

IBM SPSS Statistics Base 21



Nota: Antes de utilizar esta información y el producto que admite, lea la información general en Avisos el p. 332.

Esta edición se aplica a IBM® SPSS® Statistics 21 y a todas las versiones y modificaciones posteriores hasta que se indique lo contrario en nuevas ediciones.

Capturas de pantalla de productos de Adobe reimpresas con permiso de Adobe Systems Incorporated.

Capturas de pantalla de productos de Microsoft reimpresas con permiso de Microsoft Corporation.

Materiales bajo licencia: Propiedad de IBM

© Copyright IBM Corporation 1989, 2012.

Derechos restringidos para los usuarios del gobierno de Estados Unidos: Uso, duplicación o revelación restringidos por GSA ADP Schedule Contract con IBM Corp.

Prefacio

IBM® SPSS® Statistics es un sistema global para el análisis de datos. El módulo adicional opcional Base proporciona las técnicas de análisis adicionales que se describen en este manual. El módulo adicional Base se debe utilizar con el sistema básico de SPSS Statistics y está completamente integrado en dicho sistema.

Acerca de IBM Business Analytics

IBM Business Analytics proporciona información completa, coherente y precisa en la que confían para mejorar el rendimiento de su negocio quienes toman las decisiones. Un conjunto de documentos que incluye [inteligencia comercial](#), [análisis predictivo](#), [rendimiento financiero y gestión de estrategias](#) y [aplicaciones analíticas](#) proporciona ideas claras e inmediatas del rendimiento actual y la habilidad para predecir resultados futuros. Combinado con numerosas soluciones para empresas, prácticas de eficacia demostrada y servicios profesionales, las organizaciones de cualquier tamaño pueden conseguir la más alta productividad, automatizar decisiones con seguridad y obtener mejores resultados.

Como parte de estos documentos, IBM SPSS Predictive Analytics ayuda a las organizaciones a predecir situaciones futuras y a actuar de forma proactiva con esa información para mejorar sus resultados. Clientes comerciales, gubernamentales y académicos de todo el mundo confían en la tecnología IBM SPSS como mejora competitiva para atraer, conservar y aumentar la clientela reduciendo el fraude y los riesgos. Al incorporar IBM SPSS a sus operaciones diarias, las organizaciones se convierten en empresas predictivas – capaces de dirigir y automatizar decisiones para conseguir los objetivos de la empresa y lograr una mejora competitiva y ostensible. Para obtener más información o contactar con un representante, visite <http://www.ibm.com/spss>.

Asistencia técnica

El servicio de asistencia técnica está a disposición de todos los clientes de mantenimiento. Los clientes podrán ponerse en contacto con este servicio de asistencia técnica si desean recibir ayuda sobre la utilización de los productos de IBM Corp. o sobre la instalación en alguno de los entornos de hardware admitidos. Para contactar con el servicio de asistencia técnica, visite el sitio Web de IBM Corp. en <http://www.ibm.com/support>. Tenga a mano su identificación, la de su organización y su contrato de asistencia cuando solicite ayuda.

Asistencia técnica para estudiantes:

Si usted es un estudiante que utiliza una versión académica o para estudiantes de cualquier producto de software IBM SPSS, consulte nuestras páginas especiales en línea de [Soluciones educativas](#) (<http://www.ibm.com/spss/rd/students/>) para estudiantes. Si usted es estudiante y utiliza una copia proporcionada por la universidad del software IBM SPSS, póngase en contacto con el coordinador del producto IBM SPSS en su universidad.

Servicio de atención al cliente

Si tiene preguntas referentes a su envío o cuenta, póngase en contacto con su oficina local. Recuerde tener preparado su número de serie para identificarse.

Cursos de preparación

IBM Corp. ofrece cursos de preparación, tanto públicos como in situ. Todos los cursos incluyen talleres prácticos. Los cursos tendrán lugar periódicamente en las principales ciudades. Si desea más información sobre estos seminarios, visite <http://www.ibm.com/software/analytics/spss/training>.

Contenido

1	<i>Libro de códigos</i>	1
	Pestaña Resultados de libro de códigos	2
	Pestaña Estadísticos del libro de códigos	5
2	<i>Frecuencias</i>	8
	Frecuencias: Estadísticos	9
	Frecuencias: Gráficos	11
	Frecuencias: Formato	12
3	<i>Descriptivos</i>	13
	Descriptivos: Opciones	14
	Funciones adicionales del comando DESCRIPTIVES	15
4	<i>Explorar</i>	17
	Explorar: Estadísticos	18
	Explorar: Gráficos	19
	Explorar: Transformaciones de potencia	20
	Explorar: Opciones	20
	Funciones adicionales del comando EXAMINE	21
5	<i>Tablas de contingencia</i>	22
	Capas de las tablas de contingencia	23
	Gráficos de barras agrupadas	24
	Tablas de contingencia mostrando variables de capa en capas de tabla	24
	Estadísticos de tablas de contingencia	25
	Visualización en casillas de tablas de contingencia	28
	Formato de tablas de contingencia	29

6	<i>Resumir</i>	31
	Resumir: Opciones	33
	Resumir: Estadísticos	33
7	<i>Medias</i>	36
	Medias: Opciones	38
8	<i>Cubos OLAP</i>	41
	Cubos OLAP: Estadísticos	42
	Cubos OLAP: Diferencias	45
	Cubos OLAP: Título	46
9	<i>Pruebas T</i>	47
	Prueba T para muestras independientes	47
	Definición de grupos en la prueba T para muestras independientes	49
	Prueba T para muestras independientes: Opciones	49
	Prueba T para muestras relacionadas	50
	Prueba T para muestras relacionadas: Opciones	51
	Prueba T para una muestra	52
	Prueba T para una muestra: Opciones	53
	Funciones adicionales del comando T-TEST	53
10	<i>ANOVA de un factor</i>	54
	ANOVA de un factor: Contrastes	55
	ANOVA de un factor: Contrastes post hoc	56
	ANOVA de un factor: Opciones	58
	Funciones adicionales del comando ONEWAY	59

11 MLG Análisis univariante **60**

MLG: Modelo	62
Construir términos	62
Suma de cuadrados	63
MLG: Contrastes	64
Tipos de contrastes	64
MLG: Gráficos de perfil	65
MLG: Comparaciones post hoc	66
MLG: Guardar	68
Opciones MLG	70
Funciones adicionales de los comandos UNIANOVA	71

12 Correlaciones bivariadas **73**

Correlaciones bivariadas: Opciones	75
Funciones adicionales de los comandos CORRELATIONS y NONPAR CORR.	75

13 Correlaciones parciales **76**

Correlaciones parciales: Opciones	77
Funciones adicionales del comando PARTIAL CORR	78

14 Distancias **79**

Distancias: Medidas de disimilaridad	80
Distancias: Medidas de similaridad	81
Funciones adicionales del comando PROXIMITIES	82

15 Modelos lineales **83**

Para obtener un modelo lineal	84
Objetivos	85
Conceptos básicos	86
Selección de modelos	87

Conjuntos	89
Avanzado	90
Opciones de modelos	90
Resumen del modelo	91
Preparación automática de datos	92
Importancia de predictor	93
Predicho por observado	94
Residuos	95
Valores atípicos	96
Efectos	97
Coefficientes	99
Medias estimadas	101
Resumen de creación de modelos	102

16 Regresión lineal **103**

Métodos de selección de variables en el análisis de regresión lineal	105
Regresión lineal: Establecer regla	106
Regresión lineal: Gráficos.	106
Regresión lineal: Para guardar variables nuevas	107
Regresión lineal: Estadísticos	110
Regresión lineal: Opciones.	111
Funciones adicionales del comando REGRESSION	112

17 Regresión ordinal **113**

Regresión ordinal: Opciones.	114
Resultados de la regresión ordinal	115
Modelo de ubicación de la regresión ordinal	117
Construir términos.	118
Modelo de escala de la regresión ordinal	118
Construir términos.	118
Funciones adicionales del comando PLUM.	119

18 Estimación curvilínea **120**

Modelos del procedimiento Estimación curvilínea	122
Estimación curvilínea: Guardar	122

19 Regresión por mínimos cuadrados parciales **124**

Modelo	126
Opciones	127

20 Análisis vecino más cercano **129**

Vecinos	133
Funciones	135
Particiones	136
Guardado	138
Resultados	139
Opciones	140
Vista de modelo	141
Espacio de funciones	142
Importancia de la variable	145
Homólogos	146
Distancias de vecinos más próximos	146
Mapa de cuadrantes	147
Registro de errores de selección de funciones	148
Registro de errores de selección de k	149
Registro de errores de selección de funciones y k	150
Tabla de clasificación	150
Resumen de error	151

21 Análisis discriminante **152**

Análisis discriminante: Definir rango	154
Análisis discriminante: Seleccionar casos	154
Análisis discriminante: Estadísticos	155
Análisis discriminante: Método de inclusión por pasos	156
Análisis discriminante: Clasificar	157

Análisis discriminante: Guardar	158
Funciones adicionales del comando DISCRIMINANT	159
22 Análisis factorial	160
Selección de casos en el análisis factorial	161
Análisis factorial: Descriptivos	162
Análisis factorial: Extracción	163
Análisis factorial: Rotación.	165
Análisis factorial: Puntuaciones factoriales	166
Análisis factorial: Opciones	167
Funciones adicionales del comando FACTOR	167
23 Selección de procedimientos para la conglomeración	168
24 Análisis de conglomerados en dos fases	169
Opciones del análisis de conglomerados en dos fases	172
Resultados de análisis de conglomerados en dos fases	174
El visor de conglomerados	175
Visor de conglomerados	176
Navegación en el Visor de conglomerados	185
Filtrado de registros.	186
25 Análisis de conglomerados jerárquico	188
Análisis de conglomerados jerárquico: Método	189
Análisis de conglomerados jerárquico: Estadísticos	190
Análisis de conglomerados jerárquico: Gráficos	191
Análisis de conglomerados jerárquico: Guardar variables nuevas	192
Funciones adicionales de la sintaxis de comandos CLUSTER	192

26 Análisis de conglomerados de K-medias 193

Eficacia del análisis de conglomerados de K-medias	195
Análisis de conglomerados de K-medias: Iterar	195
Análisis de conglomerados de K-medias: Guardar	196
Análisis de conglomerados de K-medias: Opciones	196
Funciones adicionales del comando QUICK CLUSTER	197

27 Pruebas no paramétricas 198

Pruebas no paramétricas para una muestra	198
Para obtener Pruebas no paramétricas para una muestra	199
Pestaña Campos	199
Pestaña Configuración	200
Pruebas no paramétricas de muestras independientes	205
Para obtener pruebas no paramétricas para muestras independientes	206
Pestaña Campos	207
Pestaña Configuración	207
Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas	210
Para obtener pruebas no paramétricas para muestras relacionadas	211
Pestaña Campos	212
Pestaña Configuración	212
Vista de modelos	217
Resumen de hipótesis	218
Resumen de intervalo de confianza	220
Pruebas de una muestra	220
Prueba de muestras relacionadas	225
Prueba de muestras independientes	232
Información de campos categóricos	240
Información de campos continuos	241
Comparaciones por parejas	242
Subconjuntos homogéneos	243
Funciones adicionales del comando NPTESTS	243
Cuadros de diálogo antiguos	244
Prueba de chi-cuadrado	244
Prueba binomial	262
Prueba de rachas	264
Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	266
Pruebas para dos muestras independientes	268
Pruebas para dos muestras relacionadas	271

Pruebas para varias muestras independientes	273
Pruebas para varias muestras relacionadas	276
Prueba binomial.	262
Prueba de rachas	264
Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	266
Pruebas para dos muestras independientes.	268
Pruebas para dos muestras relacionadas	271
Pruebas para varias muestras independientes.	273
Pruebas para varias muestras relacionadas	276

28 *Análisis de respuestas múltiples* 278

Definir conjuntos de respuestas múltiples.	278
Frecuencias de respuestas múltiples	280
Tablas de contingencia de respuestas múltiples	281
Tablas de respuestas múltiples: Definir rangos de las variables	283
Tablas de contingencia de respuestas múltiples: Opciones.	283
Funciones adicionales del comando MULT RESPONSE.	284

29 *Informes de los resultados* 285

Informe de estadísticos en filas	285
Para obtener un informe de resumen: Estadísticos en filas	286
Formato de las columnas de datos y de la ruptura de columnas del informe.	286
Líneas de resumen finales y Líneas de resumen del informe.	287
Opciones de ruptura del informe	288
Opciones del informe.	289
Diseño del informe.	289
Títulos del informe	290
Informe de estadísticos en columnas	291
Para obtener un informe de resumen: Estadísticos en columnas	291
Función Columna de resumen total	292
Columna de resumen total	293
Formato de columna del informe	294
Opciones de la ruptura de columnas para los estadísticos en el informe	294
Opciones de columnas para los estadísticos en el informe.	295
Diseño del informe para los estadísticos en columnas	295
Funciones adicionales del comando REPORT	295

30	<i>Análisis de fiabilidad</i>	296
	Análisis de fiabilidad: Estadísticos	297
	Funciones adicionales del comando RELIABILITY	299
31	<i>Escalamiento multidimensional</i>	300
	Escalamiento multidimensional: Forma de los datos	302
	Escalamiento multidimensional: Crear la medida a partir de los datos.	302
	Escalamiento multidimensional: Modelo	303
	Escalamiento multidimensional: Opciones	304
	Funciones adicionales del comando de ALSCAL	304
32	<i>Estadísticos de la razón</i>	306
	Estadísticos de la razón	307
33	<i>Curvas COR</i>	309
	Curvas COR: Opciones	310
34	<i>Simulación</i>	312
	Para diseñar una simulación basada en un archivo de modelo	313
	Para diseñar una simulación basada en ecuaciones personalizadas.	313
	Para ejecutar una simulación de un plan de simulación	314
	Generador de simulaciones	315
	Pestaña Modelo	315
	Pestaña Simulación.	317
	Cuadro de diálogo Ejecutar simulación	326
	Pestaña Simulación.	327
	Pestaña Resultado	328
	Trabajo con resultados de gráficos de simulación.	330
	Opciones de gráfico	331

Apéndice

A Avisos

332

Índice

335

Libro de códigos

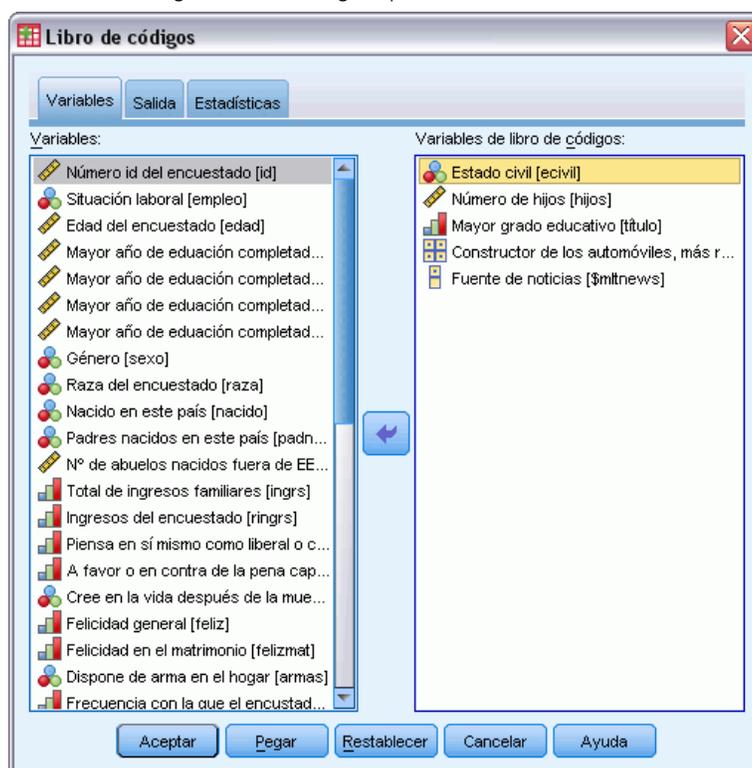
El libro de códigos hace referencia a la información del diccionario, como nombres de variable, etiquetas de variables, etiquetas de valores o valores ausentes, y los estadísticos de resumen de todas o las variables especificadas y conjuntos de respuestas múltiples del conjunto de datos activo. Para variables nominales y ordinales y conjuntos de respuestas múltiples, los estadísticos de resumen incluyen recuentos y porcentajes. Para variables de escala, los estadísticos de resumen incluyen la media, desviación estándar y cuartiles.

Nota: El libro de códigos ignora el estado del archivo segmentado. Esto incluye los grupos de archivos segmentados para imputaciones múltiples de valores perdidos (disponible en la opción adicional Valores perdidos).

Para obtener un libro de códigos

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Informes > Libro de códigos
- ▶ Pulse en la pestaña Variables.

Figura 1-1
Cuadro de diálogo libro de códigos, pestaña Variables



- ▶ Seleccione una o más variables y/o conjuntos de respuestas múltiples.

Si lo desea, puede:

- Controlar la información de variable que aparece.
- Controlar los estadísticos que aparecen (o excluir todos los estadísticos de resumen).
- Controlar el orden en que aparecen las variables y los conjuntos de respuestas múltiples.
- Cambiar el nivel de medición de cualquier variable en la lista de origen para modificar los estadísticos de resumen que aparecen. [Si desea obtener más información, consulte el tema Pestaña Estadísticos del libro de códigos el p. 5.](#)

Cambio del nivel de medida

Puede cambiar temporalmente el nivel de medición de variables. (No puede modificar el nivel de medición de conjuntos de respuestas múltiples. Se tratarán siempre como nominales.)

- ▶ En la lista de origen, pulse con el botón derecho del ratón en una variable.
- ▶ Seleccione un nivel de medida del menú contextual emergente.

Se modificará el nivel de medición temporalmente. En términos prácticos, esto sólo es útil para variables numéricas. El nivel de medida de las variables de cadena está restringido a nominal u ordinal, los cuales reciben el mismo tratamiento por parte del procedimiento del libro de códigos.

Pestaña Resultados de libro de códigos

La pestaña Resultados controla la información de la variable incluida para cada variable y los conjuntos de respuestas múltiples, el orden en que aparecerán las variables y los conjuntos de respuestas múltiples y el contenido de la tabla de información del archivo opcional.

Figura 1-2
Cuadro de diálogo libro de códigos, pestaña Resultados

Información sobre la variable

Controla la información del diccionario que se muestra para cada variable.

Posición. Un entero que representa la posición de la variable en el orden de archivo. No está disponible para conjuntos de respuestas múltiples.

Etiqueta. La etiqueta descriptiva asociada con la variable o el conjunto de respuesta múltiple.

Tipo. Tipos de datos fundamentales. Puede ser *Numérico*, *Cadena* o *Conjunto de respuesta múltiple*.

Formato. El formato de visualización de la variable, como *A4*, *F8.2* o *DATE11*. No está disponible para conjuntos de respuestas múltiples.

Nivel de medida. Los valores posibles son *Nominal*, *Ordinal*, *Escala* y *Desconocido*. El valor que aparece es el nivel de medición guardado en el diccionario y no se ve afectado por ninguna sustitución de medición temporal especificada al modificar el nivel de medición en la lista de variables de origen de la pestaña Variables. No está disponible para conjuntos de respuestas múltiples.

Nota: El nivel de medición de las variables numéricas puede ser “desconocido” antes de la primera lectura de datos si el nivel de medición no se ha definido de forma explícita, como lecturas de datos de un origen externo o nuevas variables creadas.

Papel. Algunos cuadros de diálogo permiten preseleccionar variables para su análisis en función de papeles definidos.

Etiquetas de valor. Etiquetas descriptivas asociadas con valores de datos específicos.

- Si selecciona Recuento o Porcentaje en la pestaña Estadísticos, las etiquetas de valor definidas se incluyen en la distribución de los resultados incluso si no selecciona las etiquetas de valor aquí.
- Para los conjuntos de dicotomías múltiples, las “etiquetas de valor” son etiquetas de variable de las variables elementales en el conjunto o las etiquetas de valores contados, dependiendo de cómo se define el conjunto.

Valores perdidos. Valores perdidos definidos por el usuario. Si selecciona Recuento o Porcentaje en la pestaña Estadísticos, las etiquetas de valor definidas se incluyen en la distribución de los resultados incluso si no selecciona los valores perdidos aquí. No está disponible para conjuntos de respuestas múltiples.

Atributos personalizados. Atributos de variable personalizados definidos por el usuario. Los resultados incluyen los nombres y valores de cualquier atributo de variable personalizado asociado con cada variable. No está disponible para conjuntos de respuestas múltiples.

Atributos reservados. Atributos de variable de sistema reservados. Puede mostrar atributos del sistema, pero no debe modificarlos. Los nombres de atributos del sistema comienzan por un signo de dólar (\$). No se incluyen los atributos que no se muestran, cuyo nombre comienza por “@” o “\$@”. Los resultados incluyen los nombres y valores de cualquier atributo de sistema asociado con cada variable. No está disponible para conjuntos de respuestas múltiples.

Información de archivo

La tabla de información del archivo opcional puede incluir cualquiera de los atributos de archivos siguientes:

Nombre de archivo. Nombre del archivo de datos de IBM® SPSS® Statistics. Si el conjunto de datos no se ha guardado nunca en formato de SPSS Statistics, no existe un nombre de archivo de datos. (Si no aparece un nombre de archivo en la barra de título de la ventana del Editor de datos, el conjunto de datos activo no tiene un nombre de archivo.)

Posición. Ubicación del directorio (carpeta) del archivo de datos de SPSS Statistics. Si el conjunto de datos no se ha guardado nunca en formato de SPSS Statistics, no existe una ubicación.

Número de casos. Número de casos en el conjunto de datos activo. Es el número total de casos, incluyendo los casos que se pueden excluir de los estadísticos de resumen por condiciones de filtro.

Etiqueta. Es la etiqueta del archivo (si tiene alguna) que define el comando `FILE LABEL`.

Documentos. Texto del documento del archivo de datos.

Estado de ponderación. Si se encuentra activada la ponderación, aparece el nombre de la variable de ponderación.

Atributos personalizados. Atributos de archivos de datos personalizados definidos por el usuario. Atributos de archivos de datos definidos con el comando `DATAFILE ATTRIBUTE`.

Atributos reservados. Atributos de archivo de datos de sistema reservados. Puede mostrar atributos del sistema, pero no debe modificarlos. Los nombres de atributos del sistema comienzan por un signo de dólar (\$). No se incluyen los atributos que no se muestran, cuyo nombre comienza por “@” o “\$@”. Los resultados incluyen los nombres y valores de los atributos del archivo de datos del sistema.

Orden de visualización de variables

Las siguientes alternativas están disponibles para controlar el orden en que aparecen las variables y los conjuntos de respuestas múltiples.

Alfabético. Orden alfabético por nombre de variable.

Archivo. El orden en que aparecen las variables en el conjunto de datos (el orden en que aparecen en el editor de datos). En orden ascendente, los conjuntos de respuestas múltiples aparecen en último lugar, después de todas las variables seleccionadas.

Nivel de medida. Ordenar por nivel de medida. Se crean cuatro grupos de clasificación: nominal, ordinal, escala y desconocido. Los conjuntos de respuestas múltiples se consideran nominales.

Nota: El nivel de medición de las variables numéricas puede ser “desconocido” antes de la primera lectura de datos si el nivel de medición no se ha definido de forma explícita, como lecturas de datos de un origen externo o nuevas variables creadas.

Lista de variables. El orden en que aparecen las variables y conjuntos de respuestas múltiples en la lista de variables seleccionadas en la pestaña Variables.

Nombre de atributo personalizado. La lista de opciones de orden de clasificación también incluye los nombres de cualquier atributo de variables personalizadas definidas por el usuario. En orden ascendente, las variables que no tienen la opción de clasificación de atributos al principio, seguidas de las variables que tienen el atributo pero no los valores definidos del atributo, seguidas de las variables con valores definidos para el atributo en orden alfabético de los valores.

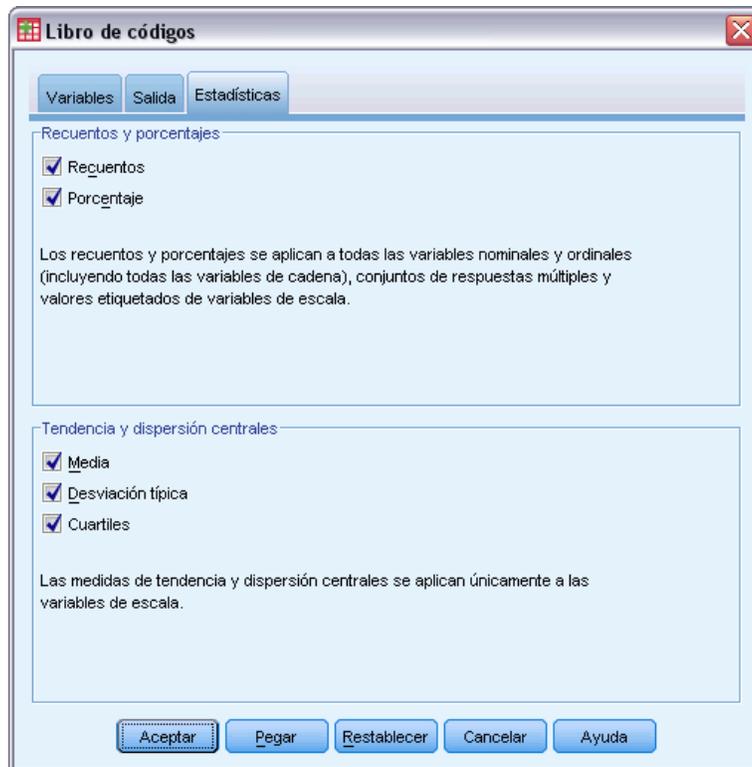
Número máximo de categorías

Si el resultado incluye etiquetas de valor, los recuentos o porcentajes de cada valor único, puede eliminar esta información de la tabla si el número de los valores excede el valor especificado. Por defecto, esta información se elimina si el número de valores únicos de la variable es superior a 200.

Pestaña Estadísticos del libro de códigos

La pestaña Estadísticos permite controlar los estadísticos de resumen que se incluyen en los resultados o suprimir la visualización de los estadísticos de resumen completamente.

Figura 1-3
Cuadro de diálogo libro de códigos, pestaña Estadísticas



Recuentos y porcentajes

Para las variables nominales y ordinales, conjuntos de respuestas múltiples y valores de etiquetas de variables de escala, los estadísticos disponibles son:

Recuento. Contador o número de casos que tienen cada valor (o el rango de valores) de una variable.

Porcentaje. Porcentaje de casos que presenta un valor determinado.

Tendencia y dispersión centrales

Para las variables de escala, los estadísticos disponibles son:

Media. Una medida de tendencia central. El promedio aritmético, la suma dividida por el número de casos.

Desviación típica. Es una medida de la dispersión en torno a la media. En una distribución normal, el 68% de los casos se encuentra dentro de una desviación típica de la media y el 95% queda entre dos desviaciones típicas. Por ejemplo, si la edad media es de 45 años, con una desviación típica de 10, el 95% de los casos estaría entre los 25 y 65 en una distribución normal.

Cuartiles. Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Nota: Puede modificar de forma temporal el nivel de medición asociado con una variable (y por lo tanto, modificar los estadísticos de resumen de la variable) en la lista de variables de origen de la pestaña Variables.

Frecuencias

El procedimiento Frecuencias proporciona estadísticos y representaciones gráficas que resultan útiles para describir muchos tipos de variables. El procedimiento Frecuencias es un comienzo para empezar a consultar los datos.

Para los informes de frecuencias y los gráficos de barras, puede organizar los diferentes valores en orden ascendente o descendente u ordenar las categorías por sus frecuencias. Es posible suprimir el informe de frecuencias cuando una variable posee muchos valores diferentes. Puede etiquetar los gráficos con las frecuencias (la opción por defecto) o con los porcentajes.

Ejemplo. ¿Cuál es la distribución de los clientes de una empresa por tipo de industria? En los resultados podría observar que el 37,5% de sus clientes pertenece a agencias gubernamentales, el 24,9% a corporaciones, el 28,1% a instituciones académicas, y el 9,4% a la industria sanitaria. Con respecto a los datos continuos, cuantitativos, como los ingresos por ventas, podría comprobar que el promedio de ventas de productos es de 3.576 dólares con una desviación típica de 1.078 dólares.

Estadísticos y gráficos. Frecuencias, porcentajes, porcentajes acumulados, media, mediana, moda, suma, desviación típica, varianza, amplitud, valores mínimo y máximo, error típico de la media, asimetría y curtosis (ambos con sus errores típicos), cuartiles, percentiles especificados por el usuario, gráficos de barras, gráficos de sectores e histogramas.

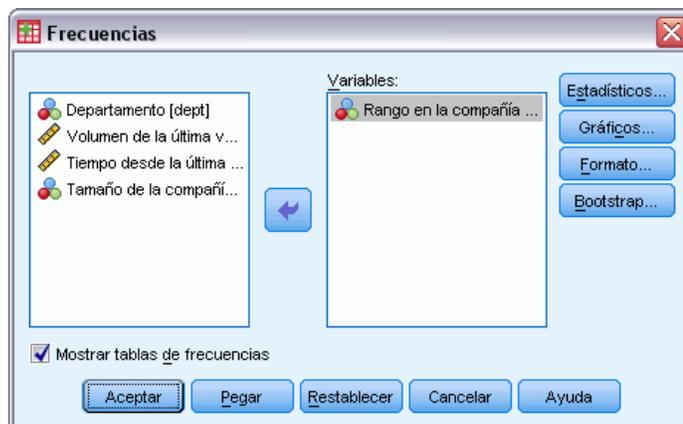
Datos. Utilice códigos numéricos o cadenas para codificar las variables categóricas (medidas de nivel nominal u ordinal).

Supuestos. Las tabulaciones y los porcentajes proporcionan una descripción útil para los datos de cualquier distribución, especialmente para las variables con categorías ordenadas o desordenadas. Muchos de los estadísticos de resumen optativos, tales como la media y la desviación típica, se basan en la teoría normal y son apropiados para las variables cuantitativas con distribuciones simétricas. Los estadísticos robustos, tales como la mediana, los cuartiles y los percentiles son apropiados para las variables cuantitativas que pueden o no cumplir el supuesto de normalidad.

Para obtener tablas de frecuencias

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Estadísticos descriptivos > Frecuencias...

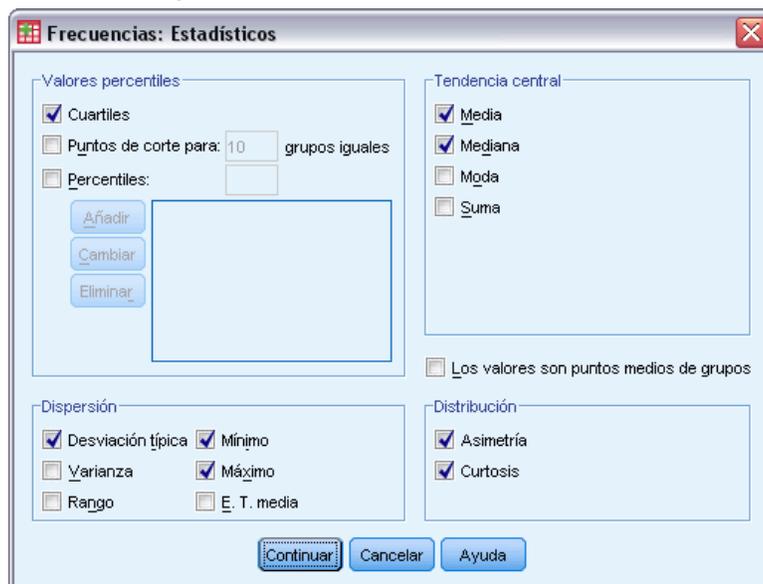
Figura 2-1
Cuadro de diálogo principal Frecuencias



- Seleccione una o más variables categóricas o cuantitativas.
- Si lo desea, puede:
- Pulsar en Estadísticos para obtener estadísticos descriptivos para las variables cuantitativas.
 - Pulsar en Gráficos para obtener gráficos de barras, gráficos de sectores e histogramas.
 - Pulsar en Formato para determinar el orden en el que se muestran los resultados.

Frecuencias: Estadísticos

Figura 2-2
Cuadro de diálogo Frecuencias: Estadísticos



Valores percentiles. Los valores de una variable cuantitativa que dividen los datos ordenados en grupos, de forma que un porcentaje de los casos se encuentre por encima y otro porcentaje se encuentre por debajo. Los cuartiles (los percentiles 25, 50 y 75) dividen las observaciones en

cuatro grupos de igual tamaño. Si desea un número igual de grupos que no sea cuatro, seleccione Puntos de corte para n grupos iguales. También puede especificar percentiles individuales (por ejemplo, el percentil 95, el valor por debajo del cual se encuentran el 95% de las observaciones).

Tendencia central. Los estadísticos que describen la localización de la distribución, incluyen: Media, Mediana, Moda y Suma de todos los valores.

- **Media.** Una medida de tendencia central. El promedio aritmético, la suma dividida por el número de casos.
- **Mediana.** Es el valor por encima y por debajo del cual se encuentran la mitad de los casos, el percentil 50. Si hay un número par de casos, la mediana es la media de los dos valores centrales, cuando los casos se ordenan en orden ascendente o descendente. La mediana es una medida de tendencia central que no es sensible a los valores atípicos (a diferencia de la media, que puede resultar afectada por unos pocos valores extremadamente altos o bajos).
- **Moda.** El valor que ocurre con mayor frecuencia. Si varios valores comparten la mayor frecuencia de aparición, cada uno de ellos es un modo. El procedimiento de frecuencias devuelve sólo el modo más pequeño de los modos múltiples.
- **Suma.** Suma o total de todos los valores, a lo largo de todos los casos que no tengan valores perdidos.

Dispersión. Los estadísticos que miden la cantidad de variación o de dispersión en los datos, incluyen: Desviación típica, Varianza, Rango, Mínimo, Máximo y Error típico de la media.

- **Desviación típica.** Es una medida de la dispersión en torno a la media. En una distribución normal, el 68% de los casos se encuentra dentro de una desviación típica de la media y el 95% queda entre dos desviaciones típicas. Por ejemplo, si la edad media es de 45 años, con una desviación típica de 10, el 95% de los casos estaría entre los 25 y 65 en una distribución normal.
- **Varianza.** Es una medida de dispersión en torno a la media, igual a la suma de las desviaciones al cuadrado respecto a la media, dividida por el número de casos menos 1. La varianza se mide en unidades que son el cuadrado de las de la variable en cuestión.
- **Rango.** Diferencia entre los valores mayor y menor de una variable numérica; el máximo menos el mínimo.
- **Mínimo.** Valor más pequeño de una variable numérica.
- **Máximo.** El mayor valor de una variable numérica.
- **E. T. media.** Es una medida de cuánto puede variar el valor de la media entre varias muestras tomadas de la misma distribución. Puede utilizarse para comparar de forma aproximada la media observada respecto a un valor hipotetizado (es decir, se puede concluir que los dos valores son distintos si la diferencia entre ellos, dividida por el error típico, es menor que -2 o mayor que +2).

Distribución. Asimetría y curtosis son estadísticos que describen la forma y la simetría de la distribución. Estos estadísticos se muestran con sus errores típicos.

- **Asimetría.** Medida de la asimetría de una distribución. La distribución normal es simétrica y tiene un valor de asimetría igual a 0. Una distribución que tenga una asimetría positiva significativa tiene una cola derecha larga. Una distribución que tenga una asimetría negativa

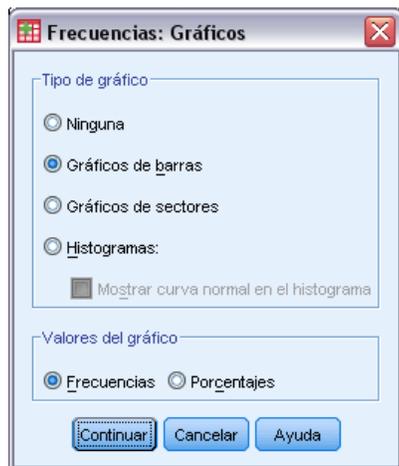
significativa tiene una cola izquierda larga. Como regla aproximada, un valor de la asimetría mayor que el doble de su error típico se asume que indica una desviación de la simetría.

- **Curtosis.** Medida del grado en que las observaciones están agrupadas en torno al punto central. Para una distribución normal, el valor del estadístico de curtosis es 0. Una curtosis positiva indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran más en el centro de la distribución y presentan colas más estrechas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución leptocúrtica son más gruesas con respecto a una distribución normal. Una curtosis negativa indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran menos y presentan colas más gruesas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución platicúrtica son más estrechas con respecto a una distribución normal.

Los valores son puntos medios de grupos. Si los valores de los datos son puntos medios de grupos (por ejemplo, si las edades de todas las personas entre treinta y cuarenta años se codifican como 35), seleccione esta opción para estimar la mediana y los percentiles para los datos originales no agrupados.

Frecuencias: Gráficos

Figura 2-3
Cuadro de diálogo Frecuencias: Gráficos



Tipo de gráfico. Los gráficos de sectores muestran la contribución de las partes a un todo. Cada sector de un gráfico de este tipo corresponde a un grupo, definido por una única variable de agrupación. Los gráficos de barras muestran la frecuencia de cada valor o categoría distinta como una barra diferente, permitiendo comparar las categorías de forma visual. Los histogramas también cuentan con barras, pero se representan a lo largo de una escala de intervalos iguales. La altura de cada barra es el recuento de los valores que están dentro del intervalo para una variable cuantitativa. Los histogramas muestran la forma, el centro y la dispersión de la distribución. Una curva normal superpuesta en un histograma ayuda a juzgar si los datos están normalmente distribuidos.

Valores del gráfico. Para los gráficos de barras, puede etiquetar el eje de escala con las frecuencias o los porcentajes.

Frecuencias: Formato

Figura 2-4
Cuadro de diálogo Frecuencias: Formato



Ordenar por. La tabla de frecuencias se puede organizar respecto a los valores actuales de los datos o respecto al recuento (frecuencia de aparición) de esos valores y la tabla puede organizarse en orden ascendente o descendente. Sin embargo, si solicita un histograma o percentiles, Frecuencias asumirá que la variable es cuantitativa y mostrará sus valores en orden ascendente.

Múltiples variables. Si desea generar tablas de estadísticos para múltiples variables, podrá mostrar todas las variables en una sola tabla (Comparar variables), o bien mostrar una tabla de estadísticos independiente para cada variable (Organizar resultados según variables).

Suprimir tablas con más de n categorías. Esta opción impide que se muestren tablas que contengan más valores que el número especificado.

Descriptivos

El procedimiento Descriptivos muestra estadísticos de resumen univariados para varias variables en una única tabla y calcula valores tipificados (puntuaciones z). Las variables se pueden ordenar por el tamaño de sus medias (en orden ascendente o descendente), alfabéticamente o por el orden en el que se seleccionen las variables (el valor por defecto).

Cuando se guardan las puntuaciones z , éstas se añaden a los datos del Editor de datos y quedan disponibles para los gráficos, el listado de los datos y los análisis. Cuando las variables se registran en unidades diferentes (por ejemplo, producto interior bruto per cápita y porcentaje de alfabetización), una transformación de puntuación z pondrá las variables en una escala común para poder compararlas visualmente con más facilidad.

Ejemplo. Si cada caso de los datos contiene los totales de ventas diarias de cada vendedor (por ejemplo, una entrada para Bob, una para Kim y una para Brian) recogidas cada día durante varios meses, el procedimiento Descriptivos puede calcular la media diaria de ventas para cada vendedor y ordenar los resultados del promedio de ventas de mayor a menor.

Estadísticos. Tamaño de muestra, media, mínimo, máximo, desviación típica, varianza, rango, suma, error típico de la media, curtosis y asimetría con sus errores típicos.

Datos. Utilice variables numéricas después de haberlas inspeccionado gráficamente para registrar errores, valores atípicos y anomalías de distribución. El procedimiento Descriptivos es muy eficaz para archivos grandes (de miles de casos).

Supuestos. La mayoría de los estadísticos disponibles (incluyendo las puntuaciones z) se basan en la teoría normal y son adecuados para variables cuantitativas (medidas a nivel de razón o de intervalo) con distribuciones simétricas. Se deben evitar las variables con categorías no ordenadas o distribuciones asimétricas. La distribución de puntuaciones z tiene la misma forma que la de los datos originales; por tanto, el cálculo de puntuaciones z no es una solución para los datos con problemas.

Para obtener estadísticos descriptivos

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Estadísticos descriptivos > Descriptivos...

Figura 3-1
Cuadro de diálogo Descriptivos



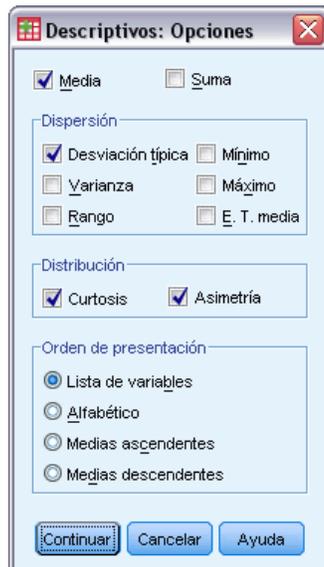
- Seleccione una o más variables.

Si lo desea, puede:

- Seleccionar Guardar valores tipificados como variables para guardar las puntuaciones z como nuevas variables.
- Pulsar en Opciones para seleccionar estadísticos opcionales y el orden de presentación.

Descriptivos: Opciones

Figura 3-2
Cuadro de diálogo Descriptivos: Opciones



Media y suma. Se muestra por defecto la media o promedio aritmético.

Dispersión. Los estadísticos que miden la dispersión o variación en los datos incluyen la desviación típica, la varianza, el rango, el mínimo, el máximo y el error típico de la media.

- **Desviación típica.** Es una medida de la dispersión en torno a la media. En una distribución normal, el 68% de los casos se encuentra dentro de una desviación típica de la media y el 95% queda entre dos desviaciones típicas. Por ejemplo, si la edad media es de 45 años, con una desviación típica de 10, el 95% de los casos estaría entre los 25 y 65 en una distribución normal.
- **Varianza.** Es una medida de dispersión en torno a la media, igual a la suma de las desviaciones al cuadrado respecto a la media, dividida por el número de casos menos 1. La varianza se mide en unidades que son el cuadrado de las de la variable en cuestión.
- **Rango.** Diferencia entre los valores mayor y menor de una variable numérica; el máximo menos el mínimo.
- **Mínimo.** Valor más pequeño de una variable numérica.
- **Máximo.** El mayor valor de una variable numérica.
- **E. T. media.** Es una medida de cuánto puede variar el valor de la media entre varias muestras tomadas de la misma distribución. Puede utilizarse para comparar de forma aproximada la media observada respecto a un valor hipotetizado (es decir, se puede concluir que los dos valores son distintos si la diferencia entre ellos, dividida por el error típico, es menor que -2 o mayor que +2).

