoriert.

Tabelle 77. Eigenschaften des Knotens "graphboard".

| Eigenschaften des Knotens graphboard | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|---|--|
| graph_type | 2DDotplot 3DArea 3DBar 3DDensity 3DHistogram 3DPie 3DScatterplot Area ArrowMap Bar BarCounts BarCountsMap BarMap BinnedScatter Boxplot Bubble ChoroplethMeans ChoroplethMedians ChoroplethSums ChoroplethValues ChoroplethCounts CoordinateMap CoordinateChoroplethMeans CoordinateChoroplethMedians CoordinateChoroplethSums CoordinateChoroplethValues CoordinateChoroplethCounts Dotplot Heatmap HexBinScatter Histogram Line LineChartMap LineOverlayMap Parallel Path Pie PieCountMap PieCounts PieMap PointOverlayMap PolygonOverlayMap Ribbon Scatterplot SPL0M Surface | Identifiziert den Diagrammtyp. |
| x_field | <i>Feld</i> | Legt eine benutzerdefinierte Beschriftung für die x -Achse fest. Nur für Beschriftungen verfügbar. |
| y_field | <i>Feld</i> | Legt eine benutzerdefinierte Beschriftung für die y -Achse fest. Nur für Beschriftungen verfügbar. |
| z_field | <i>Feld</i> | In einigen 3-D-Diagrammen verwendet. |
| color_field | <i>Feld</i> | In Heat-Maps verwendet. |

Tabelle 77. Eigenschaften des Knotens "graphboard" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens graphboard | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--------------|--|
| size_field | Feld | In Blasendiagrammen verwendet. |
| categories_field | Feld | |
| values_field | Feld | |
| rows_field | Feld | |
| columns_field | Feld | |
| fields | Feld | |
| start_longitude_field | Feld | Bei Pfeilen auf einer Referenzkarte verwendet. |
| end_longitude_field | Feld | |
| start_latitude_field | Feld | |
| end_latitude_field | Feld | |
| data_key_field | Feld | In verschiedenen Karten verwendet. |
| panelrow_field | Zeichenfolge | |
| panelcol_field | Zeichenfolge | |
| animation_field | Zeichenfolge | |
| longitude_field | Feld | Bei Koordinaten in Karten verwendet. |
| latitude_field | Feld | |
| map_color_field | Feld | |
| | | |

Eigenschaften des Knotens "histogram"



Der Histogrammknoten zeigt das Auftreten bestimmter Werte in numerischen Feldern. Damit werden häufig die Daten vor der weiteren Bearbeitung und der Modellerstellung untersucht. Ähnlich wie der Verteilungsknoten kann der Histogrammknoten oft Unausgewogenheiten in den Daten aufdecken.

Tabelle 78. Eigenschaften des Knotens "histogram".

| Eigenschaften des Knotens histogram | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--------------------------|--------------------------|
| field | Feld | |
| color_field | Feld | |
| panel_field | Feld | |
| animation_field | Feld | |
| range_mode | Automatic UserDefined | |
| range_min | Zahl | |
| range_max | Zahl | |
| bins | ByNumber ByWidth | |
| num_bins | Zahl | |
| bin_width | Zahl | |
| normalize | boolesch | |

Tabelle 78. Eigenschaften des Knotens "histogram" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens histogram | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------|--|
| separate_bands | boolesch | |
| x_label_auto | boolesch | |
| x_label | Zeichenfolge | |
| y_label_auto | boolesch | |
| y_label | Zeichenfolge | |
| use_grid | boolesch | |
| graph_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |
| page_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |
| normal_curve | boolesch | Gibt an, ob die Normalverteilungskurve in der Ausgabe angezeigt werden soll. |

Eigenschaften des Knotens "multiplot"



Ein Multiplot erstellt ein Plot, bei dem mehrere Y-Felder über einem einzelnen X-Feld dargestellt werden. Die Y-Felder werden als farbige Linien geplottet, die jeweils einem Plotknoten mit dem Stil **Linie** und dem X-Modus **Sortieren** entsprechen. Multiplots sind hilfreich, wenn die Fluktuation mehrerer Variablen im Laufe der Zeit untersucht werden soll.

Tabelle 79. Eigenschaften des Knotens "multiplot".

| Eigenschaften des Knotens multiplot | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-----------------------------------|--|
| x_field | Feld | |
| y_fields | [Feld Feld Feld] | |
| panel_field | Feld | |
| animation_field | Feld | |
| normalize | boolesch | |
| use_overlay_expr | boolesch | |
| overlay_expression | Zeichenfolge | |
| records_limit | Zahl | |
| if_over_limit | PlotBins PlotSample PlotAll | |
| x_label_auto | boolesch | |
| x_label | Zeichenfolge | |
| y_label_auto | boolesch | |
| y_label | Zeichenfolge | |
| use_grid | boolesch | |
| graph_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |
| page_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |

Eigenschaften des Knotens "plot"



Der Plotknoten zeigt die Beziehung zwischen numerischen Feldern an. Sie können einen Plot mithilfe von Punkten (Streudiagramm) oder mit Linien erstellen.

Tabelle 80. Eigenschaften des Knotens "plot".

| Eigenschaften des Knotens plot | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|------------------------------|---|
| x_field | Feld | Legt eine benutzerdefinierte Beschriftung für die x-Achse fest. Nur für Beschriftungen verfügbar. |
| y_field | Feld | Legt eine benutzerdefinierte Beschriftung für die y-Achse fest. Nur für Beschriftungen verfügbar. |
| three_D | boolesch | Legt eine benutzerdefinierte Beschriftung für die y-Achse fest. Nur für Beschriftungen in 3-D-Diagrammen verfügbar. |
| z_field | Feld | |
| color_field | Feld | Überlagerungsfeld |
| size_field | Feld | |
| shape_field | Feld | |
| panel_field | Feld | Gibt ein nominales oder Flagfeld an, mit dem je ein separates Diagramm für jede Kategorie angelegt werden soll. Die Diagramme werden gemeinsam in einem Ausgabefenster dargestellt. |
| animation_field | Feld | Gibt ein nominales oder Flagfeld an, mit dem die Kategorien für die Datenwerte in Form einer Reihe von Diagrammen dargestellt werden, die nacheinander als Animation angezeigt werden. |
| transp_field | Feld | Gibt ein Feld an, mit dem die Kategorien für die Datenwerte in Form von verschiedenen Transparenzebenen für die einzelnen Kategorien dargestellt werden. Für Liniendiagramme nicht verfügbar. |
| overlay_type | None Smoother Function | Gibt an, ob eine Überlagerungsfunktion oder ein LOESS-Smoother angezeigt werden soll. |
| overlay_expression | Zeichenfolge | Gibt den Ausdruck an, der verwendet werden soll, wenn overlay_type auf Function gesetzt ist. |
| style | Point Line | |

Tabelle 80. Eigenschaften des Knotens "plot" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens plot | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|--|--|
| point_type | Rectangle Dot Triangle Hexagon Plus Pentagon Star BowTie HorizontalDash VerticalDash IronCross Factory House Cathedral OnionDome ConcaveTriangle OblateGlobe CatEye FourSidedPillow RoundRectangle Fan | |
| x_mode | Sort Overlay AsRead | |
| x_range_mode | Automatic UserDefined | |
| x_range_min | Zahl | |
| x_range_max | Zahl | |
| y_range_mode | Automatic UserDefined | |
| y_range_min | Zahl | |
| y_range_max | Zahl | |
| z_range_mode | Automatic UserDefined | |
| z_range_min | Zahl | |
| z_range_max | Zahl | |
| Streuen | boolesch | |
| records_limit | Zahl | |
| if_over_limit | PlotBins PlotSample PlotAll | |
| x_label_auto | boolesch | |
| x_label | Zeichenfolge | |
| y_label_auto | boolesch | |
| y_label | Zeichenfolge | |
| z_label_auto | boolesch | |
| z_label | Zeichenfolge | |
| use_grid | boolesch | |
| graph_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |

Tabelle 80. Eigenschaften des Knotens "plot" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens plot | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|----------|--|
| page_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |
| use_overlay_expr | boolesch | Wird zugunsten von overlay_type nicht mehr verwendet. |

Eigenschaften des Knotens "timeplot"



Der Zeitdiagrammknoten zeigt ein oder mehrere Sets mit Zeitreihendaten an. Normalerweise wird zuerst mithilfe eines Zeitintervallknotens ein *TimeLabel*-Feld erstellt, das dann zur Beschriftung der *x*-Achse verwendet wird.

Tabelle 81. Eigenschaften des Knotens "timeplot".

| Eigenschaften des Knotens timeplot | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--|--|
| plot_series | Series Models | |
| use_custom_x_field | boolesch | |
| x_field | Feld | |
| y_fields | [Feld Feld Feld] | |
| panel | boolesch | |
| normalize | boolesch | |
| line | boolesch | |
| points | boolesch | |
| point_type | Rectangle Dot Triangle Hexagon Plus Pentagon Star BowTie HorizontalDash VerticalDash IronCross Factory House Cathedral OnionDome ConcaveTriangle OblateGlobe CatEye FourSidedPillow RoundRectangle Fan | |
| smoother | boolesch | Sie können nur dann Glättungselemente zum Plot hinzufügen, wenn Sie panel auf True setzen. |
| use_records_limit | boolesch | |
| records_limit | ganze Zahl | |
| symbol_size | Zahl | Gibt eine Symbolgröße an. |

Tabelle 81. Eigenschaften des Knotens "timeplot" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens timeplot | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|------------------------|--------------------------|
| panel_layout | Horizontal Vertical | |

Eigenschaften des Knotens "web"



Der Netzdiagrammknoten zeigt die Stärke der Beziehung zwischen den Werten aus mindestens zwei symbolischen (kategorialen) Feldern. Im Diagramm wird die Verbindungsstärke durch unterschiedlich breite Linien angezeigt. Mit Netzdiagrammknoten können Sie beispielsweise die Beziehung zwischen dem Kauf einer Gruppe von Artikeln auf einer e-Commerce-Website untersuchen.

Tabelle 82. Eigenschaften des Knotens "web".

| Eigenschaften des Knotens web | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------|---|--|
| use_directed_web | boolesch | |
| fields | [Feld Feld Feld] | |
| to_field | Feld | |
| from_fields | [Feld Feld Feld] | |
| true_flags_only | boolesch | |
| line_values | Absolute OverallPct PctLarger PctSmaller | |
| strong_links_heavier | boolesch | |
| num_links | ShowMaximum ShowLinksAbove ShowAll | |
| max_num_links | Zahl | |
| links_above | Zahl | |
| discard_links_min | boolesch | |
| links_min_records | Zahl | |
| discard_links_max | boolesch | |
| links_max_records | Zahl | |
| weak_below | Zahl | |
| strong_above | Zahl | |
| link_size_continuous | boolesch | |
| web_display | Circular Network Directed Grid | |
| graph_background | Farbe | Die Standardfarben für Diagramme werden am Anfang dieses Abschnitts beschrieben. |
| symbol_size | Zahl | Gibt eine Symbolgröße an. |

Kapitel 13. Eigenschaften von Modellierungsknoten

Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten

Folgende Eigenschaften haben einige oder alle Modellierungsknoten gemeinsam. Etwaige Ausnahmen sind in der Dokumentation für die einzelnen Modellierungsknoten angegeben.

Tabelle 83. Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten.

| Eigenschaft | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------|---|--|
| custom_fields | <i>boolesch</i> | Bei "true" (wahr) können Sie Ziel-, Eingabe- und andere Felder für den aktuellen Knoten angeben. Bei "false" (falsch) werden die aktuellen Einstellungen aus einem vorausgehenden Typknoten verwendet. |
| target ODER targets | <i>Feld</i> ODER [<i>Feld1 ... FeldN</i>] | Gibt je nach Modelltyp ein einzelnes Zielfeld oder mehrere Zielfelder an. |
| inputs | [<i>Feld1 ... FeldN</i>] | Im Modell verwendete Eingabe- bzw. Prädiktorfelder. |
| partition | <i>Feld</i> | |
| use_partitioned_data | <i>boolesch</i> | Wenn ein Partitionsfeld definiert ist, gewährleistet diese Option, dass nur Daten aus der Trainingspartition für die Modellerstellung verwendet werden. |
| use_split_data | <i>boolesch</i> | |
| splits | [<i>Feld1 ... FeldN</i>] | Gibt das Feld bzw. die Felder für die Aufteilungsmodellierung an. Nur wirksam, wenn <i>use_split_data</i> auf True gesetzt ist. |
| use_frequency | <i>boolesch</i> | Gewichtungs- und Häufigkeitsfelder werden von bestimmten Modellen je nach Angabe für die einzelnen Modelltypen verwendet. |
| frequency_field | <i>Feld</i> | |
| use_weight | <i>boolesch</i> | |
| weight_field | <i>Feld</i> | |
| use_model_name | <i>boolesch</i> | |
| model_name | <i>Zeichenfolge</i> | Benutzerdefinierter Name für neues Modell. |
| mode | Simple Expert | |

Eigenschaften des Knotens "anomalydetection"



Der Anomalieerkennungsknoten ermittelt ungewöhnliche Fälle bzw. "Ausreißer", die nicht den Mustern der "normalen" Daten entsprechen. Mit diesem Knoten können Ausreißer ermittelt werden, selbst wenn sie keinem bereits bekannten Muster entsprechen und selbst wenn Sie nicht genau wissen, wonach Sie suchen.

Tabella 84. Eigenschaften des Knotens "anomalydetection".

| Eigenschaften des Knotens anomalydetection | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|--|
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | Anomalieerkennungsmodelle führen ein Screening von Datensätzen auf der Grundlage der angegebenen Eingabefelder durch. Sie verwenden kein Zielfeld. Gewichtung- und Häufigkeitsfelder werden ebenfalls nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| mode | Expert Simple | |
| anomaly_method | IndexLevel PerRecords NumRecords | Gibt die Methode für die Bestimmung des Trennwerts zur Kennzeichnung von Datensätzen als anomal an. |
| index_level | Zahl | Gibt den minimalen Trennwert für die Kennzeichnung von Anomalien an. |
| percent_records | Zahl | Legt den Schwellenwert für die Kennzeichnung von Datensätzen auf der Grundlage des Prozentsatzes der Datensätze in den Trainingsdaten fest. |
| num_records | Zahl | Legt den Schwellenwert für die Kennzeichnung von Datensätzen auf der Grundlage der Anzahl der Datensätze in den Trainingsdaten fest. |
| num_fields | ganze Zahl | Die Anzahl der für die einzelnen anomalen Datensätze zu meldenden Felder. |
| impute_missing_values | boolesch | |
| adjustment_coeff | Zahl | Wert, der zum Balancieren der relativen Gewichtung verwendet wird, das den stetigen und den kategorialen Feldern bei der Berechnung der Distanz zugewiesen wird. |
| peer_group_num_auto | boolesch | Berechnet automatisch die Anzahl der Peergruppen. |
| min_num_peer_groups | ganze Zahl | Gibt an, wie viele Peergruppen mindestens verwendet werden, wenn peer_group_num_auto auf True gesetzt ist. |
| max_num_per_groups | ganze Zahl | Gibt die maximale Anzahl an Peergruppen an. |
| num_peer_groups | ganze Zahl | Gibt an, wie viele Peergruppen verwendet werden, wenn peer_group_num_auto auf False gesetzt ist. |
| noise_level | Zahl | Bestimmt, wie Ausreißer bei der Clusterbildung behandelt werden. Geben Sie einen Wert zwischen 0 und 0,5 an. |
| noise_ratio | Zahl | Gibt an, welcher Anteil des der Komponente zugeordneten Arbeitsspeichers für die Rausch-Pufferung verwendet werden soll. Geben Sie einen Wert zwischen 0 und 0,5 an. |

Eigenschaften des Knotens "apriori"



Der Apriori-Knoten extrahiert ein Regelset aus den Daten und daraus die Regeln mit dem höchsten Informationsgehalt. Apriori bietet fünf verschiedene Methoden zur Auswahl von Regeln und verwendet ein ausgereiftes Indizierungsschema zur effizienten Verarbeitung großer Datasets. Bei großen Problemen ist Apriori in der Regel schneller zu trainieren, es gibt keine willkürliche Begrenzung für die Anzahl der Regeln, die beibehalten werden können, und es können Regeln mit bis zu 32 Vorbedingungen verarbeitet werden. Bei Apriori müssen alle Ein- und Ausgabefelder kategorial sein; dafür bietet es jedoch eine bessere Leistung, da es für diesen Datentyp optimiert ist.

Tabelle 85. Eigenschaften des Knotens "apriori".

| Eigenschaften des Knotens apriori | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--|--|
| consequents | <i>Feld</i> | Apriori-Modelle verwenden anstelle von standardmäßigen Ziel- und Eingabefeldern Sukzedenzen bzw. Antezedenzen. Gewichtung- und Häufigkeitsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| antecedents | [<i>Feld1 ... FeldN</i>] | |
| min_supp | <i>Zahl</i> | |
| min_conf | <i>Zahl</i> | |
| max_antecedents | <i>Zahl</i> | |
| true_flags | <i>boolesch</i> | |
| optimize | Speed Memory | |
| use_transactional_data | <i>boolesch</i> | |
| contiguous | <i>boolesch</i> | |
| id_field | <i>Zeichenfolge</i> | |
| content_field | <i>Zeichenfolge</i> | |
| mode | Simple Expert | |
| evaluation | RuleConfidence DifferenceToPrior ConfidenceRatio InformationDifference NormalizedChiSquare | |
| lower_bound | <i>Zahl</i> | |
| optimize | Speed Memory | Dient zur Angabe, ob die Modellerstellung in Bezug auf die Geschwindigkeit oder den Speicher optimiert werden soll. |

Eigenschaften des Knotens "autoclassifier"



Mit dem Knoten "Autom. Klassifikationsmerkmal" können Sie eine Reihe verschiedener Modelle für binäre Ergebnisse ("Ja" oder "Nein", "Abwanderung" oder "Keine Abwanderung" usw.) erstellen und vergleichen, um den besten Ansatz für die jeweilige Analyse auszuwählen. Es wird eine Reihe von Modellierungsalgorithmen unterstützt, sodass Sie die gewünschten Methoden, die spezifischen Optionen für die jeweilige Methode und die Kriterien zum Vergleich der Ergebnisse auswählen können. Der Knoten generiert eine Gruppe von Modellen, die auf den angegebenen Optionen beruhen, und erstellt anhand der von Ihnen angegebenen Kriterien eine Rangordnung der besten Kandidaten.

Tabelle 86. Eigenschaften des Knotens "autoclassifier".

| Eigenschaften des Knotens autoclassifier | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|---|
| target | Feld | Für Flagziele verlangt der Knoten "Automatisches Klassifikationsmerkmal" ein einzelnes Ziel und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem können Gewichtungsfelder und Häufigkeitsfelder angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| ranking_measure | Accuracy Area_under_curve Profit Lift Num_variables | |
| ranking_dataset | Training Test | |
| number_of_models | ganze Zahl | Anzahl der Modelle, die in das Modellnugget aufgenommen werden sollen. Geben Sie eine ganze Zahl zwischen 1 und 100 an. |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| enable_accuracy_limit | boolesch | |
| accuracy_limit | ganze Zahl | Ganze Zahl zwischen 0 und 100. |
| enable_area_under_curve_limit | boolesch | |
| area_under_curve_limit | Zahl | Reelle Zahl zwischen 0,0 und 1,0. |
| enable_profit_limit | boolesch | |
| profit_limit | Zahl | Ganze Zahl größer als 0. |
| enable_lift_limit | boolesch | |
| lift_limit | Zahl | Reelle Zahl größer als 1,0. |
| enable_number_of_variables_limit | boolesch | |
| number_of_variables_limit | Zahl | Ganze Zahl größer als 0. |
| use_fixed_cost | boolesch | |
| fixed_cost | Zahl | Reelle Zahl größer 0,0. |
| variable_cost | Feld | |
| use_fixed_revenue | boolesch | |
| fixed_revenue | Zahl | Reelle Zahl größer 0,0. |

Tabelle 86. Eigenschaften des Knotens "autoclassifier" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens autoclassifier | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------|--|
| variable_revenue | Feld | |
| use_fixed_weight | boolesch | |
| fixed_weight | Zahl | Reelle Zahl größer als 0,0 |
| variable_weight | Feld | |
| lift_percentile | Zahl | Ganze Zahl zwischen 0 und 100. |
| enable_model_build_time_limit | boolesch | |
| model_build_time_limit | Zahl | Ganze Zahl für die Anzahl der Minuten, die maximal für die Erstellung jedes einzelnen Modells aufgewendet werden. |
| enable_stop_after_time_limit | boolesch | |
| stop_after_time_limit | Zahl | Reelle Zahl für die Anzahl der Stunden, die als Obergrenze für die insgesamt verstrichene Zeit für den Durchlauf eines automatischen Klassifikationsmerkmals verwendet wird. |
| enable_stop_after_valid_model_produced | boolesch | |
| use_costs | boolesch | |
| <Algorithmus> | boolesch | Aktiviert oder inaktiviert die Verwendung eines bestimmten Algorithmus. |
| <Algorithmus>.<Eigenschaft> | Zeichenfolge | Legt einen Eigenschaftswert für einen bestimmten Algorithmus fest. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Festlegen der Algorithmeigenschaften“. |

Festlegen der Algorithmeigenschaften

Die Algorithmusnamen für den Knoten "Automatisches Klassifikationsmerkmal" lauten cart, chaid, quest, c50, logreg, decisionlist, bayesnet, discriminant, svm und knn.

Die Algorithmusnamen für den Knoten "Auto-Numerisch" lauten cart, chaid, neuralnetwork, genlin, svm, regression, linear und knn.

Algorithmusnamen für den Knoten "Autom. Cluster" sind twostep, k-means und kohonen.

Für die Eigenschaftsnamen wird der jeweils für den Algorithmusknoten dokumentierte Standard verwendet.

Algorithmeigenschaften, die Punkte oder andere Satzzeichen enthalten, müssen in einzelne Anführungsstriche eingebettet sein.

Als Eigenschaft können auch mehrere Werte zugewiesen werden.

Anmerkungen:

- Bei der Angabe der Werte true und false müssen Kleinbuchstaben verwendet werden (also nicht False).

- In Fällen, in denen bestimmte Algorithmusoptionen nicht im Knoten "Automatisches Klassifikationsmerkmal" verfügbar sind oder in denen nur ein einzelner Wert und kein Wertebereich angegeben werden kann, gelten dieselben Einschränkungen bei der Scripterstellung wie beim standardmäßigen Zugriff auf den Knoten.

Eigenschaften des Knotens "autocluster"



Mit dem Knoten "Autom. Cluster" können Sie Clustering-Modelle, die Gruppen und Datensätze mit ähnlichen Merkmalen identifizieren, schätzen und vergleichen. Die Funktionsweise des Knotens gleicht der von anderen Knoten für automatisierte Modellierung, und Sie können in einem einzigen Modellierungsdurchgang mit mehreren Optionskombinationen experimentieren. Modelle können mithilfe grundlegender Messwerte für Filterung und Rangfolge der Nützlichkeit von Clustermodellen verglichen werden, um ein Maß auf der Basis der Wichtigkeit von bestimmten Feldern zu liefern.

Tabelle 87. Eigenschaften des Knotens "autocluster".

| Eigenschaften des Knotens autocluster | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|--|
| evaluation | Feld | <i>Hinweis:</i> Nur Knoten "Autom. Cluster". Kennzeichnet das Feld, für das ein Wichtigkeitswert berechnet wird. Kann auch verwendet werden, um festzustellen, wie gut das Cluster den Wert dieses Felds differenziert, also wie gut das Modell den Wert für dieses Feld vorhersagen kann. |
| ranking_measure | Silhouette Num_clusters Size_smallest_cluster Size_largest_cluster Smallest_to_largest Importance | |
| ranking_dataset | Training Test | |
| summary_limit | ganze Zahl | Anzahl der im Bericht aufzuführenden Modelle. Geben Sie eine ganze Zahl zwischen 1 und 100 an. |
| enable_silhouette_limit | boolesch | |
| silhouette_limit | ganze Zahl | Ganze Zahl zwischen 0 und 100. |
| enable_number_less_limit | boolesch | |
| number_less_limit | Zahl | Reelle Zahl zwischen 0,0 und 1,0. |
| enable_number_greater_limit | boolesch | |
| number_greater_limit | Zahl | Ganze Zahl größer als 0. |
| enable_smallest_cluster_limit | boolesch | |
| smallest_cluster_units | Percentage Counts | |
| smallest_cluster_limit_percentage | Zahl | |
| smallest_cluster_limit_count | ganze Zahl | Ganze Zahl größer als 0. |
| enable_largest_cluster_limit | boolesch | |
| largest_cluster_units | Percentage Counts | |
| largest_cluster_limit_percentage | Zahl | |

Tabelle 87. Eigenschaften des Knotens "autocluster" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens autocluster | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------|--|
| largest_cluster_limit_count | ganze Zahl | |
| enable_smallest_largest_limit | boolesch | |
| smallest_largest_limit | Zahl | |
| enable_importance_limit | boolesch | |
| importance_limit_condition | Greater_than Less_than | |
| importance_limit_greater_than | Zahl | Ganze Zahl zwischen 0 und 100. |
| importance_limit_less_than | Zahl | Ganze Zahl zwischen 0 und 100. |
| <Algorithmus> | boolesch | Aktiviert oder inaktiviert die Verwendung eines bestimmten Algorithmus. |
| <Algorithmus>.<Eigenschaft> | Zeichenfolge | Legt einen Eigenschaftswert für einen bestimmten Algorithmus fest. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Festlegen der Algorithmeigenschaften“ auf Seite 137. |

Eigenschaften des Knotens "autonumeric"



Der Knoten "Auto-Numerisch" schätzt und vergleicht mit einer Reihe verschiedener Methoden Modelle für die Ergebnisse stetiger numerischer Bereiche. Der Knoten arbeitet auf dieselbe Weise wie der Knoten "Automatisches Klassifikationsmerkmal": Sie können die zu verwendenden Algorithmen auswählen und in einem Modellierungsdurchlauf mit mehreren Optionskombinationen experimentieren. Folgende Algorithmen werden unterstützt: C&RT-Baum, CHAID, lineare Regression, verallgemeinerte lineare Regression und Support Vector Machines (SVM). Modelle können anhand von Korrelation, relativem Fehler bzw. Anzahl der verwendeten Variablen verglichen werden.

Tabelle 88. Eigenschaften des Knotens "autonumeric".

| Eigenschaften des Knotens autonumeric | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------------|--|
| custom_fields | boolesch | Bei "True" (Wahr) werden anstelle der Typknoteneinstellungen Einstellungen aus benutzerdefinierten Feldern verwendet. |
| target | Feld | Für den Knoten "Auto-Numerisch" sind ein einzelnes Ziel und eines oder mehrere Eingabefelder erforderlich. Außerdem können Gewichtung- und Häufigkeitsfelder angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| inputs | [Feld1 ... Feld2] | |
| partition | Feld | |
| use_frequency | boolesch | |
| frequency_field | Feld | |
| use_weight | boolesch | |

Tabelle 88. Eigenschaften des Knotens "autonumeric" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens autonumeric | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|-------------------------------|--|
| weight_field | Feld | |
| use_partitioned_data | boolesch | Wenn ein Partitionsfeld definiert ist, werden nur die Trainingsdaten für die Modellerstellung verwendet. |
| ranking_measure | Correlation NumberOfFields | |
| ranking_dataset | Test Training | |
| number_of_models | ganze Zahl | Anzahl der Modelle, die in das Modellnugget aufgenommen werden sollen. Geben Sie eine ganze Zahl zwischen 1 und 100 an. |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| enable_correlation_limit | boolesch | |
| correlation_limit | ganze Zahl | |
| enable_number_of_fields_limit | boolesch | |
| number_of_fields_limit | ganze Zahl | |
| enable_relative_error_limit | boolesch | |
| relative_error_limit | ganze Zahl | |
| enable_model_build_time_limit | boolesch | |
| model_build_time_limit | ganze Zahl | |
| enable_stop_after_time_limit | boolesch | |
| stop_after_time_limit | ganze Zahl | |
| stop_if_valid_model | boolesch | |
| <Algorithmus> | boolesch | Aktiviert oder inaktiviert die Verwendung eines bestimmten Algorithmus. |
| <Algorithmus>.<Eigenschaft> | Zeichenfolge | Legt einen Eigenschaftswert für einen bestimmten Algorithmus fest. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Festlegen der Algorithmeigenschaften“ auf Seite 137. |

Eigenschaften des Knotens "bayesnet"



Mithilfe des Bayes-Netzknötens können Sie ein Wahrscheinlichkeitsmodell erstellen, indem Sie beobachtete und aufgezeichnete Hinweise mit Weltwissen kombinieren, um die Wahrscheinlichkeit ihres Vorkommens zu ermitteln. Der Knoten ist speziell für Netze vom Typ "Tree Augmented Naïve Bayes" (TAN) und "Markov-Decke" gedacht, die in erster Linie zur Klassifizierung verwendet werden.

Tabelle 89. Eigenschaften des Knotens "bayesnet".

| Eigenschaften des Knotens bayesnet | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|-----------------------|---|
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | Bayes-Netzmodelle verwenden ein einzelnes Zielfeld und eines oder mehrere Eingabefelder. Stetige Felder werden automatisch klassiert. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| continue_training_existing_model | boolesch | |
| structure_type | TAN MarkovBlanket | Dient zur Auswahl der beim Erstellen des Bayes-Netzes zu verwendenden Struktur. |
| use_feature_selection | boolesch | |
| parameter_learning_method | Likelihood Bayes | Gibt die Methode an, die zur Schätzung der Tabellen zur bedingten Wahrscheinlichkeit zwischen Knoten verwendet wird, wenn die Werte der übergeordneten Elemente bekannt sind. |
| mode | Expert Simple | |
| missing_values | boolesch | |
| all_probabilities | boolesch | |
| independence | Likelihood Pearson | Gibt die Methode an, die zur Einschätzung verwendet wird, ob paarige Beobachtungen bei zwei Variablen voneinander unabhängig sind. |
| significance_level | Zahl | Gibt den Trennwert für die Bestimmung der Unabhängigkeit an. |
| maximal_conditioning_set | Zahl | Legt die Maximalzahl der für die Unabhängigkeitstests zu verwendenden Konditionierungsvariablen fest. |
| inputs_always_selected | [Feld1 ... FeldN] | Gibt an, welche Felder aus dem Dataset immer beim Erstellen des Bayes-Netzes verwendet werden. <i>Hinweis:</i> Das Zielfeld ist immer ausgewählt. |
| maximum_number_inputs | Zahl | Gibt die maximale Anzahl an Eingabefeldern an, die beim Erstellen des Bayes-Netzes verwendet werden sollen. |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "buildr"



Der R-Erstellungsknoten ermöglicht es Ihnen, ein benutzerdefiniertes R-Script einzugeben, um die Modellerstellung und das Modellscoring, die in IBM SPSS Modeler implementiert sind, auszuführen.

Tabelle 90. Eigenschaften von "buildr".

| Eigenschaften des Knotens buildr | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|------------------------------------|--|
| build_syntax | Zeichenfolge | R-Scriptsyntax für die Modellerstellung. |
| score_syntax | Zeichenfolge | R-Scriptsyntax für das Modellscoring. |
| convert_flags | StringsAndDoubles LogicalValues | Option zum Konvertieren von Flagfeldern. |
| convert_datetime | boolesch | Option zum Konvertieren von Variablen mit Datums- oder Datums-/Zeitformaten in R-Datums-/Zeitformate. |
| convert_datetime_class | POSIXct POSIXlt | Optionen, die angeben, in welches Format Variablen mit Datums- oder Datums-/Zeitformaten konvertiert werden. |
| convert_missing | boolesch | Option zum Konvertieren fehlender Werte in R-Werte "NA". |
| output_html | boolesch | Option für die Anzeige von Diagrammrn im R-Modellnugget. |
| output_text | boolesch | Option zum Schreiben von R-Konsolentext auf eine Registerkarte des R-Modellnuggets. |

Eigenschaften des Knotens "c50"



Der C5.0-Knoten erstellt entweder einen Entscheidungsbaum oder ein Regelset. Das Modell teilt die Stichprobe auf der Basis des Felds auf, das auf der jeweiligen Ebene den maximalen Informationsgewinn liefert. Das Zielfeld muss kategorial sein. Es sind mehrere Aufteilungen in mehr als zwei Untergruppen zulässig.

Tabelle 91. Eigenschaften des Knotens "c50".

| Eigenschaften des Knotens c50 | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------|-------------------------|--|
| target | Feld | C50-Modelle verwenden ein einzelnes Zielfeld und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem kann ein Gewichtungsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| output_type | DecisionTree RuleSet | |
| group_symbolics | boolesch | |
| use_boost | boolesch | |
| boost_num_trials | Zahl | |
| use_xval | boolesch | |

Tabelle 91. Eigenschaften des Knotens "c50" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens c50 | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|------------------------|--|
| xval_num_folds | Zahl | |
| mode | Simple Expert | |
| favor | Accuracy Generality | Genauigkeit oder Allgemeingültigkeit werden vorselektiert. |
| expected_noise | Zahl | |
| min_child_records | Zahl | |
| pruning_severity | Zahl | |
| use_costs | boolesch | |
| costs | strukturiert | Hierbei handelt es sich um eine strukturierte Eigenschaft. |
| use_winning | boolesch | |
| use_global_pruning | boolesch | Standardmäßig auf True gesetzt. |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "carma"



Beim CARMA-Modell wird ein Regelset aus den Daten extrahiert, ohne dass Sie Eingabe- oder Zielfelder angeben müssen. Im Gegensatz zu Apriori bietet der CARMA-Knoten Erstellungseinstellungen für die Regelunterstützung (Unterstützung für Antezedens und Sukzedens) und nicht nur für die Antezedens-Unterstützung. Die erstellten Regeln können somit für eine größere Palette an Anwendungen verwendet werden, beispielsweise um eine Liste mit Produkten und Dienstleistungen (Antezedenzien) zu finden, deren Nachfolger (Sukzedens) das Element darstellt, das Sie in der Ferienzeit desselben Jahres bewerben möchten.

Tabelle 92. Eigenschaften des Knotens "carma".

| Eigenschaften des Knotens carma | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|-------------------|--|
| inputs | [Feld1 ... Feldn] | CARMA-Modelle verwenden eine Liste mit Eingabefeldern, jedoch kein Ziel. Gewichtungsfelder und Häufigkeitsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| id_field | Feld | Das Feld wird als ID-Feld für die Modellerstellung verwendet. |
| contiguous | boolesch | Dient zur Angabe, ob IDs im ID-Feld zusammenhängend sind. |
| use_transactional_data | boolesch | |
| content_field | Feld | |

Tabelle 92. Eigenschaften des Knotens "carma" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens carma | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|------------------|--|
| min_supp | Zahl(Prozent) | Bezieht sich auf die Regelunterstützung und nicht auf die Antezedens-Unterstützung. Der Standardwert ist 20 %. |
| min_conf | Zahl(Prozent) | Der Standardwert ist 20 %. |
| max_size | Zahl | Der Standardwert ist 10. |
| mode | Simple Expert | Der Standardwert ist Simple. |
| exclude_multiple | boolesch | Schließt Regeln mit mehreren Sukzedenzen aus. Standardmäßig ist dieser Wert false. |
| use_pruning | boolesch | Standardmäßig ist dieser Wert false. |
| pruning_value | Zahl | Der Standardwert ist 500. |
| vary_support | boolesch | |
| estimated_transactions | ganze Zahl | |
| rules_without_antecedents | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "cart"



Der Knoten für Klassifizierungs- und Regressions-Bäume (C&RT-Bäume) erstellt einen Entscheidungsbaum, mit dem Sie zukünftige Beobachtungen vorhersagen oder klassifizieren können. Bei dieser Methode wird eine rekursive Partitionierung verwendet, um die Trainingsdatensätze in Segmente aufzuteilen. Dabei wird bei jedem Schritt die Unreinheit verringert und ein Knoten im Baum wird als "rein" betrachtet, wenn 100 % der Fälle in eine bestimmte Kategorie des Zielfelds fallen. Ziel- und Eingabefelder können numerische Bereiche oder kategorial (nominal, ordinal oder Flags) sein. Alle Aufteilungen sind binär (nur zwei Untergruppen).

Tabelle 93. Eigenschaften des Knotens "cart".

| Eigenschaften des Knotens cart | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|---|
| target | Feld | Modelle vom Typ "C&R-Baum" verwenden ein einzelnes Zielfeld und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem kann ein Häufigkeitsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| continue_training_existing_model | boolesch | |
| objective | Standard Boosting Bagging psm | PSM wird für sehr umfangreiche Datasets verwendet und erfordert eine Serververbindung. |
| model_output_type | Single InteractiveBuilder | |
| use_tree_directives | boolesch | |

Tabelle 93. Eigenschaften des Knotens "cart" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens cart | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|--|--|
| tree_directives | Zeichenfolge | Geben Sie Aufbauregeln für die Erweiterung des Baums an. Aufbauregeln können in dreifache Anführungszeichen gesetzt werden, um auf Escapezeichen für neue Zeilen oder Anführungszeichen verzichten zu können. Beachten Sie, dass die Anweisungen auf kleinste Änderungen in den Daten- oder Modellierungsoptionen reagieren und nicht für andere Datasets verallgemeinert werden können. |
| use_max_depth | Default Custom | |
| max_depth | ganze Zahl | Maximale Baumtiefe, von 0 bis 1000. Wird nur verwendet, wenn use_max_depth = Custom. |
| prune_tree | boolesch | Baum reduzieren, um zu große Anpassung zu vermeiden. |
| use_std_err | boolesch | Maximale Risikendifferenz verwenden (in Standardfehler). |
| std_err_multiplier | Zahl | Maximale Differenz. |
| max_surrogates | Zahl | Maximale Anzahl Ersatztrenner. |
| use_percentage | boolesch | |
| min_parent_records_pc | Zahl | |
| min_child_records_pc | Zahl | |
| min_parent_records_abs | Zahl | |
| min_child_records_abs | Zahl | |
| use_costs | boolesch | |
| costs | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |
| priors | Data Equal Custom | |
| custom_priors | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |
| adjust_priors | boolesch | |
| trails | Zahl | Anzahl der Komponentenmodelle für Boosting oder Bagging. |
| set_ensemble_method | Voting HighestProbability HighestMeanProbability | Standardkombinationsregel für kategoriale Ziele. |
| range_ensemble_method | Mean Median | Standardkombinationsregel für stetige Ziele. |
| large_boost | boolesch | Boosting auf sehr große Datasets anwenden. |
| min_impurity | Zahl | |
| impurity_measure | Gini Twoing Ordered | |

Tabelle 93. Eigenschaften des Knotens "cart" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens cart | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--------------------|---|
| train_pct | Zahl | Set zur Verhinderung übermäßiger Anpassung. |
| set_random_seed | boolesch | Option "Ergebnisse replizieren". |
| seed | Zahl | |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "chaid"



Der CHAID-Knoten erzeugt Entscheidungsbäume unter Verwendung von Chi-Quadrat-Statistiken zur Ermittlung optimaler Aufteilungen. Im Gegensatz zu den Knoten vom Typ "C&RT-Baum" und "QUEST" kann CHAID nicht binäre Bäume generieren, d. h. Bäume mit Aufteilungen mit mehr als zwei Verzweigungen. Ziel- und Eingabefelder können in einem numerischen Bereich (stetig) oder kategorial sein. Exhaustive CHAID ist eine Änderung von CHAID, die noch gründlicher vorgeht, indem sie alle möglichen Aufteilungen untersucht, allerdings mehr Rechenzeit beansprucht.

Tabelle 94. Eigenschaften des Knotens "chaid".

| Eigenschaften des Knotens chaid | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|--|
| target | Feld | CHAID-Modelle erfordern ein einzelnes Ziel und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem kann ein Häufigkeitsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| continue_training_existing_model | boolesch | |
| objective | Standard Boosting Bagging psm | PSM wird für sehr umfangreiche Datasets verwendet und erfordert eine Serververbindung. |
| model_output_type | Single InteractiveBuilder | |
| use_tree_directives | boolesch | |
| tree_directives | Zeichenfolge | |
| method | Chaid ExhaustiveChaid | |
| use_max_depth | Default Custom | |
| max_depth | ganze Zahl | Maximale Baumtiefe, von 0 bis 1000. Wird nur verwendet, wenn use_max_depth = Custom. |
| use_percentage | boolesch | |
| min_parent_records_pc | Zahl | |

Tabelle 94. Eigenschaften des Knotens "chaid" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens chaid | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--|--|
| min_child_records_pc | Zahl | |
| min_parent_records_abs | Zahl | |
| min_child_records_abs | Zahl | |
| use_costs | boolesch | |
| costs | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |
| trails | Zahl | Anzahl der Komponentenmodelle für Boosting oder Bagging. |
| set_ensemble_method | Voting HighestProbability HighestMeanProbability | Standardkombinationsregel für kategoriale Ziele. |
| range_ensemble_method | Mean Median | Standardkombinationsregel für stetige Ziele. |
| large_boost | boolesch | Boosting auf sehr große Datasets anwenden. |
| split_alpha | Zahl | Signifikanzschwelle für Aufteilung. |
| merge_alpha | Zahl | Signifikanzschwelle für Zusammenführung. |
| bonferroni_adjustment | boolesch | Signifikanzwerte mit der Bonferroni-Methode anpassen. |
| split_merged_categories | boolesch | Erneutes Aufteilen zusammengeführter Kategorien zulassen. |
| chi_square | Pearson LR | Verwendetes Verfahren für die Berechnung der Chi-Quadrat-Statistik: Pearson oder Likelihood-Quotient |
| epsilon | Zahl | Minimale Änderung in der erwarteten Zellhäufigkeit... |
| max_iterations | Zahl | Maximale Anzahl der Iterationen für Konvergenz. |
| set_random_seed | ganze Zahl | |
| seed | Zahl | |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |
| maximum_number_of_models | ganze Zahl | |

Eigenschaften des Knotens "coxreg"



Der Knoten vom Typ "Cox-Regression" ermöglicht Ihnen auch bei zensierten Datensätzen die Erstellung eines Überlebensmodells für Daten über die Zeit bis zum Eintreten des Ereignisses. Das Modell erstellt eine Überlebensfunktion, die die Wahrscheinlichkeit vorhersagt, dass das untersuchte Ereignis für bestimmte Werte der Eingabevariablen zu einem bestimmten Zeitpunkt (t) eingetreten ist.

Tabelle 95. Eigenschaften des Knotens "coxreg".

| Eigenschaften des Knotens coxreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|---|
| survival_time | <i>Feld</i> | Cox-Regressionsmodelle erfordern ein einzelnes Feld, das die Überlebenszeiten enthält. |
| target | <i>Feld</i> | Cox-Regressionsmodelle erfordern ein einzelnes Zielfeld und eines oder mehrere Eingabefelder. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| method | Enter Stepwise BackwardsStepwise | |
| groups | <i>Feld</i> | |
| model_type | MainEffects Custom | |
| custom_terms | ["BP*Sex" "BP*Age"] | |
| mode | Expert Simple | |
| max_iterations | <i>Zahl</i> | |
| p_converge | 1,0E-4 1,0E-5 1,0E-6 1,0E-7 1,0E-8 0 | |
| p_converge | 1,0E-4 1,0E-5 1,0E-6 1,0E-7 1,0E-8 0 | |
| l_converge | 1,0E-1 1,0E-2 1,0E-3 1,0E-4 1,0E-5 0 | |
| removal_criterion | LR Wald Conditional | |
| probability_entry | <i>Zahl</i> | |
| probability_removal | <i>Zahl</i> | |
| output_display | EachStep LastStep | |
| ci_enable | <i>boolesch</i> | |
| ci_value | 90 95 99 | |
| correlation | <i>boolesch</i> | |

Tabelle 95. Eigenschaften des Knotens "coxreg" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens coxreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|------------------------|---|
| display_baseline | boolesch | |
| survival | boolesch | |
| hazard | boolesch | |
| log_minus_log | boolesch | |
| one_minus_survival | boolesch | |
| separate_line | Feld | |
| value | Zahl oder Zeichenfolge | Wenn für ein Feld kein Wert angegeben ist, wird die Standardoption "Mittelwert" für das betreffende Feld verwendet. |

Eigenschaften des Knotens "decisionlist"



Der Knoten "Entscheidungsliste" kennzeichnet Untergruppen bzw. Segmente, die eine höhere oder geringere Wahrscheinlichkeit für ein bestimmtes binäres Ergebnis aufweisen als die Gesamtpopulation. Sie könnten beispielsweise nach Kunden suchen, deren Abwanderung unwahrscheinlich ist oder die mit großer Wahrscheinlichkeit positiv auf eine Kampagne reagieren. Sie können Ihr Fachwissen in das Modell integrieren, indem Sie eigene, benutzerdefinierte Segmente hinzufügen und eine Vorschau anzeigen, in der alternative Modelle nebeneinander angezeigt werden, um die Ergebnisse zu vergleichen. Entscheidungslistenmodelle bestehen aus einer Liste von Regeln, bei denen jede Regel eine Bedingung und ein Ergebnis aufweist. Regeln werden in der vorgegebenen Reihenfolge angewendet und die erste Regel, die zutrifft, bestimmt das Ergebnis.

Tabelle 96. Eigenschaften des Knotens "decisionlist".

| Eigenschaften des Knotens decisionlist | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------------------|---|
| target | Feld | Entscheidungslistenmodelle verwenden ein einzelnes Ziel und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem kann ein Häufigkeitsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| model_output_type | Model InteractiveBuilder | |
| search_direction | Up Down | Bezieht sich auf das Finden von Segmenten; dabei entspricht "Up" einer hohen Wahrscheinlichkeit und "Down" einer geringen Wahrscheinlichkeit. |
| target_value | Zeichenfolge | Wenn dieser Wert nicht angegeben wird, nimmt er für Flags den Wert "True" (Wahr) an. |
| max_rules | ganze Zahl | Die maximale Anzahl der Segmente ausschließlich des Rests. |
| min_group_size | ganze Zahl | Mindestsegmentgröße. |
| min_group_size_pct | Zahl | Mindestsegmentgröße als Prozentsatz. |

Tabelle 96. Eigenschaften des Knotens "decisionlist" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens decisionlist | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------------|---|
| confidence_level | Zahl | Mindestschwellenwert, den ein Eingabefeld aufweist, um die Wahrscheinlichkeit eines Treffers zu verbessern (Lift), damit es zu einer Segmentdefinition hinzugefügt werden kann. |
| max_segments_per_rule | ganze Zahl | |
| mode | Simple Expert | |
| bin_method | EqualWidth EqualCount | |
| bin_count | Zahl | |
| max_models_per_cycle | ganze Zahl | Suchbreite für Listen. |
| max_rules_per_cycle | ganze Zahl | Suchbreite für Segmentregeln. |
| segment_growth | Zahl | |
| include_missing | boolesch | |
| final_results_only | boolesch | |
| reuse_fields | boolesch | Ermöglicht die Wiederverwendung von Attributen (Eingabefelder, die in Regeln vorkommen). |
| max_alternatives | ganze Zahl | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "discriminant"



Bei der Diskriminanzanalyse werden strengere Annahmen als bei der logistischen Regression verwendet, sie kann jedoch eine wertvolle Alternative oder Ergänzung zu einer logistischen Regressionsanalyse sein, wenn diese Annahmen erfüllt sind.

Tabelle 97. Eigenschaften des Knotens "discriminant".

| Eigenschaften des Knotens discriminant | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------------|--|
| target | Feld | Diskriminanzmodelle erfordern ein einzelnes Zielfeld und eines oder mehrere Eingabefelder. Gewichtungsfelder und Häufigkeitsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| method | Enter Stepwise | |
| mode | Simple Expert | |

Tabelle 97. Eigenschaften des Knotens "discriminant" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens discriminant | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|--|
| prior_probabilities | AllEqual ComputeFromSizes | |
| covariance_matrix | WithinGroups SeparateGroups | |
| means | boolesch | Statistikoptionen im Dialogfeld "Erweiterte Ausgabe". |
| univariate_anovas | boolesch | |
| box_m | boolesch | |
| within_group_covariance | boolesch | |
| within_groups_correlation | boolesch | |
| separate_groups_covariance | boolesch | |
| total_covariance | boolesch | |
| fishers | boolesch | |
| unstandardized | boolesch | |
| casewise_results | boolesch | Klassifizierungsoptionen im Dialogfeld "Erweiterte Ausgabe". |
| limit_to_first | Zahl | Der Standardwert ist 10. |
| summary_table | boolesch | |
| leave_one_classification | boolesch | |
| combined_groups | boolesch | |
| separate_groups_covariance | boolesch | Matrizenoption Gruppenspezifische Kovarianzmatrix |
| territorial_map | boolesch | |
| combined_groups | boolesch | Plotoption Kombinierte Gruppen. |
| separate_groups | boolesch | Plotoption Gruppenspezifisch. |
| summary_of_steps | boolesch | |
| F_pairwise | boolesch | |
| stepwise_method | WilksLambda UnexplainedVariance MahalanobisDistance SmallestF RaosV | |
| V_to_enter | Zahl | |
| criteria | UseValue UseProbability | |
| F_value_entry | Zahl | Der Standardwert ist 3,84. |
| F_value_removal | Zahl | Der Standardwert ist 2,71. |
| probability_entry | Zahl | Der Standardwert ist 0,05. |
| probability_removal | Zahl | Der Standardwert ist 0,10. |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |

Tabelle 97. Eigenschaften des Knotens "discriminant" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens discriminant | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------|--------------------------|
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "factor"



Der Faktor/PCA-Knoten bietet leistungsstarke Datenreduktionsverfahren zur Verringerung der Komplexität der Daten. Die Hauptkomponentenanalyse (PCA) findet lineare Kombinationen der Eingabefelder, die die Varianz im gesamten Set der Felder am besten erfassen, wenn die Komponenten orthogonal (senkrecht) zueinander sind. Mit der Faktorenanalyse wird versucht, die zugrunde liegenden Faktoren zu bestimmen, die die Korrelationsmuster innerhalb eines Sets beobachteter Felder erklären. Bei beiden Ansätzen besteht das Ziel darin, eine kleinere Zahl abgeleiteter Felder zu finden, mit denen die Informationen in der ursprünglichen Menge der Felder effektiv zusammengefasst werden können.

Tabelle 98. Eigenschaften des Knotens "factor".

| Eigenschaften des Knotens factor | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|---|
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | PCA-/Faktormodelle verwenden eine Liste mit Eingabefeldern, jedoch kein Ziel. Gewichtung- und Häufigkeitsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| method | PC ULS GLS ML PAF Alpha Image | |
| mode | Simple Expert | |
| max_iterations | Zahl | |
| complete_records | boolesch | |
| matrix | Correlation Covariance | |
| extract_factors | ByEigenvalues ByFactors | |
| min_eigenvalue | Zahl | |
| max_factor | Zahl | |
| rotation | None Varimax DirectOblimin Equamax Quartimax Promax | |

Tabelle 98. Eigenschaften des Knotens "factor" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens factor | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|----------|--|
| delta | Zahl | Wenn Sie DirectOblimin als Rotationsdatentyp auswählen, können Sie einen Wert für delta festlegen. Wenn Sie keinen Wert festlegen, wird für delta der Standardwert verwendet. |
| kappa | Zahl | Wenn Sie Promax als Rotationsdatentyp auswählen, können Sie einen Wert für kappa festlegen. Wenn Sie keinen Wert festlegen, wird für kappa der Standardwert verwendet. |
| sort_values | boolesch | |
| hide_values | boolesch | |
| hide_below | Zahl | |

Eigenschaften des Knotens "featureselection"



Der Merkmalauswahlknoten sichtet die Eingabefelder, um auf der Grundlage einer Reihe von Kriterien (z. B. dem Prozentsatz der fehlenden Werte) zu entscheiden, ob diese entfernt werden sollen. Anschließend erstellt er eine Wichtigkeitsrangfolge der verbleibenden Eingaben in Bezug auf ein angegebenes Ziel. Beispiel: Angenommen, Sie haben ein Dataset mit Hunderten potenzieller Eingaben. Welche davon sind voraussichtlich für die Modellierung von medizinischen Behandlungsergebnissen von Bedeutung?

Tabelle 99. Eigenschaften des Knotens "featureselection".

| Eigenschaften des Knotens featureselection | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------|---|
| target | Feld | Merkmalauswahlmodelle teilen Prädiktoren relativ zum angegebenen Ziel in Ränge ein. Gewichtung- und Häufigkeitsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| screen_single_category | boolesch | Bei True wird ein Screening der Felder durchgeführt, bei denen zu viele Datensätze (im Verhältnis zur Gesamtzahl der Datensätze) in dieselbe Kategorie fallen. |
| max_single_category | Zahl | Gibt den Schwellenwert an, der verwendet wird, wenn screen_single_category auf True gesetzt ist. |
| screen_missing_values | boolesch | Bei True wird ein Screening der Felder durchgeführt, die zu viele fehlende Werte (ausgedrückt als Prozentsatz der Gesamtzahl an Datensätzen) aufweisen. |
| max_missing_values | Zahl | |

Tabelle 99. Eigenschaften des Knotens "featureselection" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens featureselection | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|--|
| screen_num_categories | boolesch | Bei True wird ein Screening der Felder durchgeführt, die zu viele Kategorien im Verhältnis zur Gesamtzahl der Datensätze aufweisen. |
| max_num_categories | Zahl | |
| screen_std_dev | boolesch | Bei True wird ein Screening der Felder durchgeführt, deren Standardabweichung kleiner oder gleich dem angegebenen Mindestwert ist. |
| min_std_dev | Zahl | |
| screen_coeff_of_var | boolesch | Bei True wird ein Screening der Felder durchgeführt, deren Varianzkoeffizient kleiner oder gleich dem angegebenen Mindestwert ist. |
| min_coeff_of_var | Zahl | |
| criteria | Pearson Likelihood CramersV Lambda | Wenn kategoriale Prädiktoren hinsichtlich eines kategorialen Ziels nach Rängen geordnet werden, wird hier das Maß angegeben, auf dem der Wert für die Wichtigkeit beruht. |
| unimportant_below | Zahl | Gibt die p -Schwellenwerte an, die verwendet werden, um Variablen als "bedeutsam", "marginal" bzw. "unbedeutend" eingestuft werden. Zulässig sind Werte von 0,0 bis 1,0. |
| important_above | Zahl | Zulässig sind Werte von 0,0 bis 1,0. |
| unimportant_label | Zeichenfolge | Gibt die Beschriftung für die Rangstufe "unbedeutsam" an. |
| marginal_label | Zeichenfolge | |
| important_label | Zeichenfolge | |
| selection_mode | ImportanceLevel ImportanceValue TopN | |
| select_important | boolesch | Wenn selection_mode auf ImportanceLevel gesetzt ist, wird hier angegeben, ob bedeutsame Felder ausgewählt werden sollen. |
| select_marginal | boolesch | Wenn selection_mode auf ImportanceLevel gesetzt ist, wird hier angegeben, ob marginale Felder ausgewählt werden sollen. |
| select_unimportant | boolesch | Wenn selection_mode auf ImportanceLevel gesetzt ist, wird hier angegeben, ob unbedeutende Felder ausgewählt werden sollen. |
| importance_value | Zahl | Wenn selection_mode auf ImportanceValue gesetzt ist, wird hier der zu verwendende Trennwert angegeben. Zulässig sind Werte von 0 bis 100. |

Tabelle 99. Eigenschaften des Knotens "featureselection" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens featureselection | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------|---|
| top_n | ganze Zahl | Wenn selection_mode auf TopN gesetzt ist, wird hier der zu verwendende Trennwert angegeben. Zulässig sind Werte von 0 bis 1000. |

Eigenschaften des Knotens "genlin"



Das verallgemeinerte lineare Modell erweitert das allgemeine lineare Modell so, dass die abhängige Variable über eine angegebene Verknüpfungsfunktion in linearem Zusammenhang zu den Faktoren und Kovariaten steht. Außerdem ist es mit diesem Modell möglich, dass die abhängige Variable eine von der Normalverteilung abweichende Verteilung aufweist. Es deckt die Funktionen einer großen Bandbreite an Statistikmodellen ab, darunter lineare Regression, logistische Regression, loglineare Modelle für Häufigkeitsdaten und Überlebensmodelle mit Intervallzensurierung.

Tabelle 100. Eigenschaften des Knotens "genlin".

| Eigenschaften des Knotens genlin | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|---|
| target | Feld | Verallgemeinerte lineare Modelle erfordern ein einzelnes Zielfeld, bei dem es sich um ein nominales oder ein Flagfeld handeln muss, und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem kann ein Gewichtungsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| use_weight | boolesch | |
| weight_field | Feld | Der Feldtyp ist nur stetig. |
| target_represents_trials | boolesch | |
| trials_type | Variable FixedValue | |
| trials_field | Feld | Der Feldtyp ist stetig, Flag oder ordinal. |
| trials_number | Zahl | Der Standardwert ist 10. |
| model_type | MainEffects MainAndAllTwoWayEffects | |
| offset_type | Variable FixedValue | |
| offset_field | Feld | Der Feldtyp ist nur stetig. |
| offset_value | Zahl | Muss eine reelle Zahl sein. |
| base_category | Last First | |
| include_intercept | boolesch | |
| mode | Simple Expert | |

Tabelle 100. Eigenschaften des Knotens "genlin" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens genlin | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|--|
| distribution | BINOMIAL GAMMA IGAUSS NEGBIN NORMAL POISSON TWEEDIE MULTINOMIAL | IGAUSS: Invers normal. NEGBIN: Negativ binomial. |
| negbin_para_type | Specify Estimate | |
| negbin_parameter | Zahl | Der Standardwert ist 1. Muss eine nicht negative reelle Zahl enthalten. |
| tweedie_parameter | Zahl | |
| link_function | IDENTITY CLOGLOG LOG LOGC LOGIT NEGBIN NLOGLOG ODDSPower PROBIT POWER CUMCAUCHIT CUMCLOGLOG CUMLOGIT CUMNLOGLOG CUMPROBIT | CLOGLOG: Log-Log komplementär. LOGC: Log-Komplement. NEGBIN: Negativ binomial. NLOGLOG: Log-Log negativ. CUMCAUCHIT: Cauchit (kumulativ). CUMCLOGLOG: Log-Log komplementär (kumulativ). CUMLOGIT: Logit (kumulativ). CUMNLOGLOG: Log-Log negativ (kumulativ). CUMPROBIT: Probit (kumulativ). |
| power | Zahl | Der Wert muss eine reelle Zahl ungleich null sein. |
| method | Hybrid Fisher NewtonRaphson | |
| max_fisher_iterations | Zahl | Der Standardwert ist 1; nur positive ganze Zahlen zulässig. |
| scale_method | MaxLikelihoodEstimate Deviance PearsonChiSquare FixedValue | |
| scale_value | Zahl | Der Standardwert ist 1; muss größer als 0 sein. |
| covariance_matrix | ModelEstimator RobustEstimator | |
| max_iterations | Zahl | Der Standardwert ist 100; nur nicht negative ganze Zahlen. |
| max_step_halving | Zahl | Der Standardwert ist 5; nur positive ganze Zahlen. |
| check_separation | boolesch | |
| start_iteration | Zahl | Der Standardwert ist 20; nur positive ganze Zahlen zulässig. |
| estimates_change | boolesch | |

Tabelle 100. Eigenschaften des Knotens "genlin" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens genlin | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|---|
| estimates_change_min | Zahl | Der Standardwert ist 1E-006; nur positive Zahlen zulässig. |
| estimates_change_type | Absolute Relative | |
| loglikelihood_change | boolesch | |
| loglikelihood_change_min | Zahl | Nur positive Zahlen zulässig. |
| loglikelihood_change_type | Absolute Relative | |
| hessian_convergence | boolesch | |
| hessian_convergence_min | Zahl | Nur positive Zahlen zulässig. |
| hessian_convergence_type | Absolute Relative | |
| case_summary | boolesch | |
| contrast_matrices | boolesch | |
| descriptive_statistics | boolesch | |
| estimable_functions | boolesch | |
| model_info | boolesch | |
| iteration_history | boolesch | |
| goodness_of_fit | boolesch | |
| print_interval | Zahl | Der Standardwert ist 1; muss eine positive ganze Zahl sein. |
| model_summary | boolesch | |
| lagrange_multiplier | boolesch | |
| parameter_estimates | boolesch | |
| include_exponential | boolesch | |
| covariance_estimates | boolesch | |
| correlation_estimates | boolesch | |
| analysis_type | TypeI TypeIII TypeIAndTypeIII | |
| statistics | Wald LR | |
| citype | Wald Profile | |
| tolerancelevel | Zahl | Der Standardwert ist 0,0001. |
| confidence_interval | Zahl | Der Standardwert ist 95. |
| loglikelihood_function | Full Kernel | |
| singularity_tolerance | 1E-007 1E-008 1E-009 1E-010 1E-011 1E-012 | |

Tabelle 100. Eigenschaften des Knotens "genlin" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens genlin | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--------------------------------------|--------------------------|
| value_order | Ascending Descending DataOrder | |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "glmm"



Verallgemeinerte lineare gemischte Modelle (Generalized Linear Mixed Models; GLMM) erweitern lineare Modelle so, dass das Ziel nicht normalverteilt zu sein braucht und über eine angegebene Verknüpfungsfunktion in einer linearen Beziehung zu den Faktoren und Kovariaten steht und die Beobachtungen korreliert werden können. Verallgemeinerte lineare gemischte Modelle decken eine breite Palette verschiedener Modelle ab, von einfacher linearer Regression bis hin zu komplexen Mehrebenenmodellen für nicht normalverteilte Longitudinaldaten.

Tabelle 101. Eigenschaften des Knotens "glmm".

| Eigenschaften des Knotens glmm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|---|---|
| residual_subject_spec | strukturiert | Die Wertekombination der angegebenen kategorialen Felder, die Subjekte innerhalb des Datasets eindeutig definieren. |
| repeated_measures | strukturiert | Felder zur Ermittlung von wiederholten Beobachtungen. |
| residual_group_spec | [Feld1 ... FeldN] | Felder, die unabhängige Sätze von Kovarianzparametern für wiederholte Effekte definieren. |
| residual_covariance_type | Diagonal AR1 ARMA11 COMPOUND_SYMMETRY IDENTITY TOEPLITZ UNSTRUCTURED VARIANCE_COMPONENTS | Definiert die Kovarianzstruktur für Residuen. |
| custom_target | boolesch | Gibt an, ob das im vorausgehenden Knoten definierte Ziel (false) oder das im Feld target_field festgelegte benutzerdefinierte Ziel (true) verwendet werden soll. |
| target_field | Feld | Als Ziel zu verwendendes Feld, wenn custom_target auf true gesetzt ist. |
| use_trials | boolesch | Gibt an, ob zusätzliche Felder oder Werte zur Angabe der Anzahl an Tests verwendet werden sollen, wenn es sich bei der Zielantwort um eine Reihe von Ereignissen handelt, die während Tests auftreten. Die Standardeinstellung ist false. |

Tabelle 101. Eigenschaften des Knotens "glmm" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens glmm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------|--|---|
| use_field_or_value | Field Value | Gibt an, ob die Anzahl an Test in einem Feld (Standard) oder als Wert angegeben werden soll. |
| trials_field | Feld | Feld zur Angabe der Anzahl an Tests. |
| trials_value | ganze Zahl | Wert zur Angabe der Anzahl an Tests. Wenn angegeben, ist der Minimalwert 1. |
| use_custom_target_reference | boolesch | Gibt an, ob eine benutzerdefinierte Referenzkategorie für ein kategoriales Ziel verwendet werden soll. Die Standardeinstellung ist false. |
| target_reference_value | Zeichenfolge | Zu verwendende Referenzkategorie, wenn use_custom_target_reference auf true gesetzt ist. |
| dist_link_combination | Nominal Logit GammaLog BinomialLogit PoissonLog BinomialProbit NegbinLog BinomialLogC Custom | Allgemeine Modelle für die Verteilung von Werten für das Ziel. Wählen Sie Custom aus, um einen Verteilungstyp aus der von target_distribution bereitgestellten Liste festzulegen. |
| target_distribution | Normal Binomial Multinomial Gamma Inverse NegativeBinomial Poisson | Verteilung von Werten für das Ziel, wenn dist_link_combination auf Custom gesetzt ist. |
| link_function_type | IDENTITY LOGC LOG CLOGLOG LOGIT NLOGLOG PROBIT POWER CAUCHIT | Verknüpfungsfunktion zum Herstellen von Beziehungen zwischen Zielwerten und Prädiktoren. Wenn target_distribution auf Binomial gesetzt ist, können Sie jede der aufgelisteten Verknüpfungsfunktionen verwenden. Wenn target_distribution auf Multinomial gesetzt ist, können Sie CLOGLOG, CAUCHIT, LOGIT, NLOGLOG oder PROBIT verwenden. Wenn target_distribution auf einen anderen Wert als Binomial oder Multinomial gesetzt ist, können Sie IDENTITY, LOG oder POWER verwenden. |
| link_function_param | Zahl | Für die Verknüpfungsfunktion zu verwendender Parameterwert. Wird nur verwendet, wenn normal_link_function oder link_function_type auf POWER gesetzt ist. |

Tabelle 101. Eigenschaften des Knotens "glimm" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens glimm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--------------------------------------|---|
| use_predefined_inputs | <i>boolesch</i> | Gibt an, ob die Felder, die in einer übergeordneten Ebene als Eingabefelder definiert wurden (true), oder die Felder in fixed_effects_list (false) als Felder für feste Effekte verwendet werden sollen. Die Standardeinstellung ist false. |
| fixed_effects_list | <i>strukturiert</i> | Wenn use_predefined_inputs auf false gesetzt ist, werden die Eingabefelder als Felder für feste Effekte verwendet. |
| use_intercept | <i>boolesch</i> | Wenn true gesetzt ist (Standardeinstellung), wird der konstante Term in das Modell einbezogen. |
| random_effects_list | <i>strukturiert</i> | Liste von Feldern, die als zufällige Effekte festgelegt werden. |
| regression_weight_field | <i>Feld</i> | Zur Analysegewichtung zu verwendendes Feld. |
| use_offset | None offset_value offset_field | Gibt an, wie der Offset festgelegt wird. Lautet der Wert None, wird kein Offset verwendet. |
| offset_value | <i>Zahl</i> | Für den Offset zu verwendender Wert, wenn use_offset auf offset_value gesetzt ist. |
| offset_field | <i>Feld</i> | Für den Offsetwert zu verwendendes Feld, wenn use_offset auf offset_field gesetzt ist. |
| target_category_order | Ascending Descending Data | Sortierreihenfolge für kategoriale Ziele. Der Wert Data gibt an, dass die Sortierreihenfolge der Daten verwendet wird. Die Standardeinstellung ist Ascending. |
| inputs_category_order | Ascending Descending Data | Sortierreihenfolge für kategoriale Prädiktoren. Der Wert Data gibt an, dass die Sortierreihenfolge der Daten verwendet wird. Die Standardeinstellung ist Ascending. |
| max_iterations | <i>ganze Zahl</i> | Die maximale Anzahl der Iterationen, die im Algorithmus vorgenommen werden. Eine nicht negative ganze Zahl. Der Standardwert ist 100. |
| confidence_level | <i>ganze Zahl</i> | Konfidenzniveau für die Berechnung von Intervallschätzungen der Modellkoeffizienten. Eine nicht negative ganze Zahl. Der Maximalwert ist 100 und der Standardwert ist 95. |
| degrees_of_freedom_method | Fixed Varied | Gibt an, wie Freiheitsgrade für Signifikanztests berechnet werden. |
| test_fixed_effects_coeffecients | Model Robust | Methode zur Berechnung der Kovarianzmatrix für Parameterschätzungen. |
| use_p_converge | <i>boolesch</i> | Option für Parameterkonvergenz. |
| p_converge | <i>Zahl</i> | Leerzeichen oder ein beliebiger positiver Wert. |

Tabelle 101. Eigenschaften des Knotens "glimm" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens glimm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|-----------------------------|--|
| p_converge_type | Absolute Relative | |
| use_l_converge | <i>boolesch</i> | Option für Log-Likelihood-Konvergenz. |
| l_converge | <i>Zahl</i> | Leerzeichen oder ein beliebiger positiver Wert. |
| l_converge_type | Absolute Relative | |
| use_h_converge | <i>boolesch</i> | Option für Konvergenz der Hesse-Matrix. |
| h_converge | <i>Zahl</i> | Leerzeichen oder ein beliebiger positiver Wert. |
| h_converge_type | Absolute Relative | |
| max_fisher_steps | <i>ganze Zahl</i> | |
| singularity_tolerance | <i>Zahl</i> | |
| use_model_name | <i>boolesch</i> | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Name (true) oder ein vom System generierter Name (false) für das Modell verwendet werden soll. Die Standardeinstellung ist false. |
| model_name | <i>Zeichenfolge</i> | Gibt den zu verwendenden Modellnamen an, wenn use_model_name auf true gesetzt ist. |
| confidence | onProbability onIncrease | Grundlage für die Berechnung des Konfidenzwerts für das Scoring: höchste vorhergesagte Wahrscheinlichkeit oder Differenz zwischen der höchsten und zweithöchsten vorhergesagten Wahrscheinlichkeit. |
| score_category_probabilities | <i>boolesch</i> | Auf true gesetzt, werden vorhergesagte Wahrscheinlichkeiten für kategoriale Ziele generiert. Die Standardeinstellung ist false. |
| max_categories | <i>ganze Zahl</i> | Wenn score_category_probabilities auf true gesetzt ist, wird hier die maximale Anzahl der zu speichernden Kategorien festgelegt. |
| score_propensity | <i>boolesch</i> | Auf true gesetzt, werden Propensity-Scores für Flagzielfelder generiert, die die Wahrscheinlichkeit angeben, mit der das Feld den Wert "true" haben wird. |
| emeans | <i>structure</i> | Für jedes kategoriale Feld aus der Liste mit festen Effekten wird hier angegeben, ob geschätzte Randmittel generiert werden sollen. |
| covariance_list | <i>structure</i> | Für jedes stetige Feld aus der Liste mit festen Effekten wird hier angegeben, ob der Mittelwert oder ein benutzerdefinierter Wert für die Berechnung der geschätzten Randmittel verwendet werden soll. |

Tabelle 101. Eigenschaften des Knotens "glimm" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens glimm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|----------------------------------|---|
| mean_scale | Original Transformed | Gibt an, ob geschätzte Randmittel anhand der ursprünglichen Skala des Ziels (Standard) oder anhand der Transformation der Verknüpfungsfunktion berechnet werden sollen. |
| comparison_adjustment_method | LSD SEQBONFERRONI SEQSIDAK | Zu verwendende Anpassungsmethode bei Hypothesentests mit mehreren Kontrasten. |

Eigenschaften des Knotens "kmeans"



Der K-Means-Knoten teilt das Dataset in unterschiedliche Gruppen (oder Cluster) auf. Bei diesem Verfahren wird eine festgelegte Anzahl von Clustern definiert, den Clustern werden iterativ Datensätze zugewiesen und die Clusterzentren werden angepasst, bis eine weitere Verfeinerung keine wesentliche Verbesserung des Modells mehr darstellen würde. Statt zu versuchen, ein Ergebnis vorherzusagen, versucht K-Means mithilfe eines als "nicht überwachtes Lernen" bezeichneten Verfahrens Muster im Set der Eingabefelder zu entdecken.

Tabelle 102. Eigenschaften des Knotens "kmeans".

| Eigenschaften des Knotens kmeans | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|-------------------|---|
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | K-Means-Modelle führen eine Clusteranalyse an einer Menge von Eingabefeldern durch, verwenden jedoch kein Zielfeld. Gewichtung- und Häufigkeitsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| num_clusters | Zahl | |
| gen_distance | boolesch | |
| cluster_label | String Zahl | |
| label_prefix | Zeichenfolge | |
| mode | Simple Expert | |
| stop_on | Default Custom | |
| max_iterations | Zahl | |
| tolerance | Zahl | |
| encoding_value | Zahl | |
| optimize | Speed Memory | Dient zur Angabe, ob die Modellerstellung in Bezug auf die Geschwindigkeit oder den Speicher optimiert werden soll. |

Eigenschaften des Knotens "knn"



Der Knoten "*k*-Nächste Nachbarn" (KNN) verknüpft einen neuen Fall mit der Kategorie oder dem Wert der *k* Objekte, die ihm im Prädiktorraum am nächsten liegen, wobei *k* eine ganze Zahl ist. Ähnliche Fälle liegen nah beieinander und Fälle mit geringer Ähnlichkeit sind weit voneinander entfernt.