Distribución. La curtosis y la asimetría son los estadísticos que caracterizan la forma y simetría de la distribución. Estos estadísticos se muestran con sus errores típicos.

- **Curtosis.** Medida del grado en que las observaciones están agrupadas en torno al punto central. Para una distribución normal, el valor del estadístico de curtosis es 0. Una curtosis positiva indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran más en el centro de la distribución y presentan colas más estrechas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución leptocúrtica son más gruesas con respecto a una distribución normal. Una curtosis negativa indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran menos y presentan colas más gruesas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución platicúrtica son más estrechas con respecto a una distribución normal.
- **Asimetría.** Medida de la asimetría de una distribución. La distribución normal es simétrica y tiene un valor de asimetría igual a 0. Una distribución que tenga una asimetría positiva significativa tiene una cola derecha larga. Una distribución que tenga una asimetría negativa significativa tiene una cola izquierda larga. Como regla aproximada, un valor de la asimetría mayor que el doble de su error típico se asume que indica una desviación de la simetría.

Orden de presentación. Por defecto, las variables se muestran en el orden en que se hayan seleccionado. Si lo desea, se pueden mostrar las variables alfabéticamente, por medias ascendentes o por medias descendentes.

Funciones adicionales del comando DESCRIPTIVES

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Guardar puntuaciones tipificadas (puntuaciones z) para algunas variables, pero no para todas (con el subcomando VARIABLES).
- Especificar nombres para las variables nuevas que contienen puntuaciones tipificadas (mediante el subcomando VARIABLES).

- Excluir del análisis casos con valores perdidos para cualquier variable (mediante el subcomando `MISSING`).
- Ordenar las variables de la presentación por el valor de cualquier estadístico, no sólo por la media (mediante el subcomando `SORT`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Explorar

El procedimiento Explorar genera estadísticos de resumen y representaciones gráficas, bien para todos los casos o bien de forma separada para grupos de casos. Existen numerosas razones para utilizar este procedimiento: para inspeccionar los datos, identificar valores atípicos, obtener descripciones, comprobar supuestos y caracterizar diferencias entre subpoblaciones (grupos de casos). La inspección de los datos puede mostrar que existen valores inusuales, valores extremos, discontinuidades en los datos u otras peculiaridades. La exploración de los datos puede ayudar a determinar si son adecuadas las técnicas estadísticas que está teniendo en consideración para el análisis de los datos. La exploración puede indicar que necesita transformar los datos si la técnica necesita una distribución normal. O bien, el usuario puede decidir que necesita utilizar pruebas no paramétricas.

Ejemplo. Observe la distribución de los tiempos de aprendizaje de laberintos de una serie de ratas sometidas a cuatro programas de refuerzo diferentes. Para cada uno de los cuatro grupos, se puede observar si la distribución de tiempos es aproximadamente normal y si las cuatro varianzas son iguales. También se pueden identificar los casos con los cinco valores de tiempo mayores y los cinco menores. Los diagramas de caja y los gráficos de tallo y hojas resumen gráficamente la distribución del tiempo de aprendizaje de cada uno de los grupos.

Estadísticos y gráficos. Media, mediana, media recortada al 5%, error típico, varianza, desviación típica, mínimo, máximo, amplitud, amplitud intercuartil, asimetría y curtosis y sus errores típicos, intervalo de confianza para la media (y el nivel de confianza especificado), percentiles, estimador-M de Huber, estimador en onda de Andrews, estimador-M redescendente de Hampel, estimador bponderado de Tukey, cinco valores mayores y cinco menores, estadístico de Kolmogorov-Smirnov con el nivel de significación de Lilliefors para contrastar la normalidad y estadístico de Shapiro-Wilk. Diagramas de caja, gráficos de tallo y hojas, histogramas, diagramas de normalidad y diagramas de dispersión por nivel con pruebas de Levene y transformaciones.

Datos. El procedimiento Explorar se puede utilizar para las variables cuantitativas (nivel de medida de razón o de intervalo). Una variable de factor (utilizada para dividir los datos en grupos de casos) debe tener un número razonable de valores distintivos (categorías). Estos valores pueden ser de cadena corta o numéricos. La variable de etiquetas de caso, utilizada para etiquetar valores atípicos en los diagramas de caja, puede ser de cadena corta, de cadena larga (los 15 primeros bytes) o numérica.

Supuestos. La distribución de los datos no tiene que ser simétrica ni normal.

Para explorar los datos

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Estadísticos descriptivos > Explorar...

Figura 4-1
Cuadro de diálogo Explorar



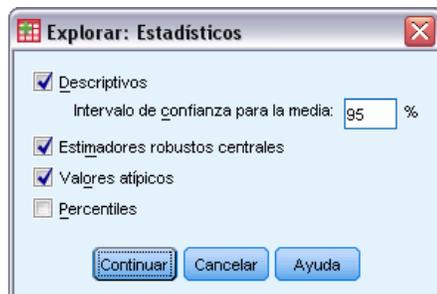
- Seleccione una o más variables dependientes.

Si lo desea, puede:

- Seleccionar una o más variables de factor, cuyos valores definirán grupos de casos.
- Seleccionar una variable de identificación para etiquetar los casos.
- Pulse en Estadísticos para obtener estimadores robustos, valores atípicos, percentiles y tablas de frecuencias.
- Pulse en Gráficos para obtener histogramas, pruebas y gráficos de probabilidad normal y diagramas de dispersión por nivel con estadísticos de Levene.
- Pulse en Opciones para manipular los valores perdidos.

Explorar: Estadísticos

Figura 4-2
Cuadro de diálogo Explorar: Estadísticos



Descriptivos. Por defecto se muestran estas medidas de dispersión y de tendencia central. Éstas últimas indican la localización de la distribución, e incluyen la media, la mediana y la media recortada al 5%. Las medidas de dispersión muestran la disimilaridad de los valores, incluyen: los errores típicos, la varianza, la desviación típica, el mínimo, el máximo, la amplitud y la amplitud intercuartil. Los estadísticos descriptivos también incluyen medidas de la forma de la distribución:

la asimetría y la curtosis se muestran con sus errores típicos. También se muestra el intervalo de confianza a un nivel del 95%; aunque se puede especificar otro nivel.

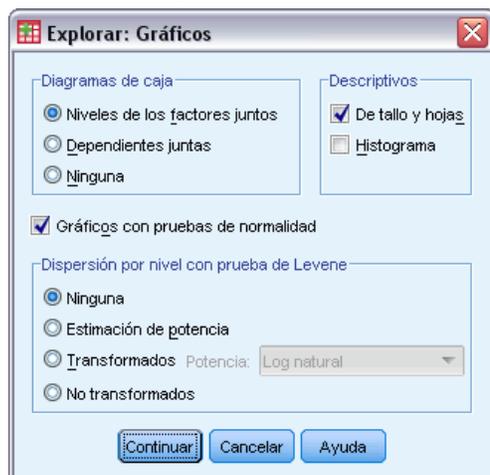
Estimadores robustos centrales. Alternativas robustas a la mediana y a la media muestral para estimar la localización. Los estimadores calculados se diferencian por las ponderaciones que aplican a los casos. Se muestran los siguientes: el estimador-M de Huber, el estimador en onda de Andrew, el estimador-M redescendente de Hampel y el estimador bponderado de Tukey.

Valores atípicos. Muestra los cinco valores mayores y los cinco menores con las etiquetas de caso.

Percentiles. Muestra los valores de los percentiles 5, 10, 25, 50, 75, 90 y 95.

Explorar: Gráficos

Figura 4-3
Cuadro de diálogo Explorar: Gráficos



Diagramas de caja. Estas alternativas controlan la presentación de los diagramas de caja cuando existe más de una variable dependiente. Niveles de los factores juntos genera una presentación para cada variable dependiente. En cada una se muestran diagramas de caja para cada uno de los grupos definidos por una variable de factor. Dependientes juntas genera una presentación para cada grupo definido por una variable de factor. En cada una se muestran juntos los diagramas de caja de cada variable dependiente. Esta disposición es de gran utilidad cuando las variables representan una misma característica medida en momentos distintos.

Descriptivos. La sección Descriptivos permite seleccionar gráficos de tallo y hojas e histogramas.

Gráficos con pruebas de normalidad. Muestra los diagramas de probabilidad normal y de probabilidad sin tendencia. Se muestra el estadístico de Kolmogorov-Smirnov con un nivel de significación de Lilliefors para contrastar la normalidad. Si se especifican ponderaciones no enteras, se calculará el estadístico de Shapiro-Wilk cuando el tamaño de la muestra ponderada esté entre 3 y 50. Si no hay ponderaciones o éstas son enteras, se calculará el estadístico cuando el tamaño muestral esté entre 3 y 5.000.

Dispersión por nivel con prueba de Levene. Controla la transformación de los datos para los diagramas de dispersión por nivel. Para todos los diagramas de dispersión por nivel se muestra la pendiente de la línea de regresión y las pruebas robustas de Levene sobre la homogeneidad de varianzas. Si selecciona una transformación, las pruebas de Levene se basarán en los datos transformados. Si no selecciona ninguna variable de factor, no se generará ningún diagrama de dispersión por nivel. Estimación de potencia produce un gráfico de los logaritmos naturales de las amplitudes intercuartiles respecto a los logaritmos naturales de las medianas de todas las casillas, así como una estimación de la transformación de potencia necesaria para conseguir varianzas iguales en las casillas. Un diagrama de dispersión por nivel ayuda a determinar la potencia que precisa una transformación para estabilizar (igualar) las varianzas de los grupos. Transformados permite seleccionar una de las alternativas de potencia, quizás siguiendo las recomendaciones de la estimación de potencia, y genera gráficos de los datos transformados. Se trazan la amplitud intercuartil y la mediana de los datos transformados. No transformados genera gráficos de los datos brutos. Es equivalente a una transformación con una potencia de 1.

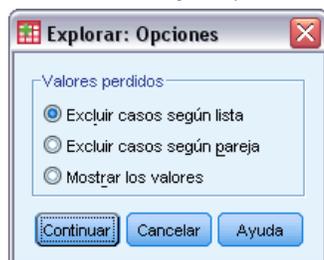
Explorar: Transformaciones de potencia

A continuación aparecen las transformaciones de potencia para los diagramas de dispersión por nivel. Para transformar los datos, deberá seleccionar una potencia para la transformación. Puede elegir una de las siguientes alternativas:

- **Log natural.** Transformación de logaritmo natural. Este es el método por defecto.
- **1/raíz cuadrada.** Para cada valor de los datos se calcula el inverso de la raíz cuadrada.
- **Recíproco.** Se calcula el inverso de cada valor de los datos.
- **Raíz cuadrada.** Se calcula la raíz cuadrada de cada valor de los datos.
- **Cuadrado.** Se calcula el cuadrado de cada valor de los datos.
- **Cubo.** Se calcula el cubo de cada valor de los datos.

Explorar: Opciones

Figura 4-4
Cuadro de diálogo Explorar: Opciones



Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable de factor o variable dependiente se excluyen de todos los análisis. Este es el método por defecto.

- **Excluir casos según pareja.** Los casos que no tengan valores perdidos para las variables de un grupo (casilla) se incluyen en el análisis de ese grupo. El caso puede tener valores perdidos para las variables utilizadas en otros grupos.
- **Mostrar los valores.** Los valores perdidos para las variables de factor se tratan como una categoría diferente. Todos los resultados se generan para esta categoría adicional. Las tablas de frecuencias incluyen categorías para los valores perdidos. Los valores perdidos para una variable de factor se incluyen pero se etiquetan como perdidos.

Funciones adicionales del comando EXAMINE

El procedimiento Explorar utiliza la sintaxis de comandos EXAMINE. Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Solicitar los gráficos y resultados totales además de los gráficos y los resultados para los grupos definidos por las variables de factor (con el subcomando TOTAL).
- Especificar una escala común para un grupo de diagramas de caja (con el subcomando SCALE).
- Especificar interacciones de variables de factor (con el subcomando VARIABLES).
- Especificar percentiles distintos de los percentiles por defecto (con el subcomando PERCENTILES).
- Calcular percentiles respecto a cualquiera de los cinco métodos (con el subcomando PERCENTILES).
- Especificar una transformación de potencia para diagramas de dispersión por nivel (con el subcomando PLOT).
- Especificar el número de valores extremos que se van a mostrar (mediante el subcomando STATISTICS).
- Especificar parámetros para los estimadores robustos centrales, los estimadores robustos de ubicación (mediante el subcomando MESTIMATORS).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Tablas de contingencia

El procedimiento Tablas de contingencia crea tablas de clasificación doble y múltiple y, además, proporciona una serie de pruebas y medidas de asociación para las tablas de doble clasificación. La estructura de la tabla y el hecho de que las categorías estén ordenadas o no determinan las pruebas o medidas que se utilizaban.

Los estadísticos de tablas de contingencia y las medidas de asociación sólo se calculan para las tablas de doble clasificación. Si especifica una fila, una columna y un factor de capa (variable de control), el procedimiento Tablas de contingencia crea un panel de medidas y estadísticos asociados para cada valor del factor de capa (o una combinación de valores para dos o más variables de control). Por ejemplo, si *sexo* es un factor de capa para una tabla de *casado* (sí, no) en función de *vida* (vida emocionante, rutinaria o aburrida), los resultados para una tabla de doble clasificación para las mujeres se calculan de forma independiente de los resultados de los hombres y se imprimen en paneles uno detrás del otro.

Ejemplo. ¿Es más probable que los clientes de las empresas pequeñas sean más rentables en la venta de servicios (por ejemplo, formación y asesoramiento) que los clientes de las empresas grandes? A partir de una tabla de contingencia podría deducir que la prestación de servicios a la mayoría de las empresas pequeñas (con menos de 500 empleados) produce considerables beneficios, mientras que con la mayoría de las empresas de gran tamaño (con más de 2.500 empleados), los beneficios obtenidos son mucho menores.

Estadísticos y medidas de asociación. Chi-cuadrado de Pearson, chi-cuadrado de la razón de verosimilitud, prueba de asociación lineal por lineal, prueba exacta de Fisher, chi-cuadrado corregido de Yates, r de Pearson, rho de Spearman, coeficiente de contingencia, phi, V de Cramér, lambdas simétricas y asimétricas, tau de Kruskal y Goodman, coeficiente de incertidumbre, gamma, d de Somers, tau- b de Kendall, tau- c de Kendall, coeficiente eta, kappa de Cohen, estimación de riesgo relativo, razón de ventajas, prueba de McNemar y estadísticos de Cochran y Mantel-Haenszel.

Datos. Para definir las categorías de cada variable, utilice valores de una variable numérica o de cadena (ocho bytes o menos). Por ejemplo, para *sexo*, podría codificar los datos como 1 y 2 o como *varón* y *mujer*.

Supuestos. En algunos estadísticos y medidas se asume que hay unas categorías ordenadas (datos ordinales) o unos valores cuantitativos (datos de intervalos o de proporciones), como se explica en la sección sobre los estadísticos. Otros estadísticos son válidos cuando las variables de la tabla tienen categorías no ordenadas (datos nominales). Para los estadísticos basados en chi-cuadrado (phi, V de Cramér y coeficiente de contingencia), los datos deben ser una muestra aleatoria de una distribución multinomial.

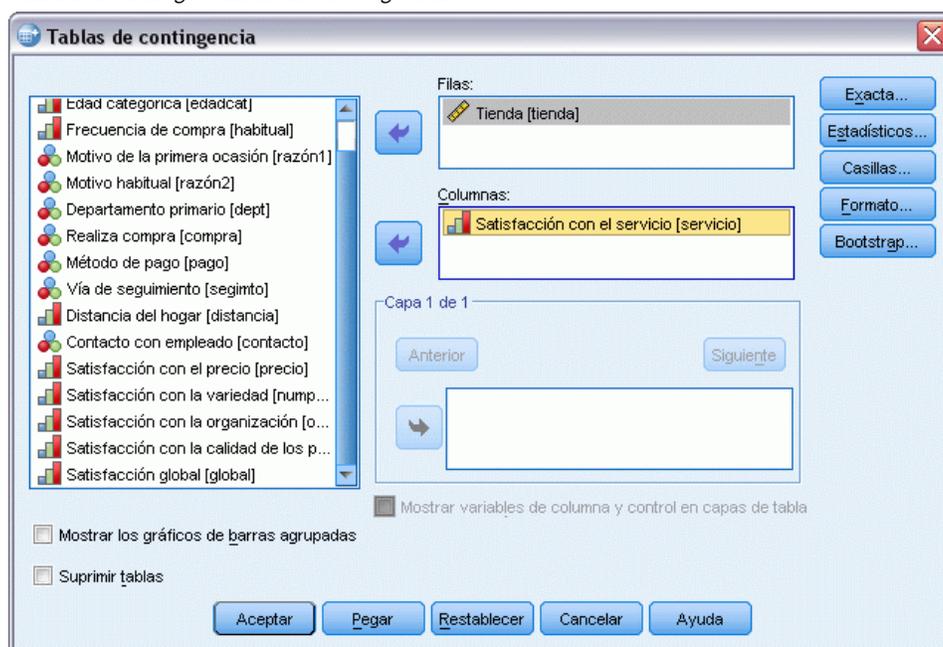
Nota: Las variables ordinales pueden ser códigos numéricos que representen categorías (por ejemplo, 1 = *bajo*, 2 = *medio*, 3 = *alto*) o valores de cadena. Sin embargo, se supone que el orden alfabético de los valores de cadena indica el orden correcto de las categorías. Por ejemplo, en una variable de cadena cuyos valores sean *bajo*, *medio*, *alto*, se interpreta el orden de las categorías

como *alto*, *bajo*, *medio* (orden que no es el correcto). Por norma general, se puede indicar que es más fiable utilizar códigos numéricos para representar datos ordinales.

Para obtener tablas de contingencia

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Estadísticos descriptivos > Tablas de contingencia...

Figura 5-1
Cuadro de diálogo Tablas de contingencia



- ▶ Seleccione una o más variables de fila y una o más variables de columna.

Si lo desea, puede:

- Seleccionar una o más variables de control.
- Pulsar en Estadísticos para obtener pruebas y medidas de asociación para tablas o subtablas de doble clasificación.
- Pulsar en Casillas para obtener porcentajes, residuos y valores esperados y observados.
- Pulsar en Formato para controlar el orden de las categorías.

Capas de las tablas de contingencia

Si se seleccionan una o más variables de capas, se generará una tabla de contingencia por cada categoría de cada variable de capas (variable de control). Por ejemplo, si emplea una variable de fila, una variable de columna y una variable de capas con dos categorías, obtendrá una tabla de doble clasificación por cada categoría de la variable de capas. Para crear otra capa de variables de control, pulse en Siguiente. Se crean subtablas para cada combinación de categorías para cada

variable de la 1ª capa, cada variable de la 2ª capa, y así sucesivamente. Si se solicitan estadísticos y medidas de asociación, se aplicarán sólo a las tablas de doble clasificación.

Gráficos de barras agrupadas

Mostrar los gráficos de barras agrupadas. Los gráficos de barras agrupadas ayudan a resumir los datos por grupos de casos. Hay una agrupación de barras por cada valor de la variable especificada en el cuadro Filas. La variable que define las barras dentro de cada agrupación es la variable especificada en el cuadro Columnas. Por cada valor de esta variable hay un conjunto de barras de distinto color o trama. Si especifica más de una variable en Columnas o en Filas, se generará un gráfico de barras agrupadas por cada combinación de dos variables.

Tablas de contingencia mostrando variables de capa en capas de tabla

Mostrar variables de capa en capas de tabla. Puede seleccionar visualizar las variables de capa (variables de control) como capas en la tabla de contingencia. De esta forma podrá crear vistas que muestren los estadísticos globales de las variables de fila y columna y que permitan la obtención de detalles de las categorías de las variables de capa.

A continuación se muestra un ejemplo que utiliza el archivo de datos *demo.sav* () y que se ha obtenido de la siguiente forma:

- ▶ Seleccione *Categoría de ingresos en miles (catimg)* como la variable de fila, *Tiene PDA (pda)* como la variable de columna y *Nivel educativo (educ)* como la variable de capa.
- ▶ Seleccione Mostrar variables de capa en capas de tabla.
- ▶ Seleccione Columna en el cuadro de diálogo subordinado Mostrar en las casillas.
- ▶ Ejecute el procedimiento de Tablas de contingencia, pulse dos veces en la tabla de contingencia y seleccione Titulación universitaria de la lista desplegable Nivel de estudios.

Figura 5-2

Tablas de contingencia con variables de capa en capas de tabla

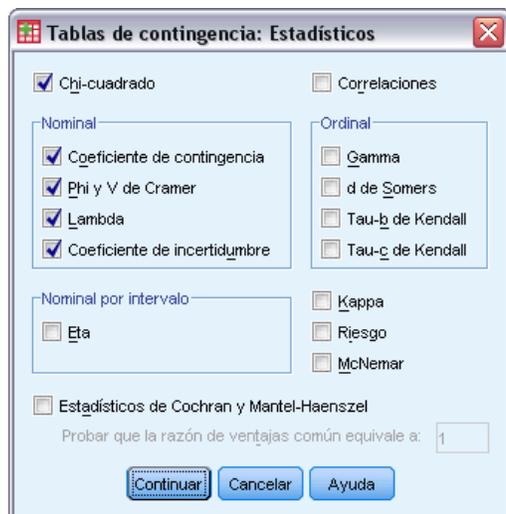
Tabla de contingencia Categoría de ingresos en miles * Tiene PDA * Nivel educativo

		Tiene PDA		Total	
Estadísticos		Sí	No		
Categoría de ingresos en miles	Menos de \$25	Recuento	146	50	196
		% dentro de Tiene PDA	15.8%	11.6%	14.5%
	\$25 - \$49	Recuento	335	155	490
		% dentro de Tiene PDA	36.3%	35.9%	36.2%
	\$50 - \$74	Recuento	187	72	259
		% dentro de Tiene PDA	20.3%	16.7%	19.1%
	\$75+	Recuento	255	155	410
		% dentro de Tiene PDA	27.6%	35.9%	30.3%
Total		Recuento	923	432	1355
		% dentro de Tiene PDA	100.0%	100.0%	100.0%

La vista seleccionada de la tabla de contingencia muestra los estadísticos de participantes que tienen un título universitario.

Estadísticos de tablas de contingencia

Figura 5-3
Cuadro de diálogo Tablas de contingencia: Estadísticos



Chi-cuadrado. Para las tablas con dos filas y dos columnas, seleccione Chi-cuadrado para calcular el chi-cuadrado de Pearson, el chi-cuadrado de la razón de verosimilitud, la prueba exacta de Fisher y el chi-cuadrado corregido de Yates (corrección por continuidad). Para las tablas 2×2 , se calcula la prueba exacta de Fisher cuando una tabla (que no resulte de perder columnas o filas en una tabla mayor) presente una casilla con una frecuencia esperada menor que 5. Para las restantes tablas 2×2 se calcula el chi-cuadrado corregido de Yates. Para las tablas con cualquier número de filas y columnas, seleccione Chi-cuadrado para calcular el chi-cuadrado de Pearson y el chi-cuadrado de la razón de verosimilitud. Cuando ambas variables de tabla son cuantitativas, Chi-cuadrado da como resultado la prueba de asociación lineal por lineal.

Correlaciones. Para las tablas en las que tanto las columnas como las filas contienen valores ordenados, Correlaciones da como resultado rho, el coeficiente de correlación de Spearman (sólo datos numéricos). La rho de Spearman es una medida de asociación entre órdenes de rangos. Cuando ambas variables de tabla (factores) son cuantitativas, Correlaciones da como resultado r , el coeficiente de correlación de Pearson, una medida de asociación lineal entre las variables.

Nominal. Para los datos nominales (sin orden intrínseco, como católico, protestante o judío), puede seleccionar el Coeficiente de contingencia, Phi (coeficiente) y V de Cramér, Lambda (lambdas simétricas y asimétricas y tau de Kruskal y Goodman) y el Coeficiente de incertidumbre.

- **Coeficiente de contingencia.** Medida de asociación basada en chi-cuadrado. El valor varía entre 0 y 1. El valor 0 indica que no hay asociación entre las variables de fila y de columna. Los valores cercanos a 1 indican que hay gran relación entre las variables. El valor máximo posible depende del número de filas y columnas de la tabla.

- **Phi y V de Cramer.** Phi es una medida de asociación basada en chi-cuadrado que conlleva dividir el estadístico de chi-cuadrado por el tamaño de la muestra y extraer la raíz cuadrada del resultado. V de Cramer es una medida de asociación basada en chi-cuadrado.
- **Lambda.** Medida de asociación que refleja la reducción proporcional en el error cuando se utilizan los valores de la variable independiente para pronosticar los valores de la variable dependiente. Un valor igual a 1 significa que la variable independiente pronostica perfectamente la variable dependiente. Un valor igual a 0 significa que la variable independiente no ayuda a pronosticar la variable dependiente.
- **Coefficiente de incertidumbre.** Medida de asociación que refleja la reducción proporcional en el error cuando se utilizan los valores de una variable para pronosticar los valores de la otra variable. Por ejemplo, un valor de 0,83 indica que el conocimiento de una variable reduce en un 83% el error al pronosticar los valores de la otra variable. El programa calcula tanto la versión simétrica como la asimétrica del coeficiente de incertidumbre.

Ordinal. Para las tablas en las que tanto las filas como las columnas contienen valores ordenados, seleccione Gamma (orden cero para tablas de doble clasificación y condicional para tablas cuyo factor de clasificación va de 3 a 10), Tau-b de Kendall y Tau-c de Kendall. Para pronosticar las categorías de columna de las categorías de fila, seleccione d de Somers.

- **Gamma.** Medida de asociación simétrica entre dos variables ordinales cuyo valor siempre está comprendido entre -1 y 1. Los valores próximos a 1, en valor absoluto, indican una fuerte relación entre las dos variables. Los valores próximos a cero indican que hay poca o ninguna relación entre las dos variables. Para las tablas de doble clasificación, se muestran las gammas de orden cero. Para las tablas de tres o más factores de clasificación, se muestran las gammas condicionales.
- **d de Somers.** Medida de asociación entre dos variables ordinales que toma un valor comprendido entre -1 y 1. Los valores próximos a 1, en valor absoluto, indican una fuerte relación entre las dos variables. Los valores próximos a cero indican que hay poca o ninguna relación entre las dos variables. La d de Somers es una extensión asimétrica de gamma que difiere sólo en la inclusión del número de pares no empatados en la variable independiente. También se calcula una versión no simétrica de este estadístico.
- **Tau-b de Kendall.** Medida no paramétrica de la correlación para variables ordinales o de rangos que tiene en consideración los empates. El signo del coeficiente indica la dirección de la relación y su valor absoluto indica la fuerza de la relación. Los valores mayores indican que la relación es más estrecha. Los valores posibles van de -1 a 1, pero un valor de -1 o +1 sólo se puede obtener a partir de tablas cuadradas.
- **Tau-c de Kendall.** Medida no paramétrica de asociación para variables ordinales que ignora los empates. El signo del coeficiente indica la dirección de la relación y su valor absoluto indica la fuerza de la relación. Los valores mayores indican que la relación es más estrecha. Los valores posibles van de -1 a 1, pero un valor de -1 o +1 sólo se puede obtener a partir de tablas cuadradas.

Nominal por intervalo. Cuando una variable es categórica y la otra es cuantitativa, seleccione Eta. La variable categórica debe codificarse numéricamente.

- **Eta.** Medida de asociación cuyo valor siempre está comprendido entre 0 y 1. El valor 0 indica que no hay asociación entre las variables de fila y de columna. Los valores cercanos a 1 indican que hay gran relación entre las variables. Eta resulta apropiada para una variable dependiente medida en una escala de intervalo (por ejemplo, ingresos) y una variable

independiente con un número limitado de categorías (por ejemplo, género). Se calculan dos valores de η^2 : uno trata la variable de las filas como una variable de intervalo; el otro trata la variable de las columnas como una variable de intervalo.

Kappa. La kappa de Cohen mide el acuerdo entre las evaluaciones de dos jueces cuando ambos están valorando el mismo objeto. Un valor igual a 1 indica un acuerdo perfecto. Un valor igual a 0 indica que el acuerdo no es mejor que el que se obtendría por azar. Kappa se basa en una tabla cuadrada en la que los valores de filas y columnas representan la misma escala. Cualquier celda que tenga valores observados para una variable pero no para la otra se le asigna un recuento de 0. No se calcula Kappa si el tipo de almacenamiento de datos (cadena o numérico) no es el mismo para las dos variables. Para una variable de cadena, ambas variables deben tener la misma longitud definida.

Riesgo. Para tablas 2x2, una medida del grado de asociación entre la presencia de un factor y la ocurrencia de un evento. Si el intervalo de confianza para el estadístico incluye un valor de 1, no se podrá asumir que el factor está asociado con el evento. Cuando la ocurrencia del factor es poco común, se puede utilizar la razón de las ventajas como estimación o riesgo relativo.

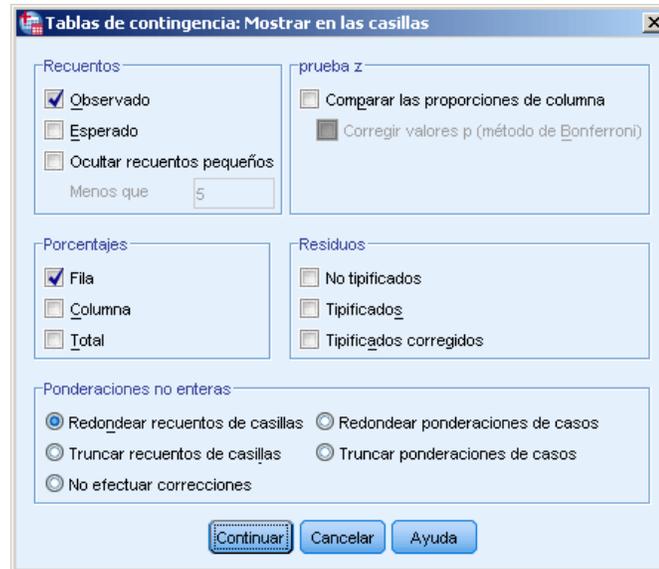
McNemar. Prueba no paramétrica para dos variables dicotómicas relacionadas. Contrasta los cambios de respuesta utilizando una distribución chi-cuadrado. Es útil para detectar cambios en las respuestas causadas por la intervención experimental en los diseños del tipo "antes-después". Para las tablas cuadradas de mayor orden se informa de la prueba de simetría de McNemar-Bowker.

Estadísticos de Cochran y de Mantel-Haenszel. Los estadísticos de Cochran y de Mantel-Haenszel se pueden utilizar para comprobar la independencia entre una variable de factor dicotómica y una variable de respuesta dicotómica, condicionada por los patrones en las covariables, que vienen definidos por la variable o variables de las capas (variables de control). Tenga en cuenta que mientras que otros estadísticos se calculan capa por capa, los estadísticos de Cochran y Mantel-Haenszel se calculan una sola vez para todas las capas.

Visualización en casillas de tablas de contingencia

Figura 5-4

Cuadro de diálogo Tablas de contingencia: Mostrar en las casillas



Para ayudarle a descubrir las tramas en los datos que contribuyen a una prueba de chi-cuadrado significativa, el procedimiento Tablas de contingencia muestra las frecuencias esperadas y tres tipos de residuos (desviaciones) que miden la diferencia entre las frecuencias observadas y las esperadas. Cada casilla de la tabla puede contener cualquier combinación de recuentos, porcentajes y residuos seleccionados.

Recuentos. El número de casos realmente observados y el número de casos esperados si las variables de fila y columna son independientes entre sí. Puede optar por ocultar recuentos inferiores un número entero especificado. Los valores ocultos se mostrarán como <N, donde N es el número entero especificado. El entero especificado debe ser mayor o igual a 2, aunque se permite el valor 0 y especifica que no se hay recuentos ocultos.

Comparar las proporciones de columna. Esta opción calcula comparaciones por pares de proporciones de columnas e indica los pares de columnas (de una fila concreta) que son significativamente diferentes. Las diferencias significativas se indican en la tabla de contingencia con formato de estilo APA utilizando subíndices de letras y se calculan con un nivel de significación de 0,05. *Nota:* Si se especifica esta opción sin seleccionar recuentos observados o porcentajes de columnas, se incluirán los recuentos observados en la tabla de contingencia, con subíndices de estilo APA indicando los resultados de las pruebas de proporciones de columnas.

- **Corregir valores p (método de Bonferroni).** Las comparaciones por parejas de las proporciones de columnas utilizan la corrección de Bonferroni, que ajusta el nivel de significación observado por el hecho de que se realizan múltiples comparaciones.

Porcentajes. Los porcentajes se pueden sumar a través de las filas o a lo largo de las columnas. También se encuentran disponibles los porcentajes del número total de casos representados en la tabla (una capa). *Nota:* Si Ocultar recuentos pequeños está seleccionado en el grupo Recuentos, se ocultarán también los porcentajes asociados con recuentos ocultos.

Residuos. Los residuos brutos no tipificados presentan la diferencia entre los valores observados y los esperados. También se encuentran disponibles los residuos tipificados y tipificados corregidos.

- **No tipificados.** Diferencia entre el valor observado y el valor esperado. El valor pronosticado es el número de casos que se esperaría encontrar en la casilla si no hubiera relación entre las dos variables. Un residuo positivo indica que hay más casos en la casilla de los que habría en ella si las variables de fila y columna fueran independientes.
- **Tipificados.** El residuo dividido por una estimación de su error típico. Los residuos tipificados, que son conocidos también como los residuos de Pearson o residuos estandarizados, tienen una media de 0 y una desviación típica de 1.
- **Tipificados corregidos.** El residuo de una casilla (el valor observado menos el valor pronosticado) dividido por una estimación de su error típico. El residuo tipificado resultante viene expresado en unidades de desviación típica, por encima o por debajo de la media.

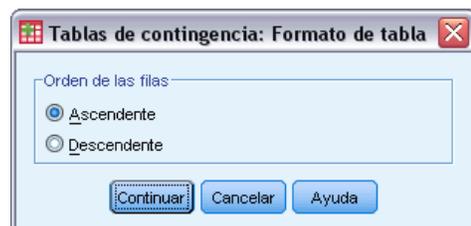
Ponderaciones no enteras. Los recuentos de las casillas suelen ser valores enteros, ya que representan el número de casos de cada casilla. Sin embargo, si el archivo de datos está ponderado en un momento determinado por una variable de ponderación con valores fraccionarios (por ejemplo, 1,25), los recuentos de las casillas pueden que también sean valores fraccionarios. Puede truncar o redondear estos valores antes o después de calcular los recuentos de las casillas o bien utilizar recuentos de casillas fraccionarios en la presentación de las tablas y los cálculos de los estadísticos.

- **Redondear los recuentos de casilla.** Las ponderaciones de los casos se utilizan tal cual, pero las ponderaciones acumuladas en las casillas se redondean antes de calcular cualquiera de los estadísticos.
- **Truncar las frecuencias de casilla.** Las ponderaciones de los casos se utilizan tal cual, pero las ponderaciones acumuladas en las casillas se truncan antes de calcular cualquiera de los estadísticos.
- **Redondear las ponderaciones de los casos.** Se redondean las ponderaciones de los casos antes de utilizarlas.
- **Truncar las ponderaciones de los casos.** Se truncan las ponderaciones de los casos antes de utilizarlas.
- **No efectuar correcciones.** Las ponderaciones de los casos se utilizan tal cual y se utilizan las frecuencias de casilla fraccionales. Sin embargo, cuando se solicitan Estadísticos exactos (disponibles sólo con la opción Pruebas exactas), las ponderaciones acumuladas en las casillas se truncan o redondean antes de calcular los estadísticos de las Pruebas exactas.

Formato de tablas de contingencia

Figura 5-5

Cuadro de diálogo Tablas de contingencia: Formato de tabla



Puede ordenar las filas en orden ascendente o descendente de los valores de la variable de fila.

Resumir

El procedimiento Resumir calcula estadísticos de subgrupo para las variables dentro de las categorías de una o más variables de agrupación. Se cruzan todos los niveles de las variables de agrupación. Puede elegir el orden en el que se mostrarán los estadísticos. También se muestran estadísticos de resumen para cada variable a través de todas las categorías. Los valores de los datos en cada categoría pueden mostrarse en una lista o suprimirse. Con grandes conjuntos de datos, tiene la opción de listar sólo los primeros n casos.

Ejemplo. ¿Cuál es la media de las ventas por regiones o por tipo de cliente? Podrá descubrir que el importe medio de las ventas es ligeramente superior en la región occidental respecto a las demás regiones, y que la media más alta se da entre los clientes de empresas privadas de la zona occidental .

Estadísticos. Suma, número de casos, media, mediana, mediana agrupada, error típico de la media, mínimo, máximo, rango, valor de la variable para la primera categoría de la variable de agrupación, valor de la variable para la última categoría de la variable de agrupación, desviación típica, varianza, curtosis, error típico de curtosis, asimetría, error típico de asimetría, porcentaje de la suma total, porcentaje del N total, porcentaje de la suma en, porcentaje de N en, media geométrica y media armónica.

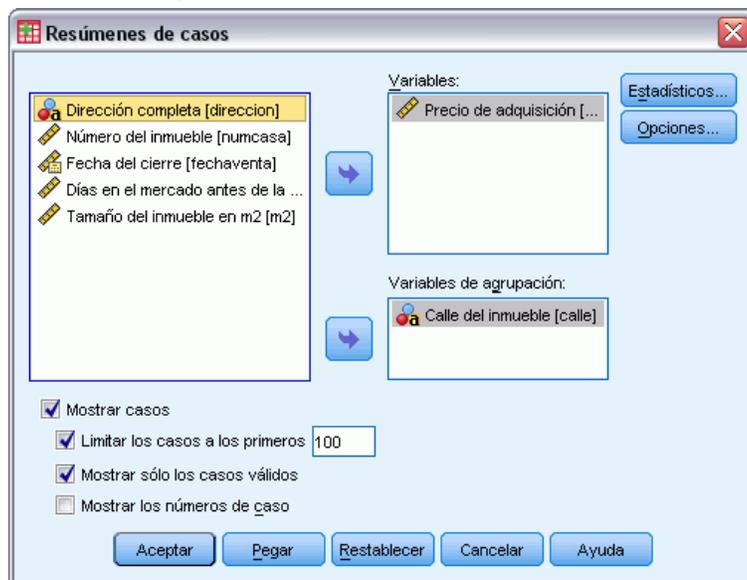
Datos. Las variables de agrupación son variables categóricas cuyos valores pueden ser numéricos o de cadena. El número de categorías debe ser razonablemente pequeño. Las otras variables deben poder ordenarse mediante rangos.

Supuestos. Algunos de los estadísticos opcionales de subgrupo, como la media y la desviación típica, se basan en la teoría normal y son adecuados para variables cuantitativas con distribuciones simétricas. Los estadísticos robustos, tales como la mediana y el rango, son adecuados para las variables cuantitativas que pueden o no cumplir el supuesto de normalidad.

Para obtener resúmenes de casos

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Informes > Resúmenes de casos...

Figura 6-1
Cuadro de diálogo Resúmenes de casos



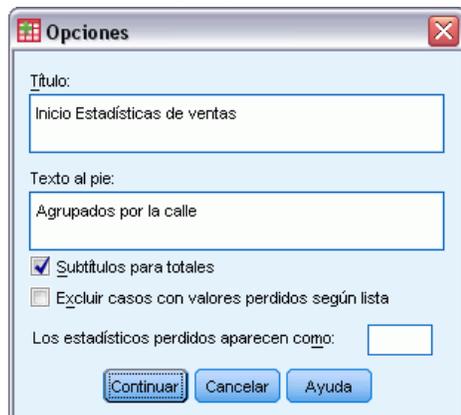
- Seleccione una o más variables.

Si lo desea, puede:

- Seleccionar una o más variables de agrupación para dividir los datos en subgrupos.
- Pulsar en Opciones para cambiar el título de los resultados, añadir un texto al pie debajo de los resultados o excluir los casos con valores perdidos.
- Pulsar en Estadísticos para acceder a estadísticos adicionales.
- Seleccionar Mostrar los casos para listar los casos en cada subgrupo. Por defecto, el sistema enumera sólo los 100 primeros casos del archivo. Puede aumentar o disminuir el valor de Limitar los casos a los primeros n o desactivar ese elemento para enumerar todos los casos.

Resumir: Opciones

Figura 6-2
Cuadro de diálogo Opciones

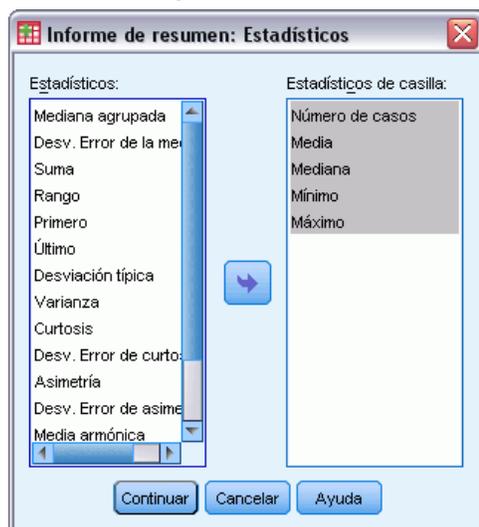


Resumir permite cambiar el título de los resultados o añadir un texto que aparecerá debajo de la tabla de resultados. Puede controlar el ajuste de las líneas en los títulos y textos escribiendo \n en el lugar donde desee insertar una línea de separación.

Además, puede elegir entre mostrar o suprimir los subtítulos para los totales e incluir o excluir los casos con valores perdidos para cualquiera de las variables utilizadas en cualquiera de los análisis. A menudo es aconsejable representar los casos perdidos en los resultados con un punto o un asterisco. Introduzca un carácter, frase o código que desee que aparezca cuando haya un valor perdido; de lo contrario, no se aplicará ningún tratamiento especial a los casos perdidos en los resultados.

Resumir: Estadísticos

Figura 6-3
Cuadro de diálogo Estadísticos de informe de resumen



Puede elegir uno o más de los siguientes estadísticos de subgrupo para las variables dentro de cada categoría de cada variable de agrupación: suma, número de casos, media, mediana, mediana agrupada, error típico de la media, mínimo, máximo, rango, valor de la variable para la primera categoría de la variable de agrupación, valor de la variable para la última categoría de la variable de agrupación, desviación típica, varianza, curtosis, error típico de curtosis, asimetría, error típico de asimetría, porcentaje de la suma total, porcentaje del N total, porcentaje de la suma en, porcentaje de N en, media geométrica y media armónica. El orden en el que aparecen los estadísticos en la lista Estadísticos de casilla es el orden en el que se mostrarán en los resultados. También se muestran estadísticos de resumen para cada variable a través de todas las categorías.

Primero. Muestra el primer valor de los datos encontrado en el archivo de datos.

Media geométrica. La raíz n -ésima del producto de los valores de los datos, donde n representa el número de casos.

Mediana agrupada. La mediana calculada para los datos que se codifican en grupos. Por ejemplo, con datos de edades, si cada valor de los 30 se ha codificado como 35, cada valor de los 40 como 45 y así sucesivamente, la mediana agrupada es la mediana calculada a partir de los datos codificados.