Tabelle 103. Eigenschaften des Knotens "knn".

| Eigenschaften des Knotens knn | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--|--|
| analysis | PredictTarget IdentifyNeighbors | |
| objective | Balance Speed Accuracy Custom | |
| normalize_ranges | <i>boolesch</i> | |
| use_case_labels | <i>boolesch</i> | Kontrollkästchen markieren, um nächste Option zu aktivieren. |
| case_labels_field | <i>Feld</i> | |
| identify_focal_cases | <i>boolesch</i> | Kontrollkästchen markieren, um nächste Option zu aktivieren. |
| focal_cases_field | <i>Feld</i> | |
| automatic_k_selection | <i>boolesch</i> | |
| fixed_k | <i>ganze Zahl</i> | Nur aktiviert, wenn <i>automatic_k_selection</i> auf <i>False</i> eingestellt ist. |
| minimum_k | <i>ganze Zahl</i> | Nur aktiviert, wenn <i>automatic_k_selection</i> auf <i>True</i> eingestellt ist. |
| maximum_k | <i>ganze Zahl</i> | |
| distance_computation | Euclidean CityBlock | |
| weight_by_importance | <i>boolesch</i> | |
| range_predictions | Mean Median | |
| perform_feature_selection | <i>boolesch</i> | |
| forced_entry_inputs | [<i>Feld1 ... FeldN</i>] | |
| stop_on_error_ratio | <i>boolesch</i> | |
| number_to_select | <i>ganze Zahl</i> | |
| minimum_change | <i>Zahl</i> | |
| validation_fold_assign_by_field | <i>boolesch</i> | |
| number_of_folds | <i>ganze Zahl</i> | Nur aktiviert, wenn <i>validation_fold_assign_by_field</i> auf <i>False</i> eingestellt ist. |
| set_random_seed | <i>boolesch</i> | |
| random_seed | <i>Zahl</i> | |
| folds_field | <i>Feld</i> | Nur aktiviert, wenn <i>validation_fold_assign_by_field</i> auf <i>True</i> eingestellt ist. |

Tabelle 103. Eigenschaften des Knotens "knn" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens knn | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--------------------|--------------------------|
| all_probabilities | boolesch | |
| save_distances | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "kohonen"



Der Kohonen-Knoten erstellt eine Art von neuronalem Netz, das verwendet werden kann, um ein Clustering des Datasets in einzelne Gruppen vorzunehmen. Wenn das Netz voll trainiert ist, sollten ähnliche Datensätze auf der Ausgabekarte eng nebeneinander stehen, während Datensätze, die sich unterscheiden, weit voneinander entfernt sein sollten. Die Zahl der von jeder Einheit im Modellnutzget erfassten Beobachtungen gibt Aufschluss über die starken Einheiten. Dadurch wird ein Eindruck von der ungefähren Zahl der Cluster vermittelt.

Tabelle 104. Eigenschaften des Knotens "kohonen".

| Eigenschaften des Knotens kohonen | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|-----------------------|---|
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | Kohonen-Modelle verwenden eine Liste mit Eingabefeldern, jedoch kein Ziel. Häufigkeits- und Gewichtungsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| continue | boolesch | |
| show_feedback | boolesch | |
| stop_on | Default Zeit | |
| time | Zahl | |
| optimize | Speed Memory | Dient zur Angabe, ob die Modellerstellung in Bezug auf die Geschwindigkeit oder den Speicher optimiert werden soll. |
| cluster_label | boolesch | |
| mode | Simple Expert | |
| width | Zahl | |
| length | Zahl | |
| decay_style | Linear Exponential | |
| phase1_neighborhood | Zahl | |
| phase1_eta | Zahl | |
| phase1_cycles | Zahl | |
| phase2_neighborhood | Zahl | |
| phase2_eta | Zahl | |

Tabelle 104. Eigenschaften des Knotens "kohonen" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens kohonen | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|-------|--------------------------|
| phase2_cycles | Zahl | |

Eigenschaften des Knotens "linear"



Bei linearen Regressionsmodellen wird ein stetiges Ziel auf der Basis linearer Beziehungen zwischen dem Ziel und einem oder mehreren Prädiktoren vorhergesagt.

Tabelle 105. Eigenschaften des Knotens "linear".

| Eigenschaften des Knotens linear | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|--|
| target | Feld | Gibt ein einzelnes Zielfeld an. |
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | Im Modell verwendete Prädiktorfelder. |
| continue_training_existing_model | boolesch | |
| objective | Standard Bagging Boosting psm | PSM wird für sehr umfangreiche Datasets verwendet und erfordert eine Serververbindung. |
| use_auto_data_preparation | boolesch | |
| confidence_level | Zahl | |
| model_selection | ForwardStepwise BestSubsets None | |
| criteria_forward_stepwise | AICC Fstatistics AdjustedRSquare ASE | |
| probability_entry | Zahl | |
| probability_removal | Zahl | |
| use_max_effects | boolesch | |
| max_effects | Zahl | |
| use_max_steps | boolesch | |
| max_steps | Zahl | |
| criteria_best_subsets | AICC AdjustedRSquare ASE | |
| combining_rule_continuous | Mean Median | |
| component_models_n | Zahl | |
| use_random_seed | boolesch | |
| random_seed | Zahl | |
| use_custom_model_name | boolesch | |
| custom_model_name | Zeichenfolge | |

Tabelle 105. Eigenschaften des Knotens "linear" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens linear | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--------------|--------------------------|
| use_custom_name | boolesch | |
| custom_name | Zeichenfolge | |
| tooltip | Zeichenfolge | |
| keywords | Zeichenfolge | |
| annotation | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "logreg"



Die logistische Regression ist ein statistisches Verfahren zur Klassifizierung von Datensätzen auf der Grundlage der Werte von Eingabefeldern. Sie ist analog zur linearen Regression, außer dass statt eines numerischen Bereichs ein kategoriales Zielfeld verwendet wird.

Tabelle 106. Eigenschaften des Knotens "logreg".

| Eigenschaften des Knotens logreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|--|
| target | Feld | Logistische Regressionsmodelle erfordern ein einzelnes Zielfeld und eines oder mehrere Eingabefelder. Häufigkeits- und Gewichtungsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| logistic_procedure | Binomial Multinomial | |
| include_constant | boolesch | |
| mode | Simple Expert | |
| method | Enter Stepwise Forwards Backwards BackwardsStepwise | |
| binomial_method | Enter Forwards Backwards | |
| model_type | MainEffects FullFactorial Custom | Wenn als Modelltyp FullFactorial festgelegt ist, werden keine Schrittmethoden ausgeführt, auch wenn diese ebenfalls angegeben wurden. Stattdessen wird die Methode Enter verwendet. Wenn der Modelltyp auf Custom gesetzt ist, jedoch keine benutzerdefinierten Felder angegeben wurden, wird ein Haupteffektmodell erstellt. |
| custom_terms | {BD Geschlecht}{BD}{Alter} | |
| multinomial_base_category | Zeichenfolge | Gibt an, wie die Referenzkategorie bestimmt wird. |

Table 106. Eigenschaften des Knotens "logreg" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens logreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|---|
| binomial_categorical_input | Zeichenfolge | |
| binomial_input_contrast | Indicator Simple Difference Helmert Repeated Polynomial Deviation | Verschlüsselte Eigenschaft für kategoriale Eingaben, die angibt, wie der Kontrast bestimmt wird. |
| binomial_input_category | First Last | Verschlüsselte Eigenschaft für kategoriale Eingaben, die angibt, wie die Referenzkategorie bestimmt wird. |
| scale | None UserDefined Pearson Deviance | |
| scale_value | Zahl | |
| all_probabilities | boolesch | |
| tolerance | 1,0E-5 1,0E-6 1,0E-7 1,0E-8 1,0E-9 1,0E-10 | |
| min_terms | Zahl | |
| use_max_terms | boolesch | |
| max_terms | Zahl | |
| entry_criterion | Score LR | |
| removal_criterion | LR Wald | |
| probability_entry | Zahl | |
| probability_removal | Zahl | |
| binomial_probability_entry | Zahl | |
| binomial_probability_removal | Zahl | |
| requirements | HierarchyDiscrete HierarchyAll Containment None | |
| max_iterations | Zahl | |
| max_steps | Zahl | |
| p_converge | 1,0E-4 1,0E-5 1,0E-6 1,0E-7 1,0E-8 0 | |

Tabelle 106. Eigenschaften des Knotens "logreg" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens logreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|--------------------------|
| l_converge | 1,0E-1 1,0E-2 1,0E-3 1,0E-4 1,0E-5 0 | |
| delta | Zahl | |
| iteration_history | boolesch | |
| history_steps | Zahl | |
| summary | boolesch | |
| likelihood_ratio | boolesch | |
| asymptotic_correlation | boolesch | |
| goodness_fit | boolesch | |
| parameters | boolesch | |
| confidence_interval | Zahl | |
| asymptotic_covariance | boolesch | |
| classification_table | boolesch | |
| stepwise_summary | boolesch | |
| info_criteria | boolesch | |
| monotonicity_measures | boolesch | |
| binomial_output_display | at_each_step at_last_step | |
| binomial_goodness_of_fit | boolesch | |
| binomial_parameters | boolesch | |
| binomial_iteration_history | boolesch | |
| binomial_classification_plots | boolesch | |
| binomial_ci_enable | boolesch | |
| binomial_ci | Zahl | |
| binomial_residual | outliers all | |
| binomial_residual_enable | boolesch | |
| binomial_outlier_threshold | Zahl | |
| binomial_classification_cutoff | Zahl | |
| binomial_removal_criterion | LR Wald Conditional | |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "neuralnet"

Vorsicht: In dieser Version ist eine neuere Fassung des Netzmodellierungsknotens mit erweiterten Funktionen verfügbar, die im nächsten Abschnitt beschrieben wird (*neuralnetwork*). Sie können zwar auch weiterhin Modelle mit der Vorgängerversion erstellen und scoren, doch empfehlen wir die Aktualisierung Ihrer Scripts zur Verwendung der neuen Version. Details der vorherigen Version werden hier aus Referenzgründen aufbewahrt.

Tabelle 107. Eigenschaften des Knotens "neuralnet".

| Eigenschaften des Knotens neuralnet | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--|--|
| targets | [Feld1 ... FeldN] | Der Netzknoten erwartet mindestens ein Zielfeld und mindestens ein Eingabefeld. Häufigkeits- und Gewichtungsfelder werden ignoriert. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| method | Quick Dynamic Multiple Prune ExhaustivePrune RBFN | |
| prevent_overtrain | boolesch | |
| train_pct | Zahl | |
| set_random_seed | boolesch | |
| random_seed | Zahl | |
| mode | Simple Expert | |
| stop_on | Default Accuracy Cycles Zeit | Stoppmodus. |
| accuracy | Zahl | Stoppgenauigkeit. |
| cycles | Zahl | Zu trainierende Zyklen. |
| time | Zahl | Dauer der Trainingsphase (Minuten) |
| continue | boolesch | |
| show_feedback | boolesch | |
| binary_encode | boolesch | |
| use_last_model | boolesch | |
| gen_logfile | boolesch | |
| logfile_name | Zeichenfolge | |
| alpha | Zahl | |
| initial_eta | Zahl | |
| high_eta | Zahl | |
| low_eta | Zahl | |
| eta_decay_cycles | Zahl | |

Tabelle 107. Eigenschaften des Knotens "neuralnet" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens neuralnet | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---------------------|---|
| hid_layers | One Two Three | |
| hl_units_one | Zahl | |
| hl_units_two | Zahl | |
| hl_units_three | Zahl | |
| persistence | Zahl | |
| m_topologies | Zeichenfolge | |
| m_non_pyramids | boolesch | |
| m_persistence | Zahl | |
| p_hid_layers | One Two Three | |
| p_hl_units_one | Zahl | |
| p_hl_units_two | Zahl | |
| p_hl_units_three | Zahl | |
| p_persistence | Zahl | |
| p_hid_rate | Zahl | |
| p_hid_pers | Zahl | |
| p_inp_rate | Zahl | |
| p_inp_pers | Zahl | |
| p_overall_pers | Zahl | |
| r_persistence | Zahl | |
| r_num_clusters | Zahl | |
| r_eta_auto | boolesch | |
| r_alpha | Zahl | |
| r_eta | Zahl | |
| optimize | Speed Memory | Dient zur Angabe, ob die Modellerstellung in Bezug auf die Geschwindigkeit oder den Speicher optimiert werden soll. |
| calculate_variable_importance | boolesch | Hinweis: Die in früheren Versionen verwendete Eigenschaft sensitivity_analysis wird zugunsten dieser Eigenschaft nicht mehr verwendet. Die alte Eigenschaft wird weiterhin unterstützt, es wird jedoch calculate_variable_importance empfohlen. |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "neuralnetwork"

Der Netzknoten verwendet ein vereinfachtes Modell der Art und Weise, wie ein menschliches Gehirn Informationen verarbeitet. Es funktioniert, indem eine große Anzahl miteinander verbundener einfacher Verarbeitungseinheiten simuliert wird, die abstrakten Versionen von Neuronen ähnlich sind. Neuronale Netze sind leistungsstarke Mehrzweckschätzer, für deren Training und Anwendung nur sehr geringe statistische oder mathematische Kenntnisse erforderlich sind.

Tabelle 108. Eigenschaften des Knotens "neuralnetwork".

| Eigenschaften des Knotens neuralnetwork | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|---|
| targets | [Feld1 ... FeldN] | Gibt die Zielfelder an. |
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | Im Modell verwendete Prädiktorfelder. |
| splits | [Feld1 ... FeldN] | Gibt das Feld bzw. die Felder für die Aufteilungsmodellierung an. |
| use_partition | boolesch | Wenn ein Partitionsfeld definiert ist, gewährleistet diese Option, dass nur Daten aus der Trainingspartition für die Modellerstellung verwendet werden. |
| continue | boolesch | Training des bestehenden Modells fortsetzen. |
| objective | Standard Bagging Boosting psm | PSM wird für sehr umfangreiche Datasets verwendet und erfordert eine Serververbindung. |
| method | MultilayerPerceptron RadialBasisFunction | |
| use_custom_layers | boolesch | |
| first_layer_units | Zahl | |
| second_layer_units | Zahl | |
| use_max_time | boolesch | |
| max_time | Zahl | |
| use_max_cycles | boolesch | |
| max_cycles | Zahl | |
| use_min_accuracy | boolesch | |
| min_accuracy | Zahl | |
| combining_rule_categorical | Voting HighestProbability HighestMeanProbability | |
| combining_rule_continuous | Mean Median | |
| component_models_n | Zahl | |
| overfit_prevention_pct | Zahl | |
| use_random_seed | boolesch | |
| random_seed | Zahl | |

Tabelle 108. Eigenschaften des Knotens "neuralnetwork" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens neuralnetwork | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--|--------------------------|
| missing_values | listwiseDeletion missingValueImputation | |
| use_custom_model_name | boolesch | |
| custom_model_name | Zeichenfolge | |
| confidence | onProbability onIncrease | |
| score_category_probabilities | boolesch | |
| max_categories | Zahl | |
| score_propensity | boolesch | |
| use_custom_name | boolesch | |
| custom_name | Zeichenfolge | |
| tooltip | Zeichenfolge | |
| keywords | Zeichenfolge | |
| annotation | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "quest"



Der QUEST-Knoten bietet eine binäre Klassifizierungsmethode zum Erstellen von Entscheidungsbäumen, die dazu dient, die für große C&R-Baumanalysen erforderliche Verarbeitungszeit zu verkürzen. Gleichzeitig soll die in den Klassifizierungsbaummodellen festgestellte Tendenz verringert werden, die darin besteht, dass Eingaben bevorzugt werden, die mehr Aufteilungen erlauben. Eingabefelder können stetig (numerische Bereiche) sein, das Zielfeld muss aber kategorial sein. Alle Aufteilungen sind binär.

Tabelle 109. Eigenschaften des Knotens "quest".

| Eigenschaften des Knotens quest | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|--|
| target | Feld | QUEST-Modelle erfordern ein einzelnes Ziel und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem kann ein Häufigkeitsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| continue_training_existing_model | boolesch | |
| objective | Standard Boosting Bagging psm | PSM wird für sehr umfangreiche Datasets verwendet und erfordert eine Serververbindung. |
| model_output_type | Single InteractiveBuilder | |
| use_tree_directives | boolesch | |
| tree_directives | Zeichenfolge | |
| use_max_depth | Default Custom | |

Tabelle 109. Eigenschaften des Knotens "quest" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens quest | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--|--|
| max_depth | ganze Zahl | Maximale Baumtiefe, von 0 bis 1000. Wird nur verwendet, wenn use_max_depth = Custom. |
| prune_tree | boolesch | Baum reduzieren, um zu große Anpassung zu vermeiden. |
| use_std_err | boolesch | Maximale Risikendifferenz verwenden (in Standardfehler). |
| std_err_multiplier | Zahl | Maximale Differenz. |
| max_surrogates | Zahl | Maximale Anzahl Ersatztrenner. |
| use_percentage | boolesch | |
| min_parent_records_pc | Zahl | |
| min_child_records_pc | Zahl | |
| min_parent_records_abs | Zahl | |
| min_child_records_abs | Zahl | |
| use_costs | boolesch | |
| costs | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |
| priors | Data Equal Custom | |
| custom_priors | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |
| adjust_priors | boolesch | |
| trails | Zahl | Anzahl der Komponentenmodelle für Boosting oder Bagging. |
| set_ensemble_method | Voting HighestProbability HighestMeanProbability | Standardkombinationsregel für kategoriale Ziele. |
| range_ensemble_method | Mean Median | Standardkombinationsregel für stetige Ziele. |
| large_boost | boolesch | Boosting auf sehr große Datasets anwenden. |
| split_alpha | Zahl | Signifikanzschwelle für Aufteilung. |
| train_pct | Zahl | Set zur Verhinderung übermäßiger Anpassung. |
| set_random_seed | boolesch | Option "Ergebnisse replizieren". |
| seed | Zahl | |
| calculate_variable_importance | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "regression"



Die lineare Regression ist ein statistisches Verfahren zur Zusammenfassung von Daten und die Erstellung von Vorhersagen durch Anpassung einer geraden Linie oder Fläche, mit der die Diskrepanzen zwischen den vorhergesagten und den tatsächlichen Ausgabewerten minimiert werden.

Hinweis: Der Regressionsknoten wird in einer zukünftigen Version durch den Linearknoten ersetzt. Es wird empfohlen, dass Sie von nun an lineare Modelle für lineare Regression verwenden.

Table 110. Eigenschaften des Knotens "regression".

| Eigenschaften des Knotens regression | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|---|---|
| target | Feld | Regressionsmodelle erfordern ein einzelnes Zielfeld und eines oder mehrere Eingabefelder. Außerdem kann ein Gewichtungsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| method | Enter Stepwise Backwards Forwards | |
| include_constant | boolesch | |
| use_weight | boolesch | |
| weight_field | Feld | |
| mode | Simple Expert | |
| complete_records | boolesch | |
| tolerance | 1,0E-1 1,0E-2 1,0E-3 1,0E-4 1,0E-5 1,0E-6 1,0E-7 1,0E-8 1,0E-9 1,0E-10 1,0E-11 1,0E-12 | Verwenden Sie für Argumente doppelte Anführungszeichen. |
| stepping_method | useP useF | useP: F-Wahrscheinlichkeit verwenden useF: F-Wert verwenden |
| probability_entry | Zahl | |
| probability_removal | Zahl | |
| F_value_entry | Zahl | |
| F_value_removal | Zahl | |
| selection_criteria | boolesch | |
| confidence_interval | boolesch | |
| covariance_matrix | boolesch | |

Tabelle 110. Eigenschaften des Knotens "regression" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens regression | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--------------------------|
| collinearity_diagnostics | boolesch | |
| regression_coefficients | boolesch | |
| exclude_fields | boolesch | |
| durbin_watson | boolesch | |
| model_fit | boolesch | |
| r_squared_change | boolesch | |
| p_correlations | boolesch | |
| descriptives | boolesch | |
| calculate_variable_importance | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "sequence"



Der Sequenzknoten erkennt Assoziationsregeln in sequenziellen oder zeitorientierten Daten. Eine Sequenz ist eine Liste mit Elementsets, die in einer vorhersagbaren Reihenfolge auftreten. Beispiel: Ein Kunde, der einen Rasierer und After-Shave-Lotion kauft, kauft möglicherweise beim nächsten Einkauf Rasiercreme. Der Sequenzknoten basiert auf dem CARMA-Assoziationsregelalgorithmus, der eine effiziente bidirektionale Methode zum Suchen von Sequenzen verwendet.

Tabelle 111. Eigenschaften des Knotens "sequence".

| Eigenschaften des Knotens sequence | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|-------------------|--|
| id_field | Feld | Um ein Sequenzmodell zu erstellen, müssen Sie ein ID-Feld, ein optionales Zeitfeld und mindestens ein Inhaltsfeld angeben. Gewichtung- und Häufigkeitsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| time_field | Feld | |
| use_time_field | boolesch | |
| content_fields | [Feld1 ... FeldN] | |
| contiguous | boolesch | |
| min_supp | Zahl | |
| min_conf | Zahl | |
| max_size | Zahl | |
| max_predictions | Zahl | |
| mode | Simple Expert | |
| use_max_duration | boolesch | |
| max_duration | Zahl | |
| use_gaps | boolesch | |
| min_item_gap | Zahl | |

Tabelle 111. Eigenschaften des Knotens "sequence" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens sequence | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|------------|--------------------------|
| max_item_gap | Zahl | |
| use_pruning | boolesch | |
| pruning_value | Zahl | |
| set_mem_sequences | boolesch | |
| mem_sequences | ganze Zahl | |

Eigenschaften des Knotens "slrm"



Mithilfe des Knotens für das lernfähige Antwortmodell (Self-Learning Response Model, SLRM) können Sie ein Modell erstellen, in dem das Modell anhand eines einzelnen neuen Falls oder einer kleinen Anzahl neuer Fälle neu eingeschätzt werden kann, ohne dass das Modell mit allen Daten neu trainiert werden muss.

Tabelle 112. Eigenschaften des Knotens "slrm".

| Eigenschaften des Knotens slrm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|-------------------------|--|
| target | Feld | Beim Zielfeld muss es sich um ein nominales oder ein Flagfeld handeln. Außerdem kann ein Häufigkeitsfeld angegeben werden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| target_response | Feld | Der Typ muss "Flag" sein. |
| continue_training_existing_model | boolesch | |
| target_field_values | boolesch | Alle verwenden: Alle Werte aus der Quelle verwenden. Angeben: Erforderliche Werte auswählen. |
| target_field_values_specify | [Feld1 ... FeldN] | |
| include_model_assessment | boolesch | |
| model_assessment_random_seed | Zahl | Muss eine reelle Zahl sein. |
| model_assessment_sample_size | Zahl | Muss eine reelle Zahl sein. |
| model_assessment_iterations | Zahl | Anzahl der Iterationen. |
| display_model_evaluation | boolesch | |
| max_predictions | Zahl | |
| randomization | Zahl | |
| scoring_random_seed | Zahl | |
| sort | Ascending Descending | Gibt an, ob die Angebote mit den höchsten oder die mit den niedrigsten Scores zuerst angezeigt werden. |
| model_reliability | boolesch | |
| calculate_variable_importance | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "statisticsmodel"



Mithilfe des Statistics-Modellknotens können Sie Ihre Daten analysieren und bearbeiten, indem Sie IBM SPSS Statistics-Prozeduren ausführen, die PMML erzeugen. Für diesen Knoten ist eine lizenzierte Kopie von IBM SPSS Statistics erforderlich.

Eine Beschreibung der Eigenschaften für diesen Knoten finden Sie in „Eigenschaften des Knotens "statisticsmodel"“ auf Seite 246.

Eigenschaften des Knotens "svm"



Der Knoten "Support Vector Machine" (SVM) ermöglicht die Klassifizierung von Daten in eine von zwei Gruppen ohne Überanpassung. SVM eignet sich gut für umfangreiche Datasets, beispielsweise solche mit einer großen Anzahl an Eingabefeldern.

Tabelle 113. Eigenschaften des Knotens "svm".

| Eigenschaften des Knotens svm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|---|---|
| all_probabilities | <i>boolesch</i> | |
| stopping_criteria | 1,0E-1 1,0E-2 1,0E-3 (Standard) 1,0E-4 1,0E-5 1,0E-6 | Bestimmt, wann der Optimierungsalgorithmus gestoppt werden soll. |
| regularization | <i>Zahl</i> | Auch als C-Parameter bekannt. |
| precision | <i>Zahl</i> | Nur verwendet, wenn es sich beim Messniveau des Zielfelds um Continuous (Stetig) handelt. |
| kernel | RBF(Standard) Polynomial Sigmoid Linear | Typ der für die Transformation verwendeten Kernfunktion. |
| rbf_gamma | <i>Zahl</i> | Nur verwendet, wenn für kernel der Typ RBF gilt. |
| gamma | <i>Zahl</i> | Nur verwendet, wenn für kernel der Typ Polynomial oder Sigmoid gilt. |
| bias | <i>Zahl</i> | |
| degree | <i>Zahl</i> | Nur verwendet, wenn für kernel der Typ Polynomial gilt. |
| calculate_variable_importance | <i>boolesch</i> | |
| calculate_raw_propensities | <i>boolesch</i> | |
| calculate_adjusted_propensities | <i>boolesch</i> | |
| adjusted_propensity_partition | Test Validation | |

Eigenschaften des Knotens "timeseries"



Der Zeitreihenknoten berechnet Schätzungen für die exponentielle Glättung sowie univariate und multivariate ARIMA-Modelle (ARIMA steht für Autoregressive Integrated Moving Average (autoregressiver integrierter gleitender Durchschnitt)) für Zeitreihendaten und erstellt Vorhersagen über die zukünftige Leistung. Einem Zeitreihenknoten muss stets ein Zeitintervallknoten vorangehen.

Tabelle 114. Eigenschaften des Knotens "timeseries".

| Eigenschaften des Knotens timeseries | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--|--|
| targets | <i>Feld</i> | Der Zeitreihenknoten sagt eines oder mehrere Ziele voraus; optional können dabei ein oder mehrere Eingabefelder als Prädiktoren verwendet werden. Häufigkeits- und Gewichtungsfelder werden nicht verwendet. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| continue | <i>boolesch</i> | |
| method | ExpertModeler Exsmooth Arima Reuse | |
| expert_modeler_method | <i>boolesch</i> | |
| consider_seasonal | <i>boolesch</i> | |
| detect_outliers | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_additive | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_level_shift | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_innovational | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_level_shift | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_transient | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_seasonal_additive | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_local_trend | <i>boolesch</i> | |
| expert_outlier_additive_patch | <i>boolesch</i> | |
| exsmooth_model_type | Simple HoltsLinearTrend BrownsLinearTrend DampedTrend SimpleSeasonal WintersAdditive WintersMultiplicative | |
| exsmooth_transformation_type | None SquareRoot NaturalLog | |
| arima_p | <i>ganze Zahl</i> | |

Tabelle 114. Eigenschaften des Knotens "timeseries" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens timeseries | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------------------------------|---|
| arima_d | ganze Zahl | |
| arima_q | ganze Zahl | |
| arima_sp | ganze Zahl | |
| arima_sd | ganze Zahl | |
| arima_sq | ganze Zahl | |
| arima_transformation_type | None SquareRoot NaturalLog | |
| arima_include_constant | boolesch | |
| tf_arima_p. Feldname | ganze Zahl | Für Transferfunktionen. |
| tf_arima_d. Feldname | ganze Zahl | Für Transferfunktionen. |
| tf_arima_q. Feldname | ganze Zahl | Für Transferfunktionen. |
| tf_arima_sp. Feldname | ganze Zahl | Für Transferfunktionen. |
| tf_arima_sd. Feldname | ganze Zahl | Für Transferfunktionen. |
| tf_arima_sq. Feldname | ganze Zahl | Für Transferfunktionen. |
| tf_arima_delay. Feldname | ganze Zahl | Für Transferfunktionen. |
| tf_arima_transformation_type. Feldname | None SquareRoot NaturalLog | Für Transferfunktionen. |
| arima_detect_outlier_mode | None Automatic | |
| arima_outlier_additive | boolesch | |
| arima_outlier_level_shift | boolesch | |
| arima_outlier_innovational | boolesch | |
| arima_outlier_transient | boolesch | |
| arima_outlier_seasonal_additive | boolesch | |
| arima_outlier_local_trend | boolesch | |
| arima_outlier_additive_patch | boolesch | |
| conf_limit_pct | real | |
| max_lags | ganze Zahl | |
| events | Felder | |
| scoring_model_only | boolesch | Für Modelle mit sehr großen Zahlen (Zehntausende) von Zeitreihen. |

Eigenschaften des Knotens "twostep"



Der TwoStep-Knoten verwendet eine aus zwei Schritten bestehende Clusterbildungsmethode. Im ersten Schritt wird ein einzelner Durchlauf durch die Daten vorgenommen, bei dem die Eingangsrohdaten zu einem verwaltbaren Set von Subclustern komprimiert werden. Im zweiten Schritt werden die Subcluster mithilfe einer hierarchischen Methode zur Clusterbildung nach und nach in immer größere Cluster zusammengeführt. TwoStep hat den Vorteil, dass die optimale Anzahl an Clustern für die Trainingsdaten automatisch geschätzt wird. Mit dem Verfahren können gemischte Feldtypen und große Datasets effizient verarbeitet werden.

Tabelle 115. Eigenschaften des Knotens "twostep".

| Eigenschaften des Knotens twostep | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|----------------------------|--|
| inputs | [Feld1 ... FeldN] | TwoStep-Modelle verwenden eine Liste mit Eingabefeldern, jedoch kein Ziel. Gewichtung- und Häufigkeitsfelder werden nicht erkannt. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Eigenschaften von Modellierungsknoten“ auf Seite 133. |
| standardize | boolesch | |
| exclude_outliers | boolesch | |
| percentage | Zahl | |
| cluster_num_auto | boolesch | |
| min_num_clusters | Zahl | |
| max_num_clusters | Zahl | |
| num_clusters | Zahl | |
| cluster_label | Zeichenfolge Zahl | |
| label_prefix | Zeichenfolge | |
| distance_measure | Euclidean Loglikelihood | |
| clustering_criterion | AIC BIC | |

Kapitel 14. Eigenschaften von Modellnuggetknoten

Modellnuggetknoten besitzen dieselben allgemeinen Eigenschaften wie andere Knoten. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Allgemeine Knoteneigenschaften“ auf Seite 60.

Eigenschaften des Knotens "applyanomalydetection"

Mithilfe von Modellierungsknoten vom Typ "Anomalieerkennung" kann ein Modellnugget vom Typ "Anomalieerkennung" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyanomalydetection*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "anomalydetection"“ auf Seite 133.

Tabelle 116. Eigenschaften des Knotens "applyanomalydetection".

| Eigenschaften des Knotens applyanomalydetection | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------------------|---|
| <code>anomaly_score_method</code> | FlagAndScore FlagOnly ScoreOnly | Bestimmt, welche Ausgaben für das Scoring erstellt werden. |
| <code>num_fields</code> | <i>ganze Zahl</i> | Zu meldende Felder. |
| <code>discard_records</code> | <i>boolesch</i> | Gibt an, ob Datensätze aus der Ausgabe verworfen werden sollen oder nicht. |
| <code>discard_anomalous_records</code> | <i>boolesch</i> | Gibt an, ob die anomalen oder die <i>nicht</i> anomalen Datensätze verworfen werden sollen. Der Standardwert ist <i>off</i> , was bedeutet, dass die <i>nicht</i> anomalen Datensätze verworfen werden. Bei <i>on</i> werden die anomalen Datensätze verworfen. Diese Eigenschaft ist nur aktiviert, wenn die Eigenschaft <code>discard_records</code> aktiviert ist. |

Eigenschaften des Knotens "applyapriori"

Mithilfe von Apriori-Modellierungsknoten kann ein Modellnugget vom Typ "Apriori" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyapriori*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "apriori"“ auf Seite 135.

Tabelle 117. Eigenschaften des Knotens "applyapriori".

| Eigenschaften des Knotens applyapriori | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|--------------------------|
| <code>max_predictions</code> | <i>Anzahl (ganze Zahl)</i> | |
| <code>ignore_unmatched</code> | <i>boolesch</i> | |
| <code>allow_repeats</code> | <i>boolesch</i> | |
| <code>check_basket</code> | NoPredictions Predictions NoCheck | |
| <code>criterion</code> | Confidence Support RuleSupport Lift Deployability | |

Eigenschaften des Knotens "applyautoclassifier"

Mithilfe von Modellierungsknoten des Typs "Automatisches Klassifikationsmerkmal" kann ein Modellnugget vom Typ "Automatisches Klassifikationsmerkmal" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyautoclassifier*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "autoclassifier"“ auf Seite 136.

Tabelle 118. Eigenschaften des Knotens "applyautoclassifier".

| Eigenschaften des Knotens applyautoclassifier | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--|---|
| flag_ensemble_method | Voting ConfidenceWeightedVoting RawPropensityWeightedVoting HighestConfidence AverageRawPropensity | Gibt an, welche Methode für die Bestimmung des Ensemble-Score verwendet werden soll. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein Flagfeld ist. |
| flag_voting_tie_selection | Random HighestConfidence RawPropensity | Wenn eine Voting-Methode ausgewählt ist, gibt diese Einstellung an, wie Gleichstände aufgelöst werden sollen. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein Flagfeld ist. |
| set_ensemble_method | Voting ConfidenceWeightedVoting HighestConfidence | Gibt an, welche Methode für die Bestimmung des Ensemble-Score verwendet werden soll. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein Setfeld ist. |
| set_voting_tie_selection | Random HighestConfidence | Wenn eine Voting-Methode ausgewählt ist, gibt diese Einstellung an, wie Gleichstände aufgelöst werden sollen. Diese Einstellung gilt nur, wenn das ausgewählte Ziel ein nominales Feld ist. |

Eigenschaften des Knotens "applyautocluster"

Mithilfe von Modellierungsknoten des Typs "Autom. Cluster" kann ein Modellnugget vom Typ "Autom. Cluster" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyautocluster*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "autocluster"“ auf Seite 138.

Eigenschaften des Knotens "applyautonumeric"

Mithilfe von Modellierungsknoten des Typs "Auto-Numerisch" kann ein Modellnugget vom Typ "Auto-Numerisch" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyautonumeric*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "autonumeric"“ auf Seite 139.

Tabelle 119. Eigenschaften des Knotens "applyautonumeric".

| Eigenschaften des Knotens applyautonumeric | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------|--------------------------|
| calculate_standard_error | <i>boolesch</i> | |

Eigenschaften des Knotens "applybayesnet"

Mithilfe von Bayes-Netzmodellierungsknoten kann ein Modellnugget vom Typ "Bayes-Netz" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applybayesnet*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "bayesnet"“ auf Seite 140.

Tabelle 120. Eigenschaften des Knotens "applybayesnet".

| Eigenschaften des Knotens applybayesnet | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-----------------|--------------------------|
| all_probabilities | <i>boolesch</i> | |
| raw_propensity | <i>boolesch</i> | |
| adjusted_propensity | <i>boolesch</i> | |
| calculate_raw_propensities | <i>boolesch</i> | |
| calculate_adjusted_propensities | <i>boolesch</i> | |

Eigenschaften des Knotens "applyc50"

Mithilfe von C5.0-Modellierungsknoten kann ein C5.0-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyc50*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "c50"“ auf Seite 142.

Tabelle 121. Eigenschaften des Knotens "applyc50".

| Eigenschaften des Knotens applyc50 | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------------|---|
| sql_generate | Never NoMissingValues | Dient zur Festlegung von SQL-Erzeugungsoptionen beim Ausführen des Regelsets. |
| calculate_conf | <i>boolesch</i> | Diese Eigenschaft ist verfügbar, wenn die SQL-Erzeugung aktiviert ist; sie enthält Konfidenzberechnungen im erzeugten Baum. |
| calculate_raw_propensities | <i>boolesch</i> | |
| calculate_adjusted_propensities | <i>boolesch</i> | |

Eigenschaften des Knotens "applycarma"

Mithilfe von CARMA-Modellierungsknoten kann ein CARMA-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applycarma*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "carma"“ auf Seite 143.

Eigenschaften des Knotens "applycart"

Mithilfe von Modellierungsknoten vom Typ "C&R-Baum" kann ein Modellnugget vom Typ "C&R-Baum" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applycart*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "cart"“ auf Seite 144.

Table 122. Eigenschaften des Knotens "applycart".

| Eigenschaften des Knotens applycart | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|---|
| sql_generate | Never MissingValues NoMissingValues | Dient zur Festlegung von SQL-Erzeugungsoptionen beim Ausführen des Regelsets. |
| calculate_conf | <i>boolesch</i> | Diese Eigenschaft ist verfügbar, wenn die SQL-Erzeugung aktiviert ist; sie enthält Konfidenzberechnungen im erzeugten Baum. |
| display_rule_id | <i>boolesch</i> | Fügt ein Feld zur Scoring-Ausgabe hinzu, das die ID des Endknotens angibt, dem der jeweilige Datensatz zugewiesen ist. |
| calculate_raw_propensities | <i>boolesch</i> | |
| calculate_adjusted_propensities | <i>boolesch</i> | |

Eigenschaften des Knotens "applychaid"

Mithilfe von CHAID-Modellierungsknoten kann ein CHAID-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applychaid*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "chaid"“ auf Seite 146.

Table 123. Eigenschaften des Knotens "applychaid".

| Eigenschaften des Knotens applychaid | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------------------|--|
| sql_generate | Never MissingValues | |
| calculate_conf | <i>boolesch</i> | |
| display_rule_id | <i>boolesch</i> | Fügt ein Feld zur Scoring-Ausgabe hinzu, das die ID des Endknotens angibt, dem der jeweilige Datensatz zugewiesen ist. |
| calculate_raw_propensities | <i>boolesch</i> | |
| calculate_adjusted_propensities | <i>boolesch</i> | |

Eigenschaften des Knotens "applycoxreg"

Mithilfe von Cox-Modellierungsknoten kann ein Cox-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applycoxreg*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "coxreg"“ auf Seite 147.

Table 124. Eigenschaften des Knotens "applycoxreg".

| Eigenschaften des Knotens applycoxreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---------------------|--------------------------|
| future_time_as | Intervals Fields | |
| time_interval | <i>Zahl</i> | |
| num_future_times | <i>ganze Zahl</i> | |
| time_field | <i>Feld</i> | |
| past_survival_time | <i>Feld</i> | |

Table 124. Eigenschaften des Knotens "applycoxreg" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens applycoxreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--------------------------|
| all_probabilities | boolesch | |
| cumulative_hazard | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applydecisionlist"

Mithilfe von Entscheidungslistenmodellierungsknoten kann ein Modellnugget vom Typ "Entscheidungsliste" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applydecisionlist*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "decisionlist"“ auf Seite 149.

Table 125. Eigenschaften des Knotens "applydecisionlist".

| Eigenschaften des Knotens applydecisionlist | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--|
| enable_sql_generation | boolesch | Wenn dieser Wert wahr ist, versucht IBM SPSS Modeler, das Entscheidungslistenmodell über einen Pushback-Vorgang an SQL zurückzuführen. |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applydiscriminant"

Mithilfe von Diskriminanzmodellierungsknoten kann ein Diskriminanzmodellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applydiscriminant*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "discriminant"“ auf Seite 150.

Table 126. Eigenschaften des Knotens "applydiscriminant".

| Eigenschaften des Knotens applydiscriminant | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--------------------------|
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applyfactor"

Mithilfe von Faktormodellierungsknoten kann ein Faktormodellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyfactor*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "factor"“ auf Seite 152.

Eigenschaften des Knotens "applyfeatureselection"

Mithilfe von Modellierungsknoten vom Typ "Merkmalauswahl" kann ein Modellnugget vom Typ "Merkmalauswahl" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyfeatureselection*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "featureselection"“ auf Seite 153.

Table 127. Eigenschaften des Knotens "applyfeatureselection".

| Eigenschaften des Knotens applyfeatureselection | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------|---|
| selected_ranked_fields | | Gibt an, welche Felder mit Rangzahlen im Modell-Browser markiert werden. |
| selected_screened_fields | | Gibt an, welche im Screening untersuchten Felder im Modell-Browser markiert werden. |

Eigenschaften des Knotens "applygeneralizedlinear"

Mithilfe von Modellierungsknoten vom Typ "Verallgemeinert linear (genlin)" kann ein Modellnugget vom Typ "Verallgemeinert linear" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applygeneralizedlinear*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "genlin"“ auf Seite 155.

Table 128. Eigenschaften des Knotens "applygeneralizedlinear".

| Eigenschaften des Knotens applygeneralizedlinear | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--------------------------|
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applyglm"

Mithilfe von GLMM-Modellierungsknoten kann ein GLMM-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyglm*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "glm"“ auf Seite 158.

Table 129. Eigenschaften des Knotens "applyglm".

| Eigenschaften des Knotens applyglm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|-----------------------------|---|
| confidence | onProbability onIncrease | Grundlage für die Berechnung des Konfidenzwerts für das Scoring: höchste vorhergesagte Wahrscheinlichkeit oder Differenz zwischen der höchsten und zweithöchsten vorhergesagten Wahrscheinlichkeit. |
| score_category_probabilities | boolesch | Auf True gesetzt, werden die vorhergesagten Wahrscheinlichkeiten für kategoriale Ziele generiert. Für jede Kategorie wird ein Feld erstellt. Die Standardeinstellung ist False. |
| max_categories | ganze Zahl | Maximal zu erstellende Anzahl an Kategorien, für die Wahrscheinlichkeiten vorhergesagt werden sollen. Wird nur verwendet, wenn score_category_probabilities auf True gesetzt ist. |

Tabelle 129. Eigenschaften des Knotens "applyglm" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens applyglm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------|--|
| score_propensity | boolesch | Auf True gesetzt, werden Raw-Propensity-Scores (die die Wahrscheinlichkeit für "True" angeben) für Modelle mit Flagzielen erzeugt. Bei aktiven Partitionen werden außerdem Adjusted-Propensity-Scores anhand der Testpartition erzeugt. Die Standardeinstellung ist False. |

Eigenschaften des Knotens "applykmeans"

Mithilfe von K-Means-Modellierungsknoten kann ein K-Means-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applykmeans*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "kmeans"“ auf Seite 162.

Eigenschaften des Knotens "applyknn"

Mithilfe von KNN-Modellierungsknoten kann ein KNN-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyknn*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "knn"“ auf Seite 163.

Tabelle 130. Eigenschaften des Knotens "applyknn".

| Eigenschaften des Knotens applyknn | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------|--------------------------|
| all_probabilities | boolesch | |
| save_distances | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applykohonen"

Mithilfe von Kohonen-Modellierungsknoten kann ein Kohonen-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applykohonen*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "kohonen"“ auf Seite 164.

Eigenschaften des Knotens "applylinear"

Mithilfe von Cox-Modellierungsknoten kann ein Nugget für ein lineares Modell generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applylinear*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "linear"“ auf Seite 165.

Tabelle 131. Eigenschaften des Knotens "applylinear".

| Eigenschaften des Knotens applylinear | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------|--------------------------|
| use_custom_name | boolesch | |
| custom_name | Zeichenfolge | |
| enable_sql_generation | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applylogreg"

Mithilfe von Modellierungsknoten vom Typ "Logistische Regression" kann ein Modellnugget vom Typ "Logistische Regression" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applylogreg*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "logreg"“ auf Seite 166.

Tabelle 132. Eigenschaften des Knotens "applylogreg".

| Eigenschaften des Knotens applylogreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--------------------------|
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_conf | boolesch | |
| enable_sql_generation | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applyneuralnet"

Mithilfe von Netzmodellierungsknoten kann ein Netzmodellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyneuralnet*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "neuralnet"“ auf Seite 169.

Vorsicht: In dieser Version ist eine neuere Fassung des Netz-Nuggets mit erweiterten Funktionen verfügbar, die im nächsten Abschnitt beschrieben wird (*applyneuralnetwork*). Die Vorgängerversion ist zwar weiterhin verfügbar, wir empfehlen jedoch die Aktualisierung Ihrer Scripts zur Verwendung der neuen Version. Zur Referenz sind hier Details zur Vorgängerversion enthalten, doch wird die Unterstützung dafür in zukünftigen Versionen wegfallen.

Tabelle 133. Eigenschaften des Knotens "applyneuralnet".

| Eigenschaften des Knotens applyneuralnet | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------------|---|
| calculate_conf | boolesch | Diese Eigenschaft ist verfügbar, wenn die SQL-Erzeugung aktiviert ist; sie enthält Konfidenzberechnungen im erzeugten Baum. |
| enable_sql_generation | boolesch | |
| nn_score_method | Difference SoftMax | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applyneuralnetwork"

Mithilfe von Netzmodellierungsknoten kann ein Netzmodellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyneuralnetwork*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "neuralnetwork"“ auf Seite 171.

Tabelle 134. Eigenschaften des Knotens "applyneuralnetwork".

| Eigenschaften des Knotens applyneuralnetwork | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------------------|--------------------------|
| use_custom_name | boolesch | |
| custom_name | Zeichenfolge | |
| confidence | onProbability onIncrease | |

Tabelle 134. Eigenschaften des Knotens "applyneuralnetwork" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens applyneuralnetwork | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--------------------------|
| score_category_probabilities | boolesch | |
| max_categories | Zahl | |
| score_propensity | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applyquest"

Mithilfe von QUEST-Modellierungsknoten kann ein QUEST-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyquest*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "quest"“ auf Seite 172.

Tabelle 135. Eigenschaften des Knotens "applyquest".

| Eigenschaften des Knotens applyquest | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|--|
| sql_generate | Never MissingValues NoMissingValues | |
| calculate_conf | boolesch | |
| display_rule_id | boolesch | Fügt ein Feld zur Scoring-Ausgabe hinzu, das die ID des Endknotens angibt, dem der jeweilige Datensatz zugewiesen ist. |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applyregression"

Mithilfe von Modellierungsknoten vom Typ "Lineare Regression" kann ein Modellnugget vom Typ "Lineare Regression" generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyregression*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "regression"“ auf Seite 174.

Eigenschaften des Knotens "applyr"

Mithilfe von R-Erstellungsknoten kann ein R-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyr*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "buildr"“ auf Seite 142.

Tabelle 136. Eigenschaften des Knotens "applyr"

| Eigenschaften des Knotens applyr | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|------------------------------------|---|
| score_syntax | Zeichenfolge | R-Scriptsyntax für das Modellscoring. |
| convert_flags | StringsAndDoubles LogicalValues | Option zum Konvertieren von Flagfeldern. |
| convert_datetime | boolesch | Option zum Konvertieren von Variablen mit Datums- oder Datums-/Zeitformaten in R-Datums-/Zeitformate. |

Tabelle 136. Eigenschaften des Knotens "apply" (Forts.)

| Eigenschaften des Knotens apply | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------|--|
| convert_datetime_class | POSIXct POSIXlt | Optionen, die angeben, in welches Format Variablen mit Datums- oder Datums-/Zeitformaten konvertiert werden. |
| convert_missing | boolesch | Option zum Konvertieren fehlender Werte in R-Werte "NA". |

Eigenschaften des Knotens "applyselflearning"

Mithilfe von Modellierungsknoten vom Typ (Self-Learning Response Model (SLRM)) kann ein SLRM-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applyselflearning*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "slrm"“ auf Seite 176.

Tabelle 137. Eigenschaften des Knotens "applyselflearning".

| Eigenschaften des Knotens applyselflearning | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------------------|--|
| max_predictions | Zahl | |
| randomization | Zahl | |
| scoring_random_seed | Zahl | |
| sort | ascending descending | Gibt an, ob die Angebote mit den höchsten oder die mit den niedrigsten Scores zuerst angezeigt werden. |
| model_reliability | boolesch | Berücksichtigt die Option für die Reliabilität auf der Registerkarte "Einstellungen". |

Eigenschaften des Knotens "applysequence"

Mithilfe von Sequenzmodellierungsknoten kann ein Sequenzmodellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applysequence*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "sequence"“ auf Seite 175.

Eigenschaften des Knotens "applysvm"

Mithilfe von SVM-Modellierungsknoten kann ein SVM-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applysvm*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "svm"“ auf Seite 177.

Tabelle 138. Eigenschaften des Knotens "applysvm".

| Eigenschaften des Knotens applysvm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|----------|--------------------------|
| all_probabilities | boolesch | |
| calculate_raw_propensities | boolesch | |
| calculate_adjusted_propensities | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "applytimeseries"

Mithilfe von Zeitreihenmodellierungsknoten kann ein Zeitreihenmodellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applytimeseries*. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "timeseries"“ auf Seite 178.

Tabelle 139. Eigenschaften des Knotens "applytimeseries".

| Eigenschaften des Knotens applytimeseries | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------|---------------------------------|
| calculate_conf | <i>boolesch</i> | |
| calculate_residuals | <i>boolesch</i> | |

Eigenschaften des Knotens "applytwostep"

Mithilfe von TwoStep-Modellierungsknoten kann ein TwoStep-Modellnugget generiert werden. Der Scriptname dieses Modellnuggets lautet *applytwostep*. Für dieses Modellnugget gelten keine weiteren Eigenschaften. Weitere Informationen zu Scripts für den Modellierungsknoten selbst finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "twostep"“ auf Seite 179.

Kapitel 15. Eigenschaften von Datenbankmodellierungsknoten

IBM SPSS Modeler unterstützt die Integration mit Data-Mining-Tools und Datenmodellierungstools von Datenbank Anbietern, z. B. Microsoft SQL Server Analysis Services, Oracle Data Mining, IBM DB2 InfoSphere Warehouse und IBM Netezza Analytics. Sie können mithilfe von datenbankeigenen Algorithmen Modelle erstellen und scores, ohne dazu die IBM SPSS Modeler-Anwendung verlassen zu müssen. Datenbankmodelle können außerdem mithilfe von Scripterstellung unter Verwendung der in diesem Abschnitt beschriebenen Eigenschaften erstellt und bearbeitet werden.

Knoteneigenschaften für Microsoft-Modellierung

Eigenschaften von Microsoft-Modellierungsknoten

Allgemeine Eigenschaften

Folgende Eigenschaften haben alle Microsoft-Datenbankmodellierungsknoten gemeinsam.

Tabelle 140. Allgemeine Eigenschaften von Microsoft-Knoten.

| Allgemeine Eigenschaften von Microsoft-Knoten | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-------------------------|---|
| analysis_database_name | <i>Zeichenfolge</i> | Name der Analysis Services-Datenbank. |
| analysis_server_name | <i>Zeichenfolge</i> | Name des Analysis Services-Hosts. |
| use_transactional_data | <i>boolesch</i> | Gibt an, ob die Eingabedaten in Tabellen- oder Transaktionsformat vorliegen. |
| inputs | <i>[Feld Feld Feld]</i> | Eingabefelder für Tabellendaten. |
| target | <i>Feld</i> | Vorhergesagtes Feld (gilt nicht für MS-Clustering- oder Sequenz-Clustering-Knoten). |
| unique_field | <i>Feld</i> | Schlüsselfeld. |
| msas_parameters | <i>strukturiert</i> | Algorithmusparameter. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Algorithmusparameter“ auf Seite 194. |
| with_drillthrough | <i>boolesch</i> | Mit Drillthrough-Option. |

MS-Entscheidungsbaum

Für Knoten vom Typ *mstree* sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Microsoft-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

MS-Clustering

Für Knoten vom Typ *mscluster* sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Microsoft-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

MS-Assoziationsregeln

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs *msassoc* verfügbar:

Tabelle 141. Eigenschaften des Knotens "msassoc".

| Eigenschaften des Knotens <i>msassoc</i> | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------|--|
| id_field | <i>Feld</i> | Identifiziert jede Transaktion in den Daten. |

Tabelle 141. Eigenschaften des Knotens "msassoc" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens msassoc | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|------------------|--------------------------------------|
| trans_inputs | [Feld Feld Feld] | Eingabefelder für Transaktionsdaten. |
| transactional_target | Feld | Prädiktorfeld (Transaktionsdaten). |

MS Naive Bayes

Für Knoten vom Typ msbayes sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Microsoft-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

MS - Lineare Regression

Für Knoten vom Typ msregression sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Microsoft-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

MS - Neuronales Netz

Für Knoten vom Typ msneuralnetwork sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Microsoft-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

MS - Logistische Regression

Für Knoten vom Typ mslogistic sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Microsoft-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

MS Time Series

Für Knoten vom Typ mstimeseries sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Microsoft-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

MS-Sequenzclustering

Die folgenden speziellen Eigenschaften sind für Knoten des Typs mssequencecluster verfügbar:

Tabelle 142. Eigenschaften des Knotens "mssequencecluster".

| Eigenschaften des Knotens mssequencecluster | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|------------------|--|
| id_field | Feld | Identifiziert jede Transaktion in den Daten. |
| input_fields | [Feld Feld Feld] | Eingabefelder für Transaktionsdaten. |
| sequence_field | Feld | Sequenz-ID. |
| target_field | Feld | Prädiktorfeld (Tabellendaten). |

Algorithmusparameter

Jeder Microsoft-Datenbankmodelltyp weist spezifische Parameter auf, die mithilfe der Eigenschaft msas_parameters festgelegt werden können.

Diese Parameter werden vom SQL-Server abgeleitet. Gehen Sie wie folgt vor, um die relevanten Parameter für die einzelnen Knoten anzuzeigen:

1. Platzieren Sie einen Datenbankquellenknoten im Erstellungsbereich.
2. Öffnen Sie den Datenbankquellenknoten.
3. Wählen Sie eine gültige Quelle in der Dropdown-Liste **Datenquelle** aus.

4. Wählen Sie eine gültige Tabelle in der Liste **Tabellename** aus.
5. Klicken Sie auf **OK**, um den Datenbankquellenknoten zu schließen.
6. Fügen Sie den Microsoft-Datenbankmodellierungsknoten ein, dessen Eigenschaften aufgelistet werden sollen.
7. Öffnen Sie den Datenbankmodellierungsknoten.
8. Wählen Sie die Registerkarte **Experten**.

Die verfügbaren `msas_parameters`-Eigenschaften für diesen Knoten werden angezeigt.

Eigenschaften von Microsoft-Modellnuggets

Folgende Eigenschaften gelten für die Modellnuggets, die mithilfe der Microsoft-Datenbankmodellierungsknoten erstellt wurden.

MS-Entscheidungsbaum

Table 143. Eigenschaften des MS-Entscheidungsbaums.

| Eigenschaften des Knotens appliedtree | Werte | Beschreibung |
|---|---------------------|---|
| <code>analysis_database_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Dieser Knoten kann direkt in einem Stream gescort werden. Anhand dieser Eigenschaft wird der Name der Analysis Services-Datenbank identifiziert. |
| <code>analysis_server_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Name des Analyseserver-Hosts. |
| <code>datasource</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Name der SQL Server ODBC-Datenquelle (DSN). |
| <code>sql_generate</code> | <i>boolesch</i> | Aktiviert die SQL-Erzeugung. |

MS - Lineare Regression

Table 144. MS Lineare Regression - Eigenschaften.

| Eigenschaften des Knotens appliedregression | Werte | Beschreibung |
|---|---------------------|---|
| <code>analysis_database_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Dieser Knoten kann direkt in einem Stream gescort werden. Anhand dieser Eigenschaft wird der Name der Analysis Services-Datenbank identifiziert. |
| <code>analysis_server_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Name des Analyseserver-Hosts. |

MS - Neuronales Netz

Table 145. MS Neuronales Netz - Eigenschaften.

| Eigenschaften des Knotens appliedneuralnetwork | Werte | Beschreibung |
|--|---------------------|---|
| <code>analysis_database_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Dieser Knoten kann direkt in einem Stream gescort werden. Anhand dieser Eigenschaft wird der Name der Analysis Services-Datenbank identifiziert. |
| <code>analysis_server_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Name des Analyseserver-Hosts. |

MS - Logistische Regression

Table 146. MS Logistische Regression - Eigenschaften.

| Eigenschaften des Knotens applieslogistic | Werte | Beschreibung |
|---|--------------|---|
| analysis_database_name | Zeichenfolge | Dieser Knoten kann direkt in einem Stream gescort werden. Anhand dieser Eigenschaft wird der Name der Analysis Services-Datenbank identifiziert. |
| analysis_server_name | Zeichenfolge | Name des Analyseserver-Hosts. |

MS Time Series

Table 147. MS Time Series-Eigenschaften.

| Eigenschaften des Knotens appliestimeseries | Werte | Beschreibung |
|---|---|---|
| analysis_database_name | Zeichenfolge | Dieser Knoten kann direkt in einem Stream gescort werden. Anhand dieser Eigenschaft wird der Name der Analysis Services-Datenbank identifiziert. |
| analysis_server_name | Zeichenfolge | Name des Analyseserver-Hosts. |
| start_from | new_prediction historical_prediction | Gibt an, ob Zukunfts- oder historische Vorhersagen getroffen werden. |
| new_step | Zahl | Definiert die Startzeit für Zukunftsvorhersagen. |
| historical_step | Zahl | Definiert die Startzeit für historische Vorhersagen. |
| end_step | Zahl | Definiert die Endzeit für Vorhersagen. |

MS-Sequenzclustering

Table 148. MS-Sequenz-Clustering-Eigenschaften.

| Eigenschaften des Knotens appliessequencecluster | Werte | Beschreibung |
|--|--------------|---|
| analysis_database_name | Zeichenfolge | Dieser Knoten kann direkt in einem Stream gescort werden. Anhand dieser Eigenschaft wird der Name der Analysis Services-Datenbank identifiziert. |
| analysis_server_name | Zeichenfolge | Name des Analyseserver-Hosts. |

Knoteneigenschaften für Oracle-Modellierung

Eigenschaften von Oracle-Modellierungsknoten

Folgende Eigenschaften haben alle Oracle-Datenbankmodellierungsknoten gemeinsam.

Table 149. Allgemeine Eigenschaften von Oracle-Knoten.

| Allgemeine Eigenschaften von Oracle-Knoten | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------------|---|
| target | Feld | |
| inputs | Liste mit Feldern | |
| partition | Feld | Feld wird verwendet, um die Daten in getrennte Stichproben für die Trainings-, Test- und Validierungsphase der Modellbildung aufzuteilen. |
| datasource | | |
| username | | |
| password | | |
| epassword | | |
| use_model_name | boolesch | |
| model_name | Zeichenfolge | Benutzerdefinierter Name für neues Modell. |
| use_partitioned_data | boolesch | Wenn ein Partitionsfeld definiert ist, gewährleistet diese Option, dass nur Daten aus der Trainingspartition für die Modellerstellung verwendet werden. |
| unique_field | Feld | |
| auto_data_prep | boolesch | Aktiviert oder inaktiviert die automatische Datenvorbereitungsfunktion von Oracle (nur 11g-Datenbanken). |
| costs | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |
| mode | Simple Expert | Wenn diese Einstellung auf Simple (Einfach) gesetzt ist, werden bestimmte Eigenschaften ignoriert (vgl. die Eigenschaften der einzelnen Knoten). |
| use_prediction_probability | boolesch | |
| prediction_probability | Zeichenfolge | |
| use_prediction_set | boolesch | |

Oracle Naive Bayes

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs oranb verfügbar.

Table 150. Eigenschaften des Knotens "oranb".

| Eigenschaften des Knotens oranb | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|-------------------------|----------------------------|
| singleton_threshold | Zahl | 0,0-1,0.* |
| pairwise_threshold | Zahl | 0,0-1,0.* |
| priors | Data Equal Custom | |
| custom_priors | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Oracle Adaptive Bayes

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs oraabn verfügbar.

Tabelle 151. Eigenschaften des Knotens "oraabn".

| Eigenschaften des Knotens oraabn | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|-----------------------------------|
| model_type | SingleFeature MultiFeature NaiveBayes | |
| use_execution_time_limit | boolesch | * |
| execution_time_limit | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| max_naive_bayes_predictors | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| max_predictors | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| priors | Data Equal Custom | |
| custom_priors | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Oracle Support Vector Machines

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs orasvm verfügbar.

Tabelle 152. Eigenschaften des Knotens "orasvm".

| Eigenschaften des Knotens orasvm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|------------------------------|---|
| active_learning | Enable Disable | |
| kernel_function | Linear Gaussian System | |
| normalization_method | zscore minmax none | |
| kernel_cache_size | ganze Zahl | Nur gaußscher Kern. Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| convergence_tolerance | Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| use_standard_deviation | boolesch | Nur gaußscher Kern.* |
| standard_deviation | Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| use_epsilon | boolesch | Nur Regressionsmodelle.* |
| epsilon | Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| use_complexity_factor | boolesch | * |
| complexity_factor | Zahl | * |
| use_outlier_rate | boolesch | Nur Ein-Klassen-Variante.* |
| outlier_rate | Zahl | Nur Ein-Klassen-Variante. 0,0-1,0.* |

Tabelle 152. Eigenschaften des Knotens "orasvm" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens orasvm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|-------------------------|----------------------------|
| weights | Data Equal Custom | |
| custom_weights | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Verallgemeinerte lineare Modelle von Oracle

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs oraglm verfügbar.

Tabelle 153. Eigenschaften des Knotens "oraglm".

| Eigenschaften des Knotens oraglm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---------------------------------------|--------------------------|
| normalization_method | zscore minmax none | |
| missing_value_handling | ReplaceWithMean UseCompleteRecords | |
| use_row_weights | boolesch | * |
| row_weights_field | Feld | * |
| save_row_diagnostics | boolesch | * |
| row_diagnostics_table | Zeichenfolge | * |
| coefficient_confidence | Zahl | * |
| use_reference_category | boolesch | * |
| reference_category | Zeichenfolge | * |
| ridge_regression | Auto Off On | * |
| parameter_value | Zahl | * |
| vif_for_ridge | boolesch | * |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Oracle Decision Tree

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs

Tabelle 154. Eigenschaften des Knotens "oradecisiontree".

| Eigenschaften des Knotens oradecisiontree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-----------------|--------------------------|
| use_costs | boolesch | |
| impurity_metric | Entropy Gini | |
| term_max_depth | ganze Zahl | 2-20.* |
| term_minpct_node | Zahl | 0,0-10,0.* |
| term_minpct_split | Zahl | 0,0-20,0.* |

Table 154. Eigenschaften des Knotens "oradecisiontree" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens oradecisiontree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------|-----------------------------------|
| term_minrec_node | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| term_minrec_split | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| display_rule_ids | boolesch | * |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Oracle O-Cluster

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs oraocluster verfügbar.

Table 155. Eigenschaften des Knotens "oraocluster".

| Eigenschaften des Knotens oraocluster | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------|-----------------------------------|
| max_num_clusters | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein. |
| max_buffer | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| sensitivity | Zahl | 0,0-1,0.* |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Oracle KMeans

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs orakmeans verfügbar.

Table 156. Eigenschaften des Knotens "orakmeans".

| Eigenschaften des Knotens orakmeans | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------------|---|
| num_clusters | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein. |
| normalization_method | zscore minmax none | |
| distance_function | Euclidean Cosine | |
| iterations | ganze Zahl | 0-20.* |
| conv_tolerance | Zahl | 0,0-0,5.* |
| split_criterion | Variance Size | Die Standardeinstellung ist "Variance". |
| num_bins | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein.* |
| block_growth | ganze Zahl | 1-5.* |
| min_pct_attr_support | Zahl | 0,0-1,0.* |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Oracle NMF

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs oranmf verfügbar.

Tabelle 157. Eigenschaften des Knotens "oranmf".

| Eigenschaften des Knotens oranmf | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|----------------|--|
| normalization_method | minmax none | |
| use_num_features | boolesch | * |
| num_features | ganze Zahl | 0-1. Der Standardwert wird vom Algorithmus durch Schätzung aus den Daten ermittelt.* |
| random_seed | Zahl | * |
| num_iterations | ganze Zahl | 0-500.* |
| conv_tolerance | Zahl | 0,0-0,5.* |
| display_all_features | boolesch | * |

* Eigenschaft wird ignoriert, wenn mode auf Simple gesetzt ist.

Oracle Apriori

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs oraapriori verfügbar.

Tabelle 158. Eigenschaften des Knotens "oraapriori".

| Eigenschaften des Knotens oraapriori | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|------------|--------------------------|
| content_field | Feld | |
| id_field | Feld | |
| max_rule_length | ganze Zahl | 2-20. |
| min_confidence | Zahl | 0,0-1,0. |
| min_support | Zahl | 0,0-1,0. |
| use_transactional_data | boolesch | |

Oracle Minimum Description Length (MDL)

Für Knoten vom Typ oramd1 sind keine speziellen Eigenschaften definiert. Informationen finden Sie unter den allgemeinen Oracle-Eigenschaften am Anfang dieses Abschnitts.

Oracle Attribute Importance (AI)

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs oraai verfügbar.

Tabelle 159. Eigenschaften des Knotens "oraai".

| Eigenschaften des Knotens oraai | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--|--|
| custom_fields | boolesch | Bei "true" (wahr) können Sie Ziel-, Eingabe- und andere Felder für den aktuellen Knoten angeben. Bei "false" (falsch) werden die aktuellen Einstellungen aus einem vorausgehenden Typknoten verwendet. |
| selection_mode | ImportanceLevel ImportanceValue TopN | |
| select_important | boolesch | Wenn selection_mode auf ImportanceLevel gesetzt ist, wird hier angegeben, ob bedeutsame Felder ausgewählt werden sollen. |

Tabelle 159. Eigenschaften des Knotens "oraai" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens oraai | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--------------|---|
| important_label | Zeichenfolge | Gibt die Beschriftung für die Rangstufe "bedeutsam" an. |
| select_marginal | boolesch | Wenn selection_mode auf ImportanceLevel gesetzt ist, wird hier angegeben, ob marginale Felder ausgewählt werden sollen. |
| marginal_label | Zeichenfolge | Gibt die Beschriftung für die Rangstufe "marginal" an. |
| important_above | Zahl | 0,0-1,0. |
| select_unimportant | boolesch | Wenn selection_mode auf ImportanceLevel gesetzt ist, wird hier angegeben, ob unbedeutende Felder ausgewählt werden sollen. |
| unimportant_label | Zeichenfolge | Gibt die Beschriftung für die Rangstufe "unbedeutsam" an. |
| unimportant_below | Zahl | 0,0-1,0. |
| importance_value | Zahl | Wenn selection_mode auf ImportanceValue gesetzt ist, wird hier der zu verwendende Trennwert angegeben. Zulässig sind Werte von 0 bis 100. |
| top_n | Zahl | Wenn selection_mode auf TopN gesetzt ist, wird hier der zu verwendende Trennwert angegeben. Zulässig sind Werte von 0 bis 1000. |

Eigenschaften von Oracle-Modellnuggets

Folgende Eigenschaften gelten für die Modellnuggets, die mithilfe der Oracle-Modelle erstellt wurden.

Oracle Naive Bayes

Für Knoten vom Typ applyoranb sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

Oracle Adaptive Bayes

Für Knoten vom Typ applyoraabn sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

Oracle Support Vector Machines

Für Knoten vom Typ applyorasvm sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

Oracle Decision Tree

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs applyoradecisiontree verfügbar.

Tabelle 160. Eigenschaften des Knotens "applyoradecisiontree".

| Eigenschaften des Knotens applyoradecisiontree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------|--------------------------|
| use_costs | boolesch | |
| display_rule_ids | boolesch | |

Oracle O-Cluster

Für Knoten vom Typ applyoraocluster sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

Oracle KMeans

Für Knoten vom Typ `applyorakmeans` sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

Oracle NMF

Die folgende Eigenschaften sind für Knoten des Typs `applyoranmf` verfügbar:

Table 161. Eigenschaften des Knotens "applyoranmf".

| Eigenschaften des Knotens <code>applyoranmf</code> | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-----------------|--------------------------|
| <code>display_all_features</code> | <i>boolesch</i> | |

Oracle Apriori

Dieses Modellnugget kann nicht in Scripts verwendet werden.

Oracle MDL

Dieses Modellnugget kann nicht in Scripts verwendet werden.

Knoteneigenschaften für IBM DB2-Modellierung

Eigenschaften von IBM DB2-Modellierungsknoten

Folgende Eigenschaften haben alle IBM InfoSphere Warehouse-Datenbankmodellierungsknoten (ISW-Datenbankmodellierungsknoten) gemeinsam:

Table 162. Allgemeine Eigenschaften von ISW-Knoten.

| Allgemeine Eigenschaften von ISW-Knoten | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------------------|-----------------------------------|
| <code>inputs</code> | <i>Liste mit Feldern</i> | |
| <code>datasource</code> | | |
| <code>username</code> | | |
| <code>password</code> | | |
| <code>epassword</code> | | |
| <code>enable_power_options</code> | <i>boolesch</i> | |
| <code>power_options_max_memory</code> | <i>ganze Zahl</i> | Der Wert muss größer als 32 sein. |
| <code>power_options_cmdline</code> | <i>Zeichenfolge</i> | |
| <code>mining_data_custom_sql</code> | <i>Zeichenfolge</i> | |
| <code>logical_data_custom_sql</code> | <i>Zeichenfolge</i> | |
| <code>mining_settings_custom_sql</code> | | |

ISW-Entscheidungsbaum

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs `db2imtree` verfügbar.

Table 163. Eigenschaften des Knotens "db2imtree".

| Eigenschaften des Knotens <code>db2imtree</code> | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------|--------------------------|
| <code>target</code> | <i>Feld</i> | |

Tabelle 163. Eigenschaften des Knotens "db2imtree" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens db2imtree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------|----------------------------------|
| perform_test_run | boolesch | |
| use_max_tree_depth | boolesch | |
| max_tree_depth | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein. |
| use_maximum_purity | boolesch | |
| maximum_purity | Zahl | Eine Zahl zwischen 0 und 100. |
| use_minimum_internal_cases | boolesch | |
| minimum_internal_cases | ganze Zahl | Wert größer als 1. |
| use_costs | boolesch | |
| costs | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |

ISW-Assoziation

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs db2imassoc verfügbar.

Tabelle 164. Eigenschaften des Knotens "db2imassoc".

| Eigenschaften des Knotens db2imassoc | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-------------------------|---|
| use_transactional_data | boolesch | |
| id_field | Feld | |
| content_field | Feld | |
| data_table_layout | basic limited_length | |
| max_rule_size | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 2 sein. |
| min_rule_support | Zahl | 0-100 % |
| min_rule_confidence | Zahl | 0-100 % |
| use_item_constraints | boolesch | |
| item_constraints_type | Include Exclude | |
| use_taxonomy | boolesch | |
| taxonomy_table_name | Zeichenfolge | Der Name der DB2-Tabelle, in der Taxonomiedetails gespeichert werden. |
| taxonomy_child_column_name | Zeichenfolge | Der Name der untergeordneten Spalte in der Taxonomietabelle. Die untergeordnete Spalte enthält die Element- oder Kategorienamen. |
| taxonomy_parent_column_name | Zeichenfolge | Der Name der übergeordneten Spalte in der Taxonomietabelle. Die übergeordnete Spalte enthält die Kategorienamen. |
| load_taxonomy_to_table | boolesch | Steuert, ob in IBM SPSS Modeler gespeicherte Taxonomieinformationen bei der Modellerstellung hochgeladen werden sollen. Die Taxonomietabelle wird verworfen, wenn sie bereits vorhanden ist. Die Taxonomieinformationen werden mit dem Modellknoten gespeichert und können über die Schaltflächen Kategorien bearbeiten und Taxonomie bearbeiten bearbeitet werden. |

ISW-Sequenz

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs db2imsequence verfügbar.