Media armónica. Se utiliza para estimar el tamaño promedio de un grupo cuando los tamaños de las muestras de los grupos no son iguales. La media armónica es el número total de muestras dividido por la suma de los inversos de los tamaños de las muestras.

Curtosis. Medida del grado en que las observaciones están agrupadas en torno al punto central. Para una distribución normal, el valor del estadístico de curtosis es 0. Una curtosis positiva indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran más en el centro de la distribución y presentan colas más estrechas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución leptocúrtica son más gruesas con respecto a una distribución normal. Una curtosis negativa indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran menos y presentan colas más gruesas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución platicúrtica son más estrechas con respecto a una distribución normal.

Último. Muestra el último valor de los datos encontrado en el archivo de datos.

Máximo. El mayor valor de una variable numérica.

Media. Una medida de tendencia central. El promedio aritmético, la suma dividida por el número de casos.

Mediana. Es el valor por encima y por debajo del cual se encuentran la mitad de los casos, el percentil 50. Si hay un número par de casos, la mediana es la media de los dos valores centrales, cuando los casos se ordenan en orden ascendente o descendente. La mediana es una medida de tendencia central que no es sensible a los valores atípicos (a diferencia de la media, que puede resultar afectada por unos pocos valores extremadamente altos o bajos).

Mínimo. Valor más pequeño de una variable numérica.

N. Número de casos (observaciones o registros).

Porcentaje del N total. Porcentaje del número total de casos en cada categoría.

Porcentaje de la suma total. Porcentaje de la suma total en cada categoría.

Rango. Diferencia entre los valores mayor y menor de una variable numérica; el máximo menos el mínimo.

Asimetría. Medida de la asimetría de una distribución La distribución normal es simétrica y tiene un valor de asimetría igual a 0. Una distribución que tenga una asimetría positiva significativa tiene una cola derecha larga. Una distribución que tenga una asimetría negativa significativa tiene una cola izquierda larga. Como regla aproximada, un valor de la asimetría mayor que el doble de su error típico se asume que indica una desviación de la simetría.

Error típico de la curtosis. La razón de la curtosis sobre su error típico puede utilizarse como contaste de la normalidad (es decir, se puede rechazar la normalidad si la razón es menor que -2 o mayor que +2). Un valor grande y positivo para la curtosis indica que las colas son más largas que las de una distribución normal; por el contrario, un valor extremo y negativo indica que las colas son más cortas (llegando a tener forma de caja como en la distribución uniforme).

Error típico de la asimetría. La razón de la asimetría sobre su error típico puede utilizarse como contaste de la normalidad (es decir, se puede rechazar la normalidad si la razón es menor que -2 o mayor que +2). Un valor grande y positivo para la asimetría indica una cola larga a la derecha; un valor extremo y negativo indica una cola larga por la izquierda

Suma. Suma o total de todos los valores, a lo largo de todos los casos que no tengan valores perdidos.

Varianza. Es una medida de dispersión en torno a la media, igual a la suma de las desviaciones al cuadrado respecto a la media, dividida por el número de casos menos 1. La varianza se mide en unidades que son el cuadrado de las de la variable en cuestión.

Medias

El procedimiento Medias calcula medias de subgrupo y estadísticos univariados relacionados para variables dependientes dentro de las categorías de una o más variables independientes. Si lo desea, puede obtener el análisis de varianza de un factor, la eta y pruebas de linealidad.

Ejemplo. Mida la cantidad media de grasa absorbida en función de tres tipos distintos de aceite comestible y realice un análisis de varianza de un factor para comprobar si difieren las medias.

Estadísticos. Suma, número de casos, media, mediana, mediana agrupada, error típico de la media, mínimo, máximo, rango, valor de la variable para la primera categoría de la variable de agrupación, valor de la variable para la última categoría de la variable de agrupación, desviación típica, varianza, curtosis, error típico de curtosis, asimetría, error típico de asimetría, porcentaje de la suma total, porcentaje del N total, porcentaje de la suma en, porcentaje de N en, media geométrica y media armónica. Las opciones incluyen: análisis de varianza, eta, eta cuadrado y pruebas de linealidad de R y R^2 .

Datos. Las variables dependientes son cuantitativas y las independientes son categóricas. Los valores de las variables categóricas pueden ser numéricos o de cadena.

Supuestos. Algunos de los estadísticos opcionales de subgrupo, como la media y la desviación típica, se basan en la teoría normal y son adecuados para variables cuantitativas con distribuciones simétricas. Los estadísticos robustos, tales como la mediana son adecuados para las variables cuantitativas que pueden o no cumplir el supuesto de normalidad. El análisis de varianza es robusto a las desviaciones de la normalidad, aunque los datos de cada casilla deberían ser simétricos. El análisis de varianza también supone que los grupos proceden de poblaciones con la misma varianza. Para comprobar este supuesto, utilice la prueba de homogeneidad de las varianzas de Levene, disponible en el procedimiento ANOVA de un factor.

Para obtener medias de subgrupo

- Elija en los menús:
Analizar > Comparar medias > Medias...

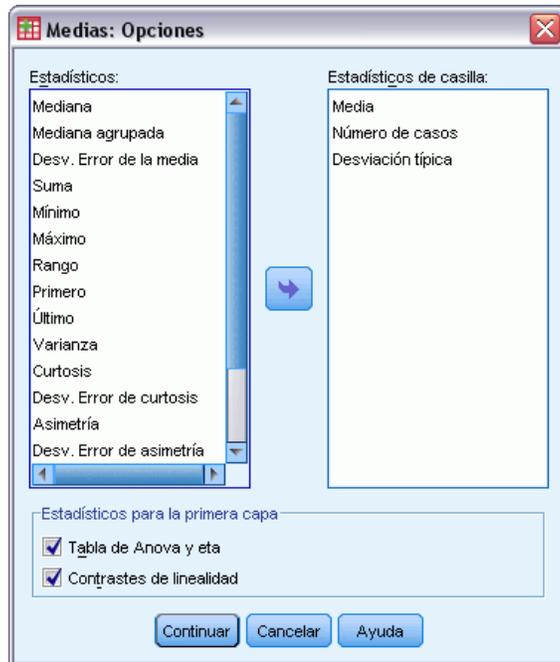
Figura 7-1
Cuadro de diálogo Medias



- ▶ Seleccione una o más variables dependientes.
- ▶ Utilice uno de los siguientes métodos para seleccionar variables independientes categóricas:
 - Seleccione una o más variables independientes. Se mostrarán resultados individuales para cada variable independiente.
 - Seleccione una o más capas de variables independientes. Cada capa subdivide consecutivamente la muestra. Si tiene una variable independiente en Capa 1 y otra variable independiente en Capa 2, los resultados se mostrarán en una tabla cruzada en contraposición a tablas individuales para cada variable independiente.
- ▶ Si lo desea, pulse en Opciones si desea obtener estadísticos opcionales, una tabla de análisis de varianza, eta, eta cuadrado, R , y R^2 .

Medias: Opciones

Figura 7-2
Cuadro de diálogo Medias: Opciones



Puede elegir uno o más de los siguientes estadísticos de subgrupo para las variables dentro de cada categoría de cada variable de agrupación: suma, número de casos, media, mediana, mediana agrupada, error típico de la media, mínimo, máximo, rango, valor de la variable para la primera categoría de la variable de agrupación, valor de la variable para la última categoría de la variable de agrupación, desviación típica, varianza, curtosis, error típico de curtosis, asimetría, error típico de asimetría, porcentaje de la suma total, porcentaje del N total, porcentaje de la suma en, porcentaje de N en, media geométrica, media armónica. Se puede cambiar el orden de aparición de los estadísticos de subgrupo. El orden en el que aparecen en la lista Estadísticos de casilla es el mismo orden que presentarán en los resultados. También se muestran estadísticos de resumen para cada variable a través de todas las categorías.

Primero. Muestra el primer valor de los datos encontrado en el archivo de datos.

Media geométrica. La raíz enésima del producto de los valores de los datos, donde n representa el número de casos.

Mediana agrupada. La mediana calculada para los datos que se codifican en grupos. Por ejemplo, con datos de edades, si cada valor de los 30 se ha codificado como 35, cada valor de los 40 como 45 y así sucesivamente, la mediana agrupada es la mediana calculada a partir de los datos codificados.

Media armónica. Se utiliza para estimar el tamaño promedio de un grupo cuando los tamaños de las muestras de los grupos no son iguales. La media armónica es el número total de muestras dividido por la suma de los inversos de los tamaños de las muestras.

Curtosis. Medida del grado en que las observaciones están agrupadas en torno al punto central. Para una distribución normal, el valor del estadístico de curtosis es 0. Una curtosis positiva indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran más en el centro de la distribución y presentan colas más estrechas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución leptocúrtica son más gruesas con respecto a una distribución normal. Una curtosis negativa indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran menos y presentan colas más gruesas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución platicúrtica son más estrechas con respecto a una distribución normal.

Último. Muestra el último valor de los datos encontrado en el archivo de datos.

Máximo. El mayor valor de una variable numérica.

Media. Una medida de tendencia central. El promedio aritmético, la suma dividida por el número de casos.

Mediana. Es el valor por encima y por debajo del cual se encuentran la mitad de los casos, el percentil 50. Si hay un número par de casos, la mediana es la media de los dos valores centrales, cuando los casos se ordenan en orden ascendente o descendente. La mediana es una medida de tendencia central que no es sensible a los valores atípicos (a diferencia de la media, que puede resultar afectada por unos pocos valores extremadamente altos o bajos).

Mínimo. Valor más pequeño de una variable numérica.

N. Número de casos (observaciones o registros).

Porcentaje del N total. Porcentaje del número total de casos en cada categoría.

Porcentaje de la suma total. Porcentaje de la suma total en cada categoría.

Rango. Diferencia entre los valores mayor y menor de una variable numérica; el máximo menos el mínimo.

Asimetría. Medida de la asimetría de una distribución. La distribución normal es simétrica y tiene un valor de asimetría igual a 0. Una distribución que tenga una asimetría positiva significativa tiene una cola derecha larga. Una distribución que tenga una asimetría negativa significativa tiene una cola izquierda larga. Como regla aproximada, un valor de la asimetría mayor que el doble de su error típico se asume que indica una desviación de la simetría.

Error típico de la curtosis. La razón de la curtosis sobre su error típico puede utilizarse como contraste de la normalidad (es decir, se puede rechazar la normalidad si la razón es menor que -2 o mayor que +2). Un valor grande y positivo para la curtosis indica que las colas son más largas que las de una distribución normal; por el contrario, un valor extremo y negativo indica que las colas son más cortas (llegando a tener forma de caja como en la distribución uniforme).

Error típico de la asimetría. La razón de la asimetría sobre su error típico puede utilizarse como contraste de la normalidad (es decir, se puede rechazar la normalidad si la razón es menor que -2 o mayor que +2). Un valor grande y positivo para la asimetría indica una cola larga a la derecha; un valor extremo y negativo indica una cola larga por la izquierda.

Suma. Suma o total de todos los valores, a lo largo de todos los casos que no tengan valores perdidos.

Varianza. Es una medida de dispersión en torno a la media, igual a la suma de las desviaciones al cuadrado respecto a la media, dividida por el número de casos menos 1. La varianza se mide en unidades que son el cuadrado de las de la variable en cuestión.

Estadísticos para la primera capa

Tabla de Anova y eta. Muestra una tabla de análisis de varianza de un factor y calcula la eta y la eta cuadrado (medidas de asociación) para cada variable independiente de la primera capa.

Contrastes de linealidad. Calcula la suma de cuadrados, los grados de libertad y la media cuadrática asociados a los componentes lineal y no lineal, así como la razón F, la R y la R cuadrado. Si la variable independiente es una cadena corta entonces la linealidad no se calcula.

Cubos OLAP

El procedimiento Cubos OLAP (siglas del inglés On-Line Analytic Processing, «Procesamiento analítico interactivo») calcula totales, medias y otros estadísticos univariantes para variables de resumen continuas dentro de las categorías de una o más variables categóricas de agrupación. En la tabla se creará una nueva capa para cada categoría de cada variable de agrupación.

Ejemplo. El total y el promedio de ventas para diversas regiones y líneas de producto, dentro de las regiones.

Estadísticos. Suma, número de casos, media, mediana, mediana agrupada, error típico de la media, mínimo, máximo, rango, valor de la variable para la primera categoría de la variable de agrupación, valor de la variable para la última categoría de la variable de agrupación, desviación típica, varianza, curtosis, error típico de curtosis, asimetría, error típico de asimetría, porcentaje de casos totales, porcentaje de la suma total, porcentaje de casos totales dentro de las variables agrupadas, porcentaje de la suma total dentro de las variables agrupadas, media geométrica y media armónica.

Datos. Las variables de resumen son cuantitativas (variables continuas medidas en una escala de intervalo o de razón) y las variables de agrupación son categóricas. Los valores de las variables categóricas pueden ser numéricos o de cadena.

Supuestos. Algunos de los estadísticos opcionales de subgrupo, como la media y la desviación típica, se basan en la teoría normal y son adecuados para variables cuantitativas con distribuciones simétricas. Los estadísticos robustos, tales como la mediana y el rango, son adecuados para las variables cuantitativas que pueden o no cumplir el supuesto de normalidad.

Para obtener cubos OLAP

- Seleccione en los menús:
Analizar > Informes > Cubos OLAP...

Figura 8-1
Cuadro de diálogo Cubos OLAP



- ▶ Seleccione una o más variables de resumen continuas.
- ▶ Seleccione una o más variables de agrupación categóricas.

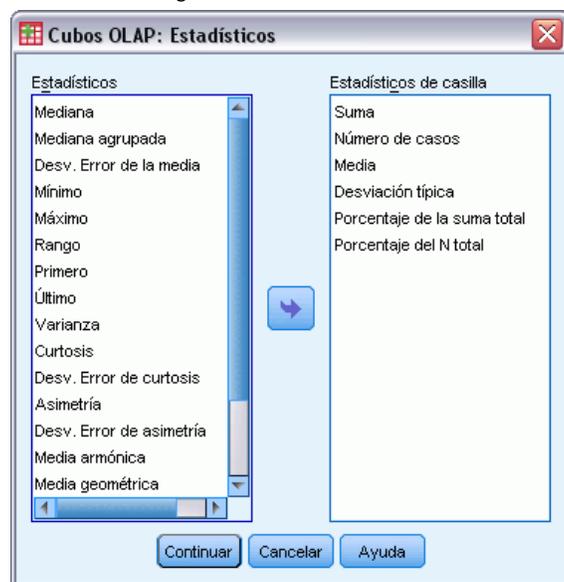
Si lo desea:

- Seleccionar diferentes estadísticos de resumen (pulse en Estadísticos). Debe seleccionar una o más variables de agrupación para poder seleccionar estadísticos de resumen.
- Calcule las diferencias existentes entre los pares de variables y los pares de grupos definidos por una variable de agrupación (pulse en Diferencias).
- Crear títulos de tabla personalizados (pulse en Título).
- Oculta recuentos que sean inferiores a un entero especificado. Los valores ocultos se mostrarán como <N, donde N es el número entero especificado. El número entero especificado debe ser mayor o igual a 2.

Cubos OLAP: Estadísticos

Figura 8-2

Cuadro de diálogo Cubos OLAP: Estadísticos



Puede elegir uno o varios de los siguientes estadísticos de subgrupo para las variables de resumen dentro de cada categoría de cada variable de agrupación: Suma, Número de casos, Media, Mediana, Mediana agrupada, Error típico de la media, Mínimo, Máximo, Rango, Valor de la variable para la primera categoría de la variable de agrupación, Valor de la variable para la última categoría de la variable de agrupación, Desviación típica, Varianza, Curtosis, Error típico de curtosis, Asimetría, Error típico de asimetría, Porcentaje de casos totales, Porcentaje de la suma total, Porcentaje de casos totales dentro de las variables de agrupación, Porcentaje de la suma total dentro de las variables de agrupación, Media geométrica y Media armónica.

Se puede cambiar el orden de aparición de los estadísticos de subgrupo. El orden en el que aparecen en la lista Estadísticos de casilla es el mismo orden que presentarán en los resultados. También se muestran estadísticos de resumen para cada variable a través de todas las categorías.

Primero. Muestra el primer valor de los datos encontrado en el archivo de datos.

Media geométrica. La raíz n -ésima del producto de los valores de los datos, donde n representa el número de casos.

Mediana agrupada. La mediana calculada para los datos que se codifican en grupos. Por ejemplo, con datos de edades, si cada valor de los 30 se ha codificado como 35, cada valor de los 40 como 45 y así sucesivamente, la mediana agrupada es la mediana calculada a partir de los datos codificados.

Media armónica. Se utiliza para estimar el tamaño promedio de un grupo cuando los tamaños de las muestras de los grupos no son iguales. La media armónica es el número total de muestras dividido por la suma de los inversos de los tamaños de las muestras.

Curtosis. Medida del grado en que las observaciones están agrupadas en torno al punto central. Para una distribución normal, el valor del estadístico de curtosis es 0. Una curtosis positiva indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran más en el centro de la distribución y presentan colas más estrechas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución leptocúrtica son más gruesas con respecto a una distribución normal. Una curtosis negativa indica que, con respecto a una distribución normal, las observaciones se concentran menos y presentan colas más gruesas hasta los valores extremos de la distribución, en cuyo punto las colas de la distribución platocúrtica son más estrechas con respecto a una distribución normal.

Último. Muestra el último valor de los datos encontrado en el archivo de datos.

Máximo. El mayor valor de una variable numérica.

Media. Una medida de tendencia central. El promedio aritmético, la suma dividida por el número de casos.

Mediana. Es el valor por encima y por debajo del cual se encuentran la mitad de los casos, el percentil 50. Si hay un número par de casos, la mediana es la media de los dos valores centrales, cuando los casos se ordenan en orden ascendente o descendente. La mediana es una medida de tendencia central que no es sensible a los valores atípicos (a diferencia de la media, que puede resultar afectada por unos pocos valores extremadamente altos o bajos).

Mínimo. Valor más pequeño de una variable numérica.

N. Número de casos (observaciones o registros).

Porcentaje del N en. Porcentaje del número de casos para la variable de agrupación especificada dentro de las categorías de otras variables de agrupación. Si sólo tiene una variable de agrupación, este valor es idéntico al porcentaje del número de casos total.

Porcentaje de la suma en. Porcentaje de la suma para la variable de agrupación especificada dentro de las categorías de otras variables de agrupación. Si sólo tiene una variable de agrupación, este valor es idéntico al porcentaje de la suma total.

Porcentaje del N total. Porcentaje del número total de casos en cada categoría.

Porcentaje de la suma total. Porcentaje de la suma total en cada categoría.

Rango. Diferencia entre los valores mayor y menor de una variable numérica; el máximo menos el mínimo.

Asimetría. Medida de la asimetría de una distribución La distribución normal es simétrica y tiene un valor de asimetría igual a 0. Una distribución que tenga una asimetría positiva significativa tiene una cola derecha larga. Una distribución que tenga una asimetría negativa significativa tiene una cola izquierda larga. Como regla aproximada, un valor de la asimetría mayor que el doble de su error típico se asume que indica una desviación de la simetría.

Error típico de la curtosis. La razón de la curtosis sobre su error típico puede utilizarse como contaste de la normalidad (es decir, se puede rechazar la normalidad si la razón es menor que -2 o mayor que +2). Un valor grande y positivo para la curtosis indica que las colas son más largas que las de una distribución normal; por el contrario, un valor extremo y negativo indica que las colas son más cortas (llegando a tener forma de caja como en la distribución uniforme).

Error típico de la asimetría. La razón de la asimetría sobre su error típico puede utilizarse como contaste de la normalidad (es decir, se puede rechazar la normalidad si la razón es menor que -2 o mayor que +2). Un valor grande y positivo para la asimetría indica una cola larga a la derecha; un valor extremo y negativo indica una cola larga por la izquierda

Suma. Suma o total de todos los valores, a lo largo de todos los casos que no tengan valores perdidos.

Varianza. Es una medida de dispersión en torno a la media, igual a la suma de las desviaciones al cuadrado respecto a la media, dividida por el número de casos menos 1. La varianza se mide en unidades que son el cuadrado de las de la variable en cuestión.

Cubos OLAP: Diferencias

Figura 8-3
Cuadro de diálogo Cubos OLAP: Diferencias

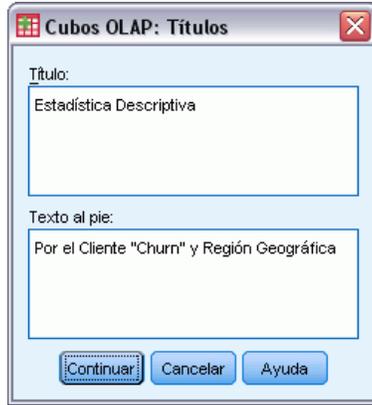
Este cuadro de diálogo le permite calcular el porcentaje y las diferencias aritméticas entre las variables de resumen o entre los grupos definidos por una variable de agrupación. Las diferencias se calculan para todas las medidas seleccionadas en el cuadro de diálogo Cubos OLAP: Estadísticos.

Diferencias entre variables. Calcula las diferencias entre pares de variables. Los valores de los estadísticos de resumen para la segunda variable de cada par (la variable Menos) se restan de los valores de los estadísticos de resumen correspondientes a la primera variable del par. En cuanto a las diferencias de porcentaje, el valor de la variable de resumen para la variable Menos es el que se usa como denominador. Debe seleccionar al menos dos variables de resumen en el cuadro de diálogo principal para poder especificar las diferencias entre las variables.

Diferencias entre grupos de casos. Calcula las diferencias entre pares de grupos definidos por una variable de agrupación. Los valores de los estadísticos de resumen para la segunda categoría de cada par (la variable Menos) se restan de los valores de los estadísticos de resumen correspondientes a la primera categoría del par. Las diferencias de porcentaje utilizan el valor del estadístico de resumen de la categoría Menos como denominador. Debe seleccionar una o más variables de agrupación en el cuadro de diálogo principal para poder especificar las diferencias entre los grupos.

Cubos OLAP: Título

Figura 8-4
Cuadro de diálogo Cubos OLAP: Título



Puede cambiar el título de los resultados o añadir un texto al pie que aparecerá debajo de la tabla de resultados. También puede controlar el ajuste de las líneas de los títulos y de los textos al pie escribiendo `\n` en el lugar del texto donde desee insertar una línea de separación.

Pruebas T

Hay tres tipos de pruebas t :

Prueba T para muestras independientes (prueba T para dos muestras). Compara las medias de una variable para dos grupos de casos. Se ofrecen estadísticos descriptivos para cada grupo y la prueba de Levene sobre la igualdad de las varianzas, así como valores t de igualdad de varianzas y varianzas desiguales y un intervalo de confianza al 95% para la diferencia entre las medias.

Prueba T para muestras relacionadas (prueba T dependiente). Compara las medias de dos variables en un solo grupo. Esta prueba también se utiliza para pares relacionados o diseños de estudio de control de casos. El resultado incluye estadísticos descriptivos de las variables que se van a contrastar, la correlación entre ellas, estadísticos descriptivos de las diferencias emparejadas, la prueba t y un intervalo de confianza al 95%.

Prueba t para una muestra. Compara la media de una variable con un valor conocido o hipotetizado. Se muestran estadísticos descriptivos para las variables de contraste junto con la prueba t . Por defecto, en los resultados se incluye un intervalo de confianza al 95% para la diferencia entre la media de la variable de contraste y el valor hipotetizado de la prueba.

Prueba T para muestras independientes

El procedimiento Prueba T para muestras independientes compara las medias de dos grupos de casos. Lo ideal es que para esta prueba los sujetos se asignen aleatoriamente a dos grupos, de forma que cualquier diferencia en la respuesta sea debida al tratamiento (o falta de tratamiento) y no a otros factores. Este caso no ocurre si se comparan los ingresos medios para hombres y mujeres. El sexo de una persona no se asigna aleatoriamente. En estas situaciones, debe asegurarse de que las diferencias en otros factores no enmascaren o resalten una diferencia significativa entre las medias. Las diferencias de ingresos medios pueden estar sometidas a la influencia de factores como los estudios (y no solamente el sexo).

Ejemplo. Se asigna aleatoriamente un grupo de pacientes con hipertensión arterial a un grupo con placebo y otro con tratamiento. Los sujetos con placebo reciben una pastilla inactiva y los sujetos con tratamiento reciben un nuevo medicamento del cual se espera que reduzca la tensión arterial. Después de tratar a los sujetos durante dos meses, se utiliza la prueba t para dos muestras para comparar la tensión arterial media del grupo con placebo y del grupo con tratamiento. Cada paciente se mide una sola vez y pertenece a un solo grupo.

Estadísticos. Para cada variable: tamaño muestral, media, desviación típica y error típico de la media. Para la diferencia entre las medias: media, error típico e intervalo de confianza (puede especificar el nivel de confianza). Pruebas: prueba de Levene sobre la igualdad de varianzas y pruebas t de varianzas combinadas y separadas sobre la igualdad de las medias.

Datos. Los valores de la variable cuantitativa de interés se hallan en una única columna del archivo de datos. El procedimiento utiliza una variable de agrupación con dos valores para separar los casos en dos grupos. La variable de agrupación puede ser numérica (valores como 1 y 2, o 6,25 y

12,5) o de cadena corta (como *sí* y *no*). También puede usar una variable cuantitativa, como la *edad*, para dividir los casos en dos grupos especificando un punto de corte (el punto de corte 21 divide la *edad* en un grupo de menos de 21 años y otro de más de 21).

Supuestos. Para la prueba *t* de igualdad de varianzas, las observaciones deben ser muestras aleatorias independientes de distribuciones normales con la misma varianza de población. Para la prueba *t* de varianzas desiguales, las observaciones deben ser muestras aleatorias independientes de distribuciones normales. La prueba *t* para dos muestras es bastante robusta a las desviaciones de la normalidad. Al contrastar las distribuciones gráficamente, compruebe que son simétricas y que no contienen valores atípicos.

Para obtener una prueba T para muestras independientes

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Comparar medias > Prueba T para muestras independientes...

Figura 9-1
Cuadro de diálogo Prueba T para muestras independientes



- ▶ Seleccione una o más variables de contraste cuantitativas. Se calcula una prueba *t* para cada variable.
- ▶ Seleccione una sola variable de agrupación y pulse en Definir grupos para especificar dos códigos para los grupos que desee comparar.
- ▶ Si lo desea, puede pulsar en Opciones para controlar el tratamiento de los datos perdidos y el nivel del intervalo de confianza.

Definición de grupos en la prueba T para muestras independientes

Figura 9-2

Cuadro de diálogo Definir grupos para variables numéricas



The dialog box titled "Definir grupos" has a close button (X) in the top right corner. It contains two radio buttons: "Usar valores especificados" (selected) and "Punto de corte:". Under "Usar valores especificados", there are two text input fields: "Grupo 1:" with the value "0" and "Grupo 2:" with the value "1". Under "Punto de corte:", there is an empty text input field. At the bottom, there are three buttons: "Continuar:", "Cancelar", and "Ayuda".

Para las variables de agrupación numéricas, defina los dos grupos de la prueba t especificando dos valores o un punto de corte:

- **Usar valores especificados.** Escriba un valor para el Grupo 1 y otro para el Grupo 2. Los casos con otros valores quedarán excluidos del análisis. Los números no tienen que ser enteros (por ejemplo, 6,25 y 12,5 son válidos).
- **Punto de corte.** Escriba un número que divida los valores de la variable de agrupación en dos conjuntos. Todos los casos con valores menores que el punto de corte forman un grupo y los casos con valores mayores o iguales que el punto de corte forman el otro grupo.

Figura 9-3

Cuadro de diálogo Definir grupos para variables de cadena



The dialog box titled "Definir grupos" has a close button (X) in the top right corner. It contains two text input fields: "Grupo 1:" with the value "femenino" and "Grupo 2:" with the value "masculino". At the bottom, there are three buttons: "Continuar:", "Cancelar", and "Ayuda".

Para las variables de agrupación de cadena, escriba una cadena para el Grupo 1 y otra para el Grupo 2; por ejemplo *sí* y *no*. Los casos con otras cadenas se excluyen del análisis.

Prueba T para muestras independientes: Opciones

Figura 9-4

Cuadro de diálogo Prueba T para muestras independientes: Opciones



The dialog box titled "Prueba T para muestras independientes: Opciones" has a close button (X) in the top right corner. It contains a text input field for "Intervalo de confianza:" with the value "95" and a "%" symbol to its right. Below this is a section titled "Valores perdidos" with two radio buttons: "Excluir casos según análisis" (selected) and "Excluir casos según lista". At the bottom, there are three buttons: "Continuar:", "Cancelar", and "Ayuda".

Intervalo de confianza. Por defecto se muestra un intervalo de confianza al 95% para la diferencia entre las medias. Introduzca un valor entre 1 y 99 para solicitar otro nivel de confianza.

Valores perdidos. Si ha probado varias variables y se han perdido los datos de una o más de ellas, puede indicar al procedimiento qué casos desea incluir (o excluir).

- **Excluir casos según análisis.** Cada prueba t utiliza todos los casos que tienen datos válidos para las variables contrastadas. Los tamaños muestrales pueden variar de una prueba a otra.
- **Excluir casos según lista.** Cada prueba t utiliza sólo aquellos casos que contienen datos válidos para todas las variables utilizadas en las pruebas t solicitadas. El tamaño muestral es constante en todas las pruebas.

Prueba T para muestras relacionadas

El procedimiento Prueba T para muestras relacionadas compara las medias de dos variables de un solo grupo. El procedimiento calcula las diferencias entre los valores de las dos variables de cada caso y contrasta si la media difiere de 0.

Ejemplo. En un estudio sobre la hipertensión sanguínea, se toma la tensión a todos los pacientes al comienzo del estudio, se les aplica un tratamiento y se les toma la tensión otra vez. De esta manera, a cada paciente le corresponden dos medidas, normalmente denominadas medidas *pre* y *post*. Un diseño alternativo para el que se utiliza esta prueba consiste en un estudio de pares relacionados o un estudio de control de casos en el que cada registro en el archivo de datos contiene la respuesta del paciente y de su sujeto de control correspondiente. En un estudio sobre la tensión sanguínea, pueden emparejarse pacientes y controles por edad (un paciente de 75 años con un miembro del grupo de control de 75 años).

Estadísticos. Para cada variable: media, tamaño muestral, desviación típica y error típico de la media. Para cada pareja de variables: correlación, diferencia promedio entre las medias, prueba t de intervalo de confianza para la diferencia entre las medias (puede especificarse el nivel de confianza). Desviación típica y error típico de la diferencia entre las medias.

Datos. Especifique dos variables cuantitativas (nivel de medida de intervalo o de razón) para cada prueba de pares. En un estudio de pares relacionados o de control de casos, la respuesta de cada sujeto de la prueba y su sujeto de control correspondiente deberán hallarse en el mismo caso en el archivo de datos.

Supuestos. Las observaciones de cada par deben hacerse en las mismas condiciones. Las diferencias entre las medias deben estar normalmente distribuidas. Las varianzas de cada variable pueden ser iguales o desiguales.

Para obtener una prueba T para muestras relacionadas

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Comparar medias > Prueba T para muestras relacionadas...

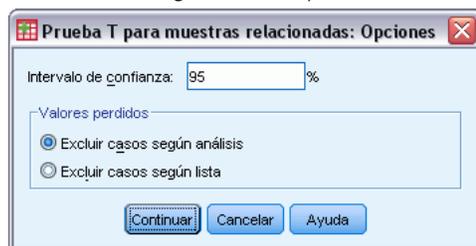
Figura 9-5
Cuadro de diálogo Prueba T para muestras relacionadas



- ▶ Seleccione uno o más pares de variables
- ▶ Si lo desea, puede pulsar en Opciones para controlar el tratamiento de los datos perdidos y el nivel del intervalo de confianza.

Prueba T para muestras relacionadas: Opciones

Figura 9-6
Cuadro de diálogo Prueba T para muestras relacionadas: Opciones



Intervalo de confianza. Por defecto se muestra un intervalo de confianza al 95% para la diferencia entre las medias. Introduzca un valor entre 1 y 99 para solicitar otro nivel de confianza.

Valores perdidos. Si ha probado varias variables y se han perdido los datos de una o más de ellas, puede indicar al procedimiento qué casos desea incluir (o excluir):

- **Excluir casos según análisis.** Cada prueba t utilizará todos los casos que contienen datos válidos para la pareja de variables contrastadas. Los tamaños muestrales pueden variar de una prueba a otra.
- **Excluir casos según lista.** Cada prueba t utilizará únicamente los casos que contengan datos válidos para todas las parejas de variables contrastadas. El tamaño muestral es constante en todas las pruebas.

Prueba T para una muestra

El procedimiento Prueba T para una muestra contrasta si la media de una sola variable difiere de una constante especificada.

Ejemplos. Un investigador desea comprobar si la puntuación media del coeficiente intelectual de un grupo de alumnos difiere de 100. O bien, un fabricante de copos de cereales puede tomar una muestra de envases de la línea de producción y comprobar si el peso medio de las muestras difiere de 1 kg con un nivel de confianza al 95%.

Estadísticos. Para cada variable a contrastar: media, desviación típica y error típico de la media. La diferencia promedio entre cada valor de los datos y el valor de contraste hipotetizado, una prueba t que contrasta que esta diferencia es 0 y un intervalo de confianza para la diferencia promedio (para el que puede especificarse el nivel de confianza).

Datos. Para contrastar los valores de una variable cuantitativa con un valor de contraste hipotetizado, elija una variable cuantitativa e introduzca un valor de contraste hipotetizado.

Supuestos. Esta prueba asume que los datos están normalmente distribuidos; sin embargo, esta prueba es bastante robusto frente a las desviaciones de la normalidad.

Para obtener una prueba T para una muestra

- Elija en los menús:
Analizar > Comparar medias > Prueba T para una muestra...

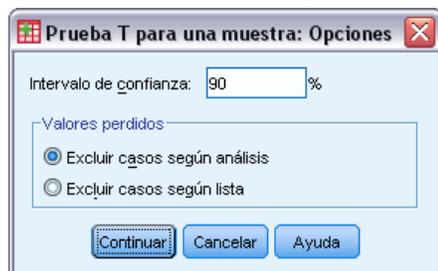
Figura 9-7
Cuadro de diálogo Prueba T para una muestra



- Seleccione una o más variables para contrastarlas con el mismo valor hipotetizado.
- Introduzca un valor de contraste numérico para compararlo con cada media muestral.
- Si lo desea, puede pulsar en Opciones para controlar el tratamiento de los datos perdidos y el nivel del intervalo de confianza.

Prueba T para una muestra: Opciones

Figura 9-8
Cuadro de diálogo Prueba T para una muestra: Opciones



Intervalo de confianza. Por defecto se muestra un intervalo de confianza al 95% para la diferencia entre la media y el valor de contraste hipotetizado. Introduzca un valor entre 1 y 99 para solicitar otro nivel de confianza.

Valores perdidos. Si ha probado varias variables y se han perdido los datos de una o más de ellas, puede indicar al procedimiento qué casos desea incluir (o excluir).

- **Excluir casos según análisis.** Cada prueba t utiliza todos los casos que tienen datos válidos para la variable contrastada. Los tamaños muestrales pueden variar de una prueba a otra.
- **Excluir casos según lista.** Cada prueba t utiliza sólo aquellos casos que contienen datos válidos para todas las variables utilizadas en las pruebas t solicitadas. El tamaño muestral es constante en todas las pruebas.

Funciones adicionales del comando T-TEST

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Producir pruebas t tanto de una sola muestra como de muestras independientes ejecutando un solo comando.
- Contrastar una variable con todas las variables de una lista, en una prueba relacionada (mediante el subcomando `PAIRS`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

ANOVA de un factor

El procedimiento ANOVA de un factor genera un análisis de varianza de un factor para una variable dependiente cuantitativa respecto a una única variable de factor (la variable independiente). El análisis de varianza se utiliza para contrastar la hipótesis de que varias medias son iguales. Esta técnica es una extensión de la prueba *t* para dos muestras.

Además de determinar que existen diferencias entre las medias, es posible que desee saber qué medias difieren. Existen dos tipos de contrastes para comparar medias: a priori y post hoc. Los contrastes a priori se plantean *antes* de ejecutar el experimento y los contrastes post hoc se realizan *después* de haber llevado a cabo el experimento. También puede contrastar las tendencias existentes a través de las categorías.

Ejemplo. Las rosquillas absorben diferentes cantidades de grasa cuando se fríen. Se plantea un experimento utilizando tres tipos de grasas: aceite de cacahuete, aceite de maíz y manteca de cerdo. El aceite de cacahuete y el aceite de maíz son grasas no saturadas y la manteca es una grasa saturada. Además de determinar si la cantidad de grasa absorbida depende del tipo de grasa utilizada, también se podría preparar un contraste a priori para determinar si la cantidad de absorción de la grasa difiere para las grasas saturadas y las no saturadas.

Estadísticos. Para cada grupo: número de casos, media, desviación típica, error típico de la media, mínimo, máximo, intervalo de confianza al 95% para la media. Prueba de Levene sobre la homogeneidad de varianzas, tabla de análisis de varianza y contrastes robustos de igualdad de medias para cada variable dependiente, contrastes a priori especificados por el usuario y las pruebas de rango y de comparaciones múltiples post hoc: Bonferroni, Sidak, diferencia honestamente significativa de Tukey, GT2 de Hochberg, Gabriel, Dunnett, prueba *F* de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch, (R-E-G-W *F*), prueba de rango de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch (R-E-G-W *Q*), T2 de Tamhane, T3 de Dunnett, Games-Howell, *C*, de Dunnett, prueba de rango múltiple de Duncan, Student-Newman-Keuls (S-N-K), *b* de Tukey, Waller-Duncan, Scheffé y diferencia menos significativa.

Datos. Los valores de la variable de factor deben ser enteros y la variable dependiente debe ser cuantitativa (nivel de medida de intervalo).

Supuestos. Cada grupo es una muestra aleatoria independiente procedente de una población normal. El análisis de varianza es robusto a las desviaciones de la normalidad, aunque los datos deberán ser simétricos. Los grupos deben proceder de poblaciones con varianzas iguales. Para contrastar este supuesto, utilice la prueba de Levene de homogeneidad de varianzas.

Para obtener un análisis de varianza de un factor

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Comparar medias > ANOVA de un factor...

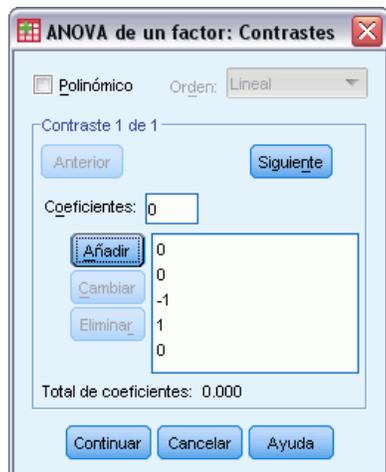
Figura 10-1
Cuadro de diálogo ANOVA de un factor



- ▶ Seleccione una o más variables dependientes.
- ▶ Seleccione una sola variable de factor independiente.

ANOVA de un factor: Contrastes

Figura 10-2
Cuadro de diálogo ANOVA de un factor: Contrastes



Puede dividir las sumas de cuadrados inter-grupos en componentes de tendencia o especificar contrastes a priori.

Polinómico. Divide las sumas de cuadrados inter-grupos en componentes de tendencia. Puede contrastar la existencia de tendencia en la variable dependiente a través de los niveles ordenados de la variable de factor. Por ejemplo, podría contrastar si existe una tendencia lineal (creciente o decreciente) en el salario, a través de los niveles ordenados de la titulación mayor obtenida.

- **Orden.** Se puede elegir un orden polinómico 1°, 2°, 3°, 4° o 5°.

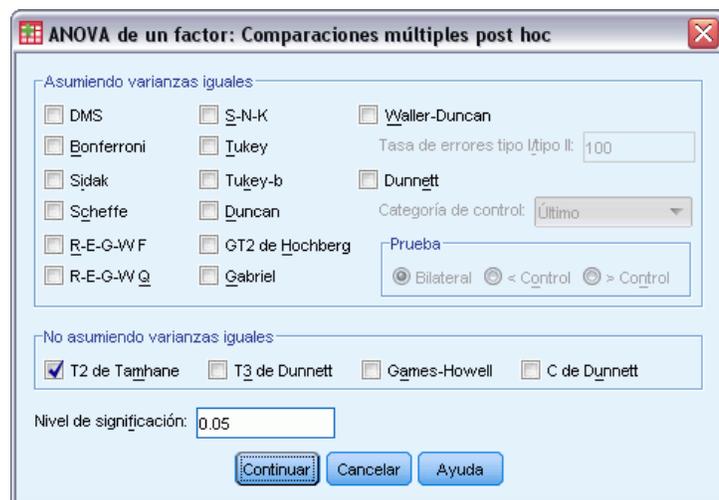
Coefficientes. Contrastes a priori especificados por el usuario que serán contrastados mediante el estadístico t . Introduzca un coeficiente para cada grupo (categoría) de la variable factor y pulse en Añadir después de cada entrada. Cada nuevo valor se añade al final de la lista de coeficientes. Para especificar conjuntos de contrastes adicionales, pulse en Siguiente. Utilice Siguiente y Anterior para desplazarse por los conjuntos de contrastes.

El orden de los coeficientes es importante porque se corresponde con el orden ascendente de los valores de las categorías de la variable de factor. El primer coeficiente en la lista se corresponde con el menor de los valores de grupo en la variable de factor y el último coeficiente se corresponde con el valor más alto. Por ejemplo, si existen seis categorías en la variable factor, los coeficientes $-1, 0, 0, 0, 0,5$ y $0,5$ contrastan el primer grupo con los grupos quinto y sexto. Para la mayoría de las aplicaciones, la suma de los coeficientes debería ser 0. Los conjuntos que no sumen 0 también se pueden utilizar, pero aparecerá un mensaje de advertencia.

ANOVA de un factor: Contrastes post hoc

Figura 10-3

Cuadro de diálogo ANOVA de un factor: Comparaciones múltiples post hoc



Una vez que se ha determinado que existen diferencias entre las medias, las pruebas de rango post hoc y las comparaciones múltiples por parejas permiten determinar qué medias difieren. Las pruebas de rango identifican subconjuntos homogéneos de medias que no se diferencian entre sí. Las comparaciones múltiples por parejas contrastan la diferencia entre cada pareja de medias y generan una matriz donde los asteriscos indican las medias de grupo significativamente diferentes a un nivel alfa de 0,05.

Asumiendo varianzas iguales

La prueba de la diferencia honestamente significativa de Tukey, la GT2 de Hochberg, la prueba de Gabriel y la prueba de Scheffé son pruebas de comparaciones múltiples y pruebas de rango. Otras pruebas de rango disponibles son la b de Tukey, S-N-K (Student-Newman-Keuls), Duncan, R-E-G-W F (prueba F de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch), R-E-G-W Q (prueba de rango de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch) y Waller-Duncan. Las pruebas de comparaciones múltiples

disponibles son Bonferroni, Diferencia honestamente significativa de Tukey, Sidak, Gabriel, Hochberg, Dunnett, Scheffé y DMS (diferencia menos significativa).