Tabelle 165. Eigenschaften des Knotens "db2imsequence".

| Eigenschaften des Knotens db2imsequence | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------|---|
| id_field | Feld | |
| group_field | Feld | |
| content_field | Feld | |
| max_rule_size | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 2 sein. |
| min_rule_support | Zahl | 0-100 % |
| min_rule_confidence | Zahl | 0-100 % |
| use_item_constraints | boolesch | |
| item_constraints_type | Include Exclude | |
| use_taxonomy | boolesch | |
| taxonomy_table_name | Zeichenfolge | Der Name der DB2-Tabelle, in der Taxonomiedetails gespeichert werden. |
| taxonomy_child_column_name | Zeichenfolge | Der Name der untergeordneten Spalte in der Taxonomietabelle. Die untergeordnete Spalte enthält die Element- oder Kategorienamen. |
| taxonomy_parent_column_name | Zeichenfolge | Der Name der übergeordneten Spalte in der Taxonomietabelle. Die übergeordnete Spalte enthält die Kategorienamen. |
| load_taxonomy_to_table | boolesch | Steuert, ob in IBM SPSS Modeler gespeicherte Taxonomieinformationen bei der Modellerstellung hochgeladen werden sollen. Die Taxonomietabelle wird verworfen, wenn sie bereits vorhanden ist. Die Taxonomieinformationen werden mit dem Modellknoten gespeichert und können über die Schaltflächen Kategorien bearbeiten und Taxonomie bearbeiten bearbeitet werden. |

ISW-Regression

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs db2imreg verfügbar.

Tabelle 166. Eigenschaften des Knotens "db2imreg".

| Eigenschaften des Knotens db2imreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|--|---|
| target | Feld | |
| regression_method | transform linear polynomial rbf | In der nächsten Tabelle finden Sie Eigenschaften, die nur gelten, wenn regression_method auf rbf gesetzt ist. |
| perform_test_run | Feld | |
| limit_rsquared_value | boolesch | |
| max_rsquared_value | Zahl | Der Wert muss zwischen 0,0 und 1,0 liegen. |
| use_execution_time_limit | boolesch | |

Tabelle 166. Eigenschaften des Knotens "db2imreg" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens db2imreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------------|----------------------------------|
| execution_time_limit_mins | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein. |
| use_max_degree_polynomial | boolesch | |
| max_degree_polynomial | ganze Zahl | |
| use_intercept | boolesch | |
| use_auto_feature_selection_method | boolesch | |
| auto_feature_selection_method | normal adjusted | |
| use_min_significance_level | boolesch | |
| min_significance_level | Zahl | |
| use_min_significance_level | boolesch | |

Die folgenden Eigenschaften gelten nur, wenn regression_method auf rbf gesetzt ist.

Tabelle 167. Eigenschaften von "db2imreg", wenn "regression_method" auf "rbf" gesetzt ist.

| Eigenschaften des Knotens db2imreg | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|------------|--|
| use_output_sample_size | boolesch | Wenn wahr, den Wert automatisch auf Standard setzen. |
| output_sample_size | ganze Zahl | Die Standardeinstellung ist 2. Minimum ist 1. |
| use_input_sample_size | boolesch | Wenn wahr, den Wert automatisch auf Standard setzen. |
| input_sample_size | ganze Zahl | Die Standardeinstellung ist 2. Minimum ist 1. |
| use_max_num_centers | boolesch | Wenn wahr, den Wert automatisch auf Standard setzen. |
| max_num_centers | ganze Zahl | Die Standardeinstellung ist 20. Minimum ist 1. |
| use_min_region_size | boolesch | Wenn wahr, den Wert automatisch auf Standard setzen. |
| min_region_size | ganze Zahl | Die Standardeinstellung ist 15. Minimum ist 1. |
| use_max_data_passes | boolesch | Wenn wahr, den Wert automatisch auf Standard setzen. |
| max_data_passes | ganze Zahl | Die Standardeinstellung ist 5. Minimum ist 2. |
| use_min_data_passes | boolesch | Wenn wahr, den Wert automatisch auf Standard setzen. |
| min_data_passes | ganze Zahl | Die Standardeinstellung ist 5. Minimum ist 2. |

ISW-Clustering

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs db2imcluster verfügbar.

Tabelle 168. Eigenschaften des Knotens "db2imcluster".

| Eigenschaften des Knotens db2imcluster | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------------|--|
| cluster_method | demographic kohonen birch | |
| kohonen_num_rows | ganze Zahl | |
| kohonen_num_columns | ganze Zahl | |
| kohonen_passes | ganze Zahl | |
| use_num_passes_limit | boolesch | |
| use_num_clusters_limit | boolesch | |
| max_num_clusters | ganze Zahl | Wert größer als 1. |
| birch_dist_measure | log_likelihood euclidean | Die Standardeinstellung ist log_likelihood. |
| birch_num_cfleaves | ganze Zahl | Die Standardeinstellung ist 1000. |
| birch_num_refine_passes | ganze Zahl | Die Standardeinstellung lautet 3; Minimum ist 1. |
| use_execution_time_limit | boolesch | |
| execution_time_limit_mins | ganze Zahl | Der Wert muss größer als 0 sein. |
| min_data_percentage | Zahl | 0-100 % |
| use_similarity_threshold | boolesch | |
| similarity_threshold | Zahl | Der Wert muss zwischen 0,0 und 1,0 liegen. |

ISW Naive Bayes

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs db2imnbs verfügbar.

Tabelle 169. Eigenschaften des Knotens "db2imnb".

| Eigenschaften des Knotens db2imnb | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|--------------|--|
| perform_test_run | boolesch | |
| probability_threshold | Zahl | Die Standardeinstellung ist 0,001. Minimalwert ist 0; Maximalwert ist 1.000 |
| use_costs | boolesch | |
| costs | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |

ISW Logistische Regression

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs db2imlog verfügbar.

Tabelle 170. Eigenschaften des Knotens "db2imlog".

| Eigenschaften des Knotens db2imlog | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------|----------------------------|
| perform_test_run | boolesch | |
| use_costs | boolesch | |
| costs | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft. |

ISW-Zeitreihen

Hinweis: der Eingabefeldparameter wird für diesen Knoten nicht verwendet. Wenn der Eingabefeldparameter in dem Script gefunden wird, erscheint eine Warnung, dass der Knoten als eingehende Felder *time* und *targets*, aber keine Eingabefelder hat.

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs *db2imtimeseries* verfügbar.

Tabelle 171. Eigenschaften des Knotens "db2imtimeseries".

| Eigenschaften des Knotens db2imtimeseries | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|--|
| <i>time</i> | <i>Feld</i> | "Integer", "time" oder "date" sind zulässig. |
| <i>targets</i> | <i>Liste mit Feldern</i> | |
| <i>forecasting_algorithm</i> | arma exponential_smoothing seasonal_trend_decomposition | |
| <i>forecasting_end_time</i> | auto ganze Zahl Datum time | |
| <i>use_records_all</i> | <i>boolesch</i> | Wenn falsch, müssen <i>use_records_start</i> und <i>use_records_end</i> festgelegt werden. |
| <i>use_records_start</i> | <i>ganze Zahl / Zeit / Datum</i> | Abhängig vom Zeitfeldtyp |
| <i>use_records_end</i> | <i>ganze Zahl / Zeit / Datum</i> | Abhängig vom Zeitfeldtyp |
| <i>interpolation_method</i> | none linear exponential_splines cubic_splines | |

Eigenschaften von IBM DB2-Modellnuggets

Folgende Eigenschaften gelten für die Modellnuggets, die mithilfe der IBM DB2 ISW-Modelle erstellt wurden.

ISW-Entscheidungsbaum

Für Knoten vom Typ *applydb2imtree* sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

ISW-Assoziation

Dieses Modellnugget kann nicht in Scripts verwendet werden.

ISW-Sequenz

Dieses Modellnugget kann nicht in Scripts verwendet werden.

ISW-Regression

Für Knoten vom Typ *applydb2imreg* sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

ISW-Clustering

Für Knoten vom Typ `applydb2imcluster` sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

ISW Naive Bayes

Für Knoten vom Typ `applydb2imnb` sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

ISW Logistische Regression

Für Knoten vom Typ `applydb2imlog` sind keine speziellen Eigenschaften definiert.

ISW-Zeitreihen

Dieses Modellnugget kann nicht in Scripts verwendet werden.

Knoteneigenschaften für IBM Netezza Analytics-Modellierung

Eigenschaften von Netezza-Modellierungsknoten

Folgende Eigenschaften haben alle IBM Netezza-Datenbankmodellierungsknoten gemeinsam.

Tabelle 172. Allgemeine Eigenschaften von Netezza-Knoten.

| Allgemeine Eigenschaften von Netezza-Knoten | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------------------|--|
| <code>custom_fields</code> | <i>boolesch</i> | Bei "true" (wahr) können Sie Ziel-, Eingabe- und andere Felder für den aktuellen Knoten angeben. Bei "false" (falsch) werden die aktuellen Einstellungen aus einem vorausgehenden Typknoten verwendet. |
| <code>inputs</code> | <i>[Feld1 ... FeldN]</i> | Im Modell verwendete Eingabe- bzw. Prädiktorfelder. |
| <code>target</code> | <i>Feld</i> | Zielfeld (stetig oder kategorial). |
| <code>record_id</code> | <i>Feld</i> | Das als eindeutige ID für einen Datensatz zu verwendende Feld. |
| <code>use_upstream_connection</code> | <i>boolesch</i> | Falls "True" (Standard), die in einem vorausgehenden Knoten angegebenen Verbindungsdetails. Wird bei Angabe von <code>move_data_to_connection</code> nicht verwendet. |
| <code>move_data_connection</code> | <i>boolesch</i> | Falls "True", wird der Wert in die durch <code>connection</code> angegebene Datenbank verschoben. Wird bei Angabe von <code>use_upstream_connection</code> nicht verwendet. |
| <code>connection</code> | <i>strukturiert</i> | Die Verbindungszeichenfolge für die Netezza-Datenbank, in der das Modell gespeichert ist. Strukturierte Eigenschaft im Format: <code>['odbc' '<DSN>' '<Benutzername>' '<KW>' '<K>' '<Verbattribs>' {true false}]</code> Dabei gilt: <DSN> ist der Datenquellenname <Benutzername> und <KW> sind der Benutzername und das Kennwort für die Datenbank <K> ist der Katalogname <Verbattribs> sind die Verbindungsattribute true false gibt an, ob das Kennwort erforderlich ist. |
| <code>table_name</code> | <i>Zeichenfolge</i> | Der Name der Datenbanktabelle, in der das Modell gespeichert werden soll. |

Tabelle 172. Allgemeine Eigenschaften von Netezza-Knoten (Forts.).

| Allgemeine Eigenschaften von Netezza-Knoten | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---------------------|---|
| use_model_name | <i>boolesch</i> | Falls "True", wird der von model_name angegebene Name als Name des Modells verwendet. Andernfalls wird der Modellname vom System erstellt. |
| model_name | <i>Zeichenfolge</i> | Benutzerdefinierter Name für neues Modell. |
| include_input_fields | <i>boolesch</i> | Falls "True", werden alle Eingabefelder nach unten weitergegeben. Andernfalls werden nur record_id und vom Modell erstellte Felder weitergegeben. |

Netezza-Entscheidungsbaum

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezadectree verfügbar.

Tabelle 173. Eigenschaften des Knotens "netezadectree".

| Eigenschaften des Knotens netezadectree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|---|
| impurity_measure | Entropy Gini | Das Maß der Unreinheit, das verwendet wird, um die beste Position für eine Baumteilung zu ermitteln. |
| max_tree_depth | <i>ganze Zahl</i> | Maximale Anzahl der Ebenen, auf die der Baum erweitert werden kann. Der Standardwert ist 63 (größter zulässiger Wert). |
| min_improvement_splits | <i>Zahl</i> | Mindestverbesserung in Unreinheit, damit eine Aufteilung stattfinden kann. Die Standardeinstellung ist 0.01. |
| min_instances_split | <i>ganze Zahl</i> | Mindestanzahl der nicht aufgeteilten Datensätze, die verbleiben müssen, bevor eine Aufteilung stattfinden kann. Der Standardwert ist 2 (kleinster zulässiger Wert). |
| weights | <i>strukturiert</i> | Relative Gewichtungen für Klassen. Strukturierte Eigenschaft. Standardgewichtung ist für alle Klassen 1. |
| pruning_measure | Acc wAcc | Die Standardeinstellung ist Acc (Genauigkeit). Bei der alternativen Einstellung wAcc (gewichtete Genauigkeit) werden Klassengewichtungen in die Reduzierung/Beschneidung mit einbezogen. |
| prune_tree_options | allTrainingData partitionTrainingData useOtherTable | In der Standardeinstellung wird allTrainingData zur Schätzung der Modellgenauigkeit verwendet. Verwenden Sie partitionTrainingData, um den Prozentsatz der zu verwendenden Trainingsdaten festzulegen, oder useOtherTable, um ein Trainingsdataset aus einer angegebenen Datenbanktabelle zu verwenden. |

Tabelle 173. Eigenschaften des Knotens "netezadectree" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens netezadectree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------|--|
| perc_training_data | Zahl | Wenn prune_tree_options auf partitionTrainingData gesetzt ist, wird der für das Training zu verwendende Prozentsatz angegeben. |
| prune_seed | ganze Zahl | Für die Reproduktion der Analyseergebnisse zu verwendender Zufallsstartwert, wenn prune_tree_options auf partitionTrainingData gesetzt ist. Die Standardeinstellung ist 1. |
| pruning_table | Zeichenfolge | Tabellenname eines separaten Datasets für die Reduzierung, anhand dessen die Modellgenauigkeit geschätzt wird. |
| compute_probabilities | boolesch | Wenn "True"; wird zusätzlich zum Vorhersagefeld auch ein Feld für das Konfidenzniveau (Wahrscheinlichkeit) erstellt. |

Netezza-K-Means

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezakmeans verfügbar.

Tabelle 174. Eigenschaften des Knotens "netezakmeans".

| Eigenschaften des Knotens netezakmeans | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|--|
| distance_measure | Euclidean Manhattan Canberra Maximum | Methode zur Messung des Abstands zwischen Datenpunkten. |
| num_clusters | ganze Zahl | Anzahl der zu erstellenden Cluster; Standardwert ist 3. |
| max_iterations | ganze Zahl | Anzahl der Algorithmusiterationen, nach der das Modelltrainig beendet werden soll; Standardwert ist 5. |
| rand_seed | ganze Zahl | Für die Reproduktion der Analyseergebnisse zu verwendender Zufallsstartwert; Standardwert ist 12345. |

Netezza-Bayes-Netz

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezabayes verfügbar.

Tabelle 175. Eigenschaften des Knotens "netezabayes".

| Eigenschaften des Knotens netezabayes | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|------------|---|
| base_index | ganze Zahl | Die numerische Kennung, die zur internen Verwaltung dem ersten Eingabefeld zugewiesen wird; Standardwert ist 777. |
| sample_size | ganze Zahl | Umfang der zu ziehenden Stichprobe, wenn die Anzahl der Attribute sehr groß ist; Standardwert ist 10.000. |

Table 175. Eigenschaften des Knotens "netezabayes" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens netezabayes | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------------|-----------------------------------|---|
| display_additional_information | boolesch | Wenn "True", werden weitere Fortschrittsinformationen in einem Nachrichtendialogfeld angezeigt. |
| type_of_prediction | best neighbors nn-neighbors | Typ des zu verwendenden Vorhersagealgorithmus: best (Nachbar mit höchster Korrelation), neighbors (gewichtete Vorhersage von Nachbarn) oder nn-neighbors (Nicht-NULL-Nachbarn). |

Netezza - Naive Bayes

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezanaivebayes verfügbar.

Table 176. Eigenschaften des Knotens "netezanaivebayes".

| Eigenschaften des Knotens netezanaivebayes | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------|--|
| compute_probabilities | boolesch | Wenn "True"; wird zusätzlich zum Vorhersagefeld auch ein Feld für das Konfidenzniveau (Wahrscheinlichkeit) erstellt. |
| use_m_estimation | boolesch | Wenn "True", wird das m-Schätzverfahren zur Vermeidung der Wahrscheinlichkeit null während der Schätzung verwendet. |

Netezza-KNN

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezaknn verfügbar.

Table 177. Eigenschaften des Knotens "netezaknn".

| Eigenschaften des Knotens netezaknn | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---|--|
| weights | strukturiert | Strukturierte Eigenschaft, die zur Zuweisung von Gewichtungen für die einzelnen Klassen verwendet wird. |
| distance_measure | Euclidean Manhattan Canberra Maximum | Methode zur Messung des Abstands zwischen Datenpunkten. |
| num_nearest_neighbors | ganze Zahl | Anzahl der nächsten Nachbarn für einen bestimmten Fall; Standardwert ist 3 |
| standardize_measurements | boolesch | Wenn "True", werden vor der Berechnung der Abstandswerte die Messungen für stetige Eingabefelder standardisiert. |
| use_coresets | boolesch | Wenn "True", wird Stichprobennahme mit Core-Sets verwendet, um die Berechnung bei großen Datensets zu beschleunigen. |

Netezza - Divisives Clustering

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezadivcluster verfügbar.

Tabelle 178. Eigenschaften des Knotens "netezzadivcluster".

| Eigenschaften des Knotens netezzadivcluster | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|---|
| distance_measure | Euclidean Manhattan Canberra Maximum | Methode zur Messung des Abstands zwischen Datenpunkten. |
| max_iterations | ganze Zahl | Maximale Anzahl an Algorithmusiterationen, die durchgeführt werden sollen, bevor das Modelltraining beendet wird; Standardwert ist 5. |
| max_tree_depth | ganze Zahl | Maximale Anzahl an Ebenen, in die das Dataset unterteilt werden kann; Standardwert ist 3. |
| rand_seed | ganze Zahl | Für die Reproduktion von Analysen verwendeter Zufallsstartwert; Standardwert ist 12345. |
| min_instances_split | ganze Zahl | Mindestanzahl von Datensätzen, die aufgeteilt werden können; Standardwert ist 5. |
| level | ganze Zahl | Hierarchieebene, auf der die Datensätze gesort werden; Standardwert ist -1. |

Netezza-PCA

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezzapca verfügbar.

Tabelle 179. Eigenschaften des Knotens "netezzapca".

| Eigenschaften des Knotens netezzapca | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|------------|---|
| center_data | boolesch | Wenn "True" (Standard), wird vor der Analyse Datenzentrierung (auch als Mittelwertsubtraktion bezeichnet) durchgeführt. |
| perform_data_scaling | boolesch | Wenn "True", wird vor der Analyse eine Datenskalierung durchgeführt. Auf diese Weise wird die Analyse eventuell weniger arbiträr, wenn verschiedene Variablen in verschiedenen Einheiten gemessen werden. |
| force_eigensolve | boolesch | Wenn "True", wird eine weniger genaue, jedoch schnellere Methode zur Ermittlung der Hauptkomponenten verwendet. |
| pc_number | ganze Zahl | Anzahl an Hauptkomponenten, auf die das Dataset reduziert werden soll; Standardwert ist 1. |

Netezza-Regressionsbaum

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezzaregtree verfügbar.

Tabelle 180. Eigenschaften des Knotens "netezzaregtree".

| Eigenschaften des Knotens netezzaregtree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------|--|
| max_tree_depth | ganze Zahl | Maximale Anzahl an Ebenen, auf die ein Baum unterhalb des Stammknotens erweitert werden kann; Standardwert ist 10. |

Table 180. Eigenschaften des Knotens "netezzaregtree" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens netezzaregtree | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---|---|
| split_evaluation_measure | Variance | Unreinheitsmaß für die Klasse, das verwendet wird, um die beste Position für eine Baumteilung zu ermitteln; Standardwert (und einzige derzeit mögliche Option) ist Variance. |
| min_improvement_splits | Zahl | Mindestwert der Unreinheitsreduzierung, bevor eine neue Aufteilung des Baums erfolgt. |
| min_instances_split | ganze Zahl | Mindestanzahl an Datensätzen, die aufgeteilt werden kann. |
| pruning_measure | mse r2 pearson spearman | Für die Reduzierung zu verwendende Methode. |
| prune_tree_options | allTrainingData partitionTrainingData useOtherTable | In der Standardeinstellung wird allTrainingData zur Schätzung der Modellgenauigkeit verwendet. Verwenden Sie partitionTrainingData, um den Prozentsatz der zu verwendenden Trainingsdaten festzulegen, oder useOtherTable, um ein Trainingsdataset aus einer angegebenen Datenbanktabelle zu verwenden. |
| perc_training_data | Zahl | Wenn prune_tree_options auf PercTrainingData gesetzt ist, wird der für das Training zu verwendende Prozentsatz angegeben. |
| prune_seed | ganze Zahl | Für die Reproduktion der Analyseergebnisse zu verwendender Zufallsstartwert, wenn prune_tree_options auf PercTrainingData gesetzt ist. Die Standardeinstellung ist 1. |
| pruning_table | Zeichenfolge | Tabellenname eines separaten Datasets für die Reduzierung, anhand dessen die Modellgenauigkeit geschätzt wird. |
| compute_probabilities | boolesch | Wenn "True", wird angegeben, ob die Varianz zugewiesener Klassen in die Ausgabe aufgenommen werden soll. |

Netezza - Lineare Regression

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezzalinieregression verfügbar.

Tabelle 181. Eigenschaften des Knotens "netezzalineression".

| Eigenschaften des Knotens netezzalineression | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|----------|--|
| use_svd | boolesch | Wenn "True", wird anstelle der ursprünglichen Matrix die Matrix zur Einzelwertzerlegung verwendet, um eine höhere Geschwindigkeit und numerische Genauigkeit zu erreichen. |
| include_intercept | boolesch | Wenn "True" (Standard), wird die Gesamtgenauigkeit der Lösung erhöht. |
| calculate_model_diagnostics | boolesch | Wenn "True", werden Diagnosedaten für das Modell berechnet. |

Netezza-Zeitreihe

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezzatimeseries verfügbar.

Tabelle 182. Eigenschaften des Knotens "netezzatimeseries".

| Eigenschaften des Knotens netezzatimeseries | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|--|
| time_points | Feld | Das Eingabefeld, das die Datums- bzw. Zeitwerte für die Zeitreihe enthält. |
| time_series_ids | Feld | Eingabefeld mit Zeitreihen-IDs. Verwenden Sie das Feld, wenn die Eingabe mehrere Zeitreihen enthält. |
| model_table | Feld | Der Name der Datenbanktabelle, in der das Netezza-Zeitreihenmodell gespeichert werden soll. |
| description_table | Feld | Name der Eingabetabelle mit Zeitreihennamen und Beschreibungen. |
| seasonal_adjustment_table | Feld | Name der Ausgabetable, in der saisonal angepasste Werte gespeichert werden, die durch exponentielles Glätten oder Algorithmen zur saisonalen Zerlegung in Trends berechnet werden. |
| algorithm_name | SpectralAnalysis oder spectral ExponentialSmoothing oder esmoothing ARIMA (X11 ARIMA) SeasonalTrendDecomposition oder std | Für die Modellierung von Zeitreihen zu verwendender Algorithmus. |
| trend_name | N A DA M DM | Trendtyp für exponentielles Glätten: N - keiner A - additiv DA - gedämpft additiv M - multiplikativ DM - gedämpft multiplikativ |
| seasonality_type | N A M | Saisonalitätstyp für exponentielles Glätten: N - keiner A - additiv M - multiplikativ |

Tabella 182. Eigenschaften des Knotens "netezatimeseries" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens netezatimeseries | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|---|
| interpolation_method | linear cubicspline exponentialspline | Zu verwendende Interpolationsmethode. |
| timerange_setting | SD SP | Einstellung für den zu verwendenden Zeitbereich: SD - systembestimmt (verwendet den vollständigen Bereich der Zeitreihendaten) SP - benutzerdefiniert über earliest_time und latest_time |
| earliest_time | Datum | Start- und Endzeitpunkte, wenn timerange_setting auf SP gesetzt ist. Format: <jjjj>-<mm>-<tt> |
| latest_time | | |
| arima_setting | SD SP | Einstellung für den ARIMA-Algorithmus (nur verwendet, wenn algorithm_name auf ARIMA gesetzt ist): SD - systembestimmt SP - benutzerdefiniert Wenn arima_setting = SP angegeben ist, verwenden Sie die folgenden Parameter, um die saisonalen und nicht saisonalen Werte festzulegen. |
| p_symbol | less eq lesseq | ARIMA - Operator für die Parameter p, d, q, sp, sd und sq: less - kleiner als eq - gleich lesseq - kleiner-gleich |
| d_symbol | | |
| q_symbol | | |
| sp_symbol | | |
| sd_symbol | | |
| sq_symbol | | |
| p (Missing Values) | ganze Zahl | ARIMA - nicht saisonale Autokorrelationsmaße. |
| q | ganze Zahl | ARIMA - nicht saisonaler Ableitungswert. |
| d | ganze Zahl | ARIMA - nicht saisonale Anzahl von Ordnungen des gleitenden Durchschnitts im Modell. |
| sp | ganze Zahl | ARIMA - saisonale Autokorrelationsmaße. |
| sq | ganze Zahl | ARIMA - saisonaler Ableitungswert. |
| sd | ganze Zahl | ARIMA - saisonale Anzahl von Ordnungen des gleitenden Durchschnitts im Modell. |

Tabelle 182. Eigenschaften des Knotens "netezzatimeseries" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens netezzatimeseries | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|---|---|
| advanced_setting | SD SP | Legt fest, wie erweiterte Einstellungen behandelt werden: SD - systembestimmt SP - benutzerdefiniert über period, units_period und forecast_setting. |
| period | ganze Zahl | Länge des saisonalen Zyklus, die in Verbindung mit units_period angegeben wird. Wird nicht für Spektralanalyse verwendet. |
| units_period | ms s min h d wk q y | Einheiten für period: ms - Millisekunden s - Sekunden min - Minuten h - Stunden d - Tage wk - Wochen q - Quartale y - Jahre Beispiel: Verwenden Sie für einen wöchentliche Zeitreihe 1 für period und wk für units_period. |
| forecast_setting | forecasthorizon forecasttimes | Gibt an, wie Vorhersagen gemacht werden. |
| forecast_horizon | Zeichenfolge | Wenn forecast_setting = forecasthorizon angegeben ist, wird ein Endpunkt für die Vorhersage angegeben. Format: <jjjj>-<mm>-<tt> |
| forecast_times | [{'Datum'}, {'Datum'},..., {'Datum'}] | Wenn forecast_setting = forecasttimes angegeben ist, werden die für die Vorhersagen zu verwendenden Zeiten angegeben. Format: <jjjj>-<mm>-<tt> |
| include_history | boolesch | Gibt an, ob historische Werte bei der Ausgabe berücksichtigt werden sollen. |
| include_interpolated_values | boolesch | Gibt an, ob interpolierte Werte bei der Ausgabe berücksichtigt werden sollen. Wird nicht verwendet, wenn include_history auf false gesetzt ist. |

Verallgemeinertes lineares Netezza-Modell

Die folgenden Eigenschaften sind für Knoten des Typs netezzaglm verfügbar.

Tabelle 183. Eigenschaften des Knotens "netezzaglm".

| Eigenschaften des Knotens netezzaglm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|---|--|
| dist_family | bernoulli gaussian poisson negativebinomial wald gamma | Verteilungstyp. Die Standardeinstellung ist bernoulli. |
| dist_params | Zahl | Zu verwendender Wert für Verteilungsparameter. Wird nur verwendet, wenn distribution auf Negativebinomial gesetzt ist. |
| trials | ganze Zahl | Wird nur verwendet, wenn distribution auf Binomial gesetzt ist. Wenn es sich bei der Zielantwort um eine Reihe von Ereignissen handelt, die während Tests auftreten, enthält das Feld target die Anzahl der Ereignisse und das Feld trials die Anzahl der Tests. |
| model_table | Feld | Der Name der Datenbanktabelle, in der das verallgemeinerte lineare Netezza-Modell gespeichert werden soll. |
| maxit | ganze Zahl | Die maximale Anzahl der Iterationen, die im Algorithmus vorgenommen werden sollen. Der Standardwert ist 20. |
| eps | Zahl | Der maximale Fehlerwert (in wissenschaftlicher Notation), bei dem der Algorithmus die Suche nach dem am besten passenden Modell beenden soll. Der Standardwert ist -3, d. h. 1E-3 bzw. 0,001. |
| tol | Zahl | Der Wert (in wissenschaftlicher Notation), unterhalb dessen Fehler so behandelt werden, als hätten sie den Wert 0. Der Standardwert ist -7, es werden also Fehlerwerte unter 1E-7 (bzw. 0,0000001) als nicht signifikant gewertet. |

Tabelle 183. Eigenschaften des Knotens "netezzaglm" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens netezzaglm | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--|--|
| link_func | identity inverse invnegative invsquare sqrt power oddspower log clog loglog cloglog logit probit gaussit cauchit canbinom cangeom cannegbinom | Zu verwendende Verknüpfungsfunktion. Die Standardeinstellung ist logit. |
| link_params | Zahl | Für die Verknüpfungsfunktion zu verwendender Parameterwert. Wird nur verwendet, wenn link_function auf power oder oddspower gesetzt ist. |
| interaction | [[{Spaltennamen1],[Niveaus1}], {[Spaltennamen2], [Niveaus2]},...,{[SpaltennamenN], [NiveausN]},] | Gibt die Interaktionen zwischen Feldern an. Spaltennamen ist eine Liste von Eingabefeldern und Niveau ist für jedes Feld immer 0. |
| intercept | boolesch | Wenn true gesetzt ist, wird konstanter Term in das Modell einbezogen. |

Eigenschaften von Netezza-Modellnuggets

Folgende Eigenschaften haben alle Modellnuggets von Netezza-Datenbanken gemeinsam.

Tabelle 184. Allgemeine Eigenschaften von Netezza-Modellnuggets.

| Allgemeine Eigenschaften von Netezza-Modellnuggets | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------|---|
| connection | Zeichenfolge | Die Verbindungszeichenfolge für die Netezza-Datenbank, in der das Modell gespeichert ist. |
| table_name | Zeichenfolge | Der Name der Datenbanktabelle, in der das Modell gespeichert werden soll. |

Die anderen Eigenschaften des Modellnuggets stimmen mit denen für den zugehörigen Modellierungsknoten überein.

Die Scriptnamen des Modellnuggets lauten wie folgt.

Tabelle 185. Scriptnamen von Netezza-Modellnuggets.

| Modellnugget | Scriptname |
|-------------------|----------------------|
| Entscheidungsbaum | applynetez zadectree |
| K-Means | applynetez zakmeans |

Tabelle 185. Scriptnamen von Netezza-Modellnuggets (Forts.).

| Modellnugget | Scriptname |
|---------------------------------|---------------------------|
| Bayes-Netz | applynetezabayes |
| Naive Bayes | applynetezanaivebayes |
| KNN | applynetezaknn |
| Divisives Clustering | applynetezadivcluster |
| PCA | applynetezapca |
| Regressionsbaum | applynetezaregtree |
| Lineare Regression | applynetezalineregression |
| Zeitreihen | applynetezatimeseries |
| Verallgemeinert linear (GenLin) | applynetezaglm |

Kapitel 16. Eigenschaften von Ausgabeknoten

Die Eigenschaften von Ausgabeknoten unterscheiden sich von denen anderer Knotentypen. Statt auf eine bestimmte Knotenoption zu verweisen, speichern Ausgabeknoten-Eigenschaften eine Referenz zum Ausgabeobjekt. Dies ist nützlich, wenn ein Wert aus einer Tabelle als Streamparameter festgelegt wird.

In diesem Abschnitt werden die für Ausgabeknoten verfügbaren Scripteigenschaften beschrieben.

Eigenschaften von Analyseknöten



Der Analyseknöten evaluiert die Fähigkeit von Vorhersagemodellen, genaue Vorhersagen zu generieren. Mit Analyseknöten werden verschiedene Vergleiche zwischen den vorhergesagten Werten und den tatsächlichen Werten für ein oder mehrere Modellnuggets angestellt. Sie können außerdem Vorhersagemodelle miteinander vergleichen.

Table 186. Eigenschaften von Analyseknöten.

| Eigenschaften von Analyseknöten | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|--|--|
| output_mode | Screen File | Dient zur Angabe des Zielorts für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe. |
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Wenn use_output_name wahr ist, gibt diese Eigenschaft den zu verwendenden Namen an. |
| output_format | Text (.txt) HTML (.html) Output (.cou) | Dient zur Angabe des Ausgabetyps. |
| by_fields | [Feld Feld Feld] | |
| full_filename | Zeichenfolge | Bei Datenträger-, Daten- oder HTML-Ausgabe gibt diese Eigenschaft den Namen der Ausgabedatei an. |
| coincidence | boolesch | |
| performance | boolesch | |
| evaluation_binary | boolesch | |
| confidence | boolesch | |
| threshold | Zahl | |
| improve_accuracy | Zahl | |
| inc_user_measure | boolesch | |
| user_if | Ausdr | |
| user_then | Ausdr | |
| user_else | Ausdr | |
| user_compute | [Mean Sum Min Max SDev] | |

Eigenschaften des Knotens "dataaudit"



Der Data Audit-Knoten bietet einen umfassenden ersten Einblick in die Daten mit statistischen Funktionen, Histogrammen und der Verteilung für die einzelnen Felder sowie Informationen zu Ausreißern, fehlenden Werten und Extremwerten. Die Ergebnisse werden in einer übersichtlichen Matrix dargestellt, die sortiert werden kann und als Grundlage für die Erzeugung normal großer Diagramme und Datenvorbereitungsknoten dient.

Tabelle 187. Eigenschaften des Knotens "dataaudit".

| Eigenschaften des Knotens dataaudit | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--------------------|---|
| custom_fields | boolesch | |
| fields | [Feld1 ... FeldN] | |
| overlay | Feld | |
| display_graphs | boolesch | Dient zur Aktivierung bzw. Inaktivierung der Anzeige von Diagrammen in der Ausgabematrix. |
| basic_stats | boolesch | |
| advanced_stats | boolesch | |
| median_stats | boolesch | |
| calculate | Count Breakdown | Dient zur Berechnung fehlender Werte. Sie können eine der beiden Berechnungsmethoden, beide Methoden oder auch keine der Methoden auswählen. |
| outlier_detection_method | std iqr | Dient zur Angabe der Erkennungsmethode für Ausreißer und Extremwerte. |
| outlier_detection_std_outlier | Zahl | Wenn für outlier_detection_method die Option std verwendet wird, wird die Zahl angegeben, die für die Definition der Ausreißer verwendet werden soll. |
| outlier_detection_std_extreme | Zahl | Wenn für outlier_detection_method die Option std verwendet wird, wird die Zahl angegeben, die für die Definition der Extremwerte verwendet werden soll. |
| outlier_detection_iqr_outlier | Zahl | Wenn für outlier_detection_method die Option iqr verwendet wird, wird die Zahl angegeben, die für die Definition der Ausreißer verwendet werden soll. |
| outlier_detection_iqr_extreme | Zahl | Wenn für outlier_detection_method die Option iqr verwendet wird, wird die Zahl angegeben, die für die Definition der Extremwerte verwendet werden soll. |

Tabelle 187. Eigenschaften des Knotens "dataaudit" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens dataaudit | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---|---|
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Wenn use_output_name wahr ist, gibt diese Eigenschaft den zu verwendenden Namen an. |
| output_mode | Screen File | Dient zur Angabe des Zielorts für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe. |
| output_format | Formatted (.tab) Delimited (.csv) HTML (.html) Output (.cou) | Dient zur Angabe des Ausgabetyps. |
| paginate_output | boolesch | Wenn output_format auf HTML gesetzt ist, wird hiermit die Ausgabe in Seiten unterteilt. |
| lines_per_page | Zahl | Bei Verwendung mit paginate_output wird die Anzahl der Zeilen pro Ausgabeseite angegeben. |
| full_filename | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "matrix"



Der Matrixknoten erstellt eine Tabelle, die die Beziehungen zwischen den Feldern aufzeigt. Dieser Knoten dient am häufigsten zur Darstellung der Beziehung zwischen zwei symbolischen Feldern, kann jedoch auch zum Aufzeigen der Beziehungen zwischen Flagfeldern oder numerischen Feldern herangezogen werden.