- **DMS.** Utiliza pruebas t para realizar todas las comparaciones por pares entre las medias de los grupos. La tasa de error no se corrige para realizar múltiples comparaciones.
- **Bonferroni.** Utiliza las pruebas de t para realizar comparaciones por pares entre las medias de los grupos, pero controla la tasa de error global estableciendo que la tasa de error de cada prueba sea igual a la tasa de error por experimento dividida entre el número total de contrastes. Así, se corrige el nivel crítico por el hecho de que se están realizando múltiples comparaciones.
- **Sidak.** Prueba de comparaciones múltiples por parejas basada en un estadístico t. La prueba de Sidak corrige el nivel de significación para las comparaciones múltiples y da lugar a límites más estrechos que los de Bonferroni.
- **Scheffé.** Realiza comparaciones múltiples conjuntas por parejas para todas las parejas de combinaciones de las medias posibles. Utiliza la distribución muestral F. Puede utilizarse para examinar todas las combinaciones lineales de grupos de medias posibles, no sólo las comparaciones por parejas.
- **R-E-G-W F.** Procedimiento múltiple por pasos de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch que se basa en una prueba F.
- **R-E-G-W Q.** Procedimiento múltiple por pasos de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch que se basa en el rango estudentizado.
- **S-N-K.** Realiza todas las comparaciones por parejas entre las medias utilizando la distribución del rango de Student. Con tamaños de muestras iguales, también compara pares de medias dentro de subconjuntos homogéneos utilizando un procedimiento por pasos. Las medias se ordenan de mayor a menor y se comparan primero las diferencias más extremas.
- **Tukey.** Utiliza el estadístico del rango estudentizado para realizar todas las comparaciones por pares entre los grupos. Establece la tasa de error por experimento como la tasa de error para el conjunto de todas las comparaciones por pares.
- **Tukey-b.** Prueba que emplea la distribución del rango estudentizado para realizar comparaciones por pares entre los grupos. El valor crítico es el promedio de los valores correspondientes a la diferencia honestamente significativa de Tukey y al método de Student-Newman-Keuls.
- **Duncan.** Realiza comparaciones por pares utilizando un orden por pasos idéntico al orden usado por la prueba de Student-Newman-Keuls, pero establece un nivel de protección en la tasa de error para la colección de contrastes, en lugar de usar una tasa de error para los contrastes individuales. Utiliza el estadístico del rango estudentizado.
- **GT2 de Hochberg.** Prueba de comparaciones múltiples y de rango que utiliza el módulo máximo estudentizado. Es similar a la prueba de la diferencia honestamente significativa de Tukey.
- **Gabriel.** Prueba de comparación por parejas que utiliza el módulo máximo estudentizado y que es generalmente más potente que la GT2 de Hochberg, si los tamaños de las casillas son desiguales. La prueba de Gabriel se puede convertir en liberal cuando los tamaños de las casillas varían mucho.

- **Waller-Duncan.** Prueba de comparaciones múltiples basada en un estadístico *t*. Utiliza la aproximación Bayesiana.
- **Dunnnett.** Prueba de comparaciones múltiples por parejas que compara un conjunto de tratamientos respecto a una única media de control. La última categoría es la categoría de control por defecto. Si lo desea, puede seleccionar la primera categoría. Para comprobar que la media de cualquier nivel del factor (excepto la categoría de control) no es igual a la de la categoría de control, utilice una prueba bilateral. Para contrastar si la media en cualquier nivel del factor es menor que la de la categoría de control, seleccione <Control. Para contrastar si la media en cualquier nivel del factor es mayor que la de la categoría de control, seleccione >Control.

No asumiendo varianzas iguales

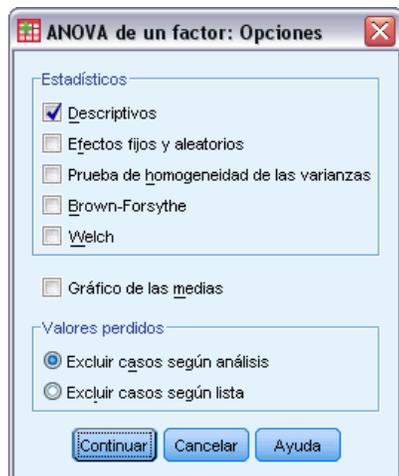
Las pruebas de comparaciones múltiples que no suponen varianzas iguales son T2 de Tamhane, T3 de Dunnnett, Games-Howell y C de Dunnnett.

- **T2 de Tamhane.** Prueba de comparaciones múltiples por parejas basada en una prueba *t*. Esta prueba es adecuada cuando las varianzas son desiguales.
- **T3 de Dunnnett.** Prueba de comparación por parejas basada en el módulo máximo estudentizado. Esta prueba es adecuada cuando las varianzas son desiguales.
- **Games-Howell.** Prueba de comparación por parejas que es en ocasiones liberal. Esta prueba es adecuada cuando las varianzas son desiguales.
- **C de Dunnnett.** Prueba de comparación por parejas basada en el rango estudentizado. Esta prueba es adecuada cuando las varianzas son desiguales.

Nota: Posiblemente le resulte más fácil interpretar el resultado de los contrastes post hoc si desactiva Ocultar filas y columnas vacías en el cuadro de diálogo Propiedades de tabla (en una tabla pivote activada, seleccione Propiedades de tabla en el menú Formato).

ANOVA de un factor: Opciones

Figura 10-4
Cuadro de diálogo ANOVA de un factor: Opciones



Estadísticos. Elija uno o más entre los siguientes:

- **Descriptivos.** Calcula los siguientes estadísticos: Número de casos, Media, Desviación típica, Error típico de la media, Mínimo, Máximo y los Intervalos de confianza al 95% de cada variable dependiente para cada grupo.
- **Efectos fijos y aleatorios.** Muestra la desviación típica, el error típico y un intervalo de confianza del 95% para el modelo de efectos fijos, y el error típico, un intervalo de confianza del 95% y una estimación de la varianza entre componentes para el modelo de efectos aleatorios.
- **Prueba de homogeneidad de las varianzas.** Calcula el estadístico de Levene para contrastar la igualdad de las varianzas de grupo. Esta prueba no depende del supuesto de normalidad.
- **Brown-Forsythe.** Calcula el estadístico de Brown-Forsythe para contrastar la igualdad de las medias de grupo. Este estadístico es preferible al estadístico F si no se supone la igualdad de las varianzas.
- **Welch.** Calcula el estadístico de Welch para contrastar la igualdad de las medias de grupo. Este estadístico es preferible al estadístico F si no se supone la igualdad de las varianzas.

Gráfico de las medias. Muestra un gráfico que representa las medias de los subgrupos (las medias para cada grupo definido por los valores de la variable factor).

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según análisis.** Un caso que tenga un valor perdido para la variable dependiente o la variable de factor en un análisis determinado, no se utiliza en ese análisis. Además, los casos fuera del rango especificado para la variable de factor no se utilizan.
- **Excluir casos según lista.** Se excluyen de todos los análisis los casos con valores perdidos para la variable de factor o para cualquier variable dependiente incluida en la lista de variables dependientes en el cuadro de diálogo principal. Si no se han especificado varias variables dependientes, esta opción no surte efecto.

Funciones adicionales del comando ONEWAY

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Obtener estadísticos de efectos fijos y aleatorios. Desviación típica, error típico de la media e intervalos de confianza al 95% para el modelo de efectos fijos. Error típico, intervalos de confianza al 95% y estimación de la varianza entre componentes para el modelo de efectos aleatorios (mediante `STATISTICS=EFFECTS`).
- Especificar niveles alfa para la diferencia menor significativa, Bonferroni, pruebas de comparación múltiple de Duncan y Scheff (con el subcomando `RANGES`).
- Escribir una matriz de medias, desviaciones típicas y frecuencias, o leer una matriz de medias, frecuencias, varianzas combinadas y grados de libertad para las varianzas combinadas. Estas matrices pueden utilizarse en lugar de los datos brutos para obtener un análisis de varianza de un factor (con el subcomando `MATRIX`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

MLG Análisis univariante

El procedimiento MLG Univariante proporciona un análisis de regresión y un análisis de varianza para una variable dependiente mediante uno o más factores o variables. Las variables de factor dividen la población en grupos. Con el procedimiento Modelo lineal general se pueden contrastar hipótesis nulas sobre los efectos de otras variables en las medias de varias agrupaciones de una única variable dependiente. Se pueden investigar las interacciones entre los factores así como los efectos de los factores individuales, algunos de los cuales pueden ser aleatorios. Además, se pueden incluir los efectos de las covariables y las interacciones de covariables con los factores. Para el análisis de regresión, las variables (predictoras) independientes se especifican como covariables.

Se pueden contrastar tanto los modelos equilibrados como los no equilibrados. Se considera que un diseño está equilibrado si cada casilla del modelo contiene el mismo número de casos. Además de contrastar hipótesis, MLG Univariante genera estimaciones de los parámetros.

También se encuentran disponibles los contrastes a priori de uso más habitual para contrastar las hipótesis. Además, si una prueba F global ha mostrado cierta significación, pueden emplearse las pruebas post hoc para evaluar las diferencias entre las medias específicas. Las medias marginales estimadas ofrecen estimaciones de valores de las medias pronosticados para las casillas del modelo; los gráficos de perfil (gráficos de interacciones) de estas medias permiten observar fácilmente algunas de estas relaciones.

En su archivo de datos puede guardar residuos, valores pronosticados, distancia de Cook y valores de influencia como variables nuevas para comprobar los supuestos.

Ponderación MCP permite especificar una variable usada para aplicar a las observaciones una ponderación diferente en un análisis de mínimos cuadrados ponderados (MCP), por ejemplo para compensar la distinta precisión de las medidas.

Ejemplo. Se recogen datos de los corredores individuales en el maratón de Chicago durante varios años. El tiempo final de cada corredor es la variable dependiente. Influyen otros factores como el clima (frío, calor o temperatura agradable), los meses de entrenamiento, el número de maratones anteriores y el sexo. La edad se considera una covariable. Observará que el sexo es un efecto significativo y que la interacción del sexo con el clima es significativa.

Métodos. Las sumas de cuadrados de Tipo I, Tipo II, Tipo III y Tipo IV pueden emplearse para evaluar las diferentes hipótesis. Tipo III es el valor por defecto.

Estadísticos. Las pruebas de rango post hoc y las comparaciones múltiples: Diferencia menos significativa (DMS), Bonferroni, Sidak, Scheffé, Múltiples F de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch (R-E-G-W-F), Rango múltiple de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch, Student-Newman-Keuls (S-N-K), Diferencia honestamente significativa de Tukey, b de Tukey, Duncan, GT2 de Hochberg, Gabriel, Pruebas t de Waller Duncan, Dunnett (unilateral y bilateral), T2 de Tamhane, T3 de Dunnett, Games-Howell y C de Dunnett. Estadísticos descriptivos: medias observadas, desviaciones típicas y frecuencias de todas las variables dependientes en todas las casillas. Prueba de Levene para la homogeneidad de varianzas.

Diagramas. Diagramas de dispersión por nivel, gráficos de residuos, gráficos de perfil (interacción).

Datos. La variable dependiente es cuantitativa. Los factores son categóricos; pueden tener valores numéricos o valores de cadena de hasta ocho caracteres. Pueden tener valores numéricos o valores de cadena de hasta ocho caracteres. Las covariables son variables cuantitativas que están relacionadas con la variable dependiente.

Supuestos. Los datos son una muestra aleatoria de una población normal; en la población, todas las varianzas de las casillas son iguales. El análisis de varianza es robusto a las desviaciones de la normalidad, aunque los datos deberán ser simétricos. Para comprobar los supuestos, puede utilizar la prueba de homogeneidad de varianzas y los gráficos de dispersión por nivel. También puede examinar los residuos y los gráficos de residuos.

Para obtener un análisis MLG Univariante

- Elija en los menús:
Analizar > Modelo lineal general > Univariante...

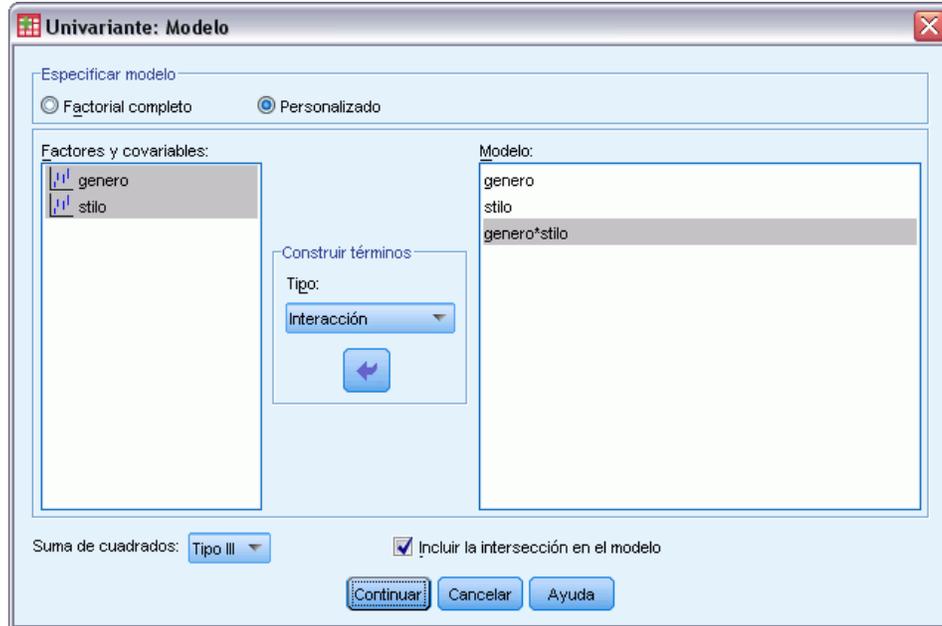
Figura 11-1
Cuadro de diálogo MLG Univariante



- Seleccione una variable dependiente.
- Seleccione variables para Factores fijos, Factores aleatorios y Covariables, en función de los datos.
- Si lo desea, puede utilizar la Ponderación MCP para especificar una variable de ponderación para el análisis de mínimos cuadrados ponderados. Si el valor de la variable de ponderación es cero, negativo o perdido, el caso queda excluido del análisis. Una variable que ya se haya utilizado en el modelo no puede usarse como variable de ponderación.

MLG: Modelo

Figura 11-2
Cuadro de diálogo Univariante: Modelo



Especificar modelo. Un modelo factorial completo contiene todos los efectos principales del factor, todos los efectos principales de las covariables y todas las interacciones factor por factor. No contiene interacciones de covariable. Seleccione Personalizado para especificar sólo un subconjunto de interacciones o para especificar interacciones factor por covariable. Indique todos los términos que desee incluir en el modelo.

Factores y Covariables. Muestra una lista de los factores y las covariables.

Modelo. El modelo depende de la naturaleza de los datos. Después de seleccionar Personalizado, puede elegir los efectos principales y las interacciones que sean de interés para el análisis.

Suma de cuadrados Determina el método para calcular las sumas de cuadrados. Para los modelos equilibrados y no equilibrados sin casillas perdidas, el método más utilizado para la suma de cuadrados es el Tipo III.

Incluir la intersección en el modelo. La intersección se incluye normalmente en el modelo. Si supone que los datos pasan por el origen, puede excluir la intersección.

Construir términos

Para las covariables y los factores seleccionados:

Interacción. Crea el término de interacción de mayor nivel con todas las variables seleccionadas. Este es el método por defecto.

Efectos principales. Crea un término de efectos principales para cada variable seleccionada.

Todas de 2. Crea todas las interacciones dobles posibles de las variables seleccionadas.

Todas de 3. Crea todas las interacciones triples posibles de las variables seleccionadas.

Todas de 4. Crea todas las interacciones cuádruples posibles de las variables seleccionadas.

Todas de 5. Crea todas las interacciones quintuples posibles de las variables seleccionadas.

Suma de cuadrados

Para el modelo, puede elegir un tipo de suma de cuadrados. El Tipo III es el más utilizado y es el tipo por defecto.

Tipo I. Este método también se conoce como el método de descomposición jerárquica de la suma de cuadrados. Cada término se corrige sólo respecto al término que le precede en el modelo. El método Tipo I para la obtención de sumas de cuadrados se utiliza normalmente para:

- Un modelo ANOVA equilibrado en el que se especifica cualquier efecto principal antes de cualquier efecto de interacción de primer orden, cualquier efecto de interacción de primer orden se especifica antes de cualquier efecto de interacción de segundo orden, y así sucesivamente.
- Un modelo de regresión polinómica en el que se especifica cualquier término de orden inferior antes que cualquier término de orden superior.
- Un modelo puramente anidado en el que el primer efecto especificado está anidado dentro del segundo efecto especificado, el segundo efecto especificado está anidado dentro del tercero, y así sucesivamente. Esta forma de anidamiento solamente puede especificarse utilizando la sintaxis.

Tipo II. Este método calcula cada suma de cuadrados del modelo considerando sólo los efectos pertinentes. Un efecto pertinente es el que corresponde a todos los efectos que no contienen el que se está examinando. El método Tipo II para la obtención de sumas de cuadrados se utiliza normalmente para:

- Un modelo ANOVA equilibrado.
- Cualquier modelo que sólo tenga efectos de factor principal.
- Cualquier modelo de regresión.
- Un diseño puramente anidado (esta forma de anidamiento solamente puede especificarse utilizando la sintaxis).

Tipo III. Es el método por defecto. Este método calcula las sumas de cuadrados de un efecto del diseño como las sumas de cuadrados corregidas respecto a cualquier otro efecto que no lo contenga y ortogonales a cualquier efecto (si existe) que lo contenga. Las sumas de cuadrados de Tipo III tienen una gran ventaja por ser invariables respecto a las frecuencias de casilla, siempre que la forma general de estimabilidad permanezca constante. Así, este tipo de sumas de cuadrados se suele considerar de gran utilidad para un modelo no equilibrado sin casillas perdidas. En un diseño factorial sin casillas perdidas, este método equivale a la técnica de cuadrados ponderados de las medias de Yates. El método Tipo III para la obtención de sumas de cuadrados se utiliza normalmente para:

- Cualquiera de los modelos que aparecen en los tipos I y II.
- Cualquier modelo equilibrado o desequilibrado sin casillas vacías.

Tipo IV. Este método está diseñado para una situación en la que hay casillas perdidas. Para cualquier efecto F en el diseño, si F no está contenida en cualquier otro efecto, entonces Tipo IV = Tipo III = Tipo II. Cuando F está contenida en otros efectos, el Tipo IV distribuye equitativamente los contrastes que se realizan entre los parámetros en F a todos los efectos de nivel superior. El método Tipo IV para la obtención de sumas de cuadrados se utiliza normalmente para:

- Cualquiera de los modelos que aparecen en los tipos I y II.
- Cualquier modelo equilibrado o no equilibrado con casillas vacías.

MLG: Contrastes

Figura 11-3
Cuadro de diálogo Univariante: Contrastes



Los contrastes se utilizan para contrastar las diferencias entre los niveles de un factor. Puede especificar un contraste para cada factor en el modelo (en un modelo de medidas repetidas, para cada factor inter-sujetos). Los contrastes representan las combinaciones lineales de los parámetros.

El contraste de hipótesis se basa en la hipótesis nula $\mathbf{LB} = 0$, donde \mathbf{L} es la matriz de coeficientes de contraste y \mathbf{B} es el vector de parámetros. Cuando se especifica un contraste, se crea una matriz \mathbf{L} . Las columnas de la matriz \mathbf{L} correspondientes al factor coinciden con el contraste. El resto de las columnas se corrigen para que la matriz \mathbf{L} sea estimable.

Los resultados incluyen un estadístico F para cada conjunto de contrastes. Para el contraste de diferencias también se muestran los intervalos de confianza simultáneos de tipo Bonferroni basados en la distribución t de Student.

Contrastes disponibles

Los contrastes disponibles son de desviación, simples, de diferencias, de Helmert, repetidos y polinómicos. En los contrastes de desviación y los contrastes simples, es posible determinar que la categoría de referencia sea la primera o la última categoría.

Tipos de contrastes

Desviación. Compara la media de cada nivel (excepto una categoría de referencia) con la media de todos los niveles (media global). Los niveles del factor pueden colocarse en cualquier orden.

Simple. Compara la media de cada nivel con la media de un nivel especificado. Este tipo de contraste resulta útil cuando existe un grupo de control. Puede seleccionar la primera o la última categoría como referencia.

Diferencia. Compara la media de cada nivel (excepto el primero) con la media de los niveles anteriores (a veces también se denominan contrastes de Helmert inversos). (a veces también se denominan contrastes de Helmert inversos).

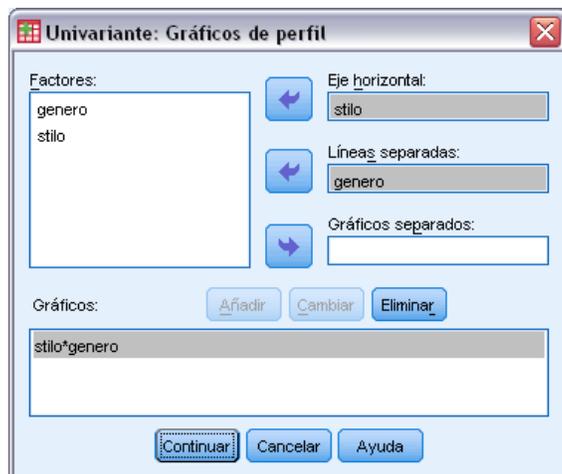
Helmert. Compara la media de cada nivel del factor (excepto el último) con la media de los niveles siguientes.

Repetidas. Compara la media de cada nivel (excepto el último) con la media del nivel siguiente.

Polinómico. Compara el efecto lineal, cuadrático, cúbico, etc. El primer grado de libertad contiene el efecto lineal a través de todas las categorías; el segundo grado de libertad, el efecto cuadrático, y así sucesivamente. Estos contrastes se utilizan a menudo para estimar las tendencias polinómicas.

MLG: Gráficos de perfil

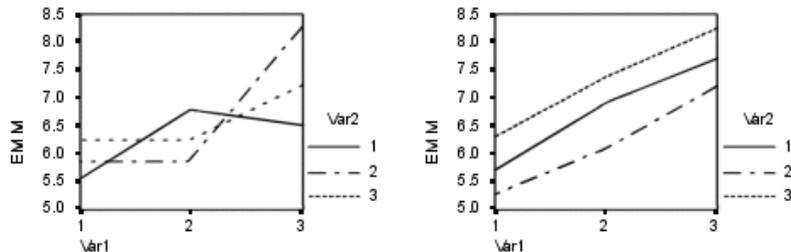
Figura 11-4
Cuadro de diálogo Univariante: Gráficos de perfil



Los gráficos de perfil (gráficos de interacción) sirven para comparar las medias marginales en el modelo. Un gráfico de perfil es un gráfico de líneas en el que cada punto indica la media marginal estimada de una variable dependiente (corregida respecto a las covariables) en un nivel de un factor. Los niveles de un segundo factor se pueden utilizar para generar líneas diferentes. Cada nivel en un tercer factor se puede utilizar para crear un gráfico diferente. Todos los factores fijos y aleatorios, si existen, están disponibles para los gráficos. Para los análisis multivariantes, los gráficos de perfil se crean para cada variable dependiente. En un análisis de medidas repetidas, es posible utilizar tanto los factores inter-sujetos como los intra-sujetos en los gráficos de perfil. Las opciones MLG - Multivariante y MLG - Medidas repetidas sólo estarán disponibles si tiene instalada la opción Estadísticas avanzadas.

Un gráfico de perfil de un factor muestra si las medias marginales estimadas aumentan o disminuyen a través de los niveles. Para dos o más factores, las líneas paralelas indican que no existe interacción entre los factores, lo que significa que puede investigar los niveles de un único factor. Las líneas no paralelas indican una interacción.

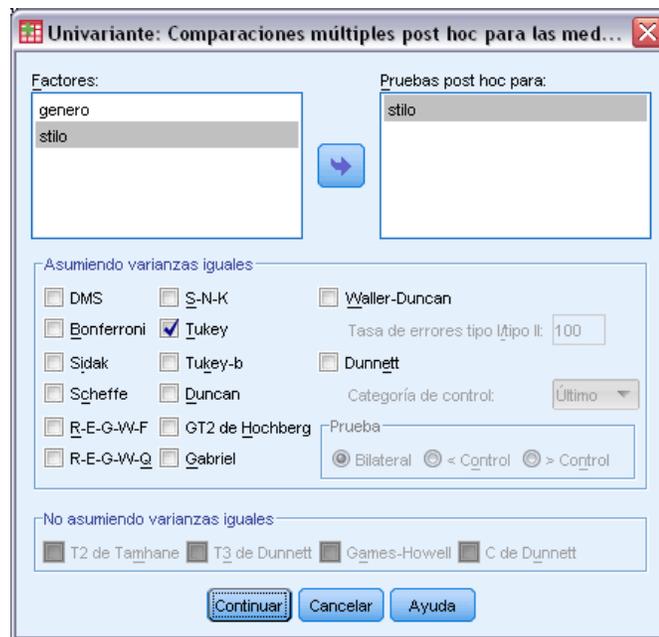
Figura 11-5
Gráfico no paralelo (izquierda) y gráfico paralelo (derecha)



Después de especificar un gráfico mediante la selección de los factores del eje horizontal y, de manera opcional, los factores para distintas líneas y gráficos, el gráfico deberá añadirse a la lista de gráficos.

MLG: Comparaciones post hoc

Figura 11-6
Cuadro de diálogo Post hoc



Pruebas de comparaciones múltiples post hoc Una vez que se ha determinado que existen diferencias entre las medias, las pruebas de rango post hoc y las comparaciones múltiples por parejas permiten determinar qué medias difieren. Las comparaciones se realizan sobre valores sin corregir. Estas pruebas se utilizan únicamente para factores inter-sujetos fijos. En MLG Medidas repetidas, estas pruebas no están disponibles si no existen factores inter-sujetos y las pruebas de

comparación múltiple post hoc se realizan para la media a través de los niveles de los factores intra-sujetos. Para MLG - Multivariante, las pruebas post hoc se realizan por separado para cada variable dependiente. Las opciones MLG - Multivariante y MLG - Medidas repetidas sólo estarán disponibles si tiene instalada la opción Estadísticas avanzadas.

Las pruebas de diferencia honestamente significativa de Tukey y de Bonferroni son pruebas de comparación múltiple muy utilizadas. La **prueba de Bonferroni**, basada en el estadístico t de Student, corrige el nivel de significación observado por el hecho de que se realizan comparaciones múltiples. La **prueba t de Sidak** también corrige el nivel de significación y da lugar a límites más estrechos que los de Bonferroni. La **prueba de diferencia honestamente significativa de Tukey** utiliza el estadístico del rango estudentizado para realizar todas las comparaciones por pares entre los grupos y establece la tasa de error por experimento como la tasa de error para el conjunto de todas las comparaciones por pares. Cuando se contrasta un gran número de pares de medias, la prueba de la diferencia honestamente significativa de Tukey es más potente que la prueba de Bonferroni. Para un número reducido de pares, Bonferroni es más potente.

GT2 de Hochberg es similar a la prueba de la diferencia honestamente significativa de Tukey, pero se utiliza el módulo máximo estudentizado. La prueba de Tukey suele ser más potente. La **prueba de comparación por parejas de Gabriel** también utiliza el módulo máximo estudentizado y es generalmente más potente que la GT2 de Hochberg cuando los tamaños de las casillas son desiguales. La prueba de Gabriel se puede convertir en liberal cuando los tamaños de las casillas varían mucho.

La **prueba t de comparación múltiple por parejas de Dunnett** compara un conjunto de tratamientos con una media de control simple. La última categoría es la categoría de control por defecto. Si lo desea, puede seleccionar la primera categoría. Asimismo, puede elegir una prueba unilateral o bilateral. Para comprobar que la media de cualquier nivel del factor (excepto la categoría de control) no es igual a la de la categoría de control, utilice una prueba bilateral. Para contrastar si la media en cualquier nivel del factor es menor que la de la categoría de control, seleccione $<$ Control. Asimismo, para contrastar si la media en cualquier nivel del factor es mayor que la de la categoría de control, seleccione $>$ Control.

Ryan, Einot, Gabriel y Welsch (R-E-G-W) desarrollaron dos pruebas de rangos múltiples por pasos. Los procedimientos múltiples por pasos (por tamaño de las distancias) contrastan en primer lugar si todas las medias son iguales. Si no son iguales, se contrasta la igualdad en los subconjuntos de medias. **R-E-G-W F** se basa en una prueba F y **R-E-G-W Q** se basa en un rango estudentizado. Estas pruebas son más potentes que la prueba de rangos múltiples de Duncan y Student-Newman-Keuls (que también son procedimientos múltiples por pasos), pero no se recomiendan para tamaños de casillas desiguales.

Cuando las varianzas son desiguales, utilice **T2 de Tamhane** (prueba conservadora de comparación por parejas basada en una prueba t), **T3 de Dunnett** (prueba de comparación por parejas basada en el módulo máximo estudentizado), **prueba de comparación por parejas Games-Howell** (a veces liberal), o **C de Dunnett** (prueba de comparación por parejas basada en el rango estudentizado). Tenga en cuenta que estas pruebas no son válidas y no se realizarán si el modelo tiene múltiples factores.

La **prueba de rango múltiple de Duncan**, Student-Newman-Keuls (S-N-K) y **b de Tukey** son pruebas de rango que asignan rangos a medias de grupo y calculan un valor de rango. Estas pruebas no se utilizan con la misma frecuencia que las pruebas anteriormente mencionadas.

La **prueba t de Waller-Duncan** utiliza la aproximación bayesiana. Esta prueba de rango emplea la media armónica del tamaño muestral cuando los tamaños muestrales no son iguales.

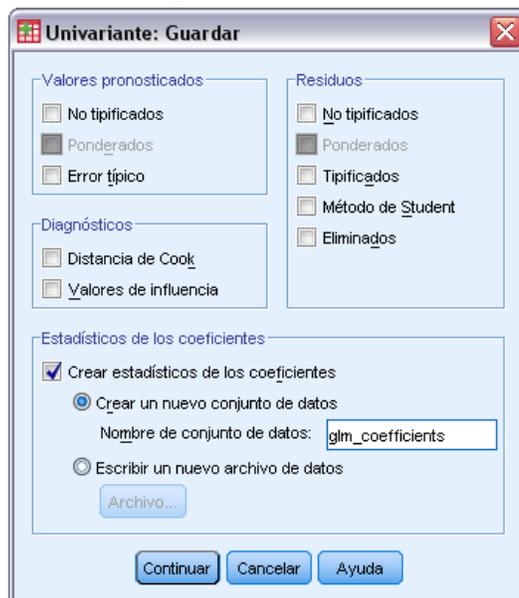
El nivel de significación de la prueba de **Scheffé** está diseñado para permitir todas las combinaciones lineales posibles de las medias de grupo que se van a contrastar, no sólo las comparaciones por parejas disponibles en esta función. El resultado es que la prueba de Scheffé es normalmente más conservadora que otras pruebas, lo que significa que se precisa una mayor diferencia entre las medias para la significación.

La prueba de comparación múltiple por parejas de la diferencia menos significativa (**DMS**) es equivalente a varias pruebas t individuales entre todos los pares de grupos. La desventaja de esta prueba es que no se realiza ningún intento de corregir el nivel crítico para realizar las comparaciones múltiples.

Pruebas mostradas. Se proporcionan comparaciones por parejas para DMS, Sidak, Bonferroni, Games-Howell, T2 y T3 de Tamhane, C de Dunnett y T3 de Dunnett. También se facilitan subconjuntos homogéneos para S-N-K, b de Tukey, Duncan, R-E-G-W F , R-E-G-W Q y Waller. La prueba de la diferencia honestamente significativa de Tukey, la GT2 de Hochberg, la prueba de Gabriel y la prueba de Scheffé son pruebas de comparaciones múltiples y pruebas de rango.

MLG: Guardar

Figura 11-7
Cuadro de diálogo Guardar



Es posible guardar los valores pronosticados por el modelo, los residuos y las medidas relacionadas como variables nuevas en el Editor de datos. Muchas de estas variables se pueden utilizar para examinar supuestos sobre los datos. Si desea almacenar los valores para utilizarlos en otra sesión de IBM® SPSS® Statistics, guárdelos en el archivo de datos actual.

Valores pronosticados. Son los valores que predice el modelo para cada caso.

- **No tipificados.** Valor pronosticado por el modelo para la variable dependiente.

- **Ponderados.** Valores pronosticados no tipificados ponderados. Sólo están disponibles si se seleccionó previamente una variable de ponderación MCP.
- **Error típico.** Estimación de la desviación típica del valor promedio de la variable dependiente para los casos que tengan los mismos valores en las variables independientes.

Diagnósticos. Son medidas para identificar casos con combinaciones poco usuales de valores para los casos y las variables independientes que puedan tener un gran impacto en el modelo.

- **Distancia de Cook.** Una medida de cuánto cambiarían los residuos de todos los casos si un caso particular se excluyera del cálculo de los coeficientes de regresión. Una Distancia de Cook grande indica que la exclusión de ese caso del cálculo de los estadísticos de regresión hará variar substancialmente los coeficientes.
- **Valores de influencia.** Valores de influencia no centrados. La influencia relativa de una observación en el ajuste del modelo.

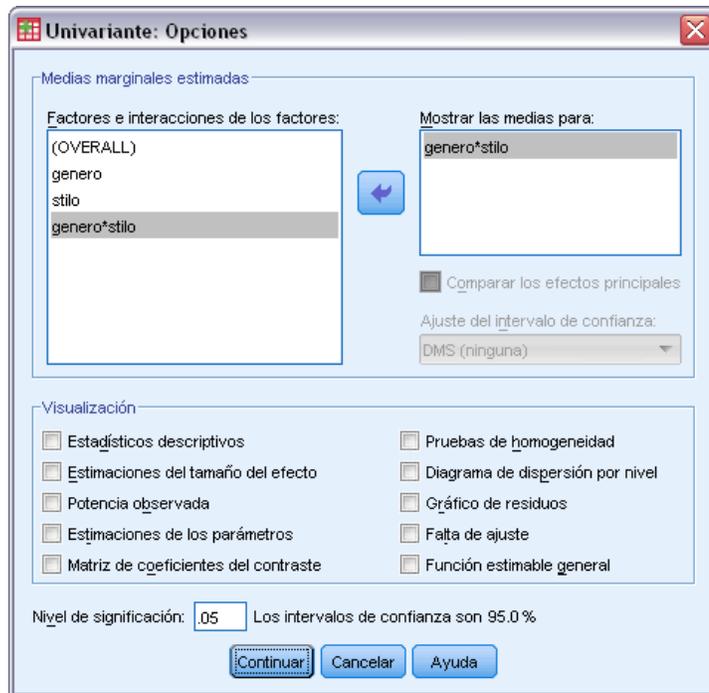
Residuos. Un residuo no tipificado es el valor real de la variable dependiente menos el valor pronosticado por el modelo. También se encuentran disponibles residuos eliminados, estudentizados y tipificados. Si ha seleccionado una variable MCP, contará además con residuos no tipificados ponderados.

- **No tipificados.** Diferencia entre un valor observado y el valor pronosticado por el modelo.
- **Ponderados.** Residuos no tipificados ponderados. Sólo están disponibles si se seleccionó previamente una variable de ponderación MCP.
- **Tipificados.** El residuo dividido por una estimación de su error típico. Los residuos tipificados, que son conocidos también como los residuos de Pearson o residuos estandarizados, tienen una media de 0 y una desviación típica de 1.
- **Método de Student.** Residuo dividido por una estimación de su desviación típica que varía de caso en caso, dependiendo de la distancia de los valores de cada caso en las variables independientes respecto a las medias en las variables independientes.
- **Eliminados.** Residuo para un caso cuando éste se excluye del cálculo de los coeficientes de la regresión. Es igual a la diferencia entre el valor de la variable dependiente y el valor pronosticado corregido.

Estadísticos de los coeficientes. Escribe una matriz varianza-covarianza de las estimaciones de los parámetros del modelo en un nuevo conjunto de datos de la sesión actual o un archivo de datos externo de SPSS Statistics. Asimismo, para cada variable dependiente habrá una fila de estimaciones de los parámetros, una fila de valores de significación para los estadísticos t correspondientes a las estimaciones de los parámetros y una fila de grados de libertad de los residuos. En un modelo multivariante, existen filas similares para cada variable dependiente. Si lo desea, puede usar este archivo matricial en otros procedimientos que lean archivos matriciales.

Opciones MLG

Figura 11-8
Cuadro de diálogo Opciones



Este cuadro de diálogo contiene estadísticos opcionales. Los estadísticos se calculan utilizando un modelo de efectos fijos.

Medias marginales estimadas. Seleccione los factores e interacciones para los que desee obtener estimaciones de las medias marginales de la población en las casillas. Estas medias se corrigen respecto a las covariables, si las hay.

- **Comparar los efectos principales.** Proporciona comparaciones por parejas no corregidas entre las medias marginales estimadas para cualquier efecto principal del modelo, tanto para los factores inter-sujetos como para los intra-sujetos. Este elemento sólo se encuentra disponible si los efectos principales están seleccionados en la lista Mostrar las medias para.
- **Ajuste del intervalo de confianza.** Seleccione un ajuste de diferencia menor significativa (DMS), Bonferroni o Sidak para los intervalos de confianza y la significación. Este elemento sólo estará disponible si se selecciona Comparar los efectos principales.

Mostrar. Seleccione Estadísticos descriptivos para generar medias observadas, desviaciones típicas y frecuencias para cada variable dependiente en todas las casillas. La opción Estimaciones del tamaño del efecto ofrece un valor parcial de eta-cuadrado para cada efecto y cada estimación de parámetros. El estadístico eta cuadrado describe la proporción de variabilidad total atribuible a un factor. Seleccione Potencia observada para obtener la potencia de la prueba cuando la hipótesis alternativa se ha establecido basándose en el valor observado. Seleccione Estimaciones de los parámetros para generar las estimaciones de los parámetros, los errores típicos, las pruebas t , los intervalos de confianza y la potencia observada para cada prueba. Seleccione Matriz de coeficientes de contraste para obtener la matriz L .

Las pruebas de homogeneidad producen la prueba de homogeneidad de varianzas de Levene para cada variable dependiente en todas las combinaciones de nivel de los factores inter-sujetos sólo para factores inter-sujetos. Las opciones de diagramas de dispersión por nivel y gráfico de los residuos son útiles para comprobar los supuestos sobre los datos. Estos elementos no estarán activado si no hay factores. Seleccione Gráficos de los residuos para generar un gráfico de los residuos observados respecto a los pronosticados respecto a los tipificados para cada variable dependiente. Estos gráficos son útiles para investigar el supuesto de varianzas iguales. Seleccione Falta de ajuste para comprobar si el modelo puede describir de forma adecuada la relación entre la variable dependiente y las variables independientes. La función estimable general permite construir pruebas de hipótesis personales basadas en la función estimable general. Las filas en las matrices de coeficientes de contraste son combinaciones lineales de la función estimable general.

Nivel de significación. Puede que le interese corregir el nivel de significación usado en las pruebas post hoc y el nivel de confianza empleado para construir intervalos de confianza. El valor especificado también se utiliza para calcular la potencia observada para la prueba. Si especifica un nivel de significación, el cuadro de diálogo mostrará el nivel asociado de los intervalos de confianza.

Funciones adicionales de los comandos UNIANOVA

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Especificar efectos anidados en el diseño (utilizando el subcomando `DESIGN`).
- Especificar contrastes de los efectos respecto a una combinación lineal de efectos o un valor (utilizando el subcomando `TEST`).
- Especificar contrastes múltiples (utilizando el subcomando `CONTRAST`).
- Incluir los valores perdidos definidos por el usuario (utilizando el subcomando `MISSING`).
- Especificar criterios EPS (mediante el subcomando `CRITERIA`).
- Construir una matriz **L**, una matriz **M** o una matriz **K** (utilizando los subcomandos `LMATRIX`, `MMATRIX` y `KMATRIX`).
- Especificar una categoría de referencia intermedia (utilizando el subcomando `CONTRAST` para los contrastes de desviación o simples).
- Especificar la métrica para los contrastes polinómicos (utilizando el subcomando `CONTRAST`).
- Especificar términos de error para las comparaciones post hoc (utilizando el subcomando `POSTHOC`).
- Calcular medias marginales estimadas para cualquier factor o interacción entre los factores en la lista de factores (utilizando el subcomando `EMMEANS`).
- Especificar nombres para las variables temporales (utilizando el subcomando `SAVE`).
- Construir un archivo de datos matricial de correlaciones (utilizando el subcomando `OUTFILE`).
- Construir un archivo de datos matricial que contenga estadísticos de la tabla de ANOVA inter-sujetos (utilizando el subcomando `OUTFILE`).
- Guardar la matriz del diseño en un nuevo archivo de datos (utilizando el subcomando `OUTFILE`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Correlaciones bivariadas

El procedimiento Correlaciones bivariadas calcula el coeficiente de correlación de Pearson, la rho de Spearman y la tau-*b* de Kendall con sus niveles de significación. Las correlaciones miden cómo están relacionadas las variables o los órdenes de los rangos. Antes de calcular un coeficiente de correlación, inspeccione los datos para detectar valores atípicos (que pueden generar resultados equívocos) y evidencias de una relación lineal. El coeficiente de correlación de Pearson es una medida de asociación lineal. Dos variables pueden estar perfectamente relacionadas, pero si la relación no es lineal, el coeficiente de correlación de Pearson no será un estadístico adecuado para medir su asociación.

Ejemplo. ¿Está el número de partidos ganados por un equipo de baloncesto correlacionado con el número medio de puntos anotados por partido? Un diagrama de dispersión indica que existe una relación lineal. Al analizar los datos de la temporada 1994–1995 de la NBA, se descubre que el coeficiente de correlación de Pearson (0,581) es significativo al nivel 0,01. Se puede sospechar que cuantos más partidos se ganen por temporada, menos puntos habrán anotado los adversarios. Estas variables están correlacionadas negativamente (–0,401) y la correlación es significativa al nivel 0,05.

Estadísticos. Para cada variable: número de casos sin valores perdidos, desviación típica y media. Para cada pareja de variables: coeficiente de correlación de Pearson, rho de Spearman, tau-*b* de Kendall, productos cruzados de las desviaciones y covarianzas.

Datos. Utilice variables cuantitativas simétricas para el coeficiente de correlación de Pearson y variables cuantitativas o variables con categorías ordenadas para la rho de Spearman y la tau-*b* de Kendall.