Tabelle 188. Eigenschaften des Knotens "matrix".

| Eigenschaften des Knotens matrix | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|-----------------------------------|---|
| fields | Ausgewählt Flags Numerics | |
| row | Feld | |
| column | Feld | |
| include_missing_values | boolesch | Gibt an, ob benutzerdefiniert fehlende Werte (leer) und systemdefiniert fehlende Werte (null) in die Zeilen- und Spaltenausgabe eingeschlossen werden sollen. |
| cell_contents | CrossTabs Function | |
| function_field | Zeichenfolge | |
| function | Sum Mean Min Max SDev | |

Tabelle 188. Eigenschaften des Knotens "matrix" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens matrix | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|---|---|
| sort_mode | Unsorted Ascending Descending | |
| highlight_top | Zahl | Wenn ungleich 0, dann ist die Eigenschaft wahr. |
| highlight_bottom | Zahl | Wenn ungleich 0, dann ist die Eigenschaft wahr. |
| display | [Counts Expected Residuen RowPct ColumnPct TotalPct] | |
| include_totals | boolesch | |
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Wenn use_output_name wahr ist, gibt diese Eigenschaft den zu verwendenden Namen an. |
| output_mode | Screen File | Dient zur Angabe des Zielorts für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe. |
| output_format | Formatted (.tab) Delimited (.csv) HTML (.html) Output (.cou) | Dient zur Angabe des Ausgabetyps. Sowohl für das Format Formatted als auch für das Format Delimited kann der Modifikator transposed verwendet werden, der die Zeilen und Spalten in der Tabelle transponiert. |
| paginate_output | boolesch | Wenn output_format auf HTML gesetzt ist, wird hiermit die Ausgabe in Seiten unterteilt. |
| lines_per_page | Zahl | Bei Verwendung mit paginate_output wird die Anzahl der Zeilen pro Ausgabeseite angegeben. |
| full_filename | Zeichenfolge | |

Eigenschaften des Knotens "means"



Der Mittelwertknoten vergleicht die Mittelwerte zwischen unabhängigen Gruppen oder zwischen Paaren von in Bezug stehenden Feldern, um zu testen, ob ein signifikanter Unterschied vorliegt. So können Sie beispielsweise die Einnahmen vor und nach der Durchführung einer Werbeaktion vergleichen oder die Einnahmen, die von Kunden stammen, die keine Werbebetriebe erhielten, mit den Einnahmen von Kunden vergleichen, die von der Werbeaktion erreicht wurden.

Tabelle 189. Eigenschaften des Knotens "means".

| Eigenschaften des Knotens means | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|---|--|
| means_mode | BetweenGroups BetweenFields | Gibt den Typ der Mittelwertstatistik an, die für die Daten ausgeführt werden soll. |
| test_fields | [Feld1 ... Feldn] | Gibt das Testfeld an, wenn means_mode auf BetweenGroups gesetzt ist. |
| grouping_field | Feld | Gibt das Gruppierungsfeld an. |
| paired_fields | [{Feld1 Feld2} {Feld3 Feld4} ...] | Gibt die zu verwendenden Feldpaare an, wenn means_mode auf BetweenFields gesetzt ist. |
| label_correlations | boolesch | Gibt an, ob Korrelationsbeschriftungen in der Ausgabe angezeigt werden sollen. Diese Einstellung gilt nur, wenn means_mode auf BetweenFields gesetzt ist. |
| correlation_mode | Wahrscheinlichkeitsfunktionen Absolute | Gibt an, ob die Korrelationen nach Wahrscheinlichkeit oder anhand des absoluten Werts beschriftet werden sollen. |
| weak_label | Zeichenfolge | |
| medium_label | Zeichenfolge | |
| strong_label | Zeichenfolge | |
| weak_below_probability | Zahl | Wenn correlation_mode auf Probability gesetzt ist, wird hier der Trennwert für schwache Korrelationen angegeben. Hierbei muss es sich um einen Wert zwischen 0 und 1 handeln, beispielsweise 0,90. |
| strong_above_probability | Zahl | Trennwert für starke Korrelationen. |
| weak_below_absolute | Zahl | Wenn correlation_mode auf Absolute gesetzt ist, wird hier der Trennwert für schwache Korrelationen angegeben. Hierbei muss es sich um einen Wert zwischen 0 und 1 handeln, beispielsweise 0,90. |
| strong_above_absolute | Zahl | Trennwert für starke Korrelationen. |
| unimportant_label | Zeichenfolge | |
| marginal_label | Zeichenfolge | |
| important_label | Zeichenfolge | |
| unimportant_below | Zahl | Trennwert für niedrige Feldwichtigkeit. Hierbei muss es sich um einen Wert zwischen 0 und 1 handeln, beispielsweise 0,90. |
| important_above | Zahl | |
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Zu verwendender Name. |

Tabelle 189. Eigenschaften des Knotens "means" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens means | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|---|--|
| output_mode | Screen File | Gibt den Zielort für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe an. |
| output_format | Formatted (.tab) Delimited (.csv) HTML (.html) Output (.cou) | Gibt den Ausgabebetyp an. |
| full_filename | Zeichenfolge | |
| output_view | Simple Advanced | Gibt an, ob die einfache oder die erweiterte Ansicht in der Ausgabe angezeigt werden soll. |

Eigenschaften des Knotens "report"



Der Berichtsknoten erstellt formatierte Berichte, die sowohl festen Text als auch Daten und andere aus den Daten abgeleitete Ausdrücke enthalten. Das Format des Berichts wird mithilfe von Textvorlagen festgelegt, mit denen der feste Text und die Datenausgabekonstruktionen definiert werden. Sie können eine benutzerdefinierte Textformatierung angeben; hierzu stehen HTML-Tags in der Vorlage sowie Optionen auf der Registerkarte "Ausgabe" zur Verfügung. Sie können Datenwerte und andere bedingte Ausgaben mithilfe von CLEM-Ausdrücken in der Vorlage aufnehmen.

Tabelle 190. Eigenschaften des Knotens "report".

| Eigenschaften des Knotens report | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--|---|
| output_mode | Screen File | Dient zur Angabe des Zielorts für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe. |
| output_format | HTML (.html) Text (.txt) Output (.cou) | Dient zur Angabe des Ausgabetyps. |
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Wenn use_output_name wahr ist, gibt diese Eigenschaft den zu verwendenden Namen an. |
| text | Zeichenfolge | |
| full_filename | Zeichenfolge | |
| highlights | boolesch | |
| title | Zeichenfolge | |
| lines_per_page | Zahl | |

Eigenschaften des Knotens "Routput"



Mit dem Knoten "Routput" können Sie Daten und die Ergebnisse des Modellscorings mithilfe Ihres eigenen benutzerdefinierten R-Scripts analysieren. Die Ausgabe von der Analyse kann Text oder grafisch sein. Die Ausgabe wird der Registerkarte **Ausgabe** des Managerbereichs hinzugefügt. Alternativ kann die Ausgabe in eine Datei umgeleitet werden.

Tabelle 191. Eigenschaften des Knotens "Routput".

| Eigenschaften des Knotens Routput | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|------------------------------------|--------------------------|
| Syntax | Zeichenfolge | |
| convert_flags | StringsAndDoubles LogicalValues | |
| convert_datetime | boolesch | |
| convert_datetime_class | POSIXct POSIXlt | |
| convert_missing | boolesch | |
| output_name | Auto Custom | |
| custom_name | Zeichenfolge | |
| output_to | Screen File | |
| output_type | Graph Text | |
| full_filename | Zeichenfolge | |
| graph_file_type | HTML COU | |
| text_file_type | HTML TXT COU | |

Eigenschaften des Knotens "setglobals"



Mit dem Globalwerteknoten werden die Daten gescannt und Übersichtswerte berechnet, die in CLEM-Ausdrücken herangezogen werden können. Mit diesem Knoten können Sie beispielsweise die Statistiken für das Feld *Alter* berechnen und dann den Gesamtmittelwert für *Alter* in CLEM-Ausdrücken verwenden. Fügen Sie hierzu die Funktion @GLOBAL_MEAN(*alter*) ein.

Tabelle 192. Eigenschaften des Knotens "setglobals".

| Eigenschaften des Knotens setglobals | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|----------------------------|---------------------------|
| globals | [Sum Mean Min Max SDev] | Strukturierte Eigenschaft |
| clear_first | boolesch | |
| show_preview | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "simeval"



Der Simulationsevaluierungsknoten wertet ein angegebenes vorausgesagtes Zielfeld aus und stellt Verteilungs- und Korrelationsinformationen über das Zielfeld dar.

Tabelle 193. Eigenschaften des simeval-Knotens.

| Eigenschaften des Knotens simeval | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-----------------------------------|-----------------------------------|--------------------------|
| target | Feld | |
| iteration | Feld | |
| presorted_by_iteration | boolesch | |
| max_iterations | Zahl | |
| tornado_fields | [Feld1...FeldN] | |
| plot_pdf | boolesch | |
| plot_cdf | boolesch | |
| show_ref_mean | boolesch | |
| show_ref_median | boolesch | |
| show_ref_sigma | boolesch | |
| num_ref_sigma | Zahl | |
| show_ref_pct | boolesch | |
| ref_pct_bottom | Zahl | |
| ref_pct_top | Zahl | |
| show_ref_custom | boolesch | |
| ref_custom_values | [Zahl1...ZahlN] | |
| category_values | Category Probabilities Both | |
| category_groups | Categories Iterations | |
| create_pct_table | boolesch | |
| pct_table | Quartiles Intervals Custom | |
| pct_intervals_num | Zahl | |
| pct_custom_values | [Zahl1...ZahlN] | |

Eigenschaften des Knotens "simfit"

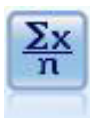


Der Simulationsanpassungsknoten untersucht die statistische Verteilung der Daten in jedem Feld und generiert (oder aktualisiert) einen Simulationsgenerierungsknoten, wobei jedem Feld die am besten passende Verteilung zugewiesen wird. Der Simulationsgenerierungsknoten kann dann zum Generieren simulierter Daten verwendet werden.

Tabelle 194. Eigenschaften des Knotens "simfit".

| Eigenschaften des Knotens simfit | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|----------------------------------|--------------------------------------|---|
| build | Node XMLExport Both | |
| use_source_node_name | boolesch | |
| source_node_name | Zeichenfolge | Der benutzerdefinierte Name des Quellenknotens, der generiert oder aktualisiert wird. |
| use_cases | All LimitFirstN | |
| use_case_limit | ganze Zahl | |
| fit_criterion | AndersonDarling KolmogorovSmirnov | |
| num_bins | ganze Zahl | |
| parameter_xml_filename | Zeichenfolge | |
| generate_parameter_import | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "statistics"



Der Statistikknoten liefert grundlegende Übersichtsdaten zu numerischen Feldern. Er berechnet Übersichtsstatistiken für einzelne Felder und für die Korrelationen zwischen den Feldern.

Tabelle 195. Eigenschaften des Knotens "statistics".

| Eigenschaften des Knotens statistics | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|---|--|
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Wenn use_output_name wahr ist, gibt diese Eigenschaft den zu verwendenden Namen an. |
| output_mode | Screen File | Dient zur Angabe des Zielorts für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe. |
| output_format | Text (.txt) HTML (.html) Output (.cou) | Dient zur Angabe des Ausgabetyps. |
| full_filename | Zeichenfolge | |
| examine | [Feld Feld Feld] | |
| correlate | [Feld Feld Feld] | |
| statistics | [Count Mean Sum Min Max Range Variance SDev SErr Median Mode] | |
| correlation_mode | Wahrscheinlichkeits- funktionen Absolute | Gibt an, ob die Korrelationen nach Wahrscheinlichkeit oder anhand des absoluten Werts beschriftet werden sollen. |
| label_correlations | boolesch | |

Tabelle 195. Eigenschaften des Knotens "statistics" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens statistics | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|--------------|--|
| weak_label | Zeichenfolge | |
| medium_label | Zeichenfolge | |
| strong_label | Zeichenfolge | |
| weak_below_probability | Zahl | Wenn correlation_mode auf Probability gesetzt ist, wird hier der Trennwert für schwache Korrelationen angegeben. Hierbei muss es sich um einen Wert zwischen 0 und 1 handeln, beispielsweise 0,90. |
| strong_above_probability | Zahl | Trennwert für starke Korrelationen. |
| weak_below_absolute | Zahl | Wenn correlation_mode auf Absolute gesetzt ist, wird hier der Trennwert für schwache Korrelationen angegeben. Hierbei muss es sich um einen Wert zwischen 0 und 1 handeln, beispielsweise 0,90. |
| strong_above_absolute | Zahl | Trennwert für starke Korrelationen. |

Eigenschaften des Knotens "statisticsoutput"



Mit dem Statistics-Ausgabeknoten können Sie eine IBM SPSS Statistics-Prozedur aufrufen, um Ihre IBM SPSS Modeler-Daten zu analysieren. Es stehen zahlreiche IBM SPSS Statistics-Analyseprozeduren zur Verfügung. Für diesen Knoten ist eine lizenzierte Kopie von IBM SPSS Statistics erforderlich.

Eine Beschreibung der Eigenschaften für diesen Knoten finden Sie in „Eigenschaften des Knotens "statisticsoutput"“ auf Seite 246.

Eigenschaften des Knotens "table"



Der Tabellenknoten zeigt die Daten in Tabellenform an, die auch in eine Datei geschrieben werden kann. Diese Vorgehensweise empfiehlt sich immer dann, wenn die Datenwerte überprüft oder in leicht lesbarer Form exportiert werden sollen.

Tabelle 196. Eigenschaften des Knotens "table".

| Eigenschaften des Knotens table | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|----------------|--|
| full_filename | Zeichenfolge | Bei Datenträger-, Daten- oder HTML-Ausgabe gibt diese Eigenschaft den Namen der Ausgabedatei an. |
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Wenn use_output_name wahr ist, gibt diese Eigenschaft den zu verwendenden Namen an. |
| output_mode | Screen File | Dient zur Angabe des Zielorts für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe. |

Tabelle 196. Eigenschaften des Knotens "table" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens table | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|---|--|
| output_format | Formatted (.tab) Delimited (.csv) HTML (.html) Output (.cou) | Dient zur Angabe des Ausgabetyps. |
| transpose_data | boolesch | Transponiert die Daten vor dem Export, sodass die Zeilen Felder und die Spalten Datensätze darstellen. |
| paginate_output | boolesch | Wenn output_format auf HTML gesetzt ist, wird hiermit die Ausgabe in Seiten unterteilt. |
| lines_per_page | Zahl | Bei Verwendung mit paginate_output wird die Anzahl der Zeilen pro Ausgabeseite angegeben. |
| highlight_expr | Zeichenfolge | |
| output | Zeichenfolge | Eine schreibgeschützte Eigenschaft, die eine Referenz zur letzten vom Knoten erstellten Tabelle enthält. |
| value_labels | {{Wert Beschriftungszeichenfolge} {Wert Beschriftungszeichenfolge} ...} | Gibt Beschriftungen für Wertpaare an. |
| display_places | ganze Zahl | Legt die Dezimalstellen für das Feld bei der Anzeige fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp REELLE ZAHL). Mit dem Wert -1 wird der Streamstandard verwendet. |
| export_places | ganze Zahl | Legt die Dezimalstellen für das Feld beim Exportieren fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp REELLE ZAHL). Mit dem Wert -1 wird der Streamstandard verwendet. |
| decimal_separator | DEFAULT PERIOD COMMA | Legt das Dezimaltrennzeichen für das Feld fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp REELLE ZAHL). |

Tabelle 196. Eigenschaften des Knotens "table" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens table | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---------------------------------|---|--|
| date_format | "TTMMJJ" "MMTTJJ" "JJMMTT" "JJJJMMTT" "JJJJTTT" DAY MONTH "TT-MM-JJ" "TT-MM-JJJJ" "MM-TT-JJ" "MM-TT-JJJJ" "TT-MON-JJ" "TT-MON-JJJJ" "JJJJ-MM-TT" "TT.MM.JJ" "TT.MM.JJJJ" "MM.TT.JJ" "MM.TT.JJJJ" "TT.MON.JJ" "TT.MON.JJJJ" "TT/MM/JJ" "TT/MM/JJJJ" "MM/TT/JJ" "MM/TT/JJJJ" "TT/MON/JJ" "TT/MON/JJJJ" MON JJJJ q Q JJJJ ww WK JJJJ | Legt das Datumsformat für das Feld fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp DATE oder TIMESTAMP). |
| time_format | "HHMMSS" "HHMM" "MMSS" "HH:MM:SS" "HH:MM" "MM:SS" "(H)H:(M)M:(S)S" "(H)H:(M)M" "(M)M:(S)S" "HH.MM.SS" "HH.MM" "MM.SS" "(H)H.(M)M.(S)S" "(H)H.(M)M" "(M)M.(S)S" | Legt das Zeitformat für das Feld fest (gilt nur für Felder mit dem Speichertyp TIME oder TIMESTAMP). |
| column_width | ganze Zahl | Legt die Spaltenbreite für das Feld fest. Mit dem Wert -1 wird die Spaltenbreite auf Auto (Automatisch) gesetzt. |
| justify | AUTO CENTER LEFT RIGHT | Legt die Spaltenausrichtung für das Feld fest. |

Eigenschaften des Knotens "transform"



Mit dem Transformationsknoten können Sie die Ergebnisse von Transformationen auswählen und in einer Vorschau anzeigen, bevor Sie sie auf ausgewählte Felder anwenden.

Tabelle 197. Eigenschaften des Knotens "transform".

| Eigenschaften des Knotens transform | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|-------------------------------|--|
| fields | [Feld1... FieldN] | Die bei der Transformation zu verwendenden Felder. |
| formula | All Select | Gibt an, ob alle oder nur die ausgewählten Transformationen berechnet werden sollen. |
| formula_inverse | boolesch | Gibt an, ob die inversen Transformation verwendet werden soll. |
| formula_inverse_offset | Zahl | Gibt eine relative Datenadresse an, die für die Formel verwendet werden soll. Standardmäßig auf 0 gesetzt, sofern vom Benutzer nicht anders angegeben. |
| formula_log_n | boolesch | Gibt an, ob die \log_n -Transformation verwendet werden soll. |
| formula_log_n_offset | Zahl | |
| formula_log_10 | boolesch | Gibt an, ob die \log_{10} -Transformation verwendet werden soll. |
| formula_log_10_offset | Zahl | |
| formula_exponential | boolesch | Gibt an, ob die exponentielle Transformation (e^x) verwendet werden soll. |
| formula_square_root | boolesch | Gibt an, ob die Quadratwurzeltransformation verwendet werden soll. |
| use_output_name | boolesch | Gibt an, ob ein benutzerdefinierter Ausgabename verwendet wird. |
| output_name | Zeichenfolge | Wenn use_output_name true ist, gibt diese Eigenschaft den zu verwendenden Namen an. |
| output_mode | Screen File | Dient zur Angabe des Zielorts für die vom Ausgabeknoten erstellte Ausgabe. |
| output_format | HTML (.html) Output (.cou) | Dient zur Angabe des Ausgabetyps. |
| paginate_output | boolesch | Wenn output_format auf HTML gesetzt ist, wird hiermit die Ausgabe in Seiten unterteilt. |
| lines_per_page | Zahl | Bei Verwendung mit paginate_output wird die Anzahl der Zeilen pro Ausgabeseite angegeben. |

Table 197. Properties of the node "transform" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens transform | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------|--|
| full_filename | <i>Zeichenfolge</i> | Gibt den für die Dateiausgabe zu verwendenden Dateinamen an. |

Kapitel 17. Eigenschaften von Exportknoten

Allgemeine Eigenschaften von Exportknoten

Folgende Eigenschaften haben alle Exportknoten gemeinsam:

Table 198. Allgemeine Eigenschaften von Exportknoten.

| Eigenschaft | Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------|------------------------|---|
| publish_path | Zeichenfolge | Geben Sie den Stammnamen für die veröffentlichten Image- und Parameterdateien an. |
| publish_metadata | boolesch | Gibt an, ob eine Metadatendatei erzeugt wird, welche die Ein- und Ausgaben des Bilds und der zugehörigen Datenmodelle beschreibt. |
| publish_use_parameters | boolesch | Gibt an, ob Streamparameter in der *.par-Datei enthalten sind. |
| publish_parameters | Zeichenfolgeliste | Geben Sie die Parameter an, die eingeschlossen werden sollen. |
| execute_mode | export_data publish | Gibt an, ob der Knoten ohne Veröffentlichung des Streams ausgeführt wird oder ob der Stream automatisch beim Ausführen des Knotens veröffentlicht wird. |

Eigenschaften des Knotens "asexport"

Der Analytic Server-Export ermöglicht Ihnen die Ausführung eines Streams unter HDFS (Hadoop Distributed File System).

Table 199. Eigenschaften des Knotens "asexport".

| Eigenschaften des Knotens asexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------|--|
| data_source | Zeichenfolge | Der Name der Datenquelle. |
| export_mode | Zeichenfolge | Gibt an, ob die exportierten Daten an die vorhandene Datenquelle angehängt (append) werden oder die vorhandene Datenquelle überschreiben (overwrite). |
| host | Zeichenfolge | Der Name des Analytic Server-Hosts. |
| Port | ganze Zahl | Der Port, an dem Analytic Server empfangsbereit ist. |
| tenant | Zeichenfolge | In einer Multi-Tenant-Umgebung der Name des Nutzers (Tenants), zu dem Sie gehören. In einer Single-Tenant-Umgebung ist dies standardmäßig ibm . |
| set_credentials | boolesch | Wenn die Benutzerauthentifizierung für Analytic Server und den SPSS Modeler-Server identisch ist, setzen Sie diesen Parameter auf false . Geben Sie andernfalls true an. |

Tabelle 199. Eigenschaften des Knotens "asexport" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens asexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------------------------|--------------|--|
| user_name | Zeichenfolge | Der Benutzername für die Anmeldung bei Analytic Server. Nur erforderlich, wenn set_credentials auf "true" gesetzt ist. |
| password | Zeichenfolge | Das Kennwort für die Anmeldung bei Analytic Server. Nur erforderlich, wenn set_credentials auf "true" gesetzt ist. |

Eigenschaften des Knotens "cognosexport"



Der IBM Cognos BI-Exportknoten exportiert Daten in einem Format, das von Cognos BI-Datenbanken gelesen werden kann.

Hinweis: Für diesen Knoten müssen Sie eine Cognos-Verbindung und eine ODBC-Verbindung definieren.

Cognos-Verbindung

Im Folgenden finden Sie die Eigenschaften für die Cognos-Verbindung.

Tabelle 200. Eigenschaften des Knotens "cognosexport".

| Eigenschaften des Knotens cognosexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------------|---|
| cognos_connection | { "Feld", "Feld", ..., "Feld" } | Eine Listeneigenschaft mit den Verbindungsdetails für den Cognos-Server. Format: {"Cognos-Server-URL", Anmeldemodus, "Namespace", "Benutzername", "Kennwort"} Dabei gilt: Cognos-Server-URL ist die URL des Cognos-Servers, auf den Sie exportieren. Anmeldemodus gibt an, ob eine anonyme Anmeldung verwendet wird, und ist entweder true oder false; bei Angabe von true sollten die folgenden Felder auf "" gesetzt werden. Namespace gibt den Sicherheitsanbieter für die Authentifizierung an, mit dem Sie sich beim Server anmelden. Benutzername und Kennwort sind die Daten, die zur Anmeldung beim Cognos-Server verwendet werden. |
| cognos_package_name | Zeichenfolge | Pfad und Name des Cognos-Pakets, an die Sie Daten exportieren, z. B.: /Public Folders/MyPackage |
| cognos_datasource | Zeichenfolge | |
| cognos_export_mode | Publish ExportFile | |
| cognos_filename | Zeichenfolge | |

ODBC-Verbindung

Die Eigenschaften für die ODBC-Verbindung sind identisch mit denen, die im nächsten Bereich für databaseexport aufgelistet sind, mit der Ausnahme, dass die Eigenschaft datasource nicht gültig ist.

Eigenschaften des Knotens "databaseexport"



Der Datenbankexportknoten schreibt Daten in eine ODBC-kompatible relationale Datenquelle. Um Daten in eine ODBC-Datenquelle schreiben zu können, muss die betreffende Datenquelle bereits vorhanden sein und Sie benötigen Schreibzugriff dafür.

Tabelle 201. Eigenschaften des Knotens "databaseexport".

| Eigenschaften des Knotens databaseexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------|--|
| datasource | Zeichenfolge | |
| username | Zeichenfolge | |
| password | Zeichenfolge | |
| epassword | Zeichenfolge | Dieser Slot ist während der Ausführung schreibgeschützt. Um ein codiertes Kennwort zu erstellen, verwenden Sie das Kennworttool im Menü "Extras". Weitere Informationen finden Sie im Thema „Erstellen eines verschlüsselten Kennworts“ auf Seite 49. |
| table_name | Zeichenfolge | |
| write_mode | Create Append Merge | |
| map | Zeichenfolge | Ordnet einen Streamfeldnamen zu einer Datenbankspalte zu (nur gültig, wenn write_mode auf Merge eingestellt ist). Für eine Zusammenführung müssen alle Felder zugeordnet sein, damit sie exportiert werden. Feldnamen, die in der Datenbank nicht vorhanden sind, werden als neue Spalten hinzugefügt. |
| key_fields | [Feld Feld ... Feld] | Gibt an, dass das Streamfeld für "key" verwendet wird. Die map-Eigenschaft zeigt, welche Entsprechung in der Datenbank vorhanden ist. |
| join | Database Add | |
| drop_existing_table | boolesch | |
| delete_existing_rows | boolesch | |
| default_string_size | ganze Zahl | |

Tabelle 201. Eigenschaften des Knotens "databaseexport" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens databaseexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|-------------------------|--|
| type | | Strukturierte Eigenschaft, mit der das Schema festgelegt wird. |
| generate_import | <i>boolesch</i> | |
| use_custom_create_table_command | <i>boolesch</i> | Mit dem Slot <i>custom_create_table</i> ändern Sie den SQL-Standardbefehl CREATE TABLE. |
| custom_create_table_command | <i>Zeichenfolge</i> | Gibt eine Befehlszeichenfolge an, die statt des SQL-Standardbefehls CREATE TABLE verwendet werden soll. |
| use_batch | <i>boolesch</i> | Bei den folgenden Eigenschaften handelt es sich um erweiterte Optionen für das Masseladen von Datenbanken. Mit dem Wert "wahr" für Use_batch werden zeilenweise Commits zur Datenbank inaktiviert. |
| batch_size | <i>Zahl</i> | Gibt Anzahl der Datensätze an, die an die Datenbank gesendet werden sollen, bevor die Übertragung in den Speicher erfolgt. |
| bulk_loading | Off ODBC External | Gibt den Typ für das Masseladen an. Zusätzliche Optionen für ODBC und External sind unten aufgeführt. |
| not_logged | <i>boolesch</i> | |
| odbc_binding | Row Column | Geben Sie eine zeilen- oder spaltenweise Bindung für das Masseladen über ODBC an. |
| loader_delimit_mode | Tab Space Other | Geben Sie für das Masseladen über ein externes Programm das Trennzeichen an. Wählen Sie Other in Verbindung mit der Eigenschaft loader_other_delimiter zur Angabe von Trennzeichen, wie z. B. Komma (,). |
| loader_other_delimiter | <i>Zeichenfolge</i> | |
| specify_data_file | <i>boolesch</i> | Mit dem Flag "true" wird die unten genannte Eigenschaft data_file aktiviert, mit der Sie den Dateinamen und den Pfad für das Speichern beim Masseladen in die Datenbank angeben können. |
| data_file | <i>Zeichenfolge</i> | |
| specify_loader_program | <i>boolesch</i> | Mit dem Flag "true" wird die unten genannte Eigenschaft loader_program aktiviert, mit der Sie den Namen und den Speicherort eines externen Ladescripts oder Ladeprogramms angeben können. |
| loader_program | <i>Zeichenfolge</i> | |

Tabelle 201. Eigenschaften des Knotens "databaseexport" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens databaseexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------|---|
| gen_logfile | boolesch | Mit dem Flag "true" wird die unten genannte Eigenschaft logfile_name aktiviert, mit der Sie den Namen einer Datei zur Erzeugung eines Fehlerprotokolls auf dem Server angeben können. |
| logfile_name | Zeichenfolge | |
| check_table_size | boolesch | Mit dem Flag "true" wird die Tabellenprüfung ermöglicht, um sicherzustellen, dass die Zunahme der Größe der Datenbanktabelle der Anzahl der aus IBM SPSS Modeler exportierten Zeilen entspricht. |
| loader_options | Zeichenfolge | Legen Sie für das Ladeprogramm zusätzliche Argumente fest, z. B. -comment und -specialdir. |
| export_db_primarykey | boolesch | Gibt an, ob es sich bei einem bestimmten Feld um einen Primärschlüssel handelt. |
| use_custom_create_index_command | boolesch | Bei true wird hiermit benutzerdefinierte SQL für alle Indizes aktiviert. |
| custom_create_index_command | Zeichenfolge | Gibt den SQL-Befehl an, der zum Erstellen von Indizes verwendet wird, wenn benutzerdefinierte SQL aktiviert ist. (Dieser Wert kann für bestimmte Indizes außer Kraft gesetzt werden (siehe unten).) |
| indexes.INDEXNAME.fields | | Erstellt bei Bedarf den angegebenen Index und listet die in diesen Index aufzunehmenden Feldnamen auf. |
| indexes.INDEXNAME.use_custom_create_index_command | boolesch | Wird zum Aktivieren bzw. Inaktivieren der benutzerdefinierten SQL für einen bestimmten Index verwendet. |
| indexes.INDEXNAME.custom_create_command | | Gibt die für den angegebenen Index verwendete benutzerdefinierte SQL an. |
| indexes.INDEXNAME.remove | boolesch | Bei true wird hiermit der angegebene Index aus der Menge der Indizes entfernt. |
| table_space | Zeichenfolge | Gibt den zu erstellenden Tabellenbereich an. |
| use_partition | boolesch | Gibt an, dass das Verteilungs-Hashfeld verwendet werden soll. |
| partition_field | Zeichenfolge | Gibt den Inhalt des Verteilungs-Hashfelds an. |

Hinweis: Bei einigen Datenbanken können Sie angeben, dass Datenbanktabellen für den Export mit Komprimierung erstellt werden sollen (z. B. die Entsprechung von CREATE TABLE MYTABLE (...) COMPRESS YES; in SQL). Die Eigenschaften use_compression und compression_mode werden zur Unterstützung dieser Funktion wie folgt bereitgestellt.

Tabelle 202. Eigenschaften des Knotens "databaseexport" mit Komprimierungsfunktionen.

| Eigenschaften des Knotens databaseexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--|---|
| use_compression | boolesch | Wenn auf true gesetzt, werden Tabellen für den Export mit Komprimierung erstellt. |
| compression_mode | Row Page | Legt das Komprimierungsniveau für SQL Server-Datenbanken fest. |
| | Default Direct_Load_Operations All_Operations Basic OLTP Query_High Query_Low Archive_High Archive_Low | Legt das Komprimierungsniveau für Oracle-Datenbanken fest. Beachten Sie, dass für die Werte OLTP, Query_High, Query_Low, Archive_High und Archive_Low mindestens Oracle 11gR2 erforderlich ist. |

Eigenschaften des Knotens "datacollectionexport"



Der IBM SPSS Data Collection-Exportknoten gibt Daten in dem von der Marktforschungssoftware IBM SPSS Data Collection verwendeten Format aus. Um diesen Knoten verwenden zu können, muss die IBM SPSS Data Collection Data Library installiert sein.

Tabelle 203. Eigenschaften des Knotens "datacollectionexport".

| Eigenschaften des Knotens datacollectionexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------|---|
| metadata_file | Zeichenfolge | Name der zu exportierenden Metadaten-datei. |
| merge_metadata | Overwrite MergeCurrent | |
| enable_system_variables | boolesch | Gibt an, ob die exportierte .mdd-Datei IBM SPSS Data Collection-Systemvariablen enthalten soll. |
| casedata_file | Zeichenfolge | Der Name der .sav-Datei, in die die Falldaten exportiert werden. |
| generate_import | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "excelexport"



Der Excel-Exportknoten gibt Daten im Microsoft Excel-Format (.xls) aus. Optional können Sie auswählen, dass bei der Ausführung des Knotens Excel automatisch gestartet und die exportierte Datei geöffnet werden soll.

Tabelle 204. Eigenschaften des Knotens "excelexport".

| Eigenschaften des Knotens excelexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|------------------------|---|
| full_filename | Zeichenfolge | |
| excel_file_type | Excel2003 Excel2007 | |
| export_mode | Create Append | |
| inc_field_names | boolesch | Gibt an, ob Feldnamen in die erste Zeile des Arbeitsblattes eingefügt werden sollen. |
| start_cell | Zeichenfolge | Gibt die Startzelle für den Export an. |
| worksheet_name | Zeichenfolge | Name des zu schreibenden Arbeitsblattes. |
| launch_application | boolesch | Gibt an, ob Excel für die resultierende Datei aufgerufen werden soll. Beachten Sie, dass der Pfad für den Start von Excel im Dialogfeld "Hilfsanwendungen" (Menü "Extras", "Hilfsanwendungen") angegeben werden muss. |
| generate_import | boolesch | Gibt an, ob ein Excel-Importknoten generiert werden soll, der die exportierte Datendatei liest. |

Eigenschaften des Knotens "outputfile"



Der Flatfile-Export gibt Daten in einer Textdatei mit Trennzeichen aus. Diese Vorgehensweise eignet sich für das Exportieren von Daten, die von anderen Analyse- oder Tabellenkalkulationsprogrammen gelesen werden sollen.

Tabelle 205. Eigenschaften des Knotens "outputfile".

| Eigenschaften des Knotens outputfile | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|-----------------------------------|--------------------------|
| full_filename | Zeichenfolge | Name der Ausgabedatei. |
| write_mode | Overwrite Append | |
| inc_field_names | boolesch | |
| use_newline_after_records | boolesch | |
| delimit_mode | Comma Tab Space Other | |
| other_delimiter | Zeichen | |
| quote_mode | None Single Double Other | |

Tabelle 205. Eigenschaften des Knotens "outputfile" (Forts.).

| Eigenschaften des Knotens outputfile | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--------------------------------------|---|--------------------------|
| other_quote | boolesch | |
| generate_import | boolesch | |
| encoding | StreamDefault SystemDefault "UTF-8" | |

Eigenschaften des Knotens "sasexport"



Mit dem SAS-Exportknoten werden Daten in das SAS-Format ausgegeben, die dann in SAS oder in SAS-kompatible Softwarepakete eingelesen werden können. Drei SAS-Dateiformate sind verfügbar: SAS für Windows/OS2, SAS für UNIX sowie SAS Version 7/8.

Tabelle 206. Eigenschaften des Knotens "sasexport".

| Eigenschaften des Knotens sasexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|---------------------------------|---|
| format | Windows UNIX SAS7 SAS8 | Beschriftungsfelder für die Eigenschaft "Variante". |
| full_filename | Zeichenfolge | |
| export_names | NamesAndLabels NamesAsLabels | Dient der Zuordnung von Feldnamen von IBM SPSS Modeler zu IBM SPSS Statistics- oder SAS-Variablennamen nach dem Export. |
| generate_import | boolesch | |

Eigenschaften des Knotens "statisticsexport"



Der Statistikexportknoten gibt Daten im Format IBM SPSS Statistics *.sav* aus. Die *.sav*-Dateien können von IBM SPSS Statistics Base und anderen Produkten gelesen werden. Dieses Format wird auch für Cachedateien in IBM SPSS Modeler verwendet.

Eine Beschreibung der Eigenschaften für diesen Knoten finden Sie in „Eigenschaften des Knotens "statisticsexport"“ auf Seite 246.

Eigenschaften des Knotens "xmlexport"



Der XML-Exportknoten gibt Daten an eine Datei im XML-Format aus. Optional können Sie einen XML-Quellenknoten erstellen, um die exportierten Daten wieder in der Stream einzulesen.