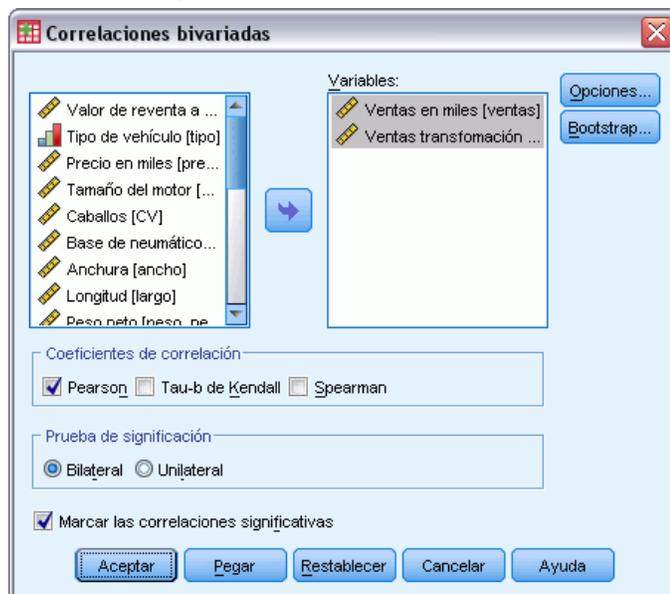
Supuestos. El coeficiente de correlación de Pearson asume que cada pareja de variables es normal bivariada.

Para obtener correlaciones bivariadas

Elija en los menús:

Analizar > Correlaciones > Bivariadas...

Figura 12-1
Cuadro de diálogo *Correlaciones bivariadas*



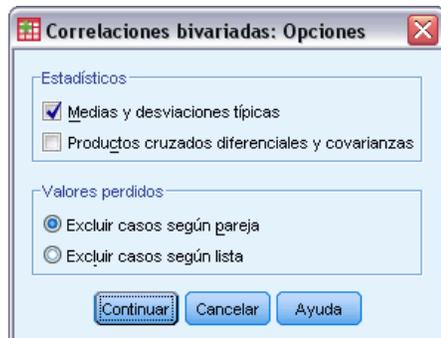
- Seleccione dos o más variables numéricas.

También se encuentran disponibles las siguientes opciones:

- **Coeficientes de correlación.** Para las variables cuantitativas, normalmente distribuidas, seleccione el coeficiente de correlación de Pearson. Si los datos no están normalmente distribuidos o tienen categorías ordenadas, seleccione los correspondientes a la Tau-b de Kendall o Spearman, que miden la asociación entre órdenes de rangos. Los coeficientes de correlación pueden estar entre -1 (una relación negativa perfecta) y $+1$ (una relación positiva perfecta). Un valor 0 indica que no existe una relación lineal. Al interpretar los resultados, se debe evitar extraer conclusiones de causa-efecto a partir de una correlación significativa.
- **Prueba de significación.** Se pueden seleccionar las probabilidades bilaterales o las unilaterales. Si conoce de antemano la dirección de la asociación, seleccione Unilateral. Si no es así, seleccione Bilateral.
- **Marcar las correlaciones significativas.** Los coeficientes de correlación significativos al nivel $0,05$ se identifican por medio de un solo asterisco y los significativos al nivel $0,01$ se identifican con dos asteriscos.

Correlaciones bivariadas: Opciones

Figura 12-2
Cuadro de diálogo Correlaciones bivariadas: Opciones



Estadísticos. Para las correlaciones de Pearson, se puede elegir una o ambas de estas opciones:

- **Medias y desviaciones típicas.** Se muestran para cada variable. También se muestra el número de casos que no tienen valores perdidos. Los valores perdidos se consideran según cada variable individual, sin tener en cuenta la opción elegida para la manipulación de los valores perdidos.
- **Productos cruzados diferenciales y covarianzas.** Se muestran para cada pareja de variables. Cada producto cruzado de las desviaciones es igual a la suma de los productos de las variables corregidas respecto a la media. Éste es el numerador del coeficiente de correlación de Pearson. La covarianza es una medida no tipificada de la relación entre dos variables, igual al producto cruzado diferencial dividido por $N-1$.

Valores perdidos. Puede elegir uno de los siguientes:

- **Excluir casos según pareja.** Se excluyen del análisis los casos con valores perdidos para una o ambas variables de la pareja que forma un coeficiente de correlación. Debido a que cada coeficiente está basado en todos los casos que tienen códigos válidos para esa pareja concreta de variables, en cada cálculo se utiliza la mayor cantidad de información disponible. Esto puede dar como resultado un grupo de coeficientes basados en un número de casos variable.
- **Excluir casos según lista.** Se excluyen de todas las correlaciones los casos con valores perdidos para cualquier variable.

Funciones adicionales de los comandos CORRELATIONS y NONPAR CORR

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Escribir una matriz de correlaciones para correlaciones de Pearson que pueda ser utilizada en lugar de los datos brutos, con el fin de obtener otros análisis como el análisis factorial (con el subcomando `MATRIX`).
- Obtener correlaciones de todas las variables de una lista con todas las variables de una segunda lista (utilizando la palabra clave `WITH` en el subcomando `VARIABLES`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Correlaciones parciales

El procedimiento Correlaciones parciales calcula los coeficientes de correlación parcial, los cuales describen la relación lineal existente entre dos variables mientras se controlan los efectos de una o más variables adicionales. Las correlaciones son medidas de asociación lineal. Dos variables pueden estar perfectamente relacionadas, pero si la relación no es lineal, el coeficiente de correlación no es un estadístico adecuado para medir su asociación.

Ejemplo. ¿Existe alguna relación entre la financiación sanitaria y las tasas de enfermedad? Aunque cabe esperar que dicha relación sea negativa, un estudio describe una correlación *positiva* significativa: si la financiación sanitaria aumenta, las tasas de enfermedad parecen disminuir. Sin embargo, si se controla la tasa de visitas de visitantes médicos, se elimina prácticamente la correlación positiva observada. La financiación sanitaria y las tasas de enfermedad sólo parecen estar relacionadas positivamente debido a que más personas tienen acceso a la sanidad si la financiación aumenta, lo que tiene como resultado que los médicos y hospitales informen de más enfermedades.

Estadísticos. Para cada variable: número de casos sin valores perdidos, desviación típica y media. Matrices de correlación de orden cero y parcial, con grados de libertad y niveles de significación.

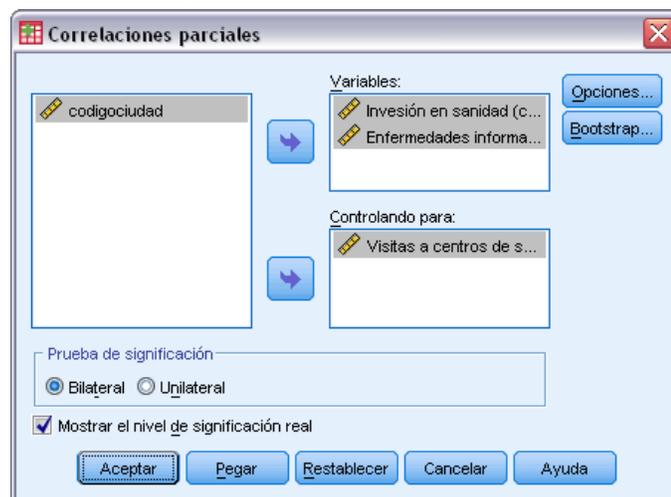
Datos. Utilice variables cuantitativas y simétricas.

Supuestos. El procedimiento Correlaciones parciales supone que cada par de variables es normal bivariante.

Para obtener correlaciones parciales

- Elija en los menús:
Analizar > Correlaciones > Parciales...

Figura 13-1
Cuadro de diálogo Correlaciones parciales



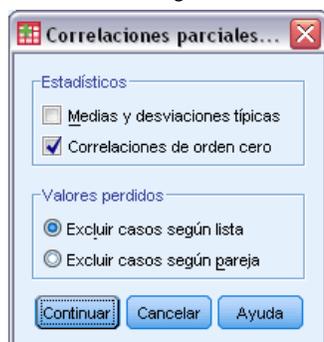
- ▶ Seleccione dos o más variables numéricas para las que se van a calcular las correlaciones parciales.
- ▶ Elija una o más variables numéricas de control.

También se encuentran disponibles las siguientes opciones:

- **Prueba de significación.** Se pueden seleccionar las probabilidades bilaterales o las unilaterales. Si conoce de antemano la dirección de la asociación, seleccione Unilateral. Si no es así, seleccione Bilateral.
- **Mostrar el nivel de significación real.** Por defecto, se muestran la probabilidad y los grados de libertad para cada coeficiente de correlación. Si anula la selección de este elemento, los coeficientes significativos al nivel 0,05 se identifican con un asterisco, los coeficientes significativos al nivel 0,01 se identifican con un asterisco doble y se eliminan los grados de libertad. Este ajuste afecta a las matrices de correlación parcial y de orden cero.

Correlaciones parciales: Opciones

Figura 13-2
Cuadro de diálogo Correlaciones parciales: Opciones



Estadísticos. Puede elegir una o ambas de las siguientes opciones:

- **Medias y desviaciones típicas.** Se muestran para cada variable. También se muestra el número de casos que no tienen valores perdidos.
- **Correlaciones de orden cero.** Se muestra una matriz de las correlaciones simples entre todas las variables, incluyendo las variables de control.

Valores perdidos. Puede elegir una de las siguientes alternativas:

- **Excluir casos según lista.** Se excluyen de todos los cálculos los casos que presenten valores perdidos para cualquier variable, incluso si es para las variables de control.
- **Excluir casos según pareja.** Para el cálculo de las correlaciones de orden cero, en las que se basan las correlaciones parciales, no se utilizará un caso si tiene valores perdidos en una o ambas variables de un par. La eliminación según pareja aprovecha el máximo de los datos que sean posibles. Sin embargo, el número de casos puede variar de unos coeficientes a otros. Cuando se activa esta opción, los grados de libertad para un coeficiente parcial determinado se basan en el número menor de casos utilizado en el cálculo de cualquiera de las correlaciones de orden cero necesarias para el cálculo de dicho coeficiente parcial.

Funciones adicionales del comando PARTIAL CORR

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Leer una matriz de correlaciones de orden cero o escribir una matriz de correlaciones parciales (mediante el subcomando `MATRIX`).
- Obtener correlaciones parciales entre dos listas de variables (mediante la palabra clave `WITH` en el subcomando `VARIABLES`).
- Obtener análisis múltiples (mediante varios subcomandos `VARIABLES`).
- Especificar otros valores para solicitar (por ejemplo, las correlaciones parciales tanto de primer como de segundo orden) cuando tiene dos variables de control (mediante el subcomando `VARIABLES`).
- Suprimir coeficientes redundantes (mediante el subcomando `FORMAT`).
- Mostrar una matriz de correlaciones simples cuando algunos coeficientes no se pueden calcular (mediante el subcomando `STATISTICS`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Distancias

Este procedimiento calcula una variedad de estadísticos que miden las similitudes o diferencias (distancias), entre pares de variables o entre pares de casos. Estas medidas de similitud o distancia se pueden utilizar después con otros procedimientos, como análisis factorial, análisis de conglomerados o escalamiento multidimensional, para ayudar en el análisis de conjuntos de datos complejos.

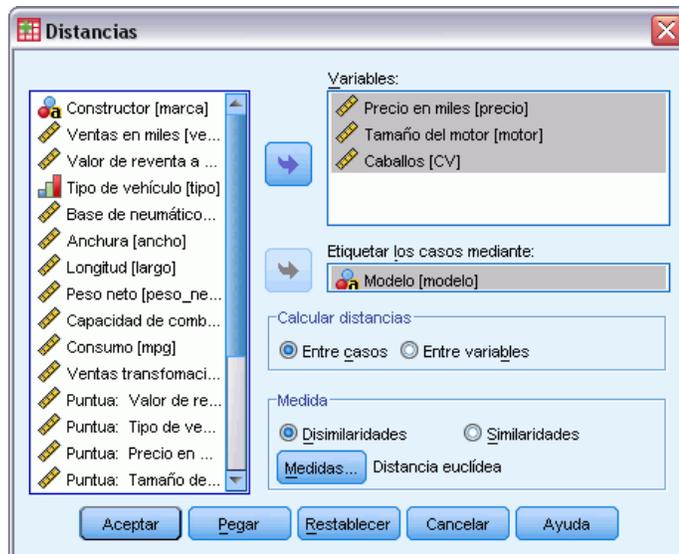
Ejemplo. ¿Es posible medir similitudes entre pares de automóviles en función de ciertas características, como tipo de motor, consumo y potencia? Al calcular las similitudes entre los coches, se puede obtener una noción de qué coches son similares entre sí y cuáles son diferentes. Para un análisis más formal, puede considerar la aplicación de un análisis de conglomeración jerárquico o escalamiento multidimensional a las similitudes para explorar la estructura subyacente.

Estadísticos. Las medidas de diferencia (distancia) para datos de un intervalo son Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, Chebychev, bloque, Minkowski o personalizada; para datos de recuento, medida de chi-cuadrado o phi-cuadrado; para datos binarios, Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, diferencia de tamaño, diferencia de configuración, varianza, forma o Lance y Williams. Las medidas de similitud para datos de intervalos son correlación de Pearson o coseno; para datos binarios, Russel y Rao, concordancia simple, Jaccard, Dice, Rogers y Tanimoto, Sokal y Sneath 1, Sokal y Sneath 2, Sokal y Sneath 3, Kulczynski 1, Kulczynski 2, Sokal y Sneath 4, Hamann, Lambda, D de Anderberg, Y de Yule, Q de Yule, Ochiai, Sokal y Sneath 5, correlación Phi de 4 puntos o dispersión.

Para obtener matrices de distancias

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Correlaciones > Distancias...

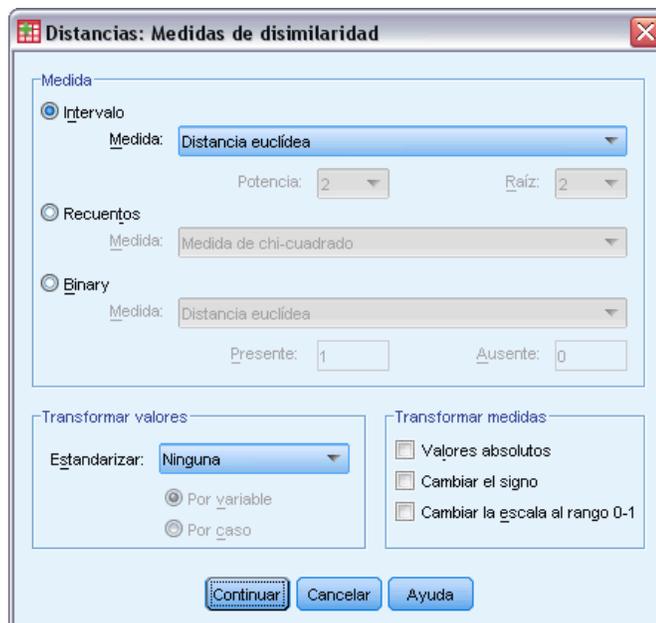
Figura 14-1
Cuadro de diálogo Distancias



- ▶ Seleccione al menos una variable numérica para calcular distancias entre casos o seleccione al menos dos variables numéricas para calcular distancias entre variables.
- ▶ Seleccione una alternativa en el grupo Calcular distancias para calcular proximidades entre casos o entre variables.

Distancias: Medidas de disimilaridad

Figura 14-2
Cuadro de diálogo Distancias: Medidas de disimilaridad



En el grupo Medida, seleccione la alternativa que corresponda al tipo de datos (intervalo, recuento o binario); a continuación, de la lista desplegable, seleccione una las medidas que corresponda a dicho tipo de datos. Las medidas disponibles, por tipo de dato, son:

- **Datos de intervalo.** Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, Chebychev, Bloque, Minkowski o Personalizada.
- **Datos de frecuencias.** Medida de chi-cuadrado o Medida de phi-cuadrado.
- **Datos binarios.** Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, Diferencia de tamaño, Diferencia de configuración, Varianza, Forma o Lance y Williams. (Introduzca valores para Presente y Ausente para especificar cuáles son los dos valores representativos; las Distancias ignorarán todos los demás valores.)

El grupo Transformar valores permite estandarizar los valores de los datos para casos o variables *antes* de calcular proximidades. Estas transformaciones no se pueden aplicar a los datos binarios. Los métodos disponibles de estandarización son: Puntuaciones z , Rango -1 a 1 , Rango 0 a 1 , Magnitud máxima de 1 , Media de 1 y Desviación típica 1 .

El grupo Transformar medidas permite transformar los valores generados por la medida de distancia. Se aplican después de calcular la medida de distancia. Las opciones disponibles son: Valores absolutos, Cambiar el signo y Cambiar la escala al rango $0-1$.

Distancias: Medidas de similitud

Figura 14-3
Cuadro de diálogo Distancias: Medidas de similitud

En el grupo Medida, seleccione la alternativa que corresponda al tipo de datos (intervalo o binario); a continuación, de la lista desplegable, seleccione una las medidas que corresponda a dicho tipo de datos. Las medidas disponibles, por tipo de dato, son:

- **Datos de intervalo.** Correlación de Pearson o Coseno.
- **Datos binarios.** Russel y Rao, Concordancia simple, Jaccard, Dice, Rogers y Tanimoto, Sokal y Sneath 1, Sokal y Sneath 2, Sokal y Sneath 3, Kulczynski 1, Kulczynski 2, Sokal y Sneath 4, Hamann, Lambda, D de Anderberg, Y de Yule, Q de Yule, Ochiai, Sokal y Sneath

5, Correlación Phi de 4 puntos o Dispersión. (Introduzca valores para Presente y Ausente para especificar cuáles son los dos valores representativos; las Distancias ignorarán todos los demás valores.)

El grupo Transformar valores permite estandarizar los valores de los datos para casos o variables antes de calcular proximidades. Estas transformaciones no se pueden aplicar a los datos binarios. Los métodos disponibles de estandarización son: Puntuaciones z , Rango -1 a 1, Rango 0 a 1, Magnitud máxima de 1, Media de 1 y Desviación típica 1.

El grupo Transformar medidas permite transformar los valores generados por la medida de distancia. Se aplican después de calcular la medida de distancia. Las opciones disponibles son: Valores absolutos, Cambiar el signo y Cambiar la escala al rango 0–1.

Funciones adicionales del comando PROXIMITIES

El procedimiento Distancias utiliza la sintaxis de comandos PROXIMITIES. Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Especificar cualquier número entero como la potencia para la medida de distancia de Minkowski.
- Especificar cualquier número entero como la potencia y la raíz para una medida de distancia personalizada.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

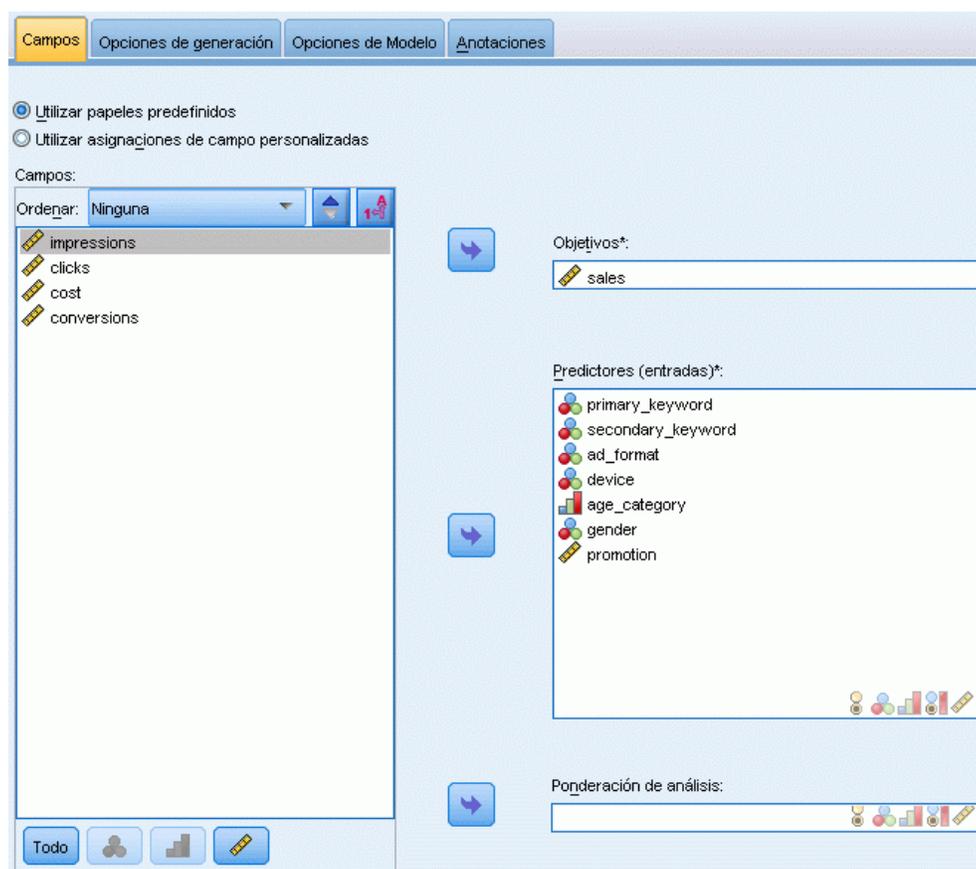
Modelos lineales

Los modelos lineales predicen un objetivo continuo basándose en relaciones lineales entre el objetivo y uno o más predictores.

Los modelos lineales son relativamente simples y proporcionan una fórmula matemática fácil de interpretar para la puntuación. Las propiedades de estos modelos se comprenden bien y se pueden crear rápidamente en comparación con el resto de tipos de modelos (como redes neuronales o árboles de decisión) en el mismo conjunto de datos.

Ejemplo. Una correduría de seguros con recursos limitados para investigar las reclamaciones de seguros de los asegurados desea crear un modelo para estimar los costes de las reclamaciones. Al distribuir este modelo a los centros de servicio, los representantes pueden introducir información de la reclamación mientras están al teléfono con un cliente y obtener inmediatamente el coste “esperado” de la reclamación en función de datos de archivo.

Figura 15-1
pestaña Campos



Requisitos del campo. Debe haber un objetivo y al menos una entrada. Por defecto, los campos con las funciones predefinidas de Ambos o Ninguno no se utilizan. El objetivo debe ser continuo (escala). No hay ninguna restricción de nivel de medición en los predictores (entradas); los campos categóricos (nominal y ordinal) se utilizan como factores en el modelo y los campos continuos se utilizan como covariables.

Nota: si un campo categórico tiene más de 1000 categorías, no se ejecutará el procedimiento y no se creará ningún modelo.

Para obtener un modelo lineal

Esta función requiere la opción Statistics Base.

Seleccione en los menús:

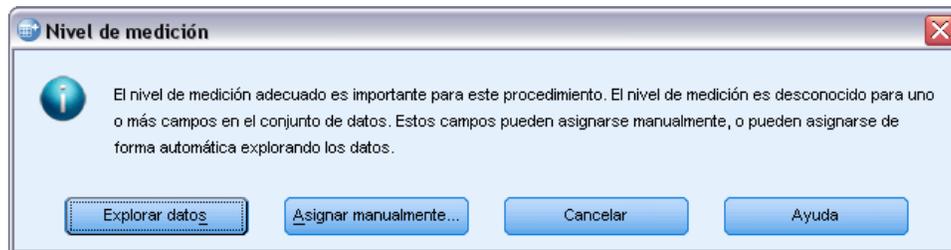
Analizar > Regresión > Modelos lineales automáticos...

- ▶ Asegúrese de que hay al menos un destino y una entrada.
- ▶ Pulse en Opciones de generación para especificar cualquier configuración de generación y modelado.
- ▶ Pulse en Opciones de modelo para guardar puntuaciones en el conjunto de datos activo y exportar el modelo en un archivo externo.
- ▶ Pulse en Ejecutar para ejecutar el procedimiento y crear los objetos Modelo.

La alerta de nivel de medición se muestra si el nivel de medición de una o más variables (campos) del conjunto de datos es desconocido. Como el nivel de medición afecta al cálculo de los resultados de este procedimiento, todas las variables deben tener un nivel de medición definido.

Figura 15-2

Alerta de nivel de medición



- **Explorar datos.** Lee los datos del conjunto de datos activo y asigna el nivel de medición predefinido en cualquier campo con un nivel de medición desconocido. Si el conjunto de datos es grande, puede llevar algún tiempo.
- **Asignar manualmente.** Abre un cuadro de diálogo que contiene todos los campos con un nivel de medición desconocido. Puede utilizar este cuadro de diálogo para asignar el nivel de medición a esos campos. También puede asignar un nivel de medición en la Vista de variables del Editor de datos.

Como el nivel de medición es importante para este procedimiento, no puede acceder al cuadro de diálogo para ejecutar este procedimiento hasta que se hayan definido todos los campos en el nivel de medición.

Objetivos

¿Cuál es su objetivo principal?

- **Crear un modelo estándar.** El método crea un único modelo para pronosticar el objetivo utilizando los pronósticos. Por lo general, los modelos estándar son más fáciles de interpretar y pueden ser más rápidos de puntuar que conjuntos de datos potenciados, empaquetados o grandes.

- **Mejorar la precisión de modelos (boosting).** El método crea un modelo de conjunto utilizando potenciación, que genera una secuencia de modelos para obtener predicciones más precisas. Los conjuntos pueden tardar más en construirse y puntuarse que un modelo estándar.

La potenciación produce una sucesión de “modelos de componente”, cada uno creado con el conjunto de datos al completo. Antes de crear cada modelo de componente, los archivos se ponderan basándose en los residuos de los anteriores modelos de componente. Los casos con muchos residuos reciben ponderaciones de análisis relativamente mayores para que el próximo modelo de componente se centre en predecir bien estos archivos. Juntos, estos modelos de componente forman un modelo de conjunto. El modelo de conjunto puntúa nuevos resultados usando una regla de combinación; las reglas disponibles dependen del nivel de medida del objetivo.

- **Mejorar la estabilidad de modelos (bagging).** El método crea un modelo de conjunto utilizando empaquetado (agregando autodocimante), que genera modelos múltiples para obtener predicciones más fiables. Los conjuntos pueden tardar más en construirse y puntuarse que un modelo estándar.

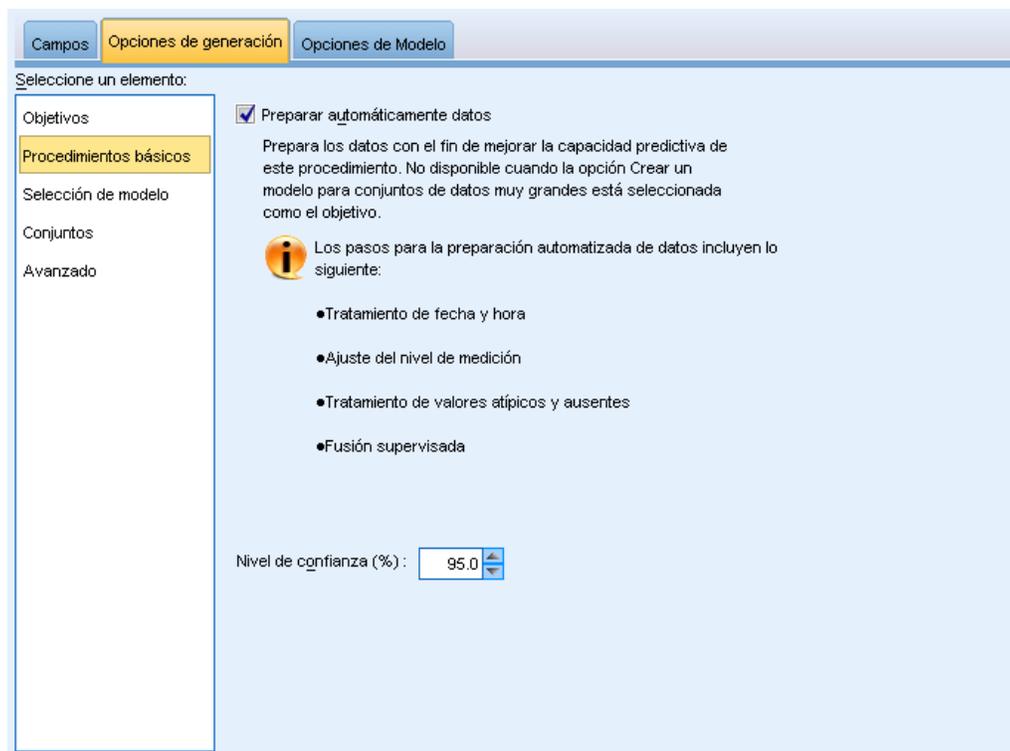
El agregando autodocimante (empaquetado) produce réplicas del conjunto de datos de entrenamiento haciendo muestras con reemplazo del conjunto de datos original. Así crea muestras de empaquetado del mismo tamaño que el conjunto de datos original. Después se crea un “modelo de componente” en cada réplica. Juntos, estos modelos de componente forman un modelo de conjunto. El modelo de conjunto puntúa nuevos resultados usando una regla de combinación; las reglas disponibles dependen del nivel de medida del objetivo.

- **Crear un modelo para conjuntos de datos muy grandes (requiere servidor IBM® SPSS® Statistics).** El método crea un modelo de conjunto dividiendo el conjunto de datos en bloques de datos separados. Seleccione esta opción si su conjunto de datos es demasiado grande para construir cualquiera de los modelos anteriores o para la construcción incremental de modelos. Esta opción emplea menos tiempo en su construcción, pero puede tardar más en puntuarse que un modelo estándar. Esta opción requiere SPSS Statistics conectividad con el servidor.

Consulte [Conjuntos](#) el p. 89 para obtener información de configuración relacionada con aumento, agregación autodocimante y conjuntos de datos de gran tamaño.

Conceptos básicos

Figura 15-3
Configuración básica



Preparar automáticamente datos. Esta opción permite el procedimiento de transformar de forma interna el destino y predictores para maximizar el poder predictivo del modelo; las transformaciones se guardan con el modelo y se aplican a los nuevos datos para su puntuación. Las versiones originales de los campos transformados se excluyen del modelo. Por defecto, se realiza la siguiente preparación automática de datos.

- **Fecha y hora.** Cada predictor de fecha se transforma en un nuevo predictor continuo que contiene el tiempo transcurrido desde una fecha de referencia (01-01-1970). Cada predictor de hora se transforma en un nuevo predictor continuo que contiene el tiempo transcurrido desde una hora de referencia (00:00:00).
- **Ajustar nivel de medida.** Los predictores continuos con menos de 5 valores distintos se reestructuran como predictores ordinales. Los predictores ordinales con más de 10 valores distintos se reestructuran como predictores continuos.
- **Tratamiento de valores atípicos.** Los valores de los predictores continuos que recaen más allá de un valor de corte (3 desviaciones típicas de la media) se establecen con el valor de corte.

- **Gestión de valores perdidos.** Los valores perdidos de los predictores nominales se sustituyen por el modo de la partición de entrenamiento. Los valores perdidos de los predictores ordinales se sustituyen por la mediana de la partición de entrenamiento. Los valores perdidos de los predictores continuos se sustituyen por la media de la partición de entrenamiento.
- **Fusión supervisada.** Hace un modelo más parsimonioso reduciendo el número de campos que deben procesarse junto con el destino. Las categorías similares se identifican en función de la relación entre la entrada y destino. Las categorías que no son significativamente diferentes (es decir, que tienen un valor p superior al valor 0,1) se fusionan. Tenga en cuenta que si todas las categorías se combinan en una, las versiones original y derivada del campo se excluyen del modelo porque no tienen ningún valor como predictor.

Nivel de confianza. Éste es el nivel de confianza que se utiliza para calcular las estimaciones de intervalos de los coeficientes de modelos en la vista [Coeficientes](#). Especifique un valor mayor que 0 y menor que 100. El valor por defecto es 95.

Selección de modelos

Figura 15-4
Configuración de selección de modelos

The screenshot shows a software interface for model selection configuration. It features a top navigation bar with four tabs: 'Campos', 'Opciones de generación', 'Opciones de Modelo', and 'Anotaciones'. The 'Opciones de generación' tab is currently selected. Below the navigation bar, there is a sidebar on the left with a tree view containing the following items: 'Objetivos', 'Procedimientos básicos', 'Selección de modelo' (highlighted), 'Conjuntos', and 'Avanzado'. The main content area is titled 'Selección de un elemento:' and contains several configuration options:

- Método de selección de modelos:** A dropdown menu set to 'Paso adelante'.
- Selección de paso adelante:** A sub-section containing:
 - Crterios para entrada/eliminación:** A dropdown menu set to 'Criterio de información (AICC)'.
 - Incluir efectos con valores p inferiores a:** A numeric input field set to '0,05'.
 - Eliminar efectos con valores p superiores a:** A numeric input field set to '0,1'.
 - Personalizar el máximo número de efectos en el modelo final**
Número máximo de efectos: [input field]
 - Personalizar el número máximo de efectos**
Número máximo de pasos: [input field]
- Selección de mejores subconjuntos:** A sub-section containing:
 - Crterios para entrada/eliminación:** A dropdown menu set to 'Criterio de información (AICC)'.

Método de selección de modelos. Seleccione uno de los métodos de selección de modelos (a continuación se encuentran los detalles) o Incluya todos los predictores, que simplemente introduce todos los predictores disponibles como términos del modelo de efectos principales. Por defecto, se utiliza Pasos sucesivos hacia adelante.

Selección de Pasos sucesivos hacia adelante. Comienza sin efectos en el modelo y añade y elimina efectos paso por paso hasta que ya no se puedan añadir o eliminar según los criterios de los pasos sucesivos.

- **Criterios para entrada/eliminación.** Éste es el estadístico utilizado para determinar si debe añadirse o eliminarse un efecto del modelo. Criterio de información (AICC) se basa en la similitud del conjunto de entrenamiento que se le da al modelo, y se ajusta para penalizar modelos excesivamente complejos. Estadísticos de F se utiliza en una prueba estadística de la mejora en el error de modelo. R cuadrado corregida se basa en el ajuste del conjunto de entrenamiento, y se ajusta para penalizar modelos excesivamente complejos. Criterio de prevención sobreajustado (ASE) se basa en el ajuste (error cuadrado medio o ASE) del conjunto de prevención sobreajustado. El conjunto de prevención sobreajustado es un muestra secundaria aleatoria de aproximadamente el 30% del conjunto de datos original que no se utiliza para enseñar el modelo.

Si se selecciona otro criterio que no sea Estadísticos de F, se añadirá al modelo cada paso del efecto que se corresponda con el aumento positivo mayor en el criterio. Se eliminará cualquier efecto en el modelo que se corresponda con una disminución en el criterio.

Si se selecciona Estadísticos de F como criterio, cada paso en el efecto que tenga el valor p más pequeño inferior al umbral especificado, se añadirá Incluir efectos con valores p inferiores a al modelo. El valor por defecto es 0.05. Cualquier efecto en el modelo con un valor p superior al umbral especificado, Eliminar efectos con valores p mayores que, será eliminado. El valor por defecto es 0.10.

- **Personalizar número máximo de efectos en el modelo final.** Por defecto, pueden introducirse todos los efectos disponibles en el modelo. Del mismo modo, si el algoritmo por pasos sucesivos termina con un paso con el número máximo de efectos especificado, el algoritmo se detiene con el conjunto actual de efectos.
- **Personalizar número máximo de pasos.** El algoritmo por pasos sucesivos termina tras un cierto número de pasos. Por defecto, es 3 veces el número de efectos disponibles. Del mismo modo, especifique un entero positivo para el número máximo de pasos.

Selección de mejores subconjuntos. Comprueba “todos los modelos posibles”, o al menos el subconjunto más grande de los modelos posibles que los pasos sucesivos hacia adelante, para seleccionar el mejor según el criterio de mejores subconjuntos. Criterio de información (AICC) se basa en la similitud del conjunto de entrenamiento que se le da al modelo, y se ajusta para penalizar modelos excesivamente complejos. R cuadrado corregida se basa en el ajuste del conjunto de entrenamiento, y se ajusta para penalizar modelos excesivamente complejos. Criterio de prevención sobreajustado (ASE) se basa en el ajuste (error cuadrado medio o ASE) del conjunto de prevención sobreajustado. El conjunto de prevención sobreajustado es un muestra secundaria aleatoria de aproximadamente el 30% del conjunto de datos original que no se utiliza para enseñar el modelo.

Se selecciona el modelo con el valor mayor del criterio como el mejor modelo.

Nota: La selección de mejores subconjuntos requiere más trabajo computacional que la selección por pasos sucesivos hacia adelante. Cuando los mejores subconjuntos se procesan junto con aumento, agregación autodocimante y conjuntos de datos de gran tamaño, la generación de un modelo estándar generado mediante una selección por pasos sucesivos hacia adelante puede tardar considerablemente más tiempo.

Conjuntos

Figura 15-5
Configuración de conjuntos

Estos ajustes determinan el comportamiento de la agrupación que se produce cuando los conjuntos de datos de gran tamaño o de aumento o agregación autodocimante son obligatorios en Objetivos. Las opciones no aplicables al objetivo seleccionado se ignorarán.

Bagging y conjuntos de datos muy grandes. Al puntuar un conjunto, ésta es la regla utilizada para combinar los valores pronosticados a partir de los modelos básicos para calcular el valor de puntuación del conjunto.

- **Regla de combinación predeterminada para objetivos continuos.** Los valores pronosticados de conjunto para objetivos continuos pueden combinarse mediante la media o mediana de los valores pronosticados a partir de los modelos básicos.

Tenga en cuenta que cuando el objetivo es mejorar la precisión del modelo, se ignoran las selecciones de reglas de combinación. El aumento siempre utiliza un voto de mayoría ponderada para puntuar objetivos categóricos y una mediana ponderada para puntuar objetivos continuos.

Aumento y agregación autodocimante. Especifique el número de modelos básicos que debe generarse cuando el objetivo es mejorar la precisión o estabilidad del modelo; en el caso de la agregación autodocimante, se trata del número de muestras autodocimantes. Debe ser un número entero positivo.

Avanzado

Figura 15-6
Configuración avanzada

The screenshot shows a software interface with four tabs: 'Campos', 'Opciones de generación', 'Opciones de Modelo', and 'Anotaciones'. The 'Opciones de generación' tab is active. Below the tabs, there is a section titled 'Seleccione un elemento:' with a list of options: 'Objetivos', 'Procedimientos básicos', 'Selección de modelo', 'Conjuntos', and 'Avanzado'. The 'Avanzado' option is highlighted. To the right of this list, there is a checked checkbox labeled 'Replicar resultados', a 'Generar' button, and a text input field labeled 'Semilla aleatoria:' containing the value '54752075'.

Replicar resultados. Al establecer una semilla aleatoria podrá replicar análisis. El generador de números aleatorios se utiliza para seleccionar qué registros están en el conjunto de prevención sobreajustado. Especifique un entero o pulse en Generar, lo que creará un entero pseudo-aleatorio entre 1 y 2147483647, ambos inclusive. El valor por defecto es 54752075.

Opciones de modelos

Figura 15-7
Pestaña Opciones de modelo

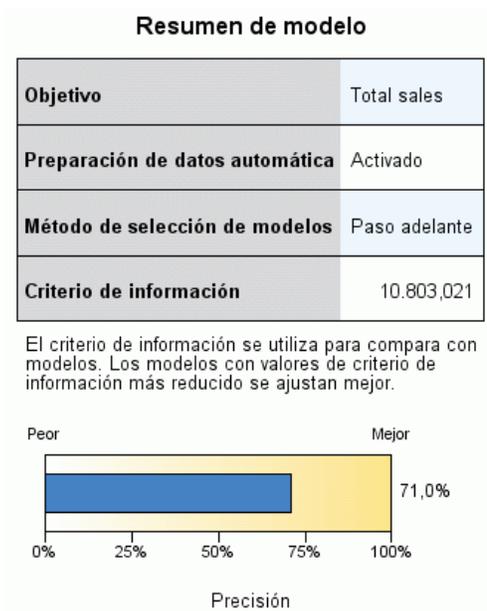
The screenshot shows the 'Opciones de Modelo' tab selected in the software interface. Below the tabs, there are two options, each with a checkbox: 'Guardar valores pronosticados en el conjunto de datos' and 'Exportar modelo'. The 'Guardar valores pronosticados en el conjunto de datos' option is checked, and below it is a text input field labeled 'Nombre de campo:' containing the value 'PredictedValue'. The 'Exportar modelo' option is unchecked, and below it is a text input field labeled 'Nombre de archivo:' and a button labeled 'Examinar...'.

Guardar valores predichos en el conjunto de datos. El nombre de variable por defecto es *PredictedValue*.

Exportar modelo. Escribe el modelo en un archivo *.zip* externo. Puede utilizar este archivo de modelo para aplicar la información del modelo a otros archivos de datos para puntuarlo. Especifique un nombre de archivo exclusivo y válido. Si la especificación de archivo hace referencia a un archivo existente, se sobrescribirá el archivo.

Resumen del modelo

Figura 15-8
Vista de resumen del modelo



La vista Resumen de modelos es una instantánea, un resumen de un vistazo del modelo y su ajuste.

Tabla. La tabla identifica algunos ajustes de modelo de alto nivel, incluyendo:

- El nombre del destino especificado en la pestaña [Campos](#).
- Si la preparación automática de los datos se realizó tal y como se especifica en los ajustes de [Procedimientos básicos](#).
- El criterio de selección y el método de selección de modelo especificado en los ajustes de [Selección de modelo](#). También se muestra el valor del criterio de selección del modelo final, y viene presentado en un formato cuanto más pequeño mejor.

Gráfico. El gráfico muestra la precisión del modelo final, que se presenta en el formato mayor es mejor. El valor es $100 \times R^2$ ajustado para el modelo final.

Preparación automática de datos

Figura 15-9
Vista Preparación de datos automática

Preparación de datos automática
Objetivo: Total sales

Campo	Rol	Acciones realizadas
Age category	Predictor	Combinar categorías para aumentar al máximo la asociación con el destino
Primary keyword set	Predictor	Combinar categorías para aumentar al máximo la asociación con el destino
Promotion	Predictor	Cambiar nivel de medición de continuo a ordinal
Secondary keyword set	Predictor	Combinar categorías para aumentar al máximo la asociación con el destino

Si el nombre de campo original es X, el nombre de campo transformado es X_transformado. Se ha excluido el campo original del análisis y se ha incluido en su lugar el campo transformado.

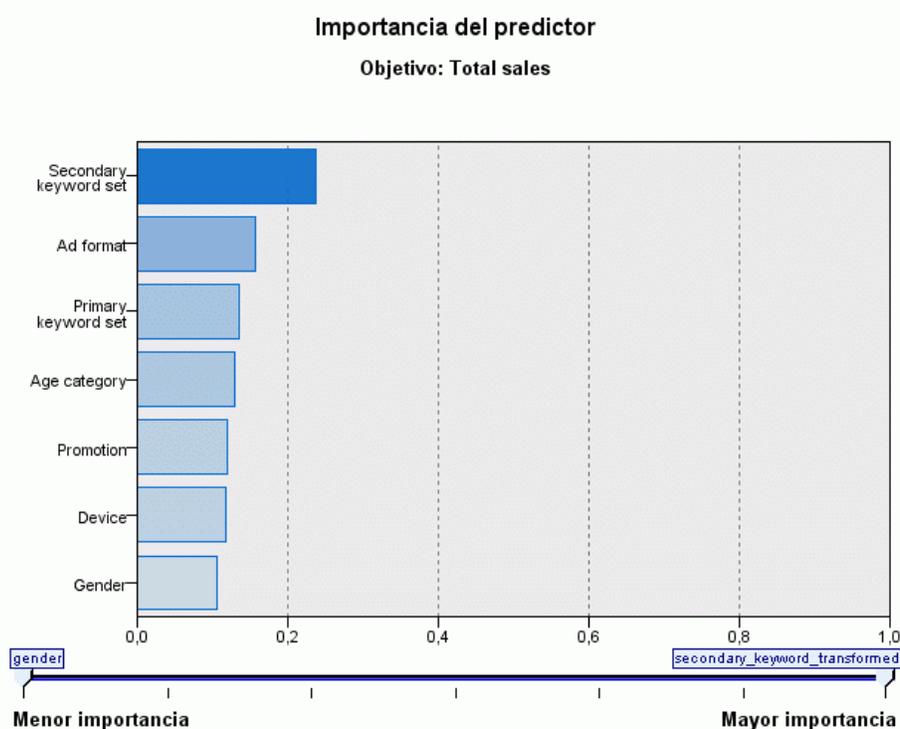
Esta vista muestra información acerca de qué campos se excluyen y cómo los campos transformados se derivaron en el paso de preparación automática de datos (ADP). Para cada campo que fue transformado o excluido, la tabla enumera el nombre del campo, su papel en el análisis y la acción tomada por el paso ADP. Los campos se clasifican por orden alfabético ascendente de nombres de campo. Las acciones que pueden realizarse para cada campo incluyen:

- Duración de la deriva: meses calcula el tiempo transcurrido en meses desde los valores de un campo que contiene fechas a la fecha actual del sistema.
- Duración de la deriva: horas calcula el tiempo transcurrido en horas desde los valores de un campo que contiene horas a la hora actual del sistema.
- Cambiar el nivel de medición de continuo a ordinal reestructura los campos continuos que tienen menos de 5 valores únicos como campos ordinales.
- Cambiar el nivel de medición de ordinal a continuo reestructura los campos ordinales que tienen menos de 10 valores únicos como campos continuos.
- Recortar valores atípicos define los valores de los predictores continuos que recaen más allá de un valor de corte (3 desviaciones típicas de la media) con el valor de corte.
- Reemplazar los valores perdidos sustituye los valores que faltan en los campos nominales con el modo, en los campos ordinales con la mediana y en los campos continuos con la media.

- Fundir categorías para maximizar la asociación con el destino identifica las categorías de predictor “similares” en función de la relación entre la entrada y el destino. Las categorías que no son significativamente diferentes (es decir, que tienen un valor p superior al valor 0,05) se fusionan.
- Excluir predictor constante / tras tratamiento de valores atípicos / tras fundir categorías elimina los predictores que tienen un único valor, posiblemente después de que se hayan realizado otras acciones de ADP.

Importancia de predictor

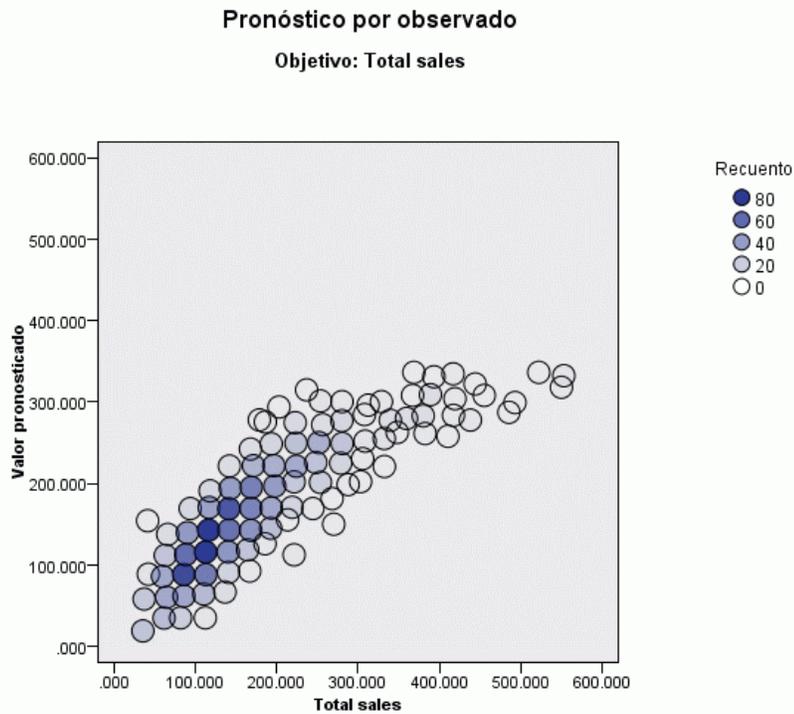
Figura 15-10
Vista de importancia del predictor



Normalmente, desea centrar sus esfuerzos de modelado en los campos del predictor que importan más y considera eliminar o ignorar las que importan menos. El predictor de importancia de la variable le ayuda a hacerlo indicando la importancia relativa de cada predictor en la estimación del modelo. Como los valores son relativos, la suma de los valores de todos los predictor de la visualización es 1.0. La importancia del predictor no está relacionada con la precisión del modelo. Sólo está relacionada con la importancia de cada predictor para realizar un pronóstico, independientemente de si éste es preciso o no.

Predicho por observado

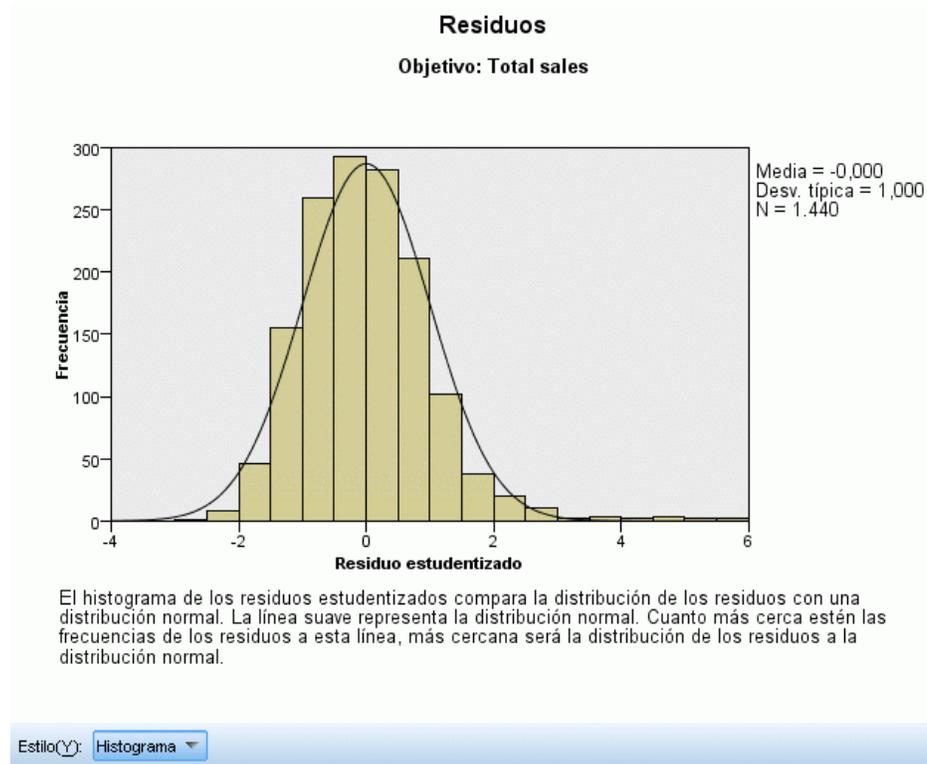
Figura 15-11
Vista Predicho por observado



Muestra un diagrama de dispersión en intervalos de los valores predichos en el eje vertical por los valores observados en el eje horizontal. En teoría, los puntos deberían encontrarse en una línea de 45 grados; esta vista puede indicar si hay registros para los que el modelo realiza un pronóstico particularmente malo.

Residuos

Figura 15-12
Vista de residuos, estilo histograma



Muestra un gráfico de diagnóstico de los residuos del modelo.

Estilos de gráfico. Existen varios estilos de visualización diferentes, que son accesibles desde la lista desplegable Estilo.

- **Histograma.** Se trata de un histograma en intervalos de los residuos estudentizados de una superposición de la distribución normal. Los modelos lineales asumen que los residuos tienen una distribución normal, de forma que el histograma debería estar muy cercano a la línea continua.
- **Gráfico p-p.** Se trata de un gráfico probabilidad-probabilidad en intervalos que compara los residuos estudentizados con una distribución normal. Si la curva de los puntos representados es menos pronunciada que la línea normal, los residuos muestran una variabilidad mayor que una distribución normal; si la curva es más pronunciada, los residuos muestran una variabilidad inferior que una distribución normal. Si los puntos representados tienen una curva con forma en S, la distribución de los residuos es asimétrica.

Valores atípicos

Figura 15-13
Vista Valores atípicos

Valores atípicos

Objetivo: Total sales

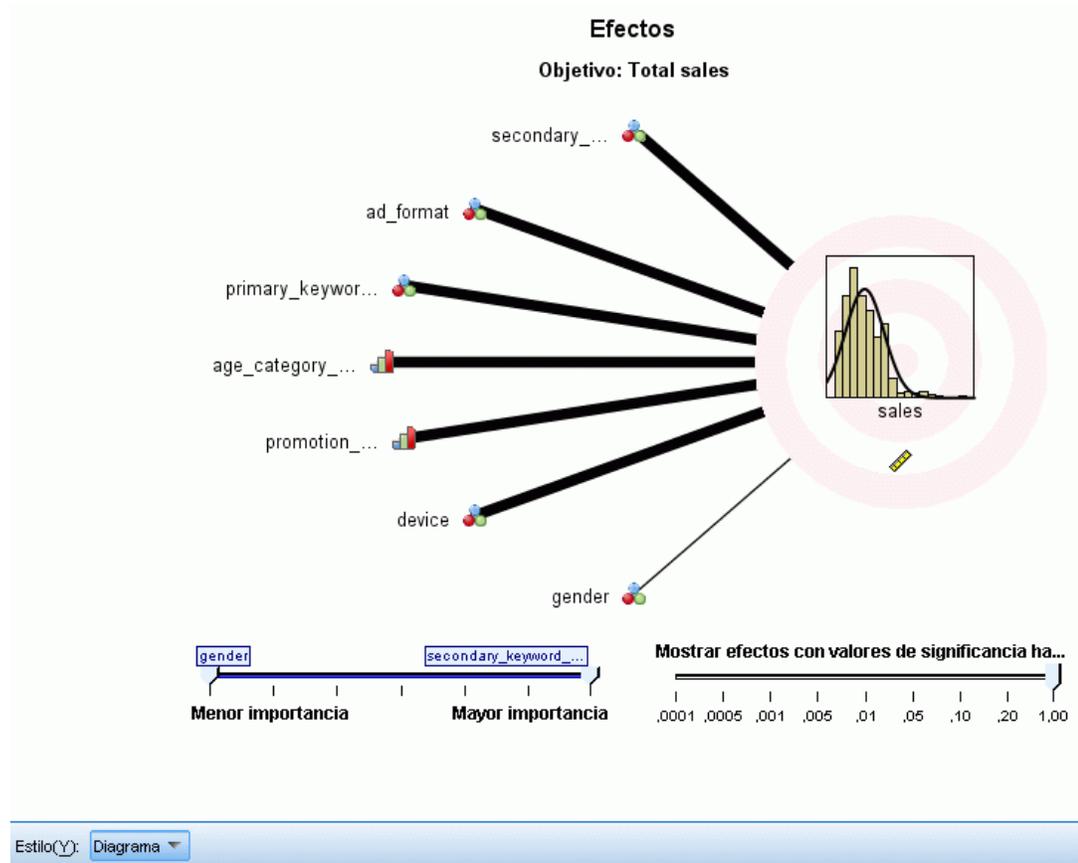
Total sales	Distancia de Cook
560.040	0,026
566.440	0,025
548.990	0,018
539.630	0,018
485.430	0,014
543.240	0,014

Esta tabla enumera los registros que ejercen una influencia excesiva sobre el modelo, y muestra el ID de registro (si se especifica en la pestaña Campos), el valor objetivo y la distancia de Cook. La distancia de Cook es una medida de cuánto cambiarían los residuos de todos los registros si un registro en particular se excluyera del cálculo de los coeficientes del modelo. Una distancia de Cook grande indica que la exclusión de un registro cambia sustancialmente los coeficientes, y por lo tanto debe considerarse relevante.

Los registros relevantes deben examinarse cuidadosamente para determinar si puede darles menos importancia en la estimación del modelo, truncar los valores atípicos a algún umbral aceptable o eliminar los registros relevantes completamente.

Efectos

Figura 15-14
Vista de efectos, estilo de diagrama



Esta vista muestra el tamaño de cada efecto en el modelo.

Estilos. Existen varios estilos de visualización diferentes, que son accesibles desde la lista desplegable Estilo.

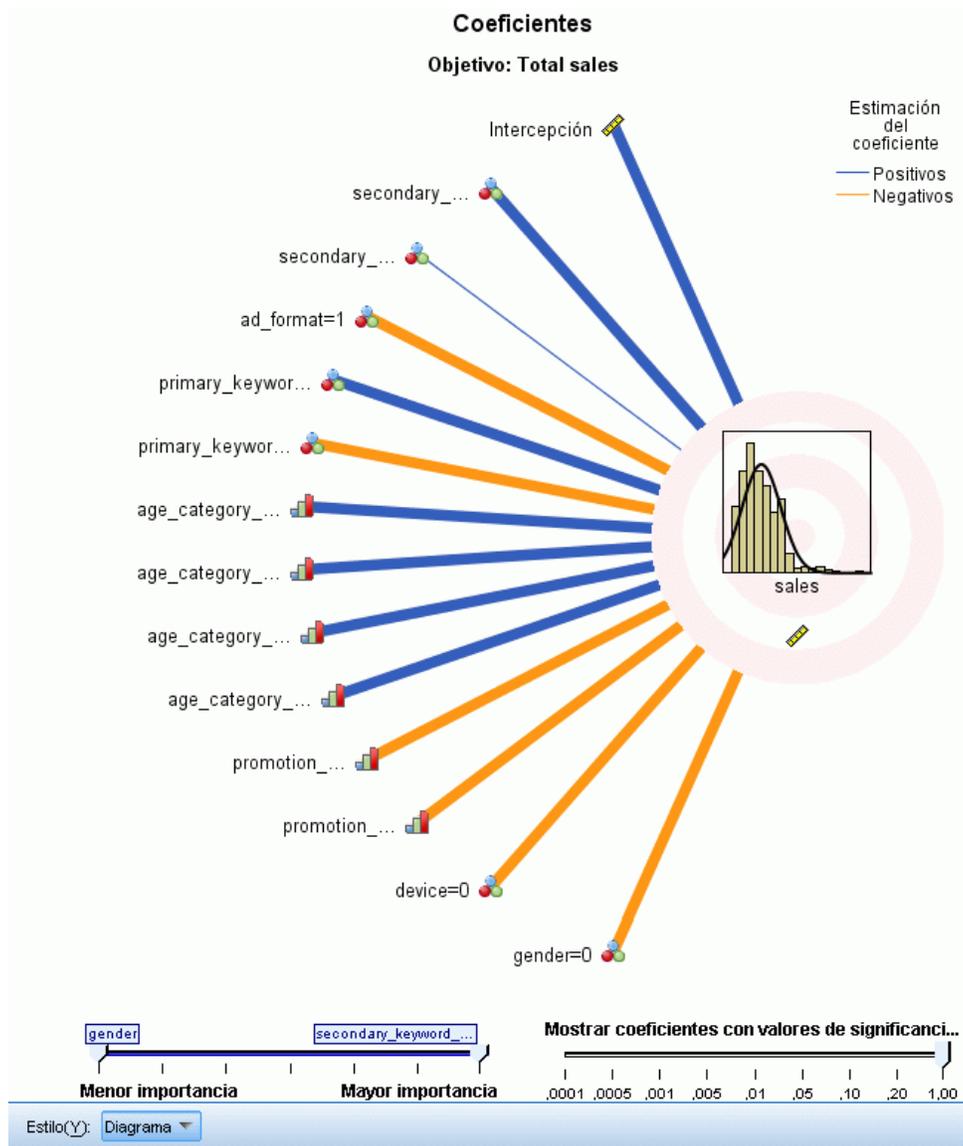
- **Diagrama.** Es un gráfico en el que los efectos se clasifican desde arriba hacia abajo con una importancia de predictores descendente. Las líneas de conexión del diagrama se ponderan tomando como base la significación del efecto, con un grosor de línea mayor correspondiente a efectos con mayor significación (valores p inferiores). Al pasar el ratón sobre una línea de conexión se muestra una sugerencia que muestra el valor p y la importancia del efecto. Ésta es la opción por defecto.
- **Tabla.** Se trata de una tabla ANOVA para el modelo completo y los efectos de modelo individuales. Los efectos individuales se clasifican desde arriba hacia abajo con una importancia de predictores descendente. Tenga en cuenta que, por defecto, la tabla se contrae para mostrar únicamente los resultados del modelo general. Para ver los resultados de los efectos de modelo individuales, pulse en la casilla Modelo corregido de la tabla.

Importancia del predictor. Existe un control deslizante Importancia del predictor que controla qué predictores se muestran en la vista. Esto no cambia el modelo, simplemente le permite centrarse en los predictores más importantes. Por defecto, se muestran los 10 efectos más importantes.

Significación. Existe un control deslizante Significación que controla aún más qué efectos se muestran en la vista, a parte de los que se muestran tomando como base la importancia de predictor. Se ocultan los efectos con valores de significación superiores al valor del control deslizante. Esto no cambia el modelo, simplemente le permite centrarse en los efectos más importantes. El valor por defecto es 1.00, de modo que no se filtran efectos tomando como base la significación.

Coeficientes

Figura 15-15
Vista de coeficientes, estilo de diagrama



Esta vista muestra el valor de cada coeficiente en el modelo. Tenga en cuenta que los factores (predictores categóricos) tienen codificación de indicador dentro del modelo, de modo que los **efectos** que contienen los factores generalmente tendrán múltiples **coeficientes** asociados: uno por cada categoría exceptuando la categoría que corresponde al parámetro (referencia) redundante.

Estilos. Existen varios estilos de visualización diferentes, que son accesibles desde la lista desplegable Estilo.

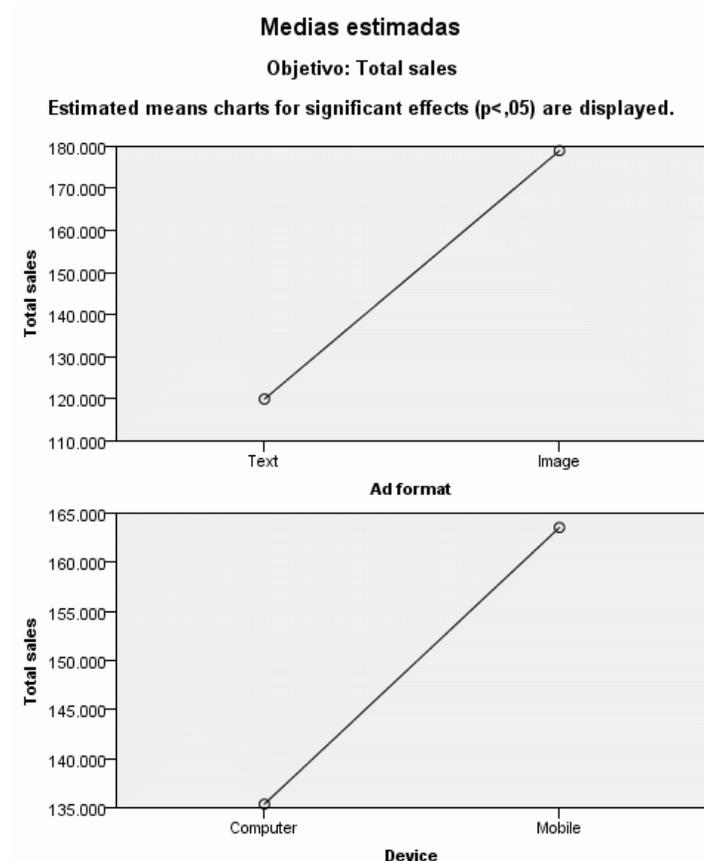
- **Diagrama.** Es un gráfico que muestra la intercepción primero, y luego clasifica los efectos desde arriba hacia abajo con una importancia de predictores descendente. Dentro de los efectos que contienen factores, los coeficientes se clasifican en orden ascendente de valores de datos. Las líneas de conexión del diagrama se colorean tomando como base el signo del coeficiente (consulte la descripción del diagrama) y se ponderan en función de la significación del coeficiente, con un grosor de línea mayor correspondiente a coeficientes con mayor significación (valores p inferiores). Al pasar el ratón sobre una línea de conexión se muestra una sugerencia que muestra el valor del coeficiente, su valor p y la importancia del efecto con el que está asociado el parámetro. Este es el estilo por defecto.
- **Tabla.** Muestra los valores, las pruebas de significación y los intervalos de confianza para los coeficientes de modelos individuales. Tras la intercepción, los efectos se clasifican desde arriba hacia abajo con una importancia de predictores descendente. Dentro de los efectos que contienen factores, los coeficientes se clasifican en orden ascendente de valores de datos. Tenga en cuenta que, por defecto, la tabla se contrae para mostrar únicamente los resultados de coeficiente, significación e importancia de cada parámetro de modelo. Para ver el error estándar, el estadístico t y el intervalo de confianza, pulse en la casilla Coeficiente de la tabla. Si pasa el ratón sobre el nombre de un parámetro de modelo en la tabla aparece una sugerencia que muestra el nombre del parámetro, el efecto con el que está asociado y (para los predictores categóricos) las etiquetas de valor asociadas con el parámetro de modelo. Esto puede ser especialmente útil para ver las nuevas categorías creadas cuando la preparación de datos automática fusiona categorías similares de un predictor categórico.

Importancia del predictor. Existe un control deslizante Importancia del predictor que controla qué predictores se muestran en la vista. Esto no cambia el modelo, simplemente le permite centrarse en los predictores más importantes. Por defecto, se muestran los 10 efectos más importantes.

Significación. Existe un control deslizante Significación que controla aún más qué coeficientes se muestran en la vista, a parte de los que se muestran tomando como base la importancia de predictor. Se ocultan los coeficientes con valores de significación superiores al valor del control deslizante. Esto no cambia el modelo, simplemente le permite centrarse en los coeficientes más importantes. El valor por defecto es 1.00, de modo que no se filtran coeficientes tomando como base la significación.

Medias estimadas

Figura 15-16
Vista Medias estimadas



Son gráficos representados para predictores significativos. El gráfico muestra el valor estimado de modelo del objetivo en el eje vertical de cada valor del predictor en el eje horizontal, que alberga el resto de los predictores constantes. Proporciona una visualización útil de los efectos de los coeficientes de cada predictor en el objetivo.

Nota: si no hay predictores significativos, no se generan medias estimadas.

Resumen de creación de modelos

Figura 15-17

Vista de Resumen de creación de modelos, algoritmo de selección por pasos hacia adelante

		Paso						
		1	2	3	4	5	6	7
Criterio de información		11.949,413	11.597,758	11.347,000	11.118,878	10.965,287	10.816,338	10.803,021
secondary_keyword_transformed		✓	✓	✓	✓	✓	✓	✓
ad_format			✓	✓	✓	✓	✓	✓
primary_keyword_transformed				✓	✓	✓	✓	✓
Efecto	age_category_transformed				✓	✓	✓	✓
	promotion_transformed					✓	✓	✓
	device						✓	✓
	gender							✓

El método de construcción de modelo es Pasos sucesivos hacia adelante utilizando el criterio de información. Una marca de verificación indica que el efecto está en el modelo en este paso.

Cuando se selecciona un algoritmo de selección de modelos que no sea Ninguno, proporciona algunos detalles del proceso de creación del modelo.

Pasos sucesivos hacia adelante. Cuando la selección por pasos hacia adelante es el algoritmo de selección, la tabla muestra los últimos 10 pasos en el algoritmo de selección por pasos hacia adelante. Para cada paso, se muestran el valor del criterio de selección y los efectos en el modelo en ese paso. Esto ofrece el sentido del grado de contribución de cada paso al modelo. Cada columna le permite clasificar las filas, de modo que es posible ver con mayor facilidad qué efectos hay en un paso en particular.

Mejores subconjuntos. Cuando Mejores subconjuntos es el algoritmo de selección, la tabla muestra los 10 modelos principales. Para cada modelo, se muestran el valor del criterio de selección y los efectos en el modelo. Esto ofrece un sentido de la estabilidad de los modelos principales; si tienden a tener muchos efectos similares con pocas diferencias, puede tenerse una confianza casi completa en el modelo “principal”; si tienden a tener muchos efectos diferentes, algunos efectos pueden ser demasiado parecidos y deberían combinarse (o eliminar uno). Cada columna le permite clasificar las filas, de modo que es posible ver con mayor facilidad qué efectos hay en un paso en particular.

Regresión lineal

La regresión lineal estima los coeficientes de la ecuación lineal, con una o más variables independientes, que mejor prediga el valor de la variable dependiente. Por ejemplo, puede intentar predecir el total de ventas anuales de un vendedor (la variable dependiente) a partir de variables independientes tales como la edad, la formación y los años de experiencia.

Ejemplo. ¿Están relacionados el número de partidos ganados por un equipo de baloncesto en una temporada con la media de puntos que el equipo marca por partido? Un diagrama de dispersión indica que estas variables están relacionadas linealmente. El número de partidos ganados y la media de puntos marcados por el equipo adversario también están relacionados linealmente. Estas variables tienen una relación negativa. A medida que el número de partidos ganados aumenta, la media de puntos marcados por el equipo adversario disminuye. Con la regresión lineal es posible modelar la relación entre estas variables. Puede utilizarse un buen modelo para predecir cuántos partidos ganarán los equipos.

Estadísticos. Para cada variable: número de casos válidos, media y desviación típica. Para cada modelo: coeficientes de regresión, matriz de correlaciones, correlaciones parciales y semiparciales, R múltiple, R^2 , R^2 corregida, cambio en R^2 , error típico de la estimación, tabla de análisis de varianza, valores pronosticados y residuos. Además, intervalos de confianza al 95% para cada coeficiente de regresión, matriz de varianzas-covarianzas, factor de inflación de la varianza, tolerancia, prueba de Durbin-Watson, medidas de distancia (Mahalanobis, Cook y valores de influencia), Df_{Beta} , Df_{Ajuste} , intervalos de pronóstico y diagnósticos por caso. Gráficos: diagramas de dispersión, gráficos parciales, histogramas y gráficos de probabilidad normal.

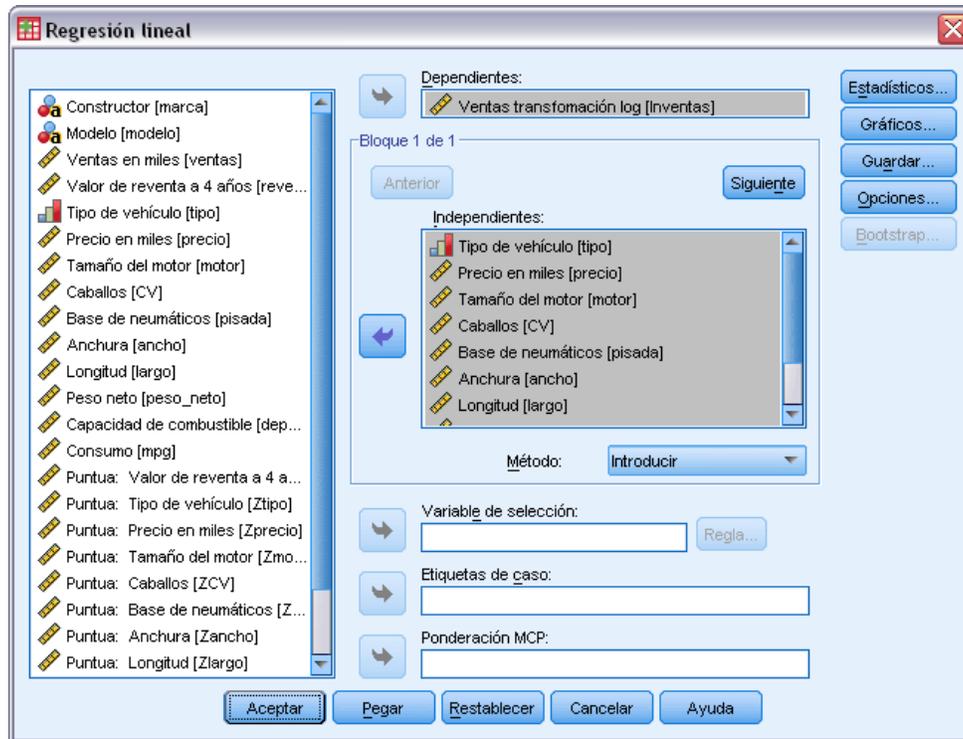
Datos. Las variables dependiente e independientes deben ser cuantitativas. Las variables categóricas, como la religión, estudios principales o el lugar de residencia, han de recodificarse como variables binarias (dummy) o como otros tipos de variables de contraste.

Supuestos. Para cada valor de la variable independiente, la distribución de la variable dependiente debe ser normal. La varianza de distribución de la variable dependiente debe ser constante para todos los valores de la variable independiente. La relación entre la variable dependiente y cada variable independiente debe ser lineal y todas las observaciones deben ser independientes.

Para obtener un análisis de regresión lineal

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Regresión > Lineales...

Figura 16-1
Cuadro de diálogo Regresión lineal



- ▶ En el cuadro de diálogo Regresión lineal, seleccione una variable numérica dependiente.
- ▶ Seleccione una más variables numéricas independientes.

Si lo desea, puede:

- Agrupar variables independientes en bloques y especificar distintos métodos de entrada para diferentes subconjuntos de variables.
- Elegir una variable de selección para limitar el análisis a un subconjunto de casos que tengan valores particulares para esta variable.
- Seleccionar una variable de identificación de casos para identificar los puntos en los diagramas.
- Seleccione una variable numérica de Ponderación MCP para el análisis de mínimos cuadrados ponderados.

MCP. Permite obtener un modelo de mínimos cuadrados ponderados. Los puntos de los datos se ponderan por los inversos de sus varianzas. Esto significa que las observaciones con varianzas grandes tienen menor impacto en el análisis que las observaciones asociadas a varianzas pequeñas. Si el valor de la variable de ponderación es cero, negativo o perdido, el caso queda excluido del análisis.

Métodos de selección de variables en el análisis de regresión lineal

La selección del método permite especificar cómo se introducen las variables independientes en el análisis. Utilizando distintos métodos se pueden construir diversos modelos de regresión a partir del mismo conjunto de variables.

- **Introducir (Regresión).** Procedimiento para la selección de variables en el que todas las variables de un bloque se introducen en un solo paso.
- **Por pasos.** En cada paso se introduce la variable independiente que no se encuentre ya en la ecuación y que tenga la probabilidad para F más pequeña, si esa probabilidad es suficientemente pequeña. Las variables ya introducidas en la ecuación de regresión se eliminan de ella si su probabilidad para F llega a ser suficientemente grande. El método termina cuando ya no hay más variables candidatas a ser incluidas o eliminadas.
- **Eliminar.** Procedimiento para la selección de variables en el que las variables de un bloque se eliminan en un solo paso.
- **Eliminación hacia atrás.** Procedimiento de selección de variables en el que se introducen todas las variables en la ecuación y después se van excluyendo una tras otra. Aquella variable que tenga la menor correlación parcial con la variable dependiente será la primera en ser considerada para su exclusión. Si satisface el criterio de eliminación, se eliminará. Tras haber excluido la primera variable, se pondrá a prueba aquella variable, de las que queden en la ecuación, que presente una correlación parcial más pequeña. El procedimiento termina cuando ya no quedan en la ecuación variables que satisfagan el criterio de exclusión.
- **Selección hacia adelante.** Procedimiento de selección de variables por pasos en el que las variables se introducen secuencialmente en el modelo. La primera variable que se considerará introducir en la ecuación será la que tenga mayor correlación, positiva o negativa, con la variable dependiente. Dicha variable se introducirá en la ecuación sólo si cumple el criterio de entrada. Si se introduce la primera variable, a continuación se considerará la variable independiente cuya correlación parcial sea la mayor y que no esté en la ecuación. El procedimiento termina cuando ya no quedan variables que cumplan el criterio de entrada.

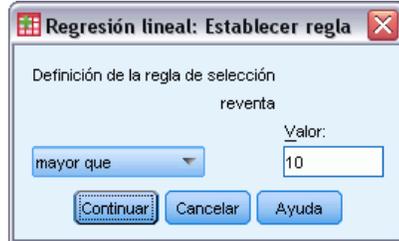
Los valores de significación de los resultados se basan en el ajuste de un único modelo. Por ello, estos valores no suele ser válidos cuando se emplea un método por pasos (pasos sucesivos, hacia adelante o hacia atrás).

Todas las variables deben superar el criterio de tolerancia para que puedan ser introducidas en la ecuación, independientemente del método de entrada especificado. El nivel de tolerancia por defecto es 0,0001. Tampoco se introduce una variable si esto provoca que la tolerancia de otra ya presente en el modelo se sitúe por debajo del criterio de tolerancia.

Todas las variables independientes seleccionadas se añaden a un mismo modelo de regresión. Sin embargo, puede especificar distintos métodos de introducción para diferentes subconjuntos de variables. Por ejemplo, puede introducir en el modelo de regresión un bloque de variables que utilice la selección por pasos sucesivos, y un segundo bloque que emplee la selección hacia adelante. Para añadir un segundo bloque de variables al modelo de regresión, pulse en Siguiente.

Regresión lineal: Establecer regla

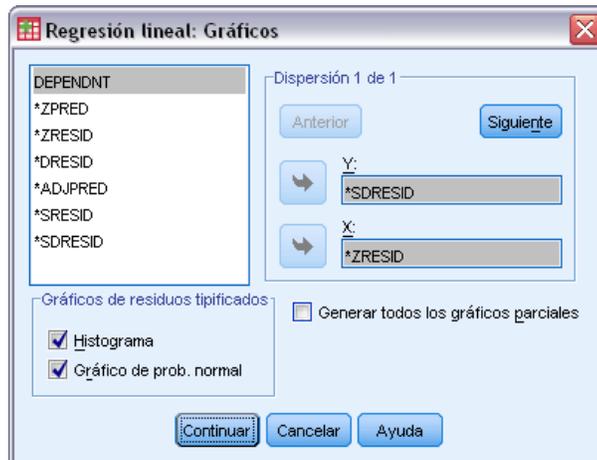
Figura 16-2
Cuadro de diálogo Regresión lineal: Establecer regla



Los casos definidos por la regla de selección se incluyen en el análisis. Por ejemplo, si selecciona una variable, elija igual que y escriba 5 para el valor; de este modo, solamente se incluirán en el análisis los casos para los cuales la variable seleccionada tenga un valor igual a 5. También se permite un valor de cadena.

Regresión lineal: Gráficos

Figura 16-3
Cuadro de diálogo Regresión lineal: Gráficos



Los gráficos pueden ayudar a validar los supuestos de normalidad, linealidad e igualdad de las varianzas. También son útiles para detectar valores atípicos, observaciones poco usuales y casos de influencia. Tras guardarlos como nuevas variables, dispondrá en el Editor de datos de los valores pronosticados, los residuos y otros valores diagnósticos, con los cuales podrá poder crear gráficos respecto a las variables independientes. Se encuentran disponibles los siguientes gráficos:

Diagramas de dispersión. Puede representar cualquier combinación por parejas de la lista siguiente: la variable dependiente, los valores pronosticados tipificados, los residuos tipificados, los residuos eliminados, los valores pronosticados corregidos, los residuos estudentizados o los residuos eliminados estudentizados. Represente los residuos tipificados frente a los valores pronosticados tipificados para contrastar la linealidad y la igualdad de las varianzas.

Lista de variables de origen. Muestra una lista con la variable dependiente (DEPENDNT) y las siguientes variables pronosticadas y residuales: Valores pronosticados tipificados (*ZPRED), Residuos tipificados (*ZRESID), Residuos eliminados (*DRESID), Valores pronosticados corregidos (*ADJPRED), Residuos estudentizados (*SRESID) y Residuos estudentizados eliminados (*SDRESID).

Generar todos los gráficos parciales. Muestra los diagramas de dispersión de los residuos de cada variable independiente y los residuos de la variable dependiente cuando se regresan ambas variables por separado sobre las restantes variables independientes. En la ecuación debe haber al menos dos variables independientes para que se generen los gráficos parciales.

Gráficos de residuos tipificados. Puede obtener histogramas de los residuos tipificados y gráficos de probabilidad normal que comparen la distribución de los residuos tipificados con una distribución normal.

Si se solicita cualquier gráfico, se muestran los estadísticos de resumen para los valores pronosticados tipificados y los residuos tipificados (*ZPRED y *ZRESID).

Regresión lineal: Para guardar variables nuevas

Figura 16-4
Cuadro de diálogo Regresión lineal: Guardar

The dialog box 'Regresión lineal: Guardar' contains the following options:

- Valores pronosticados:**
 - No tipificados
 - Tipificados
 - Corregidos
 - E.T. del pronóstico promedio
- Residuos:**
 - No tipificados
 - Tipificados
 - Método de Student
 - Eliminados
 - Eliminados estudentizados
- Distancias:**
 - Mahalanobis
 - De Cook
 - Valores de influencia
- Estadísticos de influencia:**
 - DfBetas
 - DfBetas tipificadas
 - DfAjuste
 - DfAjuste tipificada
 - Razón entre covarianzas
- Intervalos de pronóstico:**
 - Media
 - Individuos
 - Intervalo de confianza: 95 %
- Estadísticos de los coeficientes:**
 - Crear estadísticos de los coeficientes
 - Crear un nuevo conjunto de datos
 - Nombre de conjunto de datos:
 - Escribir un nuevo archivo de datos
 - Archivo...
- Exportar información del modelo a un archivo XML:**
 -
 - Incluir la matriz de covarianzas

Buttons at the bottom: , ,

Puede guardar los valores pronosticados, los residuos y otros estadísticos útiles para los diagnósticos. Cada selección añade una o más variables nuevas a su archivo de datos activo.

Valores pronosticados. Son los valores que el modelo de regresión pronostica para cada caso.

- **No tipificados.** Valor pronosticado por el modelo para la variable dependiente.
- **Tipificados.** Transformación de cada valor pronosticado a su forma tipificada. Es decir, se sustrae el valor pronosticado medio al valor pronosticado y el resultado se divide por la desviación típica de los valores pronosticados. Los valores pronosticados tipificados tienen una media de 0 y una desviación típica de 1.
- **Corregidos.** Valor pronosticado para un caso cuando dicho caso no se incluye en los cálculos de los coeficientes de regresión.
- **E.T. del pronóstico promedio.** Error típico de los valores pronosticados. Estimación de la desviación típica del valor promedio de la variable dependiente para los casos que tengan los mismos valores en las variables independientes.

Distancias. Son medidas para identificar casos con combinaciones poco usuales de valores para las variables independientes y casos que puedan tener un gran impacto en el modelo.

- **Mahalanobis.** Medida de cuánto difieren del promedio para todos los casos los valores en las variables independientes de un caso dado. Una distancia de Mahalanobis grande identifica un caso que tenga valores extremos en una o más de las variables independientes.
- **De Cook.** Una medida de cuánto cambiarían los residuos de todos los casos si un caso particular se excluyera del cálculo de los coeficientes de regresión. Una Distancia de Cook grande indica que la exclusión de ese caso del cálculo de los estadísticos de regresión hará variar substancialmente los coeficientes.
- **Valores de influencia.** Mide la influencia de un punto en el ajuste de la regresión. Influencia centrada varía entre 0 (no influye en el ajuste) a $(N-1)/N$.

Intervalos de pronóstico. Los límites superior e inferior para los intervalos de pronóstico individual y promedio.

- **Media.** Límites inferior y superior (dos variables) para el intervalo de predicción de la respuesta pronosticada promedio.
- **Individuos.** Límites superior e inferior (dos variables) del intervalo de predicción para la variable dependiente para un caso individual.
- **Intervalo de confianza.** Introduzca un valor entre 1 y 99,99 para especificar el nivel de confianza para los dos intervalos de predicción. Debe seleccionar Media o Individuos antes de introducir este valor. Los valores habituales de los intervalos de confianza son 90, 95 y 99.

Residuos. El valor actual de la variable dependiente menos el valor pronosticado por la ecuación de regresión.

- **No tipificados.** Diferencia entre un valor observado y el valor pronosticado por el modelo.
- **Tipificados.** El residuo dividido por una estimación de su error típico. Los residuos tipificados, que son conocidos también como los residuos de Pearson o residuos estandarizados, tienen una media de 0 y una desviación típica de 1.
- **Método de Student.** Residuo dividido por una estimación de su desviación típica que varía de caso en caso, dependiendo de la distancia de los valores de cada caso en las variables independientes respecto a las medias en las variables independientes.

- **Eliminados.** Residuo para un caso cuando éste se excluye del cálculo de los coeficientes de la regresión. Es igual a la diferencia entre el valor de la variable dependiente y el valor pronosticado corregido.
- **Eliminados estudentizados.** Residuo eliminado para un caso dividido por su error típico. La diferencia entre un residuo eliminado estudentizado y su residuo estudentizado asociado indica la diferencia que implica el eliminar un caso sobre su propia predicción.

Estadísticos de influencia. El cambio en los coeficientes de regresión (DfBeta) y en los valores pronosticados (DfAjuste) que resulta de la exclusión de un caso particular. También están disponibles los valores tipificados para las DfBeta y para las DfAjuste, junto con la razón entre covarianzas.

- **DfBeta(s).** La diferencia en el valor de beta es el cambio en el valor de un coeficiente de regresión que resulta de la exclusión de un caso particular. Se calcula un valor para cada término del modelo, incluyendo la constante.
- **DfBeta tipificada.** Valor de la diferencia en beta tipificada. El cambio tipificado en un coeficiente de regresión cuando se elimina del análisis un caso particular. Puede interesarle examinar aquellos casos cuyos valores absolutos sean mayores que 2 dividido por la raíz cuadrada de N, donde N es el número de casos. Se calcula un valor para cada término del modelo, incluyendo la constante.
- **DfAjuste.** La diferencia en el valor ajustado es el cambio en el valor pronosticado que resulta de la exclusión de un caso particular.
- **DfAjuste tipificado.** Diferencia tipificada en el valor ajustado. El cambio, tipificado, en el valor pronosticado que resulta de la exclusión de un caso particular. Puede interesarle examinar aquellos valores tipificados cuyo valor absoluto sea mayor que 2 dividido por la raíz cuadrada de p/N , donde p es el número de variables independientes en la ecuación y N es el número de casos.
- **Razón entre covarianzas.** Razón del determinante de la matriz de covarianza con un caso particular excluido del cálculo de los coeficientes de regresión, respecto al determinante de la matriz de covarianza con todos los casos incluidos. Si la razón se aproxima a 1, el caso no altera significativamente la matriz de covarianza.