Table 207. Eigenschaften des Knotens "xmlexport".

| Eigenschaften des Knotens xmlexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|-------------------------------------|--------------|---|
| full_filename | Zeichenfolge | (erforderlich) Vollständiger Pfad und Dateiname der XML-Exportdatei. |
| use_xml_schema | boolesch | Legt fest, ob ein XML-Schema (XSD- oder DTD-Datei) für die Steuerung der Struktur der exportierten Daten verwendet wird. |
| full_schema_filename | Zeichenfolge | Vollständiger Pfad und Dateiname der zu verwendenden XSD- oder DTD-Datei. Erforderlich, wenn use_xml_schema auf "wahr" gesetzt ist. |
| generate_import | boolesch | Generiert einen XML-Quellenknoten, der die exportierten Daten wieder in den Stream einliest. |
| records | Zeichenfolge | XPath-Ausdruck, der die Datensatzgrenze angibt. |
| map | Zeichenfolge | Ordnet den Feldnamen der XML-Struktur zu. |

Kapitel 18. IBM SPSS Statistics-Knoteneigenschaften

Eigenschaften des Knotens "statisticsimport"



Der Statistikdateiknoten liest Daten aus dem Dateiformat *.sav* ein, das von IBM SPSS Statistics verwendet wird, sowie in IBM SPSS Modeler gespeicherte Cache-Dateien, die ebenfalls dasselbe Format verwenden.

Tabelle 208. Eigenschaften des Knotens "statisticsimport".

| Eigenschaften des Knotens statisticsimport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------------|---|
| full_filename | Zeichenfolge | Der vollständige Dateiname mit Pfad. |
| import_names | NamesAndLabels LabelsAsNames | Methode für die Behandlung von Variablennamen und -beschriftungen. |
| import_data | DataAndLabels LabelsAsData | Methode für die Behandlung von Werten und Beschriftungen. |
| use_field_format_for_storage | boolesch | Gibt an, ob IBM SPSS Statistics-Feldformatinformationen beim Import verwendet werden. |

Eigenschaften des Knotens "statisticstransform"



Der Statistics-Transformationsknoten führt eine Auswahl von IBM SPSS Statistics-Syntaxbefehlen für Datenquellen in IBM SPSS Modeler aus. Für diesen Knoten ist eine lizenzierte Kopie von IBM SPSS Statistics erforderlich.

Tabelle 209. Eigenschaften des Knotens "statisticstransform".

| Eigenschaften des Knotens statisticstransform | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------|---|
| syntax | Zeichenfolge | |
| check_before_saving | boolesch | Überprüft die eingegebene Syntax vor dem Speichern der Einträge. Zeigt eine Fehlermeldung an, wenn die Syntax ungültig ist. |
| default_include | boolesch | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "filter"“ auf Seite 105. |
| include | boolesch | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "filter"“ auf Seite 105. |
| new_name | Zeichenfolge | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "filter"“ auf Seite 105. |

Eigenschaften des Knotens "statisticsmodel"



Mithilfe des Statistics-Modellknotens können Sie Ihre Daten analysieren und bearbeiten, indem Sie IBM SPSS Statistics-Prozeduren ausführen, die PMML erzeugen. Für diesen Knoten ist eine lizenzierte Kopie von IBM SPSS Statistics erforderlich.

| Eigenschaften des Knotens statisticsmodel | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|---|--------------|---|
| syntax | Zeichenfolge | |
| default_include | boolesch | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "filter"“ auf Seite 105. |
| include | boolesch | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "filter"“ auf Seite 105. |
| new_name | Zeichenfolge | Weitere Informationen finden Sie im Thema „Eigenschaften des Knotens "filter"“ auf Seite 105. |

Eigenschaften des Knotens "statisticsoutput"



Mit dem Statistics-Ausgabeknoten können Sie eine IBM SPSS Statistics-Prozedur aufrufen, um Ihre IBM SPSS Modeler-Daten zu analysieren. Es stehen zahlreiche IBM SPSS Statistics-Analyseprozeduren zur Verfügung. Für diesen Knoten ist eine lizenzierte Kopie von IBM SPSS Statistics erforderlich.

Tabelle 210. Eigenschaften des Knotens "statisticsoutput".

| Eigenschaften des Knotens statisticsoutput | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|--------------------|---|
| mode | Dialog Syntax | Wählt die Option "IBM SPSS Statistics-Dialogfeld" oder Syntaxeditor aus |
| syntax | Zeichenfolge | |
| use_output_name | boolesch | |
| output_name | Zeichenfolge | |
| output_mode | Screen File | |
| full_filename | Zeichenfolge | |
| file_type | HTML SPV SPW | |

Eigenschaften des Knotens "statisticsexport"



Der Statistikexportknoten gibt Daten im Format IBM SPSS Statistics .sav aus. Die .sav-Dateien können von IBM SPSS Statistics Base und anderen Produkten gelesen werden. Dieses Format wird auch für Cachedateien in IBM SPSS Modeler verwendet.

Tabelle 211. Eigenschaften des Knotens "statisticsexport".

| Eigenschaften des Knotens statisticsexport | Datentyp | Eigenschaftsbeschreibung |
|--|---------------------------------|---|
| full_filename | Zeichenfolge | |
| launch_application | boolesch | |
| export_names | NamesAndLabels NamesAsLabels | Dient der Zuordnung von Feldnamen von IBM SPSS Modeler zu IBM SPSS Statistics- oder SAS-Variablennamen nach dem Export. |
| generate_import | boolesch | |

Kapitel 19. Superknoteneigenschaften

In den folgenden Tabellen werden die für Superknoten spezifischen Eigenschaften beschrieben. Beachten Sie, dass allgemeine Knoteneigenschaften auch für Superknoten gelten.

Table 212. Eigenschaften von Endsuperknoten.

| Eigenschaftsname | Eigenschaftstyp/Liste der Werte | Eigenschaftsbeschreibung |
|------------------|---------------------------------|--|
| execute_method | Script Normal | |
| script | <i>Zeichenfolge</i> | |
| script_language | Python Legacy | Legt die Scriptsprache für das Superknotenscript fest. |

Superknotenparameter

Mithilfe der Funktionen, die zum Ändern von Streamparametern verwendet werden, können Sie Scripts zum Erstellen oder Festlegen von Superknotenparametern verwenden. Weitere Informationen finden Sie im Thema „Stream-, Sitzungs- und Superknotenparameter“ auf Seite 42.

Festlegen von Eigenschaften für gekapselte Knoten

Zum Festlegen der Eigenschaften bei Knoten im Superknoten müssen Sie auf das Diagramm zugreifen, das diesem Superknoten gehört, und dann die verschiedenen find-Methoden (wie `findByName()` und `findById()`) verwenden, um die Knoten zu suchen. Beispiel: In einem Superknotenscript, das einen einzigen Knotentyp umfasst:

```
supernode = modeler.script.supernode()
diagram = supernode.getCompositeProcessorDiagram()
# Find the type node within the supernode internal diagram
typenode = diagram.findByName("type", None)
typenode.setKeyedProperty("direction", "Drug", "Input")
typenode.setKeyedProperty("direction", "Age", "Target")
```

Einschränkungen bei Superknotenscripts. Superknoten können andere Streams nicht bearbeiten und den aktuellen Stream nicht ändern.

Anhang A. Knotennamenreferenz

In diesem Abschnitt erhalten Sie eine Referenz für die Scriptnamen der Knoten in IBM SPSS Modeler.

Modellnuggetnamen

Modellnuggets (auch als "generierte Modelle" bezeichnet) können ebenso wie Knoten- und Ausgabeobjekte nach Typ referenziert werden. In der folgenden Tabelle werden die Referenznamen für Modellobjekte aufgeführt.

Beachten Sie, dass diese Namen speziell zur Referenzierung von Modellnuggets in der Modellpalette (in der rechten oberen Ecke des IBM SPSS Modeler-Fensters) verwendet werden. Zur Referenzierung von Modellknoten, die zu Scoring-Zwecken zu einem Stream hinzugefügt wurden, wird ein anderes Set von Namen mit dem Präfix `apply...` verwendet. Weitere Informationen finden Sie in Kapitel 14, „Eigenschaften von Modellnuggetknoten“, auf Seite 181.

Hinweis: Unter normalen Umständen wird die Referenzierung von Modellen sowohl anhand des Namens als auch anhand des Typs empfohlen, um Verwirrungen zu vermeiden.

Tabelle 213. Namen von Modellnuggets (Modellierungspalette).

| Modellname | Modell |
|------------------|--------------------------------------|
| anomalydetection | Anomalie |
| apriori | Apriori |
| autoclassifier | Automatisches Klassifikationsmerkmal |
| autocluster | Automatisches Clustering |
| autonumeric | Auto-Numerisch |
| bayesnet | Bayes-Netz |
| c50 | C5.0 |
| carma | Carma |
| cart | C&R-Baum |
| chaid | CHAID |
| coxreg | Cox-Regression |
| decisionlist | Entscheidungsliste |
| Diskriminanz | Diskriminanz |
| Faktor | Faktor/PCA |
| featureselection | Merkmalauswahl |
| genlin | Verallgemeinerte lineare Regression |
| glmm | GLMM |
| kmeans | K-Means |
| knn | <i>k</i> -Nächste-Nachbarn |
| kohonen | Kohonen |
| linear | Linear |
| logreg | Logistische Regression |
| neuralnetwork | Netz |

Tabelle 213. Namen von Modellnuggets (Modellierungspalette) (Forts.).

| Modellname | Modell |
|-----------------|----------------------------|
| quest | QUEST |
| regression | Lineare Regression |
| sequence | Sequenz |
| slrm | Lernfähiges Antwortmodell |
| statisticsmodel | IBM SPSS Statistics-Modell |
| svm | Support Vector Machine |
| timeseries | Zeitreihen |
| twostep | Two Step |

Tabelle 214. Namen von Modellnuggets (Datenbankmodellierungspalette).

| Modellname | Modell |
|-----------------------|---|
| db2imcluster | IBM ISW-Clustering |
| db2imlog | IBM ISW Logistische Regression |
| db2imnb | IBM ISW Naive Bayes |
| db2imreg | IBM ISW-Regression |
| db2imtree | IBM ISW-Entscheidungsbaum |
| msassoc | MS-Assoziationsregeln |
| msbayes | MS Naive Bayes |
| mscluster | MS-Clustering |
| mslogistic | MS - Logistische Regression |
| msneuralnetwork | MS - Neuronales Netz |
| msregression | MS - Lineare Regression |
| mssequencecluster | MS-Sequenzclustering |
| mstimeseries | MS Time Series |
| mstree | MS-Entscheidungsbaum |
| netezzabayes | Netezza-Bayes-Netz |
| netezzadectree | Netezza-Entscheidungsbaum |
| netezzadivcluster | Netezza - Divisives Clustering |
| netezzaglm | Verallgemeinertes lineares Netezza-Modell |
| netezzakmeans | Netezza-K-Means |
| netezzaknn | Netezza-KNN |
| netezzalineregression | Netezza - Lineare Regression |
| netezzanativebayes | Netezza - Naive Bayes |
| netezzapca | Netezza-PCA |
| netezzaregtree | Netezza-Regressionsbaum |
| netezzatimeseries | Netezza-Zeitreihe |
| oraabn | Oracle Adaptive Bayes |
| oraai | Oracle AI |
| oradecisiontree | Oracle Decision Tree |
| oraglm | Oracle GLM |

Tabelle 214. Namen von Modellnuggets (Datenbankmodellierungspalette) (Forts.).

| Modellname | Modell |
|-------------|------------------------|
| orakmeans | Oracle <i>k</i> -Means |
| oranb | Oracle Naive Bayes |
| oranmf | Oracle NMF |
| oraocluster | Oracle O-Cluster |
| orasvm | Oracle SVM |

Vermeidung doppelter Modellnamen

Bei der Verwendung von Scripts zur Bearbeitung generierter Modelle sollten Sie sich bewusst sein, dass das Zulassen doppelter Modellnamen zu mehrdeutigen Referenzen führen kann. Um dies zu vermeiden, sollten bei der Scripterstellung eindeutige Namen für die generierten Modelle erforderlich sein.

So legen Sie Optionen für doppelte Modellnamen fest:

1. Wählen Sie die folgenden Befehle aus den Menüs aus:
Extras > Benutzeroptionen
2. Klicken Sie auf die Registerkarte **Benachrichtigungen**.
3. Wählen Sie die Option **Bisheriges Modell ersetzen**, um die Vergabe doppelter Namen für generierte Modelle zu beschränken.

Das Verhalten der Scriptausführung kann zwischen SPSS Modeler und IBM SPSS Collaboration and Deployment Services variieren, wenn mehrdeutige Modellverweise vorliegen. Der SPSS Modeler-Client beinhaltet die Option "Bisheriges Modell ersetzen", bei dem automatisch Modelle mit demselben Namen ersetzt werden (z. B. wenn ein Script in mehreren Iterationen eine Schleife durchläuft und jedes Mal ein anderes Modell erstellt). Diese Option steht jedoch nicht zur Verfügung, wenn dasselbe Script in IBM SPSS Collaboration and Deployment Services ausgeführt wird. Sie können diese Situation vermeiden, indem Sie entweder das in den einzelnen Iterationen generierte Modell umbenennen, um mehrdeutige Verweise auf Modelle zu vermeiden, oder indem Sie das aktuelle Modell vor dem Ende der Schleife löschen (z. B. durch Hinzufügen der Anweisung `clear generated palette`).

Namen der Ausgabetypen

In der folgenden Tabelle werden alle Ausgabeobjekttypen und die Knoten, von denen Sie erstellt werden, aufgelistet. Eine vollständige Liste der für die einzelnen Ausgabeobjekttypen verfügbaren Exportformate finden Sie in der Eigenschaftsbeschreibung für den Knoten, der den Ausgabetypp erstellt. Diese Beschreibung finden Sie in „Allgemeine Eigenschaften von Diagrammknoten“ auf Seite 121 und Kapitel 16, „Eigenschaften von Ausgabeknoten“, auf Seite 221.

Tabelle 215. Ausgabeobjekttypen und die Knoten, von denen sie erstellt werden.

| Ausgabeobjekttyp | Knoten |
|--------------------|-------------|
| analysisoutput | Analyse |
| collectionoutput | Sammlung |
| dataauditoutput | Data Audit |
| distributionoutput | Verteilung |
| evaluationoutput | Evaluation |
| histogramoutput | Histogramm |
| matrixoutput | Matrix |
| meansoutput | Mittelwerte |

Tabelle 215. Ausgabeobjekttypen und die Knoten, von denen sie erstellt werden (Forts.).

| Ausgabeobjekttyp | Knoten |
|---------------------------|--|
| multiplotoutput | Multiplot |
| plotoutput | Diagramm |
| qualityoutput | Qualität |
| reportdocumentoutput | Dieser Objekttyp stammt nicht aus einem Knoten; es handelt sich um die von einem Projektbericht erstellte Ausgabe. |
| reportoutput | Bericht |
| statisticsprocedureoutput | Statistics-Ausgabe |
| statisticsoutput | Statistics |
| tableoutput | Tabelle |
| timeplotoutput | Zeitdiagramm |
| weboutput | Internet |

Anhang B. Migration von traditionellem Scripting zu Python-Scripting

Übersicht über die Migration traditioneller Scripts

In diesem Abschnitt erhalten Sie eine Zusammenfassung der Unterschiede zwischen Python-Scripting und traditionellem Scripting in IBM SPSS Modeler sowie Informationen zur Migration von traditionellen Scripts in Python-Scripts. In diesem Abschnitt finden Sie eine Liste der traditionellen SPSS Modeler-Standardbefehle und der entsprechenden Python-Befehle.

Allgemeine Unterschiede

Traditionelles Scripting beruht stark auf Betriebssystembefehlsscripts. Traditionelles Scripting ist zeilenorientiert. Obwohl es einige Blockstrukturen wie z. B. `if...then...else...endif` und `for...endfor` gibt, hat eine Einrückung in der Regel keine Bedeutung.

Bei Python-Scripting ist die Einrückung von Bedeutung. Zeilen, die zum selben logischen Block gehören, müssen gleich weit eingerückt sein.

Anmerkung: Darauf müssen Sie beim Kopieren und Einfügen von Python-Code achten. Eine Zeile, die mit Tabstopps eingerückt ist, könnte im Editor genauso aussehen wie eine Zeile, die mit Leerzeichen eingerückt ist. Das Python-Script generiert jedoch einen Fehler, da diese Zeilen nicht als gleich weit eingerückt gelten.

Scriptingkontext

Der Scriptingkontext definiert die Umgebung, in der das Script ausgeführt wird, z. B. den Stream oder den Superknoten, der das Script ausführt. Bei traditionellem Scripting ist der Kontext implizit, d. h. es wird angenommen, dass alle Knotenreferenzen in einem Stream-Script in dem Stream liegen, der das Script ausführt.

Bei Python-Scripting wird der Scriptingkontext explizit über das Modul `modeler.script` angegeben. Beispiel: ein Python-Stream-Script kann mit dem folgenden Code auf den Stream zugreifen, der das Script ausführt:

```
s = modeler.script.stream()
```

Funktionen im Zusammenhang mit Streams können dann über das zurückgegebene Objekt aufgerufen werden.

Befehle und Funktionen

Traditionelles Scripting ist befehlsorientiert. Das heißt, dass jede Zeile des Scripts typischerweise mit dem auszuführenden Befehl beginnt und dann die Parameter folgen. Beispiel:

```
connect 'Type':typenode to :filternode  
rename :derivenode as "Compute Total"
```

Python verwendet Funktionen, die üblicherweise über ein Objekt (Modul, Klasse oder Objekt) aufgerufen werden, das die Funktion definiert. Beispiel:

```
stream = modeler.script.stream()  
typenode = stream.findByName("type", "Type")  
filternode = stream.findByName("filter", None)  
stream.link(typenode, filternode)  
derive.setLabel("Compute Total")
```

Literale und Kommentare

Einige Literal- und Kommentarbefehle, die üblicherweise in IBM SPSS Modeler verwendet werden, haben funktional entsprechende Befehle in Python-Scripts. Dies könnte Ihnen dabei helfen, Ihre vorhandenen traditionellen SPSS Modeler-Scripts für die Verwendung in IBM SPSS Modeler 16 in Python-Scripts zu konvertieren.

Tabelle 216. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Literale und Kommentare.

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|--|--|
| Ganzzahl, z. B. 4 | Gleich |
| Gleitkommazahl, z. B. 0.003 | Gleich |
| Zeichenfolgen in einfachen Anführungszeichen, z. B. 'Hallo' | Gleich Anmerkung: Zeichenfolgeliteralen mit Nicht-ASCII-Zeichen muss ein u vorangestellt werden, damit sie als Unicode dargestellt werden. |
| Zeichenfolgen in doppelten Anführungszeichen, z. B. "Nochmal Hallo" | Gleich Anmerkung: Zeichenfolgeliteralen mit Nicht-ASCII-Zeichen muss ein u vorangestellt werden, damit sie als Unicode dargestellt werden. |
| Lange Zeichenfolgen, z. B. """Dies ist eine Zeichenfolge, die mehrere Zeilen umfasst""" | Gleich |
| Listen, z. B. [1 2 3] | [1, 2, 3] |
| Variablenreferenzen, z. B. set x = 3 | x = 3 |
| Zeilenfortsetzung (\), z. B. set x = [1 2 \ 3 4] | x = [1, 2,\n3, 4] |
| Blockkommentar, z. B. /* Dies ist ein langer Kommentar in einer Zeile. */ | /* Dies ist ein langer Kommentar in einer Zeile. */ |
| Zeilenkommentar, z. B. set x = 3 # make x 3 | x = 3 # make x 3 |
| undef | None |
| true | True |
| false | False |

Operatoren

Einige Operatorbefehle, die üblicherweise in IBM SPSS Modeler verwendet werden, haben funktional entsprechende Befehle in Python-Scripts. Dies könnte Ihnen dabei helfen, Ihre vorhandenen traditionellen SPSS Modeler-Scripts für die Verwendung in IBM SPSS Modeler 16 in Python-Scripts zu konvertieren.

Tabelle 217. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Operatoren.

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|---|---|
| ZAHL1 + ZAHL2 LISTE + ELEMENT LISTE1 + LISTE2 | ZAHL1 + ZAHL2 LIST.append(ELEMENT) LIST1.extend(LISTE2) |
| ZAHL1 - ZAHL2 LISTE - ELEMENT | ZAHL1 - ZAHL2 LIST.remove(ELEMENT) |
| ZAHL1 * ZAHL2 | ZAHL1 * ZAHL2 |

Tabelle 217. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Operatoren (Forts.).

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|------------------------------------|------------------------------------|
| ZAHL1 / ZAHL2 | ZAHL1 / ZAHL2 |
| = == | == |
| /= /== | != |
| X ** Y | X ** Y |
| X < Y X <= Y X > Y X >= Y | X < Y X <= Y X > Y X >= Y |
| X div Y X rem Y X mod Y | X // Y X % Y X % Y |
| and or not(AUSDR) | and or not AUSDR |

Bedingte Befehle und Schleifenbefehle

Für einige bedingte Befehle und Schleifenbefehle, die üblicherweise in IBM SPSS Modeler verwendet werden, gibt es entsprechende Befehle bei Python-Scripting. Dies könnte Ihnen dabei helfen, Ihre vorhandenen traditionellen SPSS Modeler-Scripts für die Verwendung in IBM SPSS Modeler 16 in Python-Scripts zu konvertieren.

Tabelle 218. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für bedingte Befehle und Schleifenbefehle.

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|--|---|
| for VAR from INT1 to INT2 ... endfor | for VAR in range(INT1, INT2): ... ODER VAR = INT1 while VAR <= INT2: ... VAR += 1 |
| for VAR in LISTE ... endfor | for VAR in LISTE: ... |
| for VAR in_fields_to KNOTEN ... endfor | for VAR in KNOTEN.getInputDataModel(): ... |
| for VAR in_fields_at KNOTEN ... endfor | for VAR in KNOTEN.getOutputDataModel(): ... |
| if...then ... elseif...then ... else ... endif | if ...: ... elif ...: ... else: ... |
| with TYPE OBJECT ... endwith | Keine Entsprechung |

Tabelle 218. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für bedingte Befehle und Schleifenbefehle (Forts.).

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|--------------------------|---|
| var VAR1 | Variablendeklaration nicht erforderlich |

Variablen

Bei traditionellem Scripting werden Variablen deklariert, bevor sie referenziert werden. Beispiel:

```
var mynode
set mynode = create typenode at 96 96
```

Bei Python-Scripting werden Variablen bei ihrer ersten Referenzierung erstellt. Beispiel:

```
mynode = stream.createAt("type", "Type", 96, 96)
```

Bei traditionellem Scripting müssen Referenzen auf Variablen explizit mit dem Operator ^ entfernt werden. Beispiel:

```
var mynode
set mynode = create typenode at 96 96
set ^mynode.direction."Age" = Input
```

Wie bei den meisten Scriptsprachen ist dies bei Python-Scripting nicht erforderlich. Beispiel:

```
mynode = stream.createAt("type", "Type", 96, 96)
mynode.setKeyedPropertyValue("direction", "Age", "Input")
```

Knoten-, Ausgabe- und Modelltypen

Bei traditionellem Scripting wird für die unterschiedlichen Objekttypen (Knoten, Ausgabe und Modell) in der Regel der Typ an den Objekttyp angehängt. Beispiel: der Knoten "derive" hat den Typ `derivenode`:

```
set feature_name_node = create derivenode at 96 96
```

Die IBM SPSS Modeler-API in Python schließt das Suffix `node` nicht ein, sodass der Knoten "derive" den Typ `derive` hat. Beispiel:

```
feature_name_node = stream.createAt("derive", "Feature", 96, 96)
```

Typnamen bei traditionellem Scripting und bei Python-Scripting unterscheiden sich nur darin, dass bei Python-Scripting das Typsuffix fehlt.

Eigenschaftsnamen

Eigenschaftsnamen sind bei traditionellem und bei Python-Scripting gleich. Beispiel: im Variablendateiknoten lautet die Eigenschaft, die die Dateiposition definiert, in beiden Scripting-Umgebungen `full_filename`.

Knotenreferenzen

Viele traditionelle Scripts verwenden eine implizite Suche, um den zu ändernden Knoten zu suchen und darauf zuzugreifen. Beispiel: die folgenden Befehle durchsuchen den aktuellen Stream nach einem Typknoten mit der Beschriftung "Type" und legen dann für die Richtung (Modellierungsrolle) das Feld "Age" als Eingabe und das Feld "Drug" als Ziel (vorherzusagender Wert) fest:

```
set 'Type':typenode.direction."Age" = Input
set 'Type':typenode.direction."Drug" = Target
```

Bei Python-Scripting müssen Knotenobjekte explizit gesucht werden, bevor die Funktion zum Festlegen des Eigenschaftswert aufgerufen wird. Beispiel:


```
typenode = stream.findByType("type", "Type")
typenode.setKeyedPropertyValue("direction", "Age", "Input")
typenode.setKeyedPropertyValue("direction", "Drug", "Target")
```

Anmerkung: In diesem Fall muss "Target" in Anführungszeichen für Zeichenfolgen stehen.

Python-Scripts können alternativ die Aufzählung `ModelingRole` im Paket `modeler.api` verwenden.

Obwohl Scripts bei Python-Scripting länger sein können, führt dies zu einer besseren Laufzeitleistung, da die Suche nach dem Knoten in der Regel nur einmal erfolgt. Beim Beispiel mit traditionellem Scripting wird die Suche nach dem Knoten bei jedem Befehl ausgeführt.

Die Suche nach Knoten anhand der ID wird ebenfalls unterstützt. (Die Knoten-ID ist auf der Registerkarte "Anmerkungen" des Knotendialogs zu sehen.) Beispiel bei traditionellem Scripting:

```
# id65EMPB9VL87 is the ID of a Type node
set @id65EMPB9VL87.direction."Age" = Input
```

Das folgende Script zeigt dasselbe Beispiel bei Python-Scripting:

```
typenode = stream.findByID("id65EMPB9VL87")
typenode.setKeyedPropertyValue("direction", "Age", "Input")
```

Abrufen und Festlegen von Eigenschaften

Traditionelles Scripting verwendet den Befehl `set` zum Festlegen eines Wertes. Der Ausdruck nach dem Befehl `set` kann eine Eigenschaftsdefinition sein. Das folgende Script zeigt zwei mögliche Scriptformate zum Festlegen einer Eigenschaft:

```
set <Knotenreferenz>.<Eigenschaft> = <Wert>
set <Knotenreferenz>.<verschlüsselte_Eigenschaft>.<Schlüssel> = <Wert>
```

Bei Python-Scripting wird dasselbe Ergebnis mit den Funktionen `setProperty()` und `setKeyedProperty()` erreicht. Beispiel:

```
Objekt.setProperty(Eigenschaft, Wert)
Objekt.setKeyedProperty(verschlüsselte_Eigenschaft, Schlüssel, Wert)
```

Bei traditionellem Scripting kann mit dem Befehl `get` auf Eigenschaftswerte zugegriffen werden. Beispiel:

```
var n v
set n = get node :filternode
set v = ^n.name
```

Bei Python-Scripting wird dasselbe Ergebnis mit der Funktion `getProperty()` erreicht. Beispiel:

```
n = stream.findByName("filter", None)
v = n.getProperty("name")
```

Bearbeiten von Streams

Bei traditionellen Scripting wird der Befehl `create` zum Erstellen eines neuen Knotens verwendet. Beispiel:

```
var agg select
set agg = create aggregatenode at 96 96
set select = create selectnode at 164 96
```

Bei Python-Scripting gibt es in Streams verschiedene Methoden zur Erstellung von Knoten. Beispiel:

```
stream = modeler.script.stream()
agg = stream.createAt("aggregate", "Aggregate", 96, 96)
select = stream.createAt("select", "Select", 164, 96)
```

Bei traditionellen Scripting wird der Befehl `connect` zum Herstellen von Verbindungen zwischen Knoten verwendet. Beispiel:

```
connect ^agg to ^select
```

Bei Python-Scripting wird die Methode `link` zum Herstellen von Verbindungen zwischen Knoten verwendet. Beispiel:

```
stream.link(agg, select)
```

Bei traditionellen Scripting wird der Befehl `disconnect` zum Entfernen von Verbindungen zwischen Knoten verwendet. Beispiel:

```
disconnect ^agg from ^select
```

Bei Python-Scripting wird die Methode `unlink` zum Entfernen von Verbindungen zwischen Knoten verwendet. Beispiel:

```
stream.unlink(agg, select)
```

Bei traditionellen Scripting wird der Befehl `position` zur Positionierung von Knoten im Streamerstellungsbereich oder zwischen anderen Knoten verwendet. Beispiel:

```
position ^agg at 256 256
position ^agg between ^myselect and ^mydistinct
```

Bei Python-Scripting wird dasselbe Ergebnis mit zwei separaten Methoden erreicht: `setXYPosition` und `setPositionBetween`. Beispiel:

```
agg.setXYPosition(256, 256)
agg.setPositionBetween(myselect, mydistinct)
```

Knotenoperationen

Einige Befehle für Knotenoperationen, die üblicherweise in IBM SPSS Modeler verwendet werden, haben funktional entsprechende Befehle in Python-Scripts. Dies könnte Ihnen dabei helfen, Ihre vorhandenen traditionellen SPSS Modeler-Scripts für die Verwendung in IBM SPSS Modeler 16 in Python-Scripts zu konvertieren.

Tabelle 219. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Knotenoperationen.

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|--|---|
| create <i>Knotenspezifikation</i> at x y | <code>Stream.create(Typ, Name)</code> <code>Stream.createAt(Typ, Name, x, y)</code> <code>Stream.createBetween(Typ, Name, preNode, postNode)</code> <code>Stream.createModelApplier(Modell, Name)</code> |
| connect <i>Ausgangsknoten</i> to <i>Zielknoten</i> | <code>Stream.link(Ausgangsknoten, Zielknoten)</code> |
| delete <i>Knoten</i> | <code>Stream.delete(Knoten)</code> |
| disable <i>Knoten</i> | <code>Stream.setEnabled(Knoten, False)</code> |
| enable <i>Knoten</i> | <code>Stream.setEnabled(Knoten, True)</code> |
| disconnect <i>Ausgangsknoten</i> from <i>Zielknoten</i> | <code>Stream.unlink(Ausgangsknoten, Zielknoten)</code> <code>Stream.disconnect(Knoten)</code> |
| duplicate <i>Knoten</i> | <code>Knoten.duplicate()</code> |
| execute <i>Knoten</i> | <code>Stream.runSelected(Knoten, Ergebnisse)</code> <code>Stream.runAll(Ergebnisse)</code> |
| flush <i>Knoten</i> | <code>Knoten.flushCache()</code> |
| position <i>Knoten</i> at x y | <code>Knoten.setXYPosition(x, y)</code> |
| position <i>Knoten</i> between <i>Knoten1</i> and <i>Knoten2</i> | <code>Knoten.setPositionBetween(Knoten1, Knoten2)</code> |
| rename <i>Knoten</i> as <i>Name</i> | <code>Knoten.setLabel(Name)</code> |

Verwendung von Schleifen

Bei traditionellem Scripting werden es zwei Hauptschleifenoptionen unterstützt:

- *Gezählte Schleifen*, bei denen eine Indexvariable sich zwischen zwei ganzzahligen Grenzen bewegt.
- *Sequenzschleifen*, die eine Folge von Werten in einer Schleife durchlaufen und den aktuellen Wert an die Schleifenvariable binden.

Das folgende Script ist ein Beispiel für eine gezählte Schleife bei traditionellem Scripting:

```
for i from 1 to 10
  println ^i
endfor
```

Das folgende Script ist ein Beispiel für eine Sequenzschleife bei traditionellem Scripting:

```
var items
set items = [a b c d]

for i in items
  println ^i
endfor
```

Es können auch andere Typen von Schleifen verwendet werden:

- Durchlaufen der Modelle in der Modellpalette oder der Ausgaben in der Ausgabepalette.
- Durchlaufen der Felder, die in einen Knoten eintreten oder aus einem Knoten austreten.

Python-Scripting unterstützt auch unterschiedliche Schleifentypen. Das folgende Script ist ein Beispiel für eine gezählte Schleife bei Python-Scripting:

```
i = 1
while i <= 10:
  print i
  i += 1
```

Das folgende Script ist ein Beispiel für eine Sequenzschleife bei Python-Scripting:

```
items = ["a", "b", "c", "d"]
for i in items:
  print i
```

Die Sequenzschleife ist sehr flexibel. Wenn sie mit API-Methoden von IBM SPSS Modeler kombiniert wird, kann sie die Mehrzahl der Anwendungsfälle bei traditionellem Scripting unterstützen. Das folgende Beispiel zeigt, wie mit einer Sequenzschleife bei Python-Scripting die Felder durchlaufen werden können, die aus einem Knoten austreten:

```
node = modeler.script.stream().findByType("filter", None)
for column in node.getOutputDataModel().columnIterator():
  print column.getColumnName()
```

Streams ausführen

Während der Streamausführung werden generierte Modelle oder Ausgabeobjekte zu einem der Objektmanager hinzugefügt. Bei traditionellen Scripting muss das Script entweder die erstellten Objekte im Objektmanager finden oder auf die zuletzt generierte Ausgabe aus dem Knoten zugreifen, der die Ausgabe erstellt hat.

Die Streamausführung in Python unterscheidet sich darin, dass alle von der Ausführung generierten Modell- oder Ausgabeobjekte in einer Liste zurückgegeben werden, die an die Ausführungsfunktion übergeben wird. Dadurch kann leichter auf die Ergebnisse der Streamausführung zugegriffen werden.

Traditionelles Scripting unterstützt drei Befehle zur Streamausführung:

- `execute_all` - führt alle ausführbaren Endknoten im Stream aus.
- `execute_script` - führt das Stream-Script unabhängig von der Einstellung der Scriptausführung aus.
- `execute Knoten` - führt den angegebenen Knoten aus.

Python-Scripting unterstützt eine ähnliche Gruppe von Funktionen:

- `Stream.runAll(Ergebnisliste)` - führt alle ausführbaren Endknoten im Stream aus.
- `Stream.runScript(Ergebnisliste)` - führt das Stream-Script unabhängig von der Einstellung der Scriptausführung aus.
- `Stream.runSelected(Knotenarray, Ergebnisliste)` - führt das angegebene Set von Knoten in der aufgelisteten Reihenfolge auf.
- `Knoten.run(Ergebnisliste)` - führt den angegebenen Knoten aus.

Bei traditionellem Scripting kann eine Streamausführung mit dem Befehl `exit` und einem optionalen ganzzahligen Code beendet werden. Beispiel:

```
exit 1
```

Bei Python-Scripting wird dasselbe Ergebnis mit dem folgenden Script erreicht:

```
modeler.script.exit(1)
```

Zugriff auf Objekte über das Dateisystem und das Repository

Bei traditionellem Scripting können Sie einen vorhandenen Stream, ein vorhandenes Modell oder ein vorhandenes Ausgabeobjekt mit dem Befehl `open` öffnen: Beispiel:

```
var s
set s = open stream "c:/my streams/modeling.str"
```

Bei Python-Scripting gibt es die Klasse `TaskRunner`, auf die von der Sitzung zugegriffen werden kann und mit der ähnliche Tasks ausgeführt werden können. Beispiel:

```
taskrunner = modeler.script.session().getTaskRunner()
s = taskrunner.openStreamFromFile("c:/my streams/modeling.str", True)
```

Wenn Sie bei traditionellen Scripting ein Objekt speichern wollen, können Sie den Befehl `save` verwenden. Beispiel:

```
save stream s as "c:/my streams/new_modeling.str"
```

Die entsprechende Vorgehensweise bei einem Python-Script ist die Verwendung der Klasse `TaskRunner`. Beispiel:

```
taskrunner.saveStreamToFile(s, "c:/my streams/new_modeling.str")
```

Auf IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository basierende Operationen werden bei traditionellen Scripting über die Befehle `retrieve` und `store` unterstützt. Beispiel:

```
var s
set s = retrieve stream "/my repository folder/my_stream.str"
store stream ^s as "/my repository folder/my_stream_copy.str"
```

Bei Python-Scripting wird die entsprechende Funktionalität über das der Sitzung zugeordnete Repository-Objekt abgerufen. Beispiel:

```
session = modeler.script.session()
repo = session.getRepository()
s = repo.retrieveStream("/my repository folder/my_stream.str", None, None, True)
repo.storeStream(s, "/my repository folder/my_stream_copy.str", None)
```

Anmerkung: Für den Repository-Zugriff muss die Sitzung mit einer gültigen Repository-Verbindung konfiguriert worden sein.