Estadísticos de los coeficientes. Almacena los coeficientes de regresión en un conjunto de datos o en un archivo de datos. Los conjuntos de datos están disponibles para su uso posterior durante la misma sesión, pero no se guardarán como archivos a menos que se hayan guardado explícitamente antes de que finalice la sesión. El nombre de un conjunto de datos debe cumplir las normas de denominación de variables.

Exportar información del modelo a un archivo XML. Las estimaciones de los parámetros y (si lo desea) sus covarianzas se exportan al archivo especificado en formato XML (PMML). Puede utilizar este archivo de modelo para aplicar la información del modelo a otros archivos de datos para puntuarlo.

Regresión lineal: Estadísticos

Figura 16-5
Cuadro de diálogo Estadísticos



Se encuentran disponibles los siguientes estadísticos:

Coeficientes de regresión. La opción Estimaciones muestra el coeficiente de regresión B , el error típico de B , el coeficiente beta tipificado, el valor de t para B y el nivel de significación bilateral t . Intervalos de confianza muestra intervalos de confianza con el nivel de confianza especificado para cada coeficiente de regresión o una matriz de covarianzas. Matriz de covarianzas muestra una matriz de varianzas-covarianzas de los coeficientes de regresión, con las covarianzas fuera de la diagonal y las varianzas en la diagonal. También se muestra una matriz de correlaciones.

Ajuste del modelo. Presenta una lista de las variables introducidas y eliminadas del modelo y muestra los siguientes estadísticos de bondad de ajuste: R múltiple, R^2 y R^2 corregida, error típico de la estimación y tabla de análisis de la varianza.

Cambio en R^2 . Cambio en el estadístico R^2 que se produce al añadir o eliminar una variable independiente. Si es grande el cambio en R^2 asociado a una variable, esto significa que esa variable es un buen predictor de la variable dependiente.

Descriptivos. Proporciona el número de casos válidos, la media y la desviación típica para cada variable en el análisis. También muestra una matriz de correlaciones con el nivel de significación unilateral y el número de casos para cada correlación.

Correlación parcial. La correlación remanente entre dos variables después de haber eliminado la correlación debida a su asociación mutua con otras variables. La correlación entre una variable dependiente y una variable independiente cuando se han eliminado de ambas los efectos lineales de las otras variables independientes del modelo.

Correlación semiparcial. La correlación entre la variable dependiente y una variable independiente cuando se han eliminado de la variable independiente los efectos lineales de las otras variables independientes del modelo. Está relacionada con el cambio en R^2 cuando una variable se añade a una ecuación. En ocasiones se denomina correlación semiparcial.

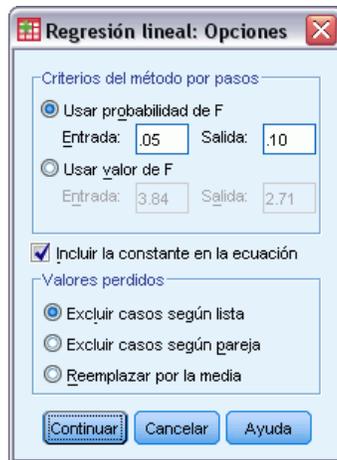
Diagnósticos de colinealidad. La colinealidad (o multicolinealidad) es una situación no deseable en la que una de las variables independientes es una función lineal de otras variables independientes. Muestra los autovalores de la matriz de productos cruzados no centrada y escalada, los índices de condición y las proporciones de la descomposición de la varianza junto con los factores de inflación de la varianza (FIV) y las tolerancias para las variables individuales.

Residuos. Presenta la prueba de Durbin-Watson sobre la correlación serial de los residuos y los diagnósticos por casos para los casos que cumplan el criterio de selección (los valores atípicos por encima de n desviaciones típicas).

Regresión lineal: Opciones

Figura 16-6

Cuadro de diálogo Regresión lineal: Opciones



Se encuentran disponibles las siguientes opciones:

Criterios del método por pasos. Estas opciones son aplicables si se ha especificado el método de selección de variables hacia adelante, hacia atrás o por pasos. Las variables se pueden introducir o eliminar del modelo dependiendo de la significación (probabilidad) del valor de F o del propio valor de F .

- **Usar la probabilidad de F.** Una variable se introduce en el modelo si el nivel de significación de su valor de F es menor que el valor de entrada, y se elimina si el nivel de significación de su valor de F es mayor que el valor de salida. La entrada debe ser menor que la salida y ambos valores deben ser positivos. Para introducir más variables en el modelo, aumente el valor de entrada. Para eliminar más variables del modelo, disminuya el valor de salida.
- **Usar valor de F.** Una variable se introduce en el modelo si su valor de F es mayor que el valor de entrada, y se elimina si su valor de F es menor que el valor de salida. La entrada debe ser mayor que la salida y ambos valores deben ser positivos. Para introducir más variables en el modelo, disminuya el valor de entrada. Para eliminar más variables del modelo, eleve el valor de salida.

Incluir la constante en la ecuación. Por defecto, el modelo de regresión incluye un término constante. Si se anula la selección de esta opción se obtiene la regresión que pasan por el origen, lo cual se hace raramente. Algunos resultados de la regresión que pasan por el origen no son

comparables con los resultados de la regresión que sí incluyen una constante. Por ejemplo, R^2 no puede interpretarse de la manera usual.

Valores perdidos. Puede elegir uno de los siguientes:

- **Excluir casos según lista.** Sólo se incluirán en el análisis los casos con valores válidos para todas las variables.
- **Excluir casos según pareja.** Los casos con datos completos para la pareja de variables correlacionadas se utilizan para calcular el coeficiente de correlación en el cual se basa el análisis de regresión. Los grados de libertad se basan en el N mínimo de las parejas.
- **Reemplazar por la media.** Se emplean todos los casos en los cálculos, sustituyendo las observaciones perdidas por la media de la variable.

Funciones adicionales del comando REGRESSION

La sintaxis de comandos también le permite:

- Escribir una matriz de correlaciones o leer una matriz (en lugar de los datos brutos) con el fin de obtener el análisis de regresión (mediante el subcomando `MATRIX`).
- Especificar los niveles de tolerancia (mediante el subcomando `CRITERIA`).
- Obtener múltiples modelos para las mismas variables dependientes u otras diferentes (mediante los subcomandos `METHOD` y `DEPENDENT`).
- Obtener estadísticos múltiples (mediante los subcomandos `DESCRIPTIVE` y `VARIABLES`).

Consulte la *Referencia de sintaxis de comandos* para obtener información completa de la sintaxis.

Regresión ordinal

La regresión ordinal permite dar forma a la dependencia de una respuesta ordinal politómica sobre un conjunto de predictores, que pueden ser factores o covariables. El diseño de la regresión ordinal se basa en la metodología de McCullagh (1980, 1998) y en la sintaxis se hace referencia al procedimiento como `PLUM`.

El análisis de regresión lineal ordinario implica minimizar las diferencias de la suma de los cuadrados entre una variable de respuesta (la dependiente) y una combinación ponderada de las variables predictoras (las independientes). Los coeficientes estimados reflejan cómo los cambios en los predictores afectan a la respuesta. Se considera que la respuesta es numérica, en el sentido en que los cambios en el nivel de la respuesta son equivalentes en todo el rango de la respuesta. Por ejemplo, la diferencia de altura entre una persona que mide 150 cm y una que mide 140 cm es de 10 cm, que tiene el mismo significado que la diferencia de altura entre una persona que mide 210 cm y una que mide 200 cm. Estas relaciones no se mantienen necesariamente con las variables ordinales, en las que la elección y el número de categorías de respuesta pueden ser bastante arbitrarios.

Ejemplo. La regresión ordinal podría utilizarse para estudiar la reacción de los pacientes con respecto a una dosis de un fármaco. Las reacciones posibles podrían clasificarse como *ninguna*, *ligera*, *moderada* o *grave*. La diferencia entre una reacción ligera y una moderada es difícil o imposible de cuantificar y se basa en la apreciación. Además, la diferencia entre una respuesta ligera y una moderada podría ser superior o inferior a la diferencia entre una respuesta moderada y una grave.

Estadísticos y gráficos. Frecuencias observadas y esperadas y frecuencias acumuladas, residuos de Pearson para las frecuencias y las frecuencias acumuladas, probabilidades observadas y esperadas, probabilidades acumuladas observadas y esperadas para cada categoría de respuesta por patrón en las covariables, matrices de correlaciones asintóticas y de covarianzas entre las estimaciones de los parámetros, chi-cuadrado de Pearson y chi-cuadrado de la razón de verosimilitud, estadísticos de bondad de ajuste, historial de iteraciones, contraste del supuesto de líneas paralelas, estimaciones de los parámetros, errores típicos, intervalos de confianza y estadísticos R^2 de Cox y Snell, de Nagelkerke y de McFadden.

Datos. Se asume que la variable dependiente es ordinal y puede ser numérica o de cadena. El orden se determina al clasificar los valores de la variable dependiente en orden ascendente. El valor inferior define la primera categoría. Se asume que las variables de factor son categóricas. Las covariables deben ser numéricas. Observe que al usar más de una covariable continua, se puede llegar a crear una tabla de probabilidades de casilla muy grande.

Supuestos. Sólo se permite una variable de respuesta y debe especificarse. Además, para cada patrón distinto de valores en las variables independientes, se supone que las respuestas son variables multinomiales independientes.

Procedimientos relacionados. La regresión logística nominal utiliza modelos similares para las variables dependientes nominales.

Obtener una regresión ordinal

- Elija en los menús:
Analizar > Regresión > Ordinal...

Figura 17-1
Cuadro de diálogo Regresión ordinal

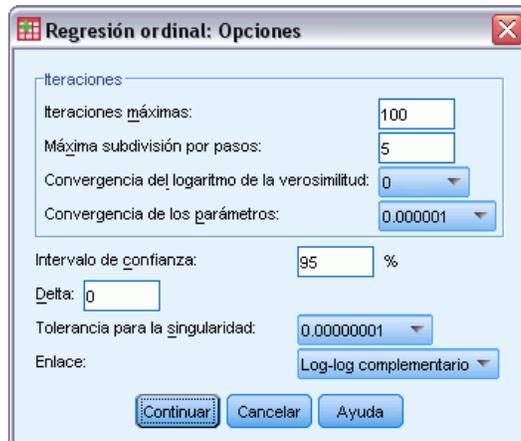


- Seleccione una variable dependiente.
- Pulse en Aceptar.

Regresión ordinal: Opciones

El cuadro de diálogo Opciones le permite ajustar los parámetros utilizados en el algoritmo de estimación iterativo, seleccionar un nivel de confianza para las estimaciones de los parámetros y seleccionar una función de enlace.

Figura 17-2
Cuadro de diálogo Regresión ordinal: Opciones



Iteraciones. El algoritmo iterativo puede personalizarse.

- **Iteraciones máximas.** Especifique un número entero no negativo. Si se especifica el 0, el procedimiento devolverá las estimaciones iniciales.
- **Máxima subdivisión por pasos.** Especifique un número entero positivo.
- **Convergencia del logaritmo de la verosimilitud.** El algoritmo se detiene si el cambio absoluto o relativo en el logaritmo de la verosimilitud es inferior a este valor. Si se especifica 0, no se utiliza el criterio.
- **Convergencia de los parámetros.** El algoritmo se detiene si el cambio absoluto o relativo en cada una de las estimaciones de los parámetros es inferior a este valor. Si se especifica 0, no se utiliza el criterio.

Intervalo de confianza. Especifique un valor mayor o igual a 0 e inferior a 100.

Delta. El valor añadido a las frecuencias de casilla de cero. Especifique un valor no negativo inferior a 1.

Tolerancia para la singularidad. Utilizada para comprobar los predictores con alta dependencia. Seleccione un valor en la lista de opciones.

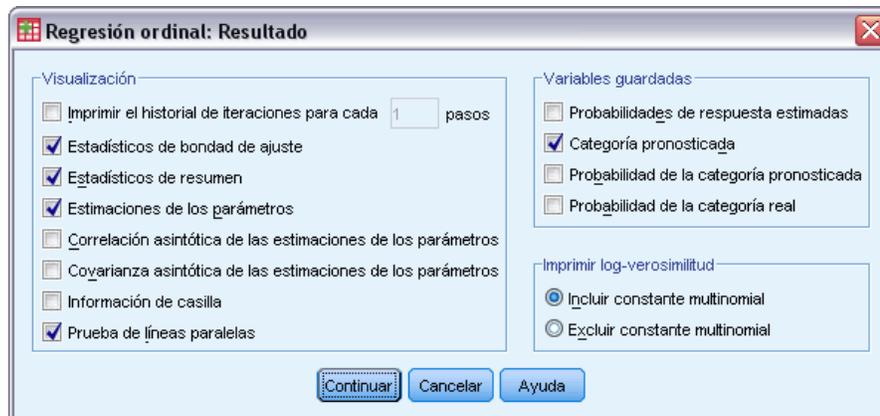
Función de enlace. La función de enlace es una transformación de las probabilidades acumuladas que permiten la estimación del modelo. Existen cinco funciones de enlace que se resumen en la siguiente tabla.

Función	Fórmula	Aplicación típica
Logit	$\log(\xi / (1-\xi))$	Categorías distribuidas de forma uniforme
Log-log complementario	$\log(-\log(1-\xi))$	Categorías más altas más probables
Log-log negativo	$-\log(-\log(\xi))$	Categorías más bajas más probables
Probit	$\Phi^{-1}(\xi)$	La variable latente sigue una distribución normal
Cauchit (Cauchy inversa)	$\tan(\pi(\xi-0,5))$	La variable latente tiene muchos valores extremos

Resultados de la regresión ordinal

El cuadro de diálogo Resultados le permite generar tablas que se pueden visualizar en el Visor y guardar variables en el archivo de trabajo.

Figura 17-3
Cuadro de diálogo Regresión ordinal: Resultados



Mostrar. Genera tablas correspondientes a:

- **Imprimir el historial de iteraciones.** El logaritmo de la verosimilitud y las estimaciones de los parámetros se imprimen con la frecuencia de iteraciones a imprimir especificada. Siempre se imprimen la primera y la última iteración.
- **Estadísticos de bondad de ajuste.** Estadísticos chi-cuadrado de Pearson y chi-cuadrado de la razón de verosimilitud. Estos estadísticos se calculan según la clasificación especificada en la lista de variables.
- **Estadísticos de resumen.** R^2 de Cox y Snell, de Nagelkerke y de McFadden.
- **Estimaciones de los parámetros.** Estimaciones de los parámetros, errores típicos e intervalos de confianza.
- **Correlación asintótica de las estimaciones de los parámetros.** Matriz de las correlaciones entre las estimaciones de los parámetros.
- **Covarianza asintótica de las estimaciones de los parámetros.** Matriz de las covarianzas entre las estimaciones de los parámetros.
- **Información de casilla.** Frecuencias esperadas y observadas y frecuencias acumuladas, residuos de Pearson para las frecuencias y las frecuencias acumuladas, probabilidades esperadas y observadas y probabilidades esperadas y observadas de cada categoría de respuesta según el patrón en las covariables. Tenga en cuenta que en el caso de modelos con muchos patrones de covariables (por ejemplo, modelos con covariables continuas), esta opción puede generar una tabla grande y poco manejable.
- **Prueba de líneas paralelas.** Prueba correspondiente a la hipótesis de que los parámetros de ubicación son equivalentes en todos los niveles de la variable dependiente. Esta prueba está disponible únicamente para el modelo de sólo ubicación.

Variables guardadas. Guarda las siguientes variables en el archivo de trabajo:

- **Probabilidades de respuesta estimadas.** Probabilidades estimadas por el modelo para la clasificación de un patrón de factor/covariable en las categorías de respuesta. El número de probabilidades es igual al número de categorías de respuesta.
- **Categoría pronosticada.** La categoría de respuesta con la mayor probabilidad estimada para un patrón de factor/covariable.

- **Probabilidad de la categoría pronosticada.** Probabilidades estimada de la clasificación de un patrón factor/covariable en la categoría pronosticada. Esta probabilidad también es el máximo de las probabilidades estimadas para el patrón de factor/covariable.
- **Probabilidad de la categoría real.** Probabilidad estimada de la clasificación de un patrón factor/covariable en la categoría real.

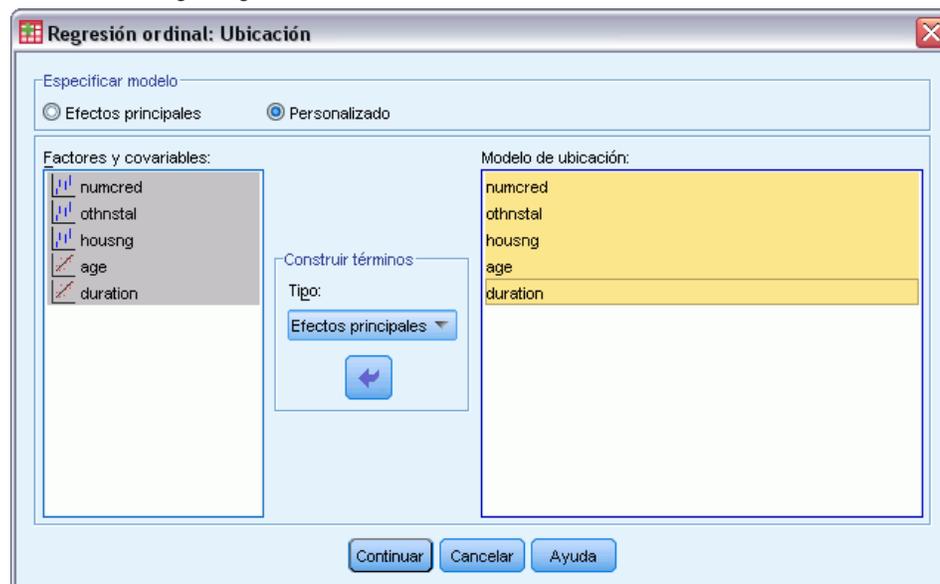
Imprimir log-verosimilitud. Controla la representación del logaritmo de la verosimilitud. Incluir constante multinomial ofrece el valor completo de la verosimilitud. Para comparar los resultados con los productos que no incluyan la constante, puede seleccionar la opción de excluirla.

Modelo de ubicación de la regresión ordinal

El cuadro de diálogo Ubicación le permite especificar el modelo de ubicación para el análisis.

Figura 17-4

Cuadro de diálogo Regresión ordinal: Ubicación



Especificar modelo. Un modelo de efectos principales contiene los efectos principales de las covariables y los factores, pero no contiene efectos de interacción. Puede crear un modelo personalizado para especificar subconjuntos de interacciones entre los factores o bien interacciones entre las covariables.

Factores y covariables. Muestra una lista de los factores y las covariables.

Modelo de ubicación. El modelo depende de los efectos principales y de los de interacción que seleccione.

Construir términos

Para las covariables y los factores seleccionados:

Interacción. Crea el término de interacción de mayor nivel con todas las variables seleccionadas. Este es el método por defecto.

Efectos principales. Crea un término de efectos principales para cada variable seleccionada.

Todas de 2. Crea todas las interacciones dobles posibles de las variables seleccionadas.

Todas de 3. Crea todas las interacciones triples posibles de las variables seleccionadas.

Todas de 4. Crea todas las interacciones cuádruples posibles de las variables seleccionadas.

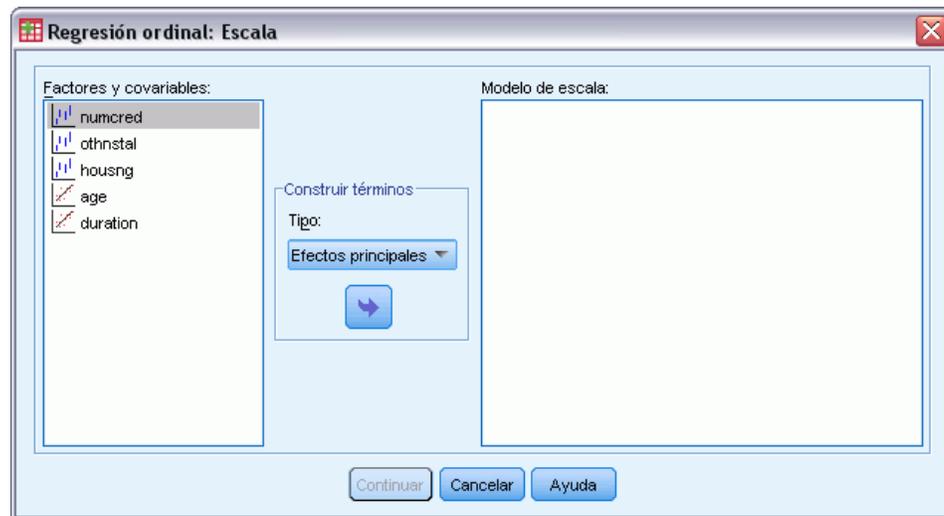
Todas de 5. Crea todas las interacciones quíntuples posibles de las variables seleccionadas.

Modelo de escala de la regresión ordinal

El cuadro de diálogo Escala le permite especificar el modelo de escala para el análisis.

Figura 17-5

Cuadro de diálogo Regresión ordinal: Escala



Factores y covariables. Muestra una lista de los factores y las covariables.

Modelo de escala. El modelo depende de los efectos principales y de los de interacción que seleccione.

Construir términos

Para las covariables y los factores seleccionados:

Interacción. Crea el término de interacción de mayor nivel con todas las variables seleccionadas. Este es el método por defecto.

Efectos principales. Crea un término de efectos principales para cada variable seleccionada.

- Todas de 2.** Crea todas las interacciones dobles posibles de las variables seleccionadas.
- Todas de 3.** Crea todas las interacciones triples posibles de las variables seleccionadas.
- Todas de 4.** Crea todas las interacciones cuádruples posibles de las variables seleccionadas.
- Todas de 5.** Crea todas las interacciones quintuples posibles de las variables seleccionadas.

Funciones adicionales del comando PLUM

Se puede personalizar la regresión ordinal si se pegan las selecciones en una ventana de sintaxis y se edita la sintaxis del comando `PLUM` resultante. Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Crear contrastes de hipótesis personalizados especificando las hipótesis nulas como combinaciones lineales de los parámetros.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Estimación curvilínea

El procedimiento Estimación Curvilínea genera estadísticos de estimación curvilínea por regresión y gráficos relacionados para 11 modelos diferentes de estimación curvilínea por regresión. Se produce un modelo diferente para cada variable dependiente. También se pueden guardar valores pronosticados, residuos e intervalos pronosticados como nuevas variables.

Ejemplo. Un proveedor de servicios de Internet realiza un seguimiento del porcentaje de tráfico de correo electrónico infectado de virus en la red a lo largo del tiempo. Un diagrama de dispersión revela que la relación es no lineal. Se puede ajustar un modelo lineal a los datos y comprobar la validez de los supuestos y la bondad de ajuste del modelo.

Estadísticos. Para cada modelo: coeficientes de regresión, R múltiple, R^2 cuadrado, R^2 cuadrado corregida, error típico de la estimación, tabla de análisis de varianza, valores pronosticados, residuos e intervalos de pronóstico. Modelos: lineal, logarítmico, inverso, cuadrático, cúbico, de potencia, compuesto, curva-S, logístico, de crecimiento y exponencial.

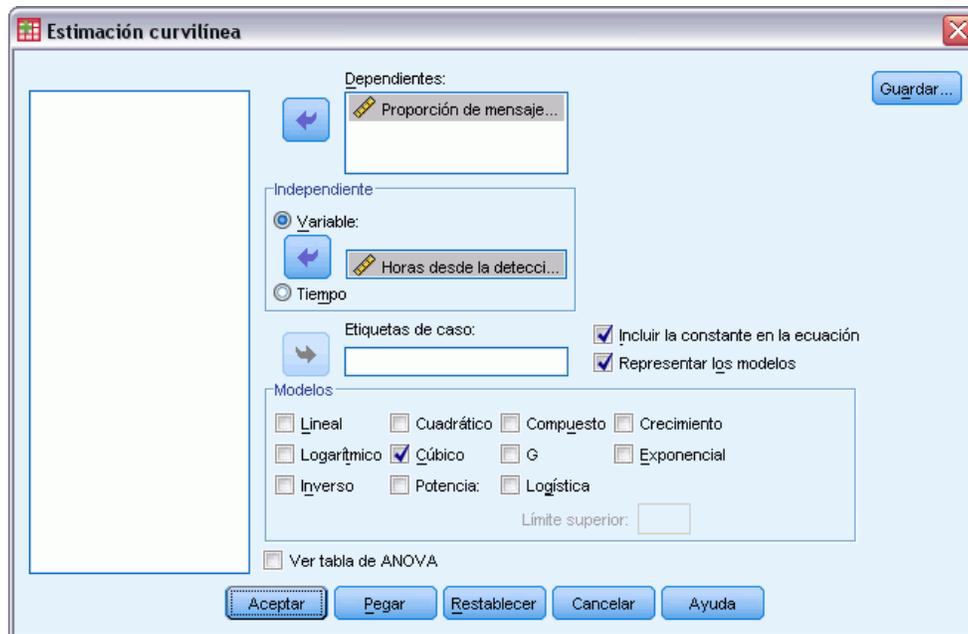
Datos. Las variables dependiente e independientes deben ser cuantitativas. Si selecciona Tiempo del conjunto de datos activo como variable independiente (en lugar de una variable), el procedimiento Estimación curvilínea generará una variable de tiempo en la que la distancia temporal entre los casos es uniforme. Si se selecciona Tiempo, la variable dependiente debe ser una medida de serie temporal. El análisis de series temporales requiere una estructura particular para los archivos de datos, de manera que cada caso (cada fila) represente un conjunto de observaciones en un momento determinado del tiempo y que la distancia temporal entre los casos sea uniforme.

Supuestos. Represente los datos gráficamente para determinar cómo se relacionan las variables dependientes e independiente (linealmente, exponencialmente, etc.). Los residuos de un buen modelo deben distribuirse de forma aleatoria y normal. Si se utiliza un modelo lineal, se deben cumplir los siguientes supuestos: Para cada valor de la variable independiente, la distribución de la variable dependiente debe ser normal. La varianza de distribución de la variable dependiente debe ser constante para todos los valores de la variable independiente. La relación entre la variable dependiente y la variable independiente debe ser lineal y todas las observaciones deben ser independientes.

Para obtener una estimación curvilínea

- ▶ En los menús, seleccione:
Analizar > Regresión > Estimación curvilínea...

Figura 18-1
Cuadro de diálogo Estimación curvilínea



- ▶ Seleccione una o más variables dependientes. Se produce un modelo diferente para cada variable dependiente.
- ▶ Seleccione una variable independiente (seleccione una variable del conjunto de datos activo o Tiempo).
- ▶ Si lo desea:
 - Seleccionar una variable para etiquetar los casos en los diagramas de dispersión. Para cada punto en el diagrama de dispersión, se puede utilizar la herramienta de Identificación de puntos para mostrar el valor de la variable utilizada en Etiquetas de caso.
 - Pulsar en Guardar para guardar los valores pronosticados, los residuos y los intervalos de pronóstico como nuevas variables.

También se encuentran disponibles las siguientes opciones:

- **Incluir la constante en la ecuación.** Estima un término constante en la ecuación de regresión. La constante se incluye por defecto.
- **Representar los modelos.** Representa los valores de la variable dependiente y cada modelo seleccionado frente a la variable independiente. Se genera un gráfico distinto para cada variable dependiente.
- **Ver tabla de ANOVA.** Muestra una tabla de análisis de varianza de resumen para cada modelo seleccionado.

Modelos del procedimiento Estimación curvilínea

Se puede seleccionar uno o más modelos de estimación curvilínea por regresión. Para determinar qué modelo utilizar, represente los datos. Si las variables parecen estar relacionadas linealmente, utilice un modelo de regresión lineal simple. Cuando las variables no estén relacionadas linealmente, intente transformar los datos. Cuando la transformación no resulte útil, puede necesitar un modelo más complicado. Inspeccione un diagrama de dispersión de los datos; si el diagrama se parece a una función matemática reconocible, ajuste los datos a ese tipo de modelo. Por ejemplo, si los datos se parecen a una función exponencial, utilice un modelo exponencial.

Lineal. Modelo cuya ecuación es $Y = b_0 + (b_1 * t)$. Los valores de la serie se modelan como una función lineal del tiempo.

Logarítmica. Modelo cuya ecuación es $Y = b_0 + (b_1 * \ln(t))$.

Inversa. Modelo cuya ecuación es $Y = b_0 + (b_1 / t)$.

Cuadrático. Modelo cuya ecuación es $Y = b_0 + (b_1 * t) + (b_2 * t^{**2})$. El modelo cuadrático puede utilizarse para modelar una serie que "despega" o una serie que se amortigua.

Cúbico. Modelo definido por la ecuación $Y = b_0 + (b_1 * t) + (b_2 * t^{**2}) + (b_3 * t^{**3})$.

Potencia. Modelo cuya ecuación es $Y = b_0 * (t^{**b_1})$ ó $\ln(Y) = \ln(b_0) + (b_1 * \ln(t))$.

Compuesto. Modelo cuya ecuación es $Y = b_0 * (b_1^{**t})$ ó $\ln(Y) = \ln(b_0) + (\ln(b_1) * t)$.

curva-S. Modelo cuya ecuación es $Y = e^{**}(b_0 + (b_1/t))$ o $\ln(Y) = b_0 + (b_1/t)$.

Logística. Modelo cuya ecuación es $Y = 1 / (1/u + (b_0 * (b_1^{**t})))$ o $\ln(1/y-1/u) = \ln(b_0) + (\ln(b_1) * t)$ donde u es el valor del límite superior. Después de seleccionar Logístico, especifique un valor para el límite superior que se utilizará en la ecuación de regresión. El valor debe ser un número positivo mayor que el valor máximo de la variable dependiente.

Crecimiento. Modelo cuya ecuación es $Y = e^{**}(b_0 + (b_1 * t))$ ó $\ln(Y) = b_0 + (b_1 * t)$.

Exponencial. Modelo cuya ecuación es $Y = b_0 * (e^{**}(b_1 * t))$ ó $\ln(Y) = \ln(b_0) + (b_1 * t)$.

Estimación curvilínea: Guardar

Figura 18-2
Cuadro de diálogo Estimación curvilínea: Guardar

Estimación curvilínea: Guardar

Guardar variables:

- Valores pronosticados
- Residuos
- Intervalos de pronóstico
- 95 Intervalo de confianza %

El período de estimación es:
Todos los casos

Pronosticar casos:

- Desde el período de estimación hasta el último caso
- Predecir hasta:
- Observación:

Continuar Cancelar Ayuda

Guardar variables. Para cada modelo seleccionado se pueden guardar los valores pronosticados, los residuos (el valor observado de la variable dependiente menos el valor pronosticado por el modelo) y los intervalos de pronóstico (sus límites superior e inferior). En la ventana de resultados, se muestran en una tabla los nombres de las nuevas variables y las etiquetas descriptivas.

Pronosticar casos. En el conjunto de datos activo, si se selecciona Tiempo como variable independiente en lugar de una variable, se puede especificar un período de predicción que vaya más allá del final de la serie temporal. Puede elegir una de las siguientes alternativas:

- **Desde el período de estimación hasta el último caso.** Pronostica los valores para todos los casos del archivo, basándose en los casos del período de estimación. El período de estimación, que se muestra en la parte inferior del cuadro de diálogo, se define con el subcuadro de diálogo Rango de la opción Seleccionar casos en el menú Datos. Si no se ha definido un período de estimación, se utilizan todos los casos para pronosticar los valores.
- **Predecir hasta.** Predice los valores hasta la fecha especificada, hora o número de observación, basándose en los casos del período de estimación. Esta característica se puede utilizar para predecir valores más allá del último caso de la serie temporal. Las variables definidas actualmente determinan los cuadros de texto disponibles para especificar el final del período de predicción. Si no existen variables de fecha definidas, se puede especificar el número de la observación (caso) final.

Utilice la opción de Definir fechas en el menú Datos para crear las variables de fecha.

Regresión por mínimos cuadrados parciales

El procedimiento Regresión de mínimos cuadrados parciales estima los modelos de regresión de los mínimos cuadrados parciales (PLS, también denominados “proyección a la estructura latente”). La PLS es una técnica de predicción alternativa a la regresión de mínimos cuadrados ordinarios (OLS), a la correlación canónica o al modelado de ecuaciones estructurales, y resulta particularmente útil cuando las variables predictoras están muy correlacionadas o cuando el número de predictores es superior al número de casos.

La PLS combina las características del análisis de componentes principales y la regresión múltiple. En primer lugar, extrae un conjunto de factores latentes que explica en la mayor medida posible la covarianza entre las variables dependientes e independientes. A continuación, un paso de regresión pronostica los valores de las variables dependientes mediante la descomposición de las variables independientes.

Disponibilidad. La PLS es un comando de extensión que necesita que el IBM® SPSS® Statistics - Integration Plug-In for Python se haya instalado en el sistema donde se vaya a ejecutar PLS. El módulo de extensión PLS se debe instalar por separado y se puede descargar de <http://www.ibm.com/developerworks/spssdevcentral>.

Tablas. La proporción de la varianza explicada (por factor latente), las ponderaciones y las saturaciones de los factores latentes, la importancia de la variable independiente en proyección (VIP) y las estimaciones de los parámetros de la regresión (por variable dependiente) se generan por defecto.

Gráficos. La variable independiente en proyección (VIP), las puntuaciones factoriales, las ponderaciones factoriales de los tres primeros factores latentes y la distancia al modelo se generan desde la pestaña **Opciones**.

Nivel de medida. Las variables (predictoras) dependientes e independientes pueden ser de escala, nominales u ordinales. El procedimiento supone que se ha asignado el nivel de medida adecuado a todas las variables, aunque puede cambiar temporalmente el nivel de medida de una variable pulsando el botón derecho la variable en la lista de variables de origen y seleccionando un nivel de medida en el menú contextual. El procedimiento trata por igual las variables categóricas (nominales u ordinales).

Codificación de la variable categórica. El procedimiento recodifica temporalmente las variables dependientes categóricas utilizando la codificación “una de c ” durante el procedimiento. Si hay c categorías de una variable, la variable se almacena como c vectores, con la primera categoría denotada como $(1,0,\dots,0)$, la siguiente categoría $(0,1,0,\dots,0)$, ... y la última categoría $(0,0,\dots,0,1)$. Las variables dependientes categóricas se representan mediante una variable auxiliar o dummy; es decir, omitiendo simplemente el indicador correspondiente a la categoría de referencia.

Ponderaciones de frecuencia. Los valores de ponderación se redondean al número entero más cercano antes de utilizarlos. Los casos con ponderaciones perdidas o ponderaciones inferiores a 0,5 no se emplearán en los análisis.

Valores perdidos. Los valores definidos como perdidos por el usuario o el sistema se consideran no válidos.

Cambio de escala. Todas las variables del modelo se centran y tipifican, incluidas las variables indicador que representan variables categóricas.

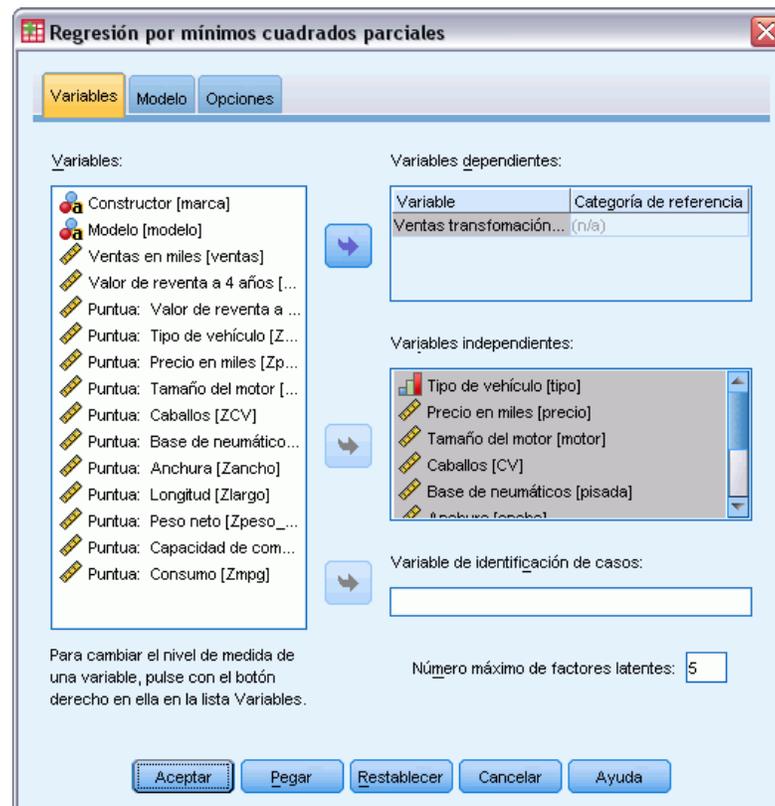
Para obtener la regresión de mínimos cuadrados parciales

Seleccione en los menús:

Analizar > Regresión > Mínimos cuadrados parciales...

Figura 19-1

Regresión de mínimos cuadrados parciales, pestaña Variables



- ▶ Seleccione al menos una variable dependiente.
- ▶ Seleccione al menos una variable independiente.

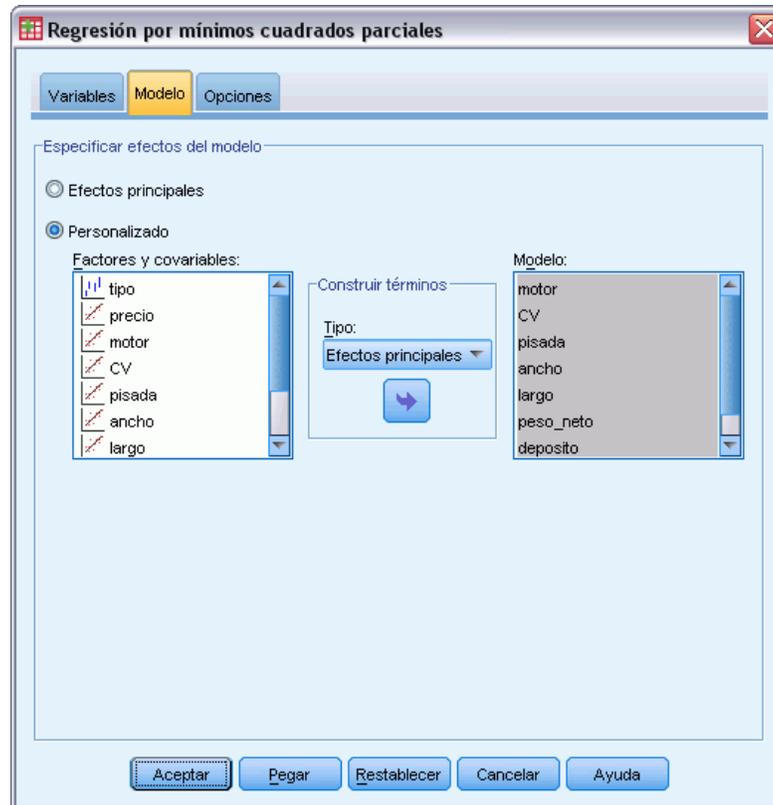
Si lo desea, puede:

- Especificar una categoría de referencia para las variables dependientes categóricas (nominales u ordinales).

- Especificar la variable que se utilizará como identificador único para los resultados por casos y los conjuntos de datos guardados.
- Especificar un límite máximo para el número de factores latentes que se extraerán.

Modelo

Figura 19-2
Regresión de mínimos cuadrados parciales, pestaña Modelo



Especificar efectos del modelo. El modelo de efectos principales contiene todos los efectos principales de los factores y de las covariables. Seleccione Personalizado para especificar las interacciones. Indique todos los términos que desee incluir en el modelo.

Factores y Covariables. Muestra una lista de los factores y las covariables.

Modelo. El modelo depende de la naturaleza de los datos. Después de seleccionar Personalizado, puede elegir los efectos principales y las interacciones que sean de interés para el análisis.

Construir términos

Para las covariables y los factores seleccionados:

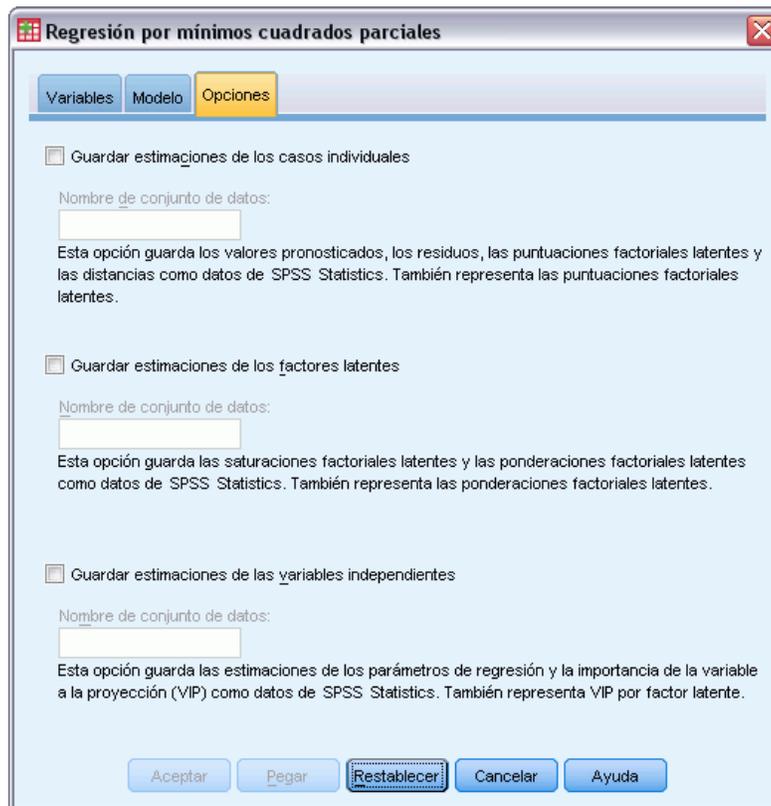
Interacción. Crea el término de interacción de mayor nivel con todas las variables seleccionadas. Ésta es la opción por defecto.

Efectos principales. Crea un término de efectos principales para cada variable seleccionada.

- Todas de 2.** Crea todas las interacciones dobles posibles de las variables seleccionadas.
- Todas de 3.** Crea todas las interacciones triples posibles de las variables seleccionadas.
- Todas de 4.** Crea todas las interacciones cuádruples posibles de las variables seleccionadas.
- Todas de 5.** Crea todas las interacciones quíntuples posibles de las variables seleccionadas.

Opciones

Figura 19-3
Regresión de mínimos cuadrados parciales, pestaña Opciones



La pestaña Opciones permite al usuario guardar y representar las estimaciones de los modelos para los determinados casos, factores latentes y predictores.