Streamoperationen

Für einige Befehle für Streamoperationen, die üblicherweise in IBM SPSS Modeler verwendet werden, gibt es funktional entsprechende Befehle in Python-Scripts. Dies könnte Ihnen dabei helfen, Ihre vorhandenen traditionellen SPSS Modeler-Scripts für die Verwendung in IBM SPSS Modeler 16 in Python-Scripts zu konvertieren.

Tabelle 220. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Streamoperationen.

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|--|---|
| create stream <i>STANDARDDATEINAME</i> | <i>Task-Runner.createStream(Name, autoVerbindung, autoVerwaltung)</i> |
| close stream | <i>Stream.close()</i> |
| clear stream | <i>Stream.clear()</i> |
| get stream <i>Stream</i> | Keine Entsprechung |
| load stream <i>Pfad</i> | Keine Entsprechung |
| open stream <i>Pfad</i> | <i>Task-Runner.openStreamFromFile(Pfad, autoVerwaltung)</i> |
| save <i>Stream</i> as <i>Pfad</i> | <i>Task-Runner.saveStreamToFile(Stream, Pfad)</i> |
| retrieive stream <i>Pfad</i> | <i>Repository.retrieveStream(Pfad, Version, Beschriftung, autoVerwaltung)</i> |
| store <i>Stream</i> as <i>Pfad</i> | <i>Repository.storeStream(Stream, Pfad, Beschriftung)</i> |

Modelloperationen

Für einige Befehle für Modelloperationen, die in IBM SPSS Modeler häufig verwendet werden, gibt es entsprechende Befehle bei Python-Scripting. Dies könnte Ihnen dabei helfen, Ihre vorhandenen traditionellen SPSS Modeler-Scripts für die Verwendung in IBM SPSS Modeler 16 in Python-Scripts zu konvertieren.

Tabelle 221. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Modelloperationen.

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|------------------------------------|--|
| open model <i>Pfad</i> | <i>Task-Runner.openModelFromFile(Pfad, autoVerwaltung)</i> |
| save <i>Modell</i> as <i>Pfad</i> | <i>Task-Runner.saveModelToFile(Modell, Pfad)</i> |
| retrieve model <i>Pfad</i> | <i>Repository.retrieveModel(Pfad, Version, Beschriftung, autoVerwaltung)</i> |
| store <i>Modell</i> as <i>Pfad</i> | <i>Repository.storeModel(Modell, Pfad, Beschriftung)</i> |

Dokumentausgabeoperationen

Für einige Befehle für Dokumentausgabeoperationen, die in IBM SPSS Modeler häufig verwendet werden, gibt es entsprechende Befehle bei Python-Scripting. Dies könnte Ihnen dabei helfen, Ihre vorhandenen traditionellen SPSS Modeler-Scripts für die Verwendung in IBM SPSS Modeler 16 in Python-Scripts zu konvertieren.

Tabelle 222. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Dokumentausgabeoperationen.

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|------------------------------------|---|
| open output <i>Pfad</i> | <i>Task-Runner.openDocumentFromFile(Pfad, autoVerwaltung)</i> |
| save <i>Ausgabe</i> as <i>Pfad</i> | <i>Task-Runner.saveDocumentToFile(Ausgabe, Pfad)</i> |
| retrieve output <i>Pfad</i> | <i>Repository.retrieveDocument(Pfad, Version, Beschriftung, autoVerwaltung)</i> |

Tabelle 222. Zuordnung von traditionellem Scripting zu Python-Scripting für Dokumentausgabeoperationen (Forts.).

| Traditionelles Scripting | Python-Scripting |
|-------------------------------------|---|
| store <i>Ausgabe</i> as <i>Pfad</i> | <code>Repository.storeDocument(<i>Ausgabe</i>, <i>Pfad</i>, <i>Beschriftung</i>)</code> |

Weitere Unterschiede zwischen traditionellem und Python-Scripting

Traditionelle Scripts bieten Unterstützung zur Manipulation von IBM SPSS Modeler-Projekten. Python-Scripting unterstützt diese Funktion derzeit nicht.

Traditionelles Scripting bietet eine gewisse Unterstützung beim Laden von *Statusobjekten* (Kombinationen von Streams und Modellen). Statusobjekte werden seit IBM SPSS Modeler 8.0 nicht weiter unterstützt. Python-Scripting unterstützt keine Statusobjekte.

Python-Scripting bietet die folgenden zusätzlichen Funktionen, die bei traditionellem Scripting nicht verfügbar sind:

- Klassen- und Funktionsdefinitionen
- Fehlerbehandlung
- Fortgeschrittenere Ein-/Ausgabe-Unterstützung
- Externe und Fremdanbieter-Module

Bemerkungen

Diese Informationen wurden für weltweit angebotene Produkte und Dienstleistungen erarbeitet.

Möglicherweise bietet IBM die in dieser Dokumentation beschriebenen Produkte, Services oder Funktionen in anderen Ländern nicht an. Informationen über die gegenwärtig im jeweiligen Land verfügbaren Produkte und Services sind beim zuständigen IBM Ansprechpartner erhältlich. Hinweise auf IBM Lizenzprogramme oder andere IBM Produkte bedeuten nicht, dass nur Programme, Produkte oder Services von IBM verwendet werden können. Anstelle der IBM Produkte, Programme oder Services können auch andere, ihnen äquivalente Produkte, Programme oder Services verwendet werden, solange diese keine gewerblichen oder anderen Schutzrechte von IBM verletzen. Die Verantwortung für den Betrieb von Produkten, Programmen und Services anderer Anbieter liegt beim Kunden.

Für in diesem Handbuch beschriebene Erzeugnisse und Verfahren kann es IBM Patente oder Patentanmeldungen geben. Mit der Auslieferung dieses Handbuchs ist keine Lizenzierung dieser Patente verbunden. Lizenzanforderungen sind schriftlich an folgende Adresse zu richten (Anfragen an diese Adresse müssen auf Englisch formuliert werden):

IBM Director of Licensing
IBM Europe, Middle East & Africa
Tour Descartes
2, avenue Gambetta
92066 Paris La Defense
France

Trotz sorgfältiger Bearbeitung können technische Ungenauigkeiten oder Druckfehler in dieser Veröffentlichung nicht ausgeschlossen werden. Die hier enthaltenen Informationen werden in regelmäßigen Zeitabständen aktualisiert und als Neuausgabe veröffentlicht. IBM kann ohne weitere Mitteilung jederzeit Verbesserungen und/oder Änderungen an den in dieser Veröffentlichung beschriebenen Produkten und/oder Programmen vornehmen.

Verweise in diesen Informationen auf Websites anderer Anbieter werden lediglich als Service für den Kunden bereitgestellt und stellen keinerlei Billigung des Inhalts dieser Websites dar. Das über diese Websites verfügbare Material ist nicht Bestandteil des Materials für dieses IBM Produkt. Die Verwendung dieser Websites geschieht auf eigene Verantwortung.

Werden an IBM Informationen eingesandt, können diese beliebig verwendet werden, ohne dass eine Verpflichtung gegenüber dem Einsender entsteht.

Lizenznehmer des Programms, die Informationen zu diesem Produkt wünschen mit der Zielsetzung: (i) den Austausch von Informationen zwischen unabhängig voneinander erstellten Programmen und anderen Programmen (einschließlich des vorliegenden Programms) sowie (ii) die gemeinsame Nutzung der ausgetauschten Informationen zu ermöglichen, wenden sich an folgende Adresse:

IBM Software Group
ATTN: Licensing
200 W. Madison St.
Chicago, IL; 60606
USA

Die Bereitstellung dieser Informationen kann unter Umständen von bestimmten Bedingungen - in einigen Fällen auch von der Zahlung einer Gebühr - abhängig sein.

Die Lieferung des in diesem Dokument beschriebenen Lizenzprogramms sowie des zugehörigen Lizenzmaterials erfolgt auf der Basis der IBM Rahmenvereinbarung bzw. der Allgemeinen Geschäftsbedingungen von IBM, der IBM Internationalen Nutzungsbedingungen für Programmpakete oder einer äquivalenten Vereinbarung.

Alle in diesem Dokument enthaltenen Leistungsdaten stammen aus einer kontrollierten Umgebung. Die Ergebnisse, die in anderen Betriebsumgebungen erzielt werden, können daher erheblich von den hier erzielten Ergebnissen abweichen. Einige Daten stammen möglicherweise von Systemen, deren Entwicklung noch nicht abgeschlossen ist. Eine Gewährleistung, dass diese Daten auch in allgemein verfügbaren Systemen erzielt werden, kann nicht gegeben werden. Darüber hinaus wurden einige Daten unter Umständen durch Extrapolation berechnet. Die tatsächlichen Ergebnisse können davon abweichen. Benutzer dieses Dokuments sollten die entsprechenden Daten in ihrer spezifischen Umgebung prüfen.

Alle Informationen zu Produkten anderer Anbieter stammen von den Anbietern der aufgeführten Produkte, deren veröffentlichten Ankündigungen oder anderen allgemein verfügbaren Quellen. IBM hat diese Produkte nicht getestet und kann daher keine Aussagen zu Leistung, Kompatibilität oder anderen Merkmalen machen. Fragen zu den Leistungsmerkmalen von Produkten anderer Anbieter sind an den jeweiligen Anbieter zu richten.

Aussagen über Pläne und Absichten von IBM unterliegen Änderungen oder können zurückgenommen werden und repräsentieren nur die Ziele von IBM.

Diese Veröffentlichung enthält Beispiele für Daten und Berichte des alltäglichen Geschäftsablaufs. Sie sollen nur die Funktionen des Lizenzprogramms illustrieren und können Namen von Personen, Firmen, Marken oder Produkten enthalten. Alle diese Namen sind frei erfunden; Ähnlichkeiten mit tatsächlichen Namen und Adressen sind rein zufällig.

Marken

IBM, das IBM Logo und ibm.com sind Marken oder eingetragene Marken der IBM Corp in den USA und/oder anderen Ländern. Weitere Produkt- und Servicenamen können Marken von IBM oder anderen Unternehmen sein. Eine aktuelle Liste der IBM Marken finden Sie auf der Webseite „Copyright and trademark information“ unter www.ibm.com/legal/copytrade.shtml.

Intel, das Intel-Logo, Intel Inside, das Intel Inside-Logo, Intel Centrino, das Intel Centrino-Logo, Celeron, Intel Xeon, Intel SpeedStep, Itanium und Pentium sind Marken oder eingetragene Marken der Intel Corporation oder der Tochtergesellschaften des Unternehmens in den USA und anderen Ländern.

Linux ist eine eingetragene Marke von Linus Torvalds in den USA, anderen Ländern oder beidem.

Microsoft, Windows, Windows NT und das Windows-Logo sind Marken der Microsoft Corporation in den USA und/oder anderen Ländern.

UNIX ist eine eingetragene Marke von The Open Group in den USA und anderen Ländern.

Java und alle auf Java basierenden Marken und Logos sind Marken oder eingetragene Marken der Oracle Corporation und/oder ihrer verbundenen Unternehmen.

Weitere Produkt- und Servicenamen können Marken von IBM oder anderen Unternehmen sein.

Index

A

Ableitungsknoten
Eigenschaften 103
aggregate, Knoteneigenschaften 83
Aggregatknoten
Eigenschaften 83
Analyseknoten
Eigenschaften 221
Analytic Server-Quellenknoten
Eigenschaften 66
Anhangknoten
Eigenschaften 83
Anmerkungen 17
Anomalieerkennungsmodelle
Knoten, Scripteigenschaften 133, 181
anomalydetection, Knoteneigenschaften 133
Anonymisierungsknoten
Eigenschaften 97
anonymize, Knoteneigenschaften 97
Anweisungen 17
Anzeigen von IBM ISW-Zeitreihenmodellen
Knoten, Scripteigenschaften 203
append, Knoteneigenschaften 83
applyanomalydetection, Knoteneigenschaften 181
applyapriori, Knoteneigenschaften 181
applyautoclassifier, Knoteneigenschaften 182
applyautocluster, Knoteneigenschaften 182
applyautonumeric, Knoteneigenschaften 182
applybayesnet, Knoteneigenschaften 183
applyc50, Knoteneigenschaften 183
applycarma, Knoteneigenschaften 183
applycart, Knoteneigenschaften 183
applychaid, Knoteneigenschaften 184
applycoxreg, Knoteneigenschaften 184
applydb2imcluster, Knoteneigenschaften 208
applydb2imlog, Knoteneigenschaften 208
applydb2imnb, Knoteneigenschaften 208
applydb2imreg, Knoteneigenschaften 208
applydb2imtree, Knoteneigenschaften 208
applydecisionlist, Knoteneigenschaften 185
applydiscriminant, Knoteneigenschaften 185
applyfactor, Knoteneigenschaften 185
applyfeatureselection, Knoteneigenschaften 185
applygeneralizedlinear, Knoteneigenschaften 186
applyglm, Knoteneigenschaften 186
applykmeans, Knoteneigenschaften 187
applyknn, Knoteneigenschaften 187

applykohonen, Knoteneigenschaften 187
applylinear, Knoteneigenschaften 187
applylogreg, Knoteneigenschaften 188
applymlslogistic, Knoteneigenschaften 195
applymsneuralnetwork, Knoteneigenschaften 195
applymsregression, Knoteneigenschaften 195
applymssequencecluster, Knoteneigenschaften 195
applymstimeseries, Knoteneigenschaften 195
applymstree, Knoteneigenschaften 195
applynetezababes, Knoteneigenschaften 219
applynetezadectree, Knoteneigenschaften 219
applynetezadivcluster, Knoteneigenschaften 219
applynetezakmeans, Knoteneigenschaften 219
applynetezaknn, Knoteneigenschaften 219
applynetezalineregression, Knoteneigenschaften 219
applynetezanaivebayes, Knoteneigenschaften 219
applynetezapca, Knoteneigenschaften 219
applynetezaregtree, Knoteneigenschaften 219
applyneuralnet, Knoteneigenschaften 188
applyneuralnetwork, Knoteneigenschaften 188
applyoraabn, Knoteneigenschaften 202
applyoradecisiontree, Knoteneigenschaften 202
applyorakmeans, Knoteneigenschaften 202
applyoranb, Knoteneigenschaften 202
applyoranmf, Knoteneigenschaften 202
applyoracluster, Knoteneigenschaften 202
applyorasvm, Knoteneigenschaften 202
applyquest, Knoteneigenschaften 189
applyr-Eigenschaften 189
applyregression, Knoteneigenschaften 189
applyselflearning, Knoteneigenschaften 190
applysequence, Knoteneigenschaften 190
applysvm, Knoteneigenschaften 190
applytimeseries, Knoteneigenschaften 191
applytimestep, Knoteneigenschaften 191
apriori, Knoteneigenschaften 135
Apriori-Modelle
Knoten, Scripteigenschaften 135, 181

Argumente
Befehlsdatei 57
Serververbindung 56
System 54
Verbindung zu IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository 57
Argumente übergeben 18
asexport, Knoteneigenschaften 235
asimport, Knoteneigenschaften 66
Attribute definieren 23
Attribute hinzufügen 23
Ausführungsreihenfolge
mit Scripts ändern 49
Ausgabeknoten
Scripteigenschaften 221
Ausgabeobjekte
Scriptnamen 253
Ausgeblendete Variablen 24
Auswahlknoten
Eigenschaften 91
Auto-Numerisch, Modelle
Knoten, Scripteigenschaften 139, 182
autoclassifier-Knoten, Eigenschaften 136
autocluster, Knoteneigenschaften 138
autodataprep, Knoteneigenschaften 97
Autom. Cluster, Knoten
Knoten, Scripteigenschaften 138
Autom. Cluster, Modelle
Knoten, Scripteigenschaften 182
Automatische Datenaufbereitung
Eigenschaften 97
Automatisches Klassifikationsmerkmal,
Knoten
Knoten, Scripteigenschaften 136
Automatisches Klassifikationsmerkmal,
Modelle
Knoten, Scripteigenschaften 182
autonumeric, Knoteneigenschaften 139

B

balance, Knoteneigenschaften 84
Balancierungsknoten
Eigenschaften 84
Bayes-Netzmodelle
Knoten, Scripteigenschaften 140, 183
bayesnet, Knoteneigenschaften 140
Bedingte Ausführung von Streams 4, 8
Befehlszeile
IBM SPSS Modeler ausführen 53
Liste der Argumente 54, 56, 57
mehrere Argumente 57
Parameter 55
Scripts 50
Beispiele 18
Benutzereingabeknoten
Eigenschaften 78
Berichtknoten
Eigenschaften 226
binning, Knoteneigenschaften 100

buildr, Eigenschaften 142

C

C&RT-Baummodelle

Knoten, Scripteigenschaften 144, 183

C5.0-Modelle

Knoten, Scripteigenschaften 142, 183

c50, Knoteneigenschaften 142

carma, Knoteneigenschaften 143

CARMA-Modelle

Knoten, Scripteigenschaften 143, 183

cart, Knoteneigenschaften 144

chaid, Knoteneigenschaften 146

CHAID-Modelle

Knoten, Scripteigenschaften 146, 184

clear generated palette (Befehl) 51

Codeblöcke 18

Codierte Kennwörter

zu Scripts hinzufügen 49

cognosimport, Knoteneigenschaften 67

collection, Knoteneigenschaften 122

Cox-Regressionsmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 147, 184

coxreg, Knoteneigenschaften 147

D

Data Audit-Knoten

Eigenschaften 222

dataaudit, Knoteneigenschaften 222

database, Knoteneigenschaften 68

databaseexport, Knoteneigenschaften 237

datacollectionexport, Knoteneigenschaften 240

datacollectionimport, Knoteneigenschaften 69

Datei (fest) (Knoten)

Eigenschaften 73

Datenbankexportknoten

Eigenschaften 237

Datenbankknoten

Eigenschaften 68

Datenbankmodellierung 193

db2imassoc, Knoteneigenschaften 203

db2imcluster, Knoteneigenschaften 203

db2imlog, Knoteneigenschaften 203

db2imnb, Knoteneigenschaften 203

db2imreg, Knoteneigenschaften 203

db2imsequence, Knoteneigenschaften 203

db2imtimeseries, Knoteneigenschaften 203

db2imtree, Knoteneigenschaften 203

decisionlist, Knoteneigenschaften 149

derive, Knoteneigenschaften 103

derive_stb, Knoteneigenschaften 84

Diagramme 25

Diagrammknoten

Scripteigenschaften 121

Diagrammtafelknoten

Eigenschaften 125

Dichotomknoten

Eigenschaften 110

directedweb, Knoteneigenschaften 132

discriminant, Knoteneigenschaften 150

Diskriminanzmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 150, 185

distinct, Knoteneigenschaften 86

distribution, Knoteneigenschaften 123

Duplikatknoten

Eigenschaften 86

E

Eigenschaften

allgemeine Scripts 60

Datenbankmodellierungsknoten 193

Scripts 59, 60, 133, 181, 235

Stream 61

Superknoten 249

Eigenschaften des Knotens "mssequence-cluster" 193

Eigenschaften festlegen 28

Eigenschaften von Analyseknotten 221

ensemble, Knoteneigenschaften 104

Ensemble-Knoten

Eigenschaften 104

Enterprise-Ansichtsknoten

Eigenschaften 72

Entscheidungslistenmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 149, 185

evaluation, Knoteneigenschaften 123

Evaluierungsknoten

Eigenschaften 123

evimport, Knoteneigenschaften 72

Excel-Exportknoten

Eigenschaften 240

Excel-Quellenknoten

Eigenschaften 72

excelexport, Knoteneigenschaften 240

excelimport, Knoteneigenschaften 72

Exportknoten

Knoten, Scripteigenschaften 235

F

factor, Knoteneigenschaften 152

featureselection, Knoteneigenschaften 153

Fehlerprüfung

Scripts 50

Felder

inaktivieren in Scripts 121

Felder umordnen (Knoten)

Eigenschaften 108

filler, Knoteneigenschaften 105

filter, Knoteneigenschaften 105

Filterknoten

Eigenschaften 105

fixedfile, Knoteneigenschaften 73

Flags

Befehlszeilenargumente 53

mehrere Flags kombinieren 57

Flatfile-Knoten

Eigenschaften 241

flatfilenode, Eigenschaften 241

Füllerknoten

Eigenschaften 105

Funktionen

bedingte Befehle 257

Funktionen (*Forts.*)

Dokumentausrabeoperationen 263

Knotenoperationen 260

Kommentare 256

Literale 256

Modelloperationen 263

Objektreferenzen 256

Operatoren 256

Schleifenbefehle 257

Streamoperationen 263

G

generated, Schlüsselwort 51

Generierte Modelle

Scriptnamen 251, 253

genlin, Knoteneigenschaften 155

Gerichteter Netzdiagrammknoten

Eigenschaften 132

glimm, Knoteneigenschaften 158

GLMM-Modelle

Knoten, Scripteigenschaften 158, 186

Globalwerteknoten

Eigenschaften 227

graphboard, Knoteneigenschaften 125

H

histogram, Knoteneigenschaften 127

Histogrammknoten

Eigenschaften 127

history, Knoteneigenschaften 106

I

IBM Cognos BI-Quellenknoten

Eigenschaften 67

IBM DB2-Modelle

Knoten, Scripteigenschaften 203

IBM ISW, logistische Regressionsmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 208

IBM ISW-Assoziationsmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 203, 208

IBM ISW-Clustering-Modelle

Knoten, Scripteigenschaften 203, 208

IBM ISW-Entscheidungsbaummodelle

Knoten, Scripteigenschaften 203, 208

IBM ISW logistische Regressionsmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 203

IBM ISW Naive Bayes-Modelle

Knoten, Scripteigenschaften 203, 208

IBM ISW-Regressionsmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 203, 208

IBM ISW-Sequenzmodelle

Knoten, Scripteigenschaften 203, 208

IBM SPSS Collaboration and Deployment

Services Repository

Befehlszeilenargumente 57

IBM SPSS Data Collection, Exportknoten

Eigenschaften 240

IBM SPSS Data Collection, Quellenknoten

Eigenschaften 69

IBM SPSS Modeler

über Befehlszeile ausführen 53

IBM SPSS Statistics-Ausgabeknoten

Eigenschaften 246

- IBM SPSS Statistics-Exportknoten
 - Eigenschaften 246
- IBM SPSS Statistics-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 246
- IBM SPSS Statistics-Quellenknoten
 - Eigenschaften 245
- IBM SPSS Statistics-Transformationsknoten
 - Eigenschaften 245
- IDs 17
- Iterationsschlüssel
 - Schleifen in Scripts 6
- Iterationsvariable
 - Schleifen in Scripts 7

J
Jython 13

K

- K-Means-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 162, 187
- Kennwörter
 - codiert 56
 - zu Scripts hinzufügen 49
- Klasse definieren 22
- Klasse erstellen 23
- Klassierungsknoten
 - Eigenschaften 100
- kmeans, Knoteneigenschaften 162
- knn, Knoteneigenschaften 163
- KNN-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 187
- Knoten
 - Ersetzung 31
 - importieren 31
 - Information 33
 - Links für Knoten aktivieren 30
 - Links für Knoten aufheben 30
 - Löschung 31
 - Namensreferenz 251
- Knoten, Scripteigenschaften 193
 - Exportknoten 235
 - Modellierungsknoten 133
 - Modellnuggets 181
- Knoten erstellen 29, 30, 31
- Knoten suchen 27
- kohonen, Knoteneigenschaften 164
- Kohonen-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 164, 187

L

- Lernfähige Antwortmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 176, 190
- linear, Knoteneigenschaften 165
- Lineare Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 165, 187
- Lineare Regression, Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 174, 189
- Listen 14
- Logistische Regressionsmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 166, 188
- logreg, Knoteneigenschaften 166

M

- Mathematische Methoden 19
- matrix, Knoteneigenschaften 223
- Matrixknoten
 - Eigenschaften 223
- means, Knoteneigenschaften 224
- Merge (Knoten)
 - Eigenschaften 87
- merge, Knoteneigenschaften 87
- Merkmalauswahlmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 153, 185
- Methoden definieren 23
- Microsoft-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 193, 195
- Migration
 - allgemeine Unterschiede 255
 - auf Objekte zugreifen 262
 - Ausgabetypen 258
 - Befehle 255
 - Dateisystem 262
 - Eigenschaften abrufen 259
 - Eigenschaften festlegen 259
 - Eigenschaftsnamen 258
 - Funktionen 255
 - Knotenreferenzen 258
 - Knotentypen 258
 - Modelltypen 258
 - Repository 262
 - Schleifen verwenden 261
 - Scriptingkontext 255
 - sonstiges 264
 - Streams ausführen 261
 - Streams bearbeiten 259
 - Übersicht 255
 - Variablen 258
- Mittelwertknoten
 - Eigenschaften 224
- Modelle
 - Scriptnamen 251, 253
- Modellierungsknoten
 - Knoten, Scripteigenschaften 133
- Modellnuggets
 - Knoten, Scripteigenschaften 181
 - Scriptnamen 251, 253
- Modellobjekte
 - Scriptnamen 251, 253
- MS - Lineare Regression
 - Knoten, Scripteigenschaften 193, 195
- MS - Logistische Regression
 - Knoten, Scripteigenschaften 193, 195
- MS - Neuronales Netz
 - Knoten, Scripteigenschaften 193, 195
- MS-Entscheidungsbaum
 - Knoten, Scripteigenschaften 193, 195
- MS-Sequenzclustering
 - Knoten, Scripteigenschaften 195
- MS Time Series
 - Knoten, Scripteigenschaften 195
- msassoc, Knoteneigenschaften 193
- msbayes, Knoteneigenschaften 193
- mscluster, Knoteneigenschaften 193
- mslogistic, Knoteneigenschaften 193
- msneuralnetwork, Knoteneigenschaften 193
- msregression, Knoteneigenschaften 193
- mstimeseries, Knoteneigenschaften 193
- mstree, Knoteneigenschaften 193

- multiplot, Knoteneigenschaften 128
- Multiplotknoten
 - Eigenschaften 128

N

- Nächste-Nachbarn-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 163
- Netezza - Divisives Clustering, Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza - Lineare Regression, Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza - Naive Bayes, Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza-Bayes-Netzmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza-Entscheidungsbaummodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza-K-Means-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza-KNN-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209
- Netezza-PCA-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza-Regressionsbaum, Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209, 219
- Netezza-Zeitreihenmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209
- netezزابayes, Knoteneigenschaften 209
- netezzadectree, Knoteneigenschaften 209
- netezzadivcluster, Knoteneigenschaften 209
- netezzaglm, Knoteneigenschaften 209
- netezzakmeans, Knoteneigenschaften 209
- netezzaknn, Knoteneigenschaften 209
- netezzalinereregression, Knoteneigenschaften 209
- netezzanaivebayes, Knoteneigenschaften 209
- netezzapca, Knoteneigenschaften 209
- netezzaregtree, Knoteneigenschaften 209
- netezzatimeseries, Knoteneigenschaften 209
- Netzdiagrammknoten
 - Eigenschaften 132
- neuralnet, Knoteneigenschaften 169
- neuralnetwork, Knoteneigenschaften 171
- Neuronale Netze
 - Knoten, Scripteigenschaften 171, 188
- Neuronale Netzmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 169, 188
- Nicht-ASCII-Zeichen 21
- Nuggets
 - Knoten, Scripteigenschaften 181
- numericpredictor, Knoteneigenschaften 139

O

- Objektorientierung 22
- Operationen 14
- oraabn, Knoteneigenschaften 197
- oraai, Knoteneigenschaften 197

- oraapriori, Knoteneigenschaften 197
- Oracle Adaptive Bayes-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle AI-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197
- Oracle-Apriori-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle-Entscheidungsbaummodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle-K-Means-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle-MDL-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197
- Oracle Naive Bayes-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle-NMF-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle O-Cluster
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- Oracle-SVM-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197, 202
- oradecisiontree, Knoteneigenschaften 197
- oraglm, Knoteneigenschaften 197
- orakmeans, Knoteneigenschaften 197
- oramdl, Knoteneigenschaften 197
- oranb, Knoteneigenschaften 197
- oranmf, Knoteneigenschaften 197
- oraoccluster, Knoteneigenschaften 197
- orasvm, Knoteneigenschaften 197
- outputfile, Knoteneigenschaften 241

P

- Parameter 3, 59, 61
 - Scripts 14
 - Superknoten 249
- partition, Knoteneigenschaften 106
- Partitionsknoten
 - Eigenschaften 106
- PCA-/Faktormodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 152, 185
- PCA-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 152, 185
- plot, Knoteneigenschaften 129
- Plotknoten
 - Eigenschaften 129
- Python 13
 - Scripts 14

Q

- Quellenknoten
 - Eigenschaften 65
- quest, Knoteneigenschaften 172
- QUEST-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 172, 189

R

- R-Erstellungsknoten
 - Knoten, Scripteigenschaften 142
- R-Prozess, Knoten
 - Eigenschaften 89

- reclassify, Knoteneigenschaften 107
- Referenzieren von Knoten 27
 - Eigenschaften festlegen 28
 - Knoten suchen 27
- regression, Knoteneigenschaften 174
- Regulärer Ausdruck 10
- reorder, Knoteneigenschaften 108
- report, Knoteneigenschaften 226
- restructure, Knoteneigenschaften 108
- RFM-Aggregat (Knoten)
 - Eigenschaften 88
- RFM-Analyse (Knoten)
 - Eigenschaften 109
- rfmaggregate, Knoteneigenschaften 88
- rfmanalysis, Knoteneigenschaften 109
- Routput, Knoten
 - Eigenschaften 227
- Routput-Knoten, Eigenschaften 227
- Rprocess-Knoten, Eigenschaften 89

S

- Sammlungsknoten
 - Eigenschaften 122
- sample, Knoteneigenschaften 90
- SAS-Exportknoten
 - Eigenschaften 242
- SAS-Quellenknoten
 - Eigenschaften 75
- sasexport, Knoteneigenschaften 242
- sasimport, Knoteneigenschaften 75
- Schleifen in Streams verwenden 4, 5
- Scripterstellung
 - Ausführung von Modellierungsknoten 49
 - Dateipfade 50
 - Fehlerprüfung 50
 - Modellersetzung 49
 - Streamausführungsreihenfolge 49
- Scripting
 - bedingte Ausführung 4, 8
 - Benutzerschnittstelle 2, 3, 10
 - Diagramme 25
 - Felder auswählen 8
 - in Superknoten 3
 - Iterationsschlüssel 6
 - Iterationsvariable 7
 - Python-Scripting 256, 257, 260, 263
 - Schleifen verwenden 4, 5
 - Streams 25
 - Superknotenstreams 25
 - Syntax 19, 21
 - traditionelles Scripting 256, 257, 260, 263
 - Übersicht 1, 13
- Scripting-API
 - Auf generierte Objekte zugreifen 40
 - Beispiel 37
 - Einführung 37
 - Fehlerbehandlung 42
 - globale Werte 46
 - mehrere Streams 37, 47
 - Metadaten 37
 - Sitzungsparameter 42
 - Standalone-Scripts 47
 - Streamparameter 42
 - Superknotenparameter 42

- Scripts
 - allgemeine Eigenschaften 60
 - Ausführung 10
 - Ausgabeknoten 221
 - bedingte Ausführung 4, 8
 - Diagrammknoten 121
 - Felder auswählen 8
 - in der Befehlszeile 50
 - Iterationsschlüssel 6
 - Iterationsvariable 7
 - Kompatibilität mit früheren Versionen 51
 - Kontext 26
 - Python-Scripting 256
 - Schleifen verwenden 4, 5
 - speichern 2
 - Standalone-Scripts 1, 25
 - Streams 1, 25
 - Superknotenstreams 1, 25
 - Syntax 14, 15, 17, 18, 22, 23, 24
 - Textdateien importieren 2
 - traditionelles Scripting 256
 - Unterbrechung 10
 - verwendete Abkürzungen 59
- Scripts ausführen 10
- select, Knoteneigenschaften 91
- sequence, Knoteneigenschaften 175
- Sequenzmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 175, 190
- Server
 - Befehlszeilenargumente 56
- setglobals, Knoteneigenschaften 227
- settoflag, Knoteneigenschaften 110
- Sicherheit
 - codierte Kennwörter 49, 56
- simeval, Knoteneigenschaften 228
- simfit, Knoteneigenschaften 228
- simgen, Knoteneigenschaften 75
- simgen-Knoten
 - Eigenschaften 75
- Simulationsanpassungsknoten
 - Eigenschaften 228
- Simulationsevaluierungsknoten
 - Eigenschaften 228
- Simulationsgenerierungsknoten
 - Eigenschaften 75
- Slotparameter 3, 59, 60
- slrm, Knoteneigenschaften 176
- SLRM-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 176, 190
- sort, Knoteneigenschaften 92
- Sortierknoten
 - Eigenschaften 92
- Standalone-Scripts 1, 3, 25
- statistics, Knoteneigenschaften 229
- statisticsexport, Knoteneigenschaften 246
- statisticsimport, Knoteneigenschaften 245
- statisticsmodel, Knoteneigenschaften 246
- statisticsoutput, Knoteneigenschaften 246
- statisticstransform, Knoteneigenschaften 245
- Statistiksknoten
 - Eigenschaften 229

- STB-Knoten
 - Eigenschaften 84
- Stichprobenknoten
 - Eigenschaften 90
- Streamausführungsreihenfolge
 - mit Scripts ändern 49
- Streaming-ZR-Knoten
 - Eigenschaften 92
- streamingts, Knoteneigenschaften 92
- Streams
 - ändern 29
 - Ausführung 26
 - bedingte Ausführung 4, 8
 - Eigenschaften 61
 - Multiset-Befehl 59
 - Schleifen verwenden 4, 5
 - Scripting 1, 25
 - Scripts 1, 2, 25
- Streams ändern 29, 32
- Streams ausführen 26
- Suchen und ersetzen 10
- Superknoten 59
 - Eigenschaften 249
 - Eigenschaften festlegen 249
 - Parameter 249
 - Scripting 249
 - Scripts 1, 3, 25
 - Stream 25
 - Streams 25
- Support Vector Machine, Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 190
- svm, Knoteneigenschaften 177
- SVM-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 177
- System
 - Befehlszeilenargumente 54

T

- Tabellenknoten
 - Eigenschaften 230
- table, Knoteneigenschaften 230
- timeintervals, Knoteneigenschaften 111
- timeplot, Knoteneigenschaften 131
- timeseries, Knoteneigenschaften 178
- transform, Knoteneigenschaften 233
- Transformationsknoten
 - Eigenschaften 233
- Transponierknoten
 - Eigenschaften 115
- transpose, Knoteneigenschaften 115
- Traversieren durch Knoten 32
- twostep, Knoteneigenschaften 179
- TwoStep-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 179, 191
- type, Knoten
 - Eigenschaften 116
- type, Knoteneigenschaften 116

U

- Umcodierungsknoten
 - Eigenschaften 107
- Umstrukturierungsknoten
 - Eigenschaften 108
- Unterbrechen von Scripts 10

- userinput, Knoteneigenschaften 78

V

- Variable Datei (Knoten)
 - Eigenschaften 79
- variablefile, Knoteneigenschaften 79
- Variablen
 - Scripts 14
- Verallgemeinerte lineare Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 155, 186
- Verallgemeinerte lineare Modelle von Oracle
 - Knoten, Scripteigenschaften 197
- Verallgemeinerte lineare Netezza-Modelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 209
- Vererbung 24
- Verlaufsknoten
 - Eigenschaften 106
- Verteilungsknoten
 - Eigenschaften 123

W

- web, Knoteneigenschaften 132

X

- XML-Exportknoten
 - Eigenschaften 243
- XML-Quellenknoten
 - Eigenschaften 82
- xmlexport, Knoteneigenschaften 243
- xmlimport, Knoteneigenschaften 82

Z

- Zeichenfolgen 15
- Zeitdiagrammknoten
 - Eigenschaften 131
- Zeitintervallknoten
 - Eigenschaften 111
- Zeitreihenmodelle
 - Knoten, Scripteigenschaften 178, 191