Para cada tipo de datos, especifique el nombre del conjunto de datos. Los nombres de los conjuntos de datos deben ser únicos. Si introduce el nombre de un conjunto de datos ya existente, se reemplazarán los contenidos. En otro caso, se creará un nuevo conjunto de datos.

- **Guardar estimaciones para casos individuales.** Guarda las siguientes estimaciones de modelos por casos: valores pronosticados, residuos, distancia respecto al modelo del factor latente y puntuaciones de los factores latentes. También representa las puntuaciones de los factores latentes.

- **Guardar estimaciones para factores latentes.** Guarda las saturaciones y las ponderaciones de los factores latentes. También representa las ponderaciones de factores latentes.
- **Guardar estimaciones para variables independientes.** Guarda las estimaciones de los parámetros de regresión y la importancia de la variable en la proyección (VIP). También representa la VIP por factor latente.

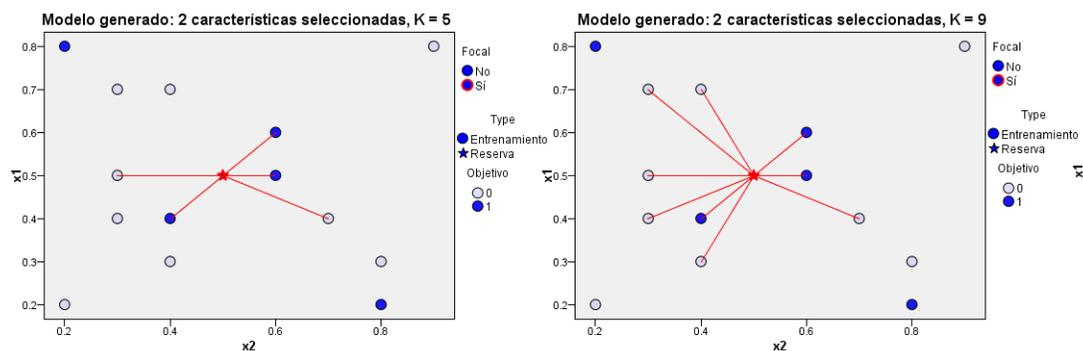
Análisis vecino más cercano

Análisis de vecinos más próximos es un método para clasificar casos basándose en su parecido a otros casos. En el aprendizaje automático, se desarrolló como una forma de reconocer patrones de datos sin la necesidad de una coincidencia exacta con patrones o casos almacenados. Los casos parecidos están próximos y los que no lo son están alejados entre sí. Por lo tanto, la distancia entre dos casos es una medida de disimilaridad.

Los casos próximos entre sí se denominan “vecinos.” Cuando se presenta un nuevo caso (reserva), se calcula su distancia con respecto a los casos del modelo. Las clasificaciones de los casos más parecidos – los vecinos más próximos – se cuadran y el nuevo caso se incluye en la categoría que contiene el mayor número de vecinos más próximos.

Puede especificar el número de vecinos más próximos que deben examinarse; este valor se denomina k . Las imágenes muestran cómo se clasificaría un nuevo caso utilizando dos valores diferentes de k . Cuando $k = 5$, el nuevo caso se incluye en la categoría 1 porque la mayoría de vecinos más próximos pertenece a la categoría 1. Sin embargo, cuando $k = 9$, el nuevo caso se incluye en la categoría 0 porque la mayoría de vecinos más próximos pertenece a la categoría 0.

Figura 20-1
Efectos de cambio de K en la clasificación



El método Análisis de vecinos más próximos también puede utilizarse para calcular valores para un destino continuo. En esta situación, la media o el valor objetivo medio de los vecinos más próximos se utiliza para obtener el valor pronosticado del nuevo caso.

Objetivo y funciones. El objetivo y las funciones pueden ser:

- **Nominal.** Una variable se puede tratar como nominal si sus valores representan categorías que no obedecen a una ordenación intrínseca (por ejemplo, el departamento de la empresa en el que trabaja un empleado). Algunos ejemplos de variables nominales son: región, código postal o confesión religiosa.
- **Ordinal.** Una variable puede tratarse como ordinal cuando sus valores representan categorías con alguna ordenación intrínseca (por ejemplo, los niveles de satisfacción con un servicio, que vayan desde muy insatisfecho hasta muy satisfecho). Entre los ejemplos de variables

ordinales se incluyen escalas de actitud que representan el grado de satisfacción o confianza y las puntuaciones de evaluación de las preferencias.

- **Escala.** Una variable puede tratarse como escala (continua) cuando sus valores representan categorías ordenadas con una métrica con significado, por lo que son adecuadas las comparaciones de distancia entre valores. Son ejemplos de variables de escala: la edad en años y los ingresos en dólares.

El análisis de vecinos más próximos trata por igual las variables nominales u ordinales. El procedimiento supone que se ha asignado el nivel de medida adecuado a cada variable. No obstante, puede cambiar temporalmente el nivel de medida para una variable pulsando con el botón derecho en la variable en la lista de variables de origen y seleccionar un nivel de medida en el menú contextual.

Un icono situado junto a cada variable de la lista de variables identifica el nivel de medida y el tipo de datos.

	Numérico	Cadena	Fecha	Hora
Escala (Continuo)		n/a		
Ordinal				
Nominal				

Codificación de la variable categórica. El procedimiento recodifica temporalmente predictores categóricos y variables dependientes utilizando la codificación “una de c ” para todo el procedimiento. Si hay c categorías de una variable, la variable se almacena como vectores c , con la primera categoría denotada $(1,0,\dots,0)$, la siguiente categoría $(0,1,0,\dots,0)$, ..., y la última categoría $(0,0,\dots,0,1)$.

Este esquema de codificación aumenta la dimensionalidad del espacio de función. En concreto, el número total de dimensiones es el número de predictores de escala más el número de categorías en todos los predictores categóricos. Como resultado, este esquema de codificación puede conllevar un entrenamiento más lento. Si el entrenamiento de vecinos más próximos avanza muy lentamente, pruebe a reducir el número de categorías en los predictores categóricos combinando categorías similares o eliminando los casos que tengan categorías extremadamente raras antes de ejecutar el procedimiento.

Toda codificación “una de c ” se basa en los datos de entrenamiento, incluso si se define una muestra reservada (consulte [Particiones](#)). De este modo, si las muestras reservadas contienen casos con categorías de predictores que no están presentes en los datos de entrenamiento, esos casos no se puntúan. Si las muestras reservadas contienen casos con categorías de variables dependientes que no están presentes en los datos de entrenamiento, esos casos se puntúan.

Cambio de escala. Las funciones de escala se normalizan por defecto. Todo cambio de escala se realiza basándose en los datos de entrenamiento, incluso si se define una muestra reservada (consulte [Particiones](#) el p. 136). Si especifica una variable para definir particiones, es importante que las funciones tengan distribuciones similares en todas las muestras reservadas, de

entrenamiento o comprobación. Utilice por ejemplo, [Explorar](#) para examinar las distribuciones en las particiones.

Ponderaciones de frecuencia. Este procedimiento ignora las ponderaciones de frecuencia.

Replicación de los resultados. El procedimiento utiliza la generación de números aleatorios durante la asignación aleatoria de particiones y pliegues de validación cruzada. Si desea duplicar los resultados de forma exacta, además de utilizar los mismos ajustes de procedimiento defina una semilla para el Tornado de Mersenne (consulte [Particiones](#) el p. 136), o utilice variables para definir particiones y pliegues de validación cruzada.

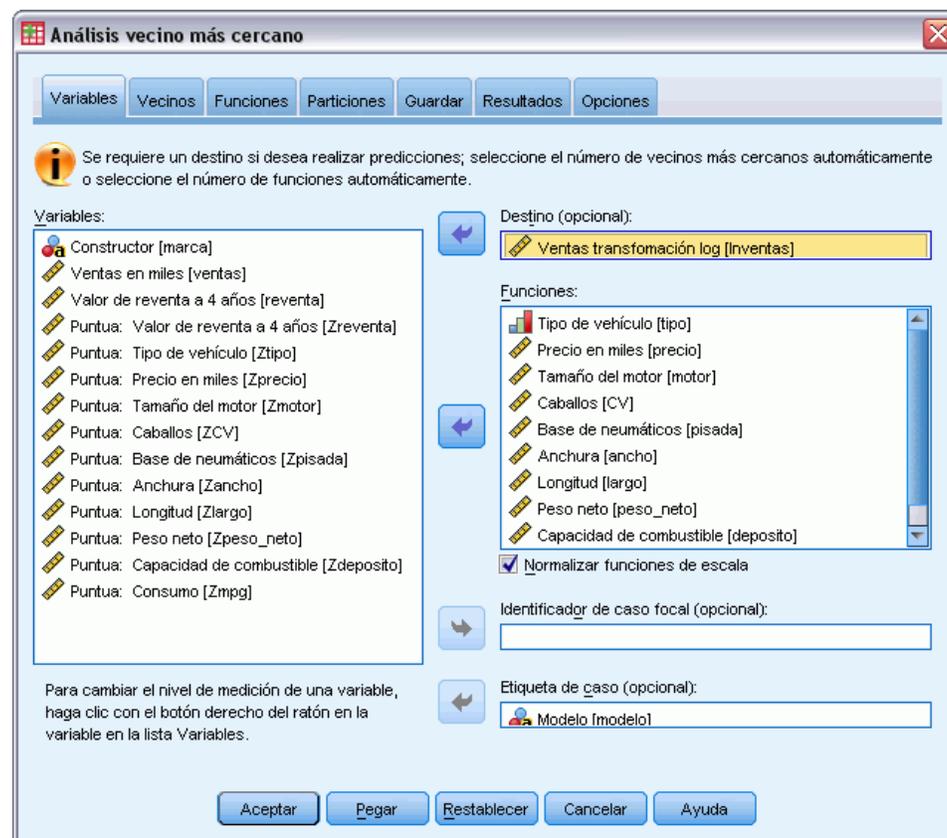
Para obtener un análisis de vecino más próximo

Seleccione en los menús:

Analizar > Clasificar > Vecino más próximo...

Figura 20-2

Análisis de vecinos más próximos: pestaña Variables



- Especifique una o más funciones que puedan constituir variables independientes o predictores en caso de haber un destino.

Destino (opcional). Si no hay ningún destino (variable dependiente o respuesta) especificado, el procedimiento encontrará únicamente los k vecinos más próximos, sin realizar ninguna clasificación ni predicción.

Funciones de escala de normalización. Las funciones normalizadas tienen el mismo rango de valores, lo que puede mejorar el rendimiento del algoritmo de estimación. Se utilizará la normalización ajustada $[2*(x-\min)/(\max-\min)]-1$. Los valores normalizados ajustados quedan comprendidos entre -1 y 1 .

Identificador de caso focal (opcional). Esto le permite marcar casos de especial interés. Por ejemplo, un investigador desea determinar si las puntuaciones de las pruebas de un distrito escolar (el caso focal) son comparables con las de distritos escolares similares. Utiliza un análisis de vecinos más próximos para encontrar los distritos escolares más parecidos con respecto a un conjunto dado de funciones. Después compara las puntuaciones de las pruebas del distrito escolar focal con las de los vecinos más próximos.

Los casos focales también deben emplearse en estudios clínicos para seleccionar casos de control similares a los casos clínicos. Los casos focales se muestran en la tabla de k vecinos más próximos y distancias, el gráfico de espacio de funciones, el gráfico de homólogos y el mapa de cuadrantes. La información sobre casos focales se guarda en los archivos especificados en la pestaña Resultados.

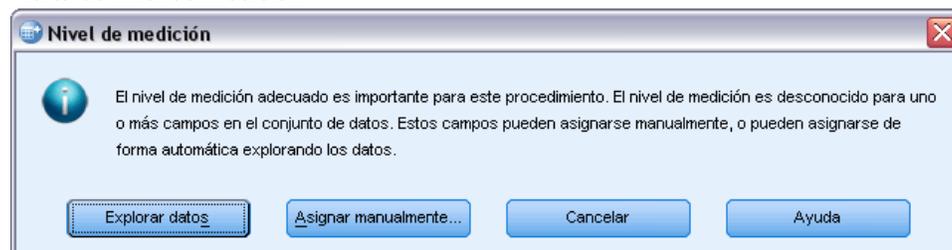
Los casos con un valor positivo en la variable especificada se tratan como casos focales. No es posible especificar una variable sin valores positivos.

Etiqueta de caso (opcional). Los casos se etiquetan utilizando estos valores en el gráfico de espacio de funciones, el gráfico de homólogos y el mapa de cuadrantes.

Campos con un nivel de medición desconocido

La alerta de nivel de medición se muestra si el nivel de medición de una o más variables (campos) del conjunto de datos es desconocido. Como el nivel de medición afecta al cálculo de los resultados de este procedimiento, todas las variables deben tener un nivel de medición definido.

Figura 20-3
Alerta de nivel de medición



- **Explorar datos.** Lee los datos del conjunto de datos activo y asigna el nivel de medición predefinido en cualquier campo con un nivel de medición desconocido. Si el conjunto de datos es grande, puede llevar algún tiempo.

- **Asignar manualmente.** Abre un cuadro de diálogo que contiene todos los campos con un nivel de medición desconocido. Puede utilizar este cuadro de diálogo para asignar el nivel de medición a esos campos. También puede asignar un nivel de medición en la Vista de variables del Editor de datos.

Como el nivel de medición es importante para este procedimiento, no puede acceder al cuadro de diálogo para ejecutar este procedimiento hasta que se hayan definido todos los campos en el nivel de medición.

Vecinos

Figura 20-4
Análisis de vecinos más próximos: pestaña Vecinos

Número de vecinos más próximos (k) Especifique el número de vecinos más próximos. Tenga en cuenta que el uso de un número mayor de vecinos no implica que el modelo resultante sea más preciso.

Si se especifica un destino en la pestaña Variables, puede especificar un rango de valores y permitir que el procedimiento seleccione el “mejor” número de vecinos de ese rango. El método para determinar el número de vecinos más próximos depende de si se solicita la selección de funciones en la pestaña Funciones.

- Si la selección de funciones está activada, ésta se realizará para cada valor de k en el rango solicitado, y se seleccionará la k y el conjunto de funciones compañero con la menor tasa de error (o el menor error cuadrático si el destino es escala).
- Si la selección de funciones no está activada, se utilizará la validación cruzada de pliegue en V para seleccionar el “mejor” número de vecinos. Consulte la pestaña Partición para tener control sobre la asignación de pliegues.

Cálculo de distancias. Es la métrica utilizada para especificar la métrica de distancia empleada para medir la similitud de los casos.

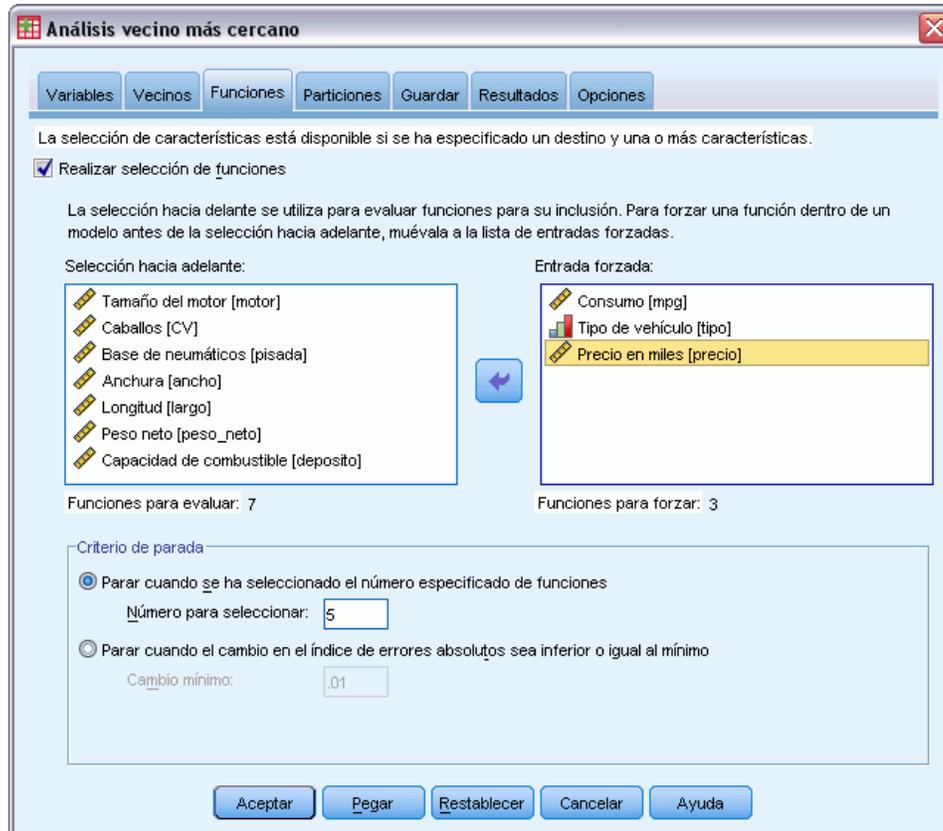
- **Métrica euclídea.** La distancia entre dos casos, x e y , es la raíz cuadrada de la suma, sobre todas las dimensiones, de las diferencias cuadradas entre los valores de esos casos.
- **Métrica de bloques de ciudad.** La distancia entre dos casos es la suma, en todas las dimensiones, de las diferencias absolutas entre los valores de esos casos. También se conoce como la distancia de Manhattan.

Además, si se especifica un destino en la pestaña Variables, puede optar por ponderar funciones según su importancia normalizada a la hora de calcular distancias. La importancia que una función tiene para un predictor se calcula en función de la relación entre la tasa de error o errores cuadráticos del modelo sin el predictor y la tasa de error o errores cuadráticos del modelo completo. La importancia normalizada se calcula volviendo a ponderar los valores de importancia de la función para que sumen 1.

Predicciones del destino de escala. Si se especifica un destino de escala en la pestaña Variables, especificará si el valor predicho se calcula en función de la media o del valor medio de los vecinos más próximos.

Funciones

Figura 20-5
Análisis de vecinos más próximos: pestaña Funciones



La pestaña Funciones le permite seleccionar y especificar opciones para la selección de funciones cuando se especifica un destino en la pestaña Variables. Por defecto, todas las funciones se tienen en cuenta para la selección de funciones, pero es posible seleccionar un subconjunto de funciones para forzarlas en el modelo.

Criterio de parada. En cada paso, la función cuya suma al modelo dé lugar al menor error (calculado como la tasa de error de un destino categórico y el error cuadrático de un destino de escala) se tiene en cuenta para su inclusión en el conjunto de modelos. La selección continúa hasta que se cumple la condición especificada.

- **Número de características especificadas.** El algoritmo añade un número fijo de funciones además de las forzadas en el modelo. Especifique un número entero positivo. Si se disminuyen los valores de número que se puede seleccionar se obtiene un modelo más reducido, lo que supone el riesgo de perder importantes funciones. Si se aumentan los valores de número que se puede seleccionar se incluirán todas las funciones importantes, pero se corre el riesgo de añadir funciones que aumenten el error del modelo.
- **Cambio mínimo de la tasa de errores absolutos.** El algoritmo se detiene cuando el cambio de la tasa de errores absolutos indica que el modelo no puede mejorarse más añadiendo nuevas funciones. Especifique un número positivo. Si se reducen los valores del cambio mínimo

se incluirán más funciones, pero puede que se incluyan funciones que no añadan gran valor al modelo. Si se aumentan los valores del cambio mínimo se excluirán más funciones, pero puede que se pierdan funciones importantes para el modelo. El valor “óptimo” de cambio mínimo dependerá de sus datos y de la aplicación. Consulte el Registro de errores de selección de funciones en los resultados para poder evaluar qué funciones son más importantes. [Si desea obtener más información, consulte el tema Registro de errores de selección de funciones el p. 148.](#)

Particiones

Figura 20-6
Análisis de vecinos más próximos: pestaña Particiones

Análisis vecino más cercano

Variables: Constructor [marca], Ventas en miles [ventas], Valor de reventa a 4 años [reventa], Puntua: Valor de reventa a 4 años [Zrev...], Puntua: Tipo de vehículo [Ztipo], Puntua: Precio en miles [Zprecio], Puntua: Tamaño del motor [Zmotor], Puntua: Caballos [ZCV], Puntua: Base de neumáticos [Zpisada], Puntua: Anchura [Zancho], Puntua: Longitud [Zlargo], Puntua: Peso neto [Zpeso_net], Puntua: Capacidad de combustible [Zdep...], Puntua: Consumo [Zmpg]

Particiones de entrenamiento y reserva

Asignar aleatoriamente casos a particiones

Entrenamiento %:	Reserva %	Total %
100	0	100

Utilizar variable para asignar casos

Variable de partición:

Pliegues de validación cruzada

Se realiza la validación cruzada de pliegue en V si selecciona la selección k automática pero no selecciona la selección de funciones.

Asignar aleatoriamente casos a pliegues

Número de pliegues: 10

Utilizar variable para asignar casos

Variable de pliegue:

Establecer semilla para Tornado de Mersenne

Semilla: 2007522

Botones: Aceptar, Pegar, Restablecer, Cancelar, Ayuda

La pestaña Particiones le permite dividir el conjunto de datos en conjuntos de entrenamiento y reserva y, siempre que proceda, asignar casos a pliegues de validación cruzada.

Particiones de entrenamiento y reserva. Este grupo especifica el método de crear particiones en el conjunto de datos activo correspondientes a las muestras de entrenamiento y reserva. La **muestra de entrenamiento** comprende los registros de datos utilizados para entrenar el modelo de vecino más próximo; cierto porcentaje de casos del conjunto de datos debe asignarse a la muestra de entrenamiento para poder obtener un modelo. La **muestra de reserva** es otro conjunto independiente de registros de datos que se utiliza para evaluar el modelo final; el error de la

muestra de reserva ofrece una estimación “sincera” de la capacidad predictora del modelo, ya que los casos reservados no se utilizan para crear el modelo.

- **Asignar casos a particiones aleatoriamente.** Especifique el porcentaje de casos que se asignarán a la muestra de entrenamiento. El resto se asignan a la muestra de reserva.
- **Utilizar variable para asignar los casos.** Especifique una variable numérica que asigne cada caso del conjunto de datos activo a la muestra de entrenamiento o reserva. Los casos con un valor positivo de la variable se asignarán a la muestra de entrenamiento, los casos con un valor 0 o negativo se asignarán a la muestra de reserva. Los casos con un valor perdido del sistema se excluirán del análisis. Todos los valores perdidos de usuario de la variable de partición se tratarán siempre como válidos.

Pliegues de validación cruzada. La validación cruzada de pliegue en V se utiliza para determinar el “mejor” número de vecinos. Por razones de rendimiento, no está disponible con la selección de funciones.

La validación cruzada divide la muestra en un número de submuestras o pliegues. A continuación, se generan los modelos de vecino más próximo, que no incluyen los datos de cada submuestra. El primer modelo se basa en todos los casos excepto los correspondientes al primer pliegue de la muestra; el segundo modelo se basa en todos los casos excepto los del segundo pliegue de la muestra y así sucesivamente. Para cada modelo se calcula el error aplicando el modelo a la submuestra que se excluyó al generarse este. El “mejor” número de vecinos más próximos será el que produzca el menor error entre los pliegues.

- **Asignar casos a pliegues aleatoriamente.** Especifique el número de pliegues que se utilizarán para la validación cruzada. El procedimiento asigna aleatoriamente casos a los pliegues, numerados de 1 a V , que es el número de pliegues.
- **Utilizar variable para asignar los casos.** Especifique una variable numérica que asigne cada caso del conjunto de datos activo a un pliegue. La variable debe ser numérica y tomar valores de 1 a V . Si cualquier valor de este rango falta y se encuentran en una división (si hay archivos de división activos), se producirá un error.

Definir semilla para tornado de Mersenne. Si se establece una semilla es posible replicar análisis. El uso de este control es parecido a establecer el tornado de Mersenne como generador activo y especificar un punto de inicio fijo en el cuadro de diálogo Generadores de números aleatorios, con la importante diferencia de que la definición de la semilla de este cuadro de diálogo mantendrá el estado actual del generador de números aleatorios y restaurará dicho estado cuando haya terminado el análisis.

Guardado

Figura 20-7
Análisis de vecinos más próximos: pestaña Guardar

Nombres de variables guardadas:

Generar automáticamente nombres exclusivos
 Seleccione esta opción si desea añadir un nuevo conjunto de variables guardadas a su conjunto de datos cada vez que ejecuta un modelo.

Nombres personalizados
 Especifica nombres para las variables. Si selecciona esta opción, cualquier variable existente con el mismo nombre o nombre raíz se sustituye cada vez que ejecuta un modelo.

Variables para guardar:

Guardar	Descripción	Nombre de variable o raíz
<input type="checkbox"/>	Categoría o valor pronosticado	KNN_ValorPronosticado
<input type="checkbox"/>	Probabilidad predicha (destino categórico)	KNN_Probabilidad
<input type="checkbox"/>	Variable de partición de entrenamiento/reserva	KNN_Partición
<input type="checkbox"/>	Variable de pliegue de validación cruzada	KNN_Plegar

Máximo de categorías para guardar en destino categórico:

Aceptar Pegar Restablecer Cancelar Ayuda

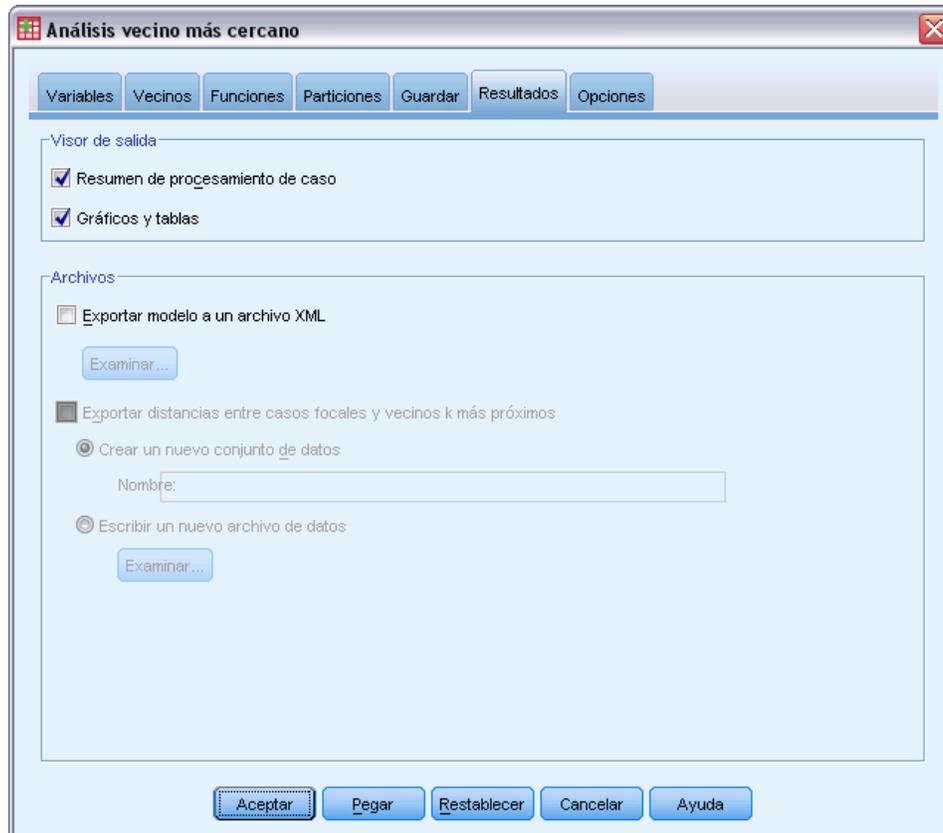
Nombres de las variables guardadas. La generación automática de nombres garantiza que conserva todo su trabajo. Los nombres personalizados le permiten descartar/reemplazar los resultados de las ejecuciones anteriores sin eliminar antes las variables guardadas en el Editor de datos.

Variables a guardar

- **Valor o categoría pronosticados.** Esta opción guarda el valor pronosticado para el destino de escala o la categoría predicha para un destino categórico.
- **Probabilidad pronosticada.** Esta opción guarda las probabilidades pronosticadas para un destino categórico. Para cada una de las primeras n categorías se guarda una variable diferente, donde n se especifica en el control Máximo de categorías para guardar para un destino categórico.
- **Variables de particiones de entrenamiento y reserva.** Si los casos se asignan aleatoriamente a las muestras de entrenamiento y reserva de la pestaña Particiones, esta opción guarda el valor de la partición (entrenamiento y reserva) a la que se ha asignado el caso.
- **Variable de pliegues de validación cruzada.** Si los casos se asignan aleatoriamente a los pliegues de validación cruzada de la pestaña Particiones, esta opción guarda el valor del pliegue al que se ha asignado el caso.

Resultados

Figura 20-8
Análisis de vecinos más próximos: pestaña Resultados



Visor de salida

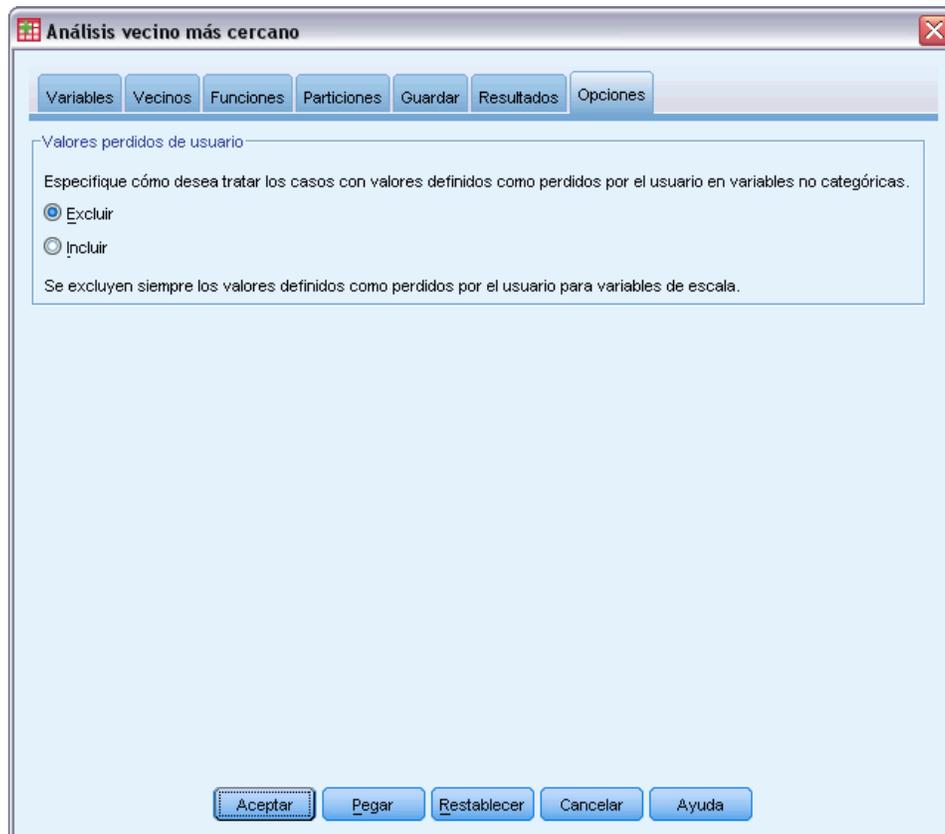
- **Resumen de procesamiento de casos.** Muestra la tabla de resumen de procesamiento de casos, que resume el número de casos incluidos y excluidos en el análisis, en total y por muestras de entrenamiento y reservadas.
- **Gráficos y tablas.** Muestra los resultados relacionados con los modelos, incluyendo tablas y gráficos. Las tablas de la vista de modelo incluyen los k vecinos más próximos y las distancias de casos focales, la clasificación de variables de respuesta categórica y un resumen de errores. El resultado gráfico de la vista de modelo incluye un registro de errores de selección, un gráfico de importancia de funciones, un gráfico de espacio de funciones, un gráfico de homólogos y un mapa de cuadrante. [Si desea obtener más información, consulte el tema Vista de modelo el p. 141.](#)

Archivos

- **Exportar modelo a XML.** Puede utilizar este archivo de modelo para aplicar la información del modelo a otros archivos de datos para puntuarlos. Esta opción no se encuentra disponible si se han definido archivos segmentados.
- **Exportar distancias entre casos focales y k vecinos más próximos.** En cada caso focal, se crea una variable distinta para cada uno de los k vecinos más próximos del caso focal (de la muestra de entrenamiento) y las k distancias más próximas correspondientes.

Opciones

Figura 20-9
Análisis de vecinos más próximos: pestaña Opciones

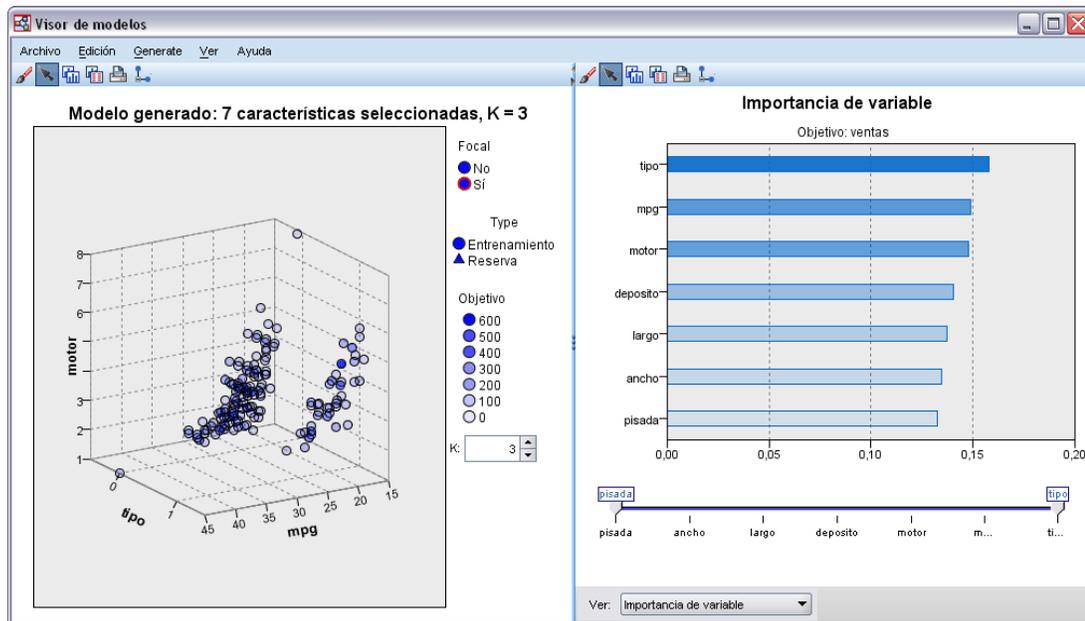


Valores definidos como perdidos por el usuario. Para que un caso se incluya en el análisis, las variables categóricas deben tener valores válidos para dicho caso. Estos controles permiten decidir si los valores definidos como perdidos por el usuario se deben tratar como válidos entre las variables categóricas.

Los valores perdidos por el sistema y perdidos para las variables de escala siempre se tratan como no válidos.

Vista de modelo

Figura 20-10
Análisis de vecinos más próximos: Vista de modelos



Cuando seleccione Gráficos y tablas en la pestaña Resultados, el procedimiento creará un objeto de modelo de vecino más próximo en el visor. Al activar (pulsando dos veces) este objeto se obtiene una vista interactiva del modelo. La vista de modelos tiene una ventana con dos paneles:

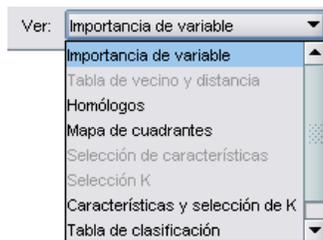
- El primer panel muestra una descripción general del modelo denominado vista principal.
- El segundo panel muestra uno de los dos tipos de vistas:

Una vista de modelos auxiliar muestra más información sobre el modelo, pero no se centra en el propio modelo.

Una vista enlazada es una vista que muestra detalles sobre una función del modelo cuando el usuario desglasa parte de la vista principal.

Por defecto, el primer panel muestra el espacio de la función y el segundo muestra el gráfico de importancia de variables. Si el gráfico de importancia de variables no está disponible, es decir, si Ponderar funciones por importancia no se ha seleccionado en la pestaña Funciones, se mostrará la primera vista disponible en la lista desplegable Ver.

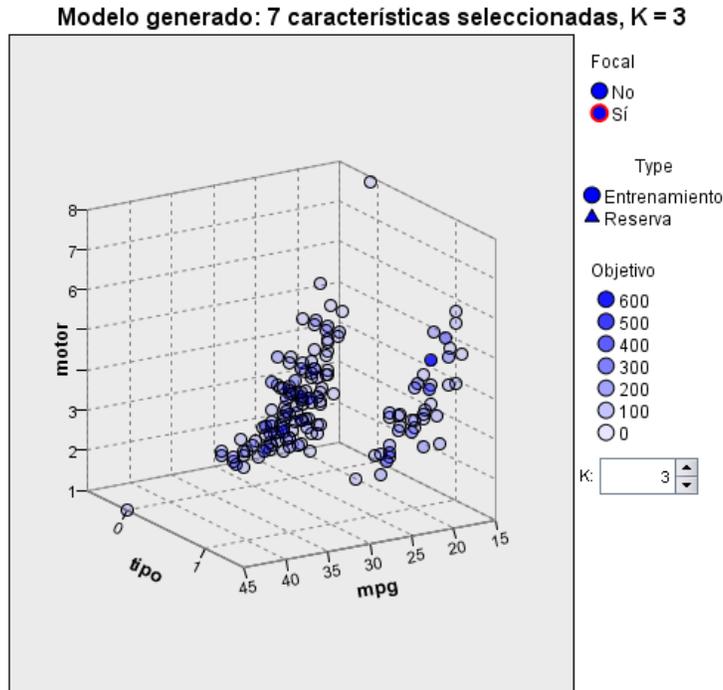
Figura 20-11
Análisis de vecinos más próximos: lista desplegable Ver



Cuando una vista no tiene ninguna información disponible, se desactiva este texto de elemento en la lista desplegable Ver.

Espacio de funciones

Figura 20-12
Espacio de función



El gráfico de espacio de funciones es un gráfico interactivo del espacio de funciones (o un subespacio, si hay más de 3 funciones). Cada eje representa una función del modelo, y la ubicación de los puntos del gráfico muestran los valores de dichas funciones para casos de las particiones de entrenamiento y reserva.

Claves. Además los valores de las funciones, los puntos del gráfico indican otra información.

- La forma indica la partición a la que pertenece un punto, ya sea Entrenamiento o Reserva.
- El color y el sombreado de un punto indican el valor del destino de ese caso: cada valor de color diferente representa las categorías de un destino categórico y las sombras indican el rango de valores de un destino continuo. El valor indicado para la partición de entrenamiento es el valor observado, mientras que en el caso de la partición de reserva, representa el valor pronosticado. Si no se especifica ningún destino, esta clave no aparece.
- Los titulares más gruesos indican que un caso es focal. Los casos focales se muestran en relación con sus k vecinos más próximos.

Controles e interactividad. Una serie de controles del gráfico le permite explorar el espacio de funciones.

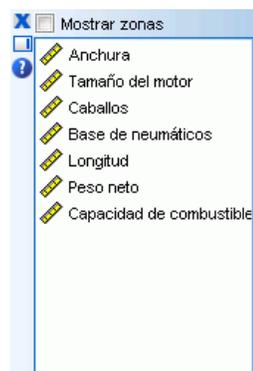
- Puede seleccionar qué subconjunto de funciones mostrar en el gráfico y modificar qué funciones se representan en las dimensiones.
- Los “casos focales” son simplemente puntos seleccionados en el gráfico de espacio de funciones. Si ha especificado una variable de caso focal, los puntos que representan los casos focales se seleccionarán inicialmente. Sin embargo, cualquier punto puede convertirse en un caso focal si lo selecciona. A la selección de puntos se aplican los controles “normales”, es decir, si pulsa en un punto éste se selecciona y se cancela la selección de todos los demás y si pulsa Control y el ratón sobre un punto éste se añadirá al conjunto de puntos seleccionados. Las vistas enlazadas, como el gráfico de homólogos, se actualizarán automáticamente en función de los casos seleccionados en el espacio de funciones.
- Puede modificar el número de vecinos más próximos (k) para mostrar casos focales.
- Al pasar el ratón sobre un punto del gráfico se mostrará una sugerencia con el valor de la etiqueta de caso o un número de caso si las etiquetas de caso no se definen, así como los valores de destino observados y pronosticados.
- Un botón “Restablecer” le permite devolver el espacio de funciones a su estado original.

Adición y eliminación de campos/variables

Puede añadir nuevos campos/variables al espacio de características o eliminar los que se visualizan en este momento.

Paleta de variables

Figura 20-13
Paleta de variables



Debe visualizar la paleta de variables antes de que pueda añadir y eliminar variables. Para visualizar la paleta de variables, el visor de modelos deberá estar en modo de edición y deberá seleccionarse un caso en el espacio de características.

- ▶ Para poner el visor de modelos en modo de edición, elija en los menús:
Ver > Modo edición
- ▶ Una vez en Modo Edición, pulse en cualquier caso del espacio de características.

- Para visualizar la paleta de variables, elija en los menús:
Ver > Paletas > Variables

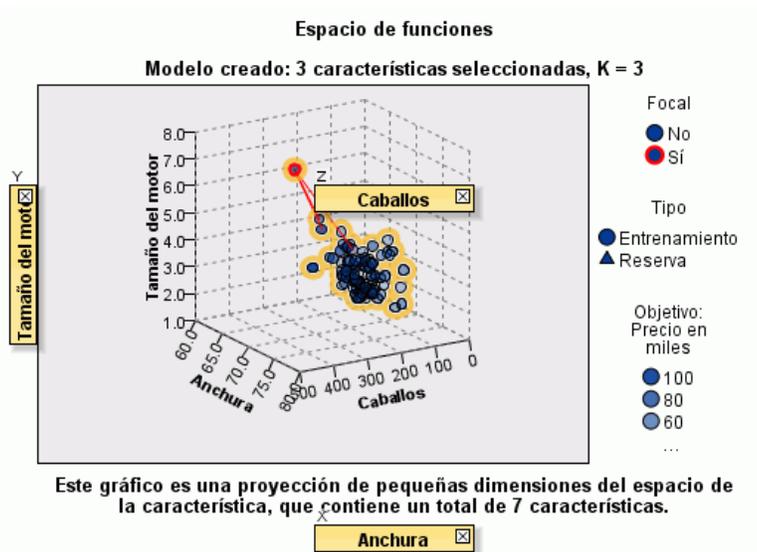
La paleta de variables enumera todas las variables del espacio de características. El icono junto al nombre de variable indica el nivel de medida de la variable.

- Para cambiar temporalmente el nivel de medida de una variable, pulse con el botón derecho en la variable de la paleta de variables y seleccione una opción.

Zonas de variables

Las variables se añaden a “zonas” del espacio de características. Para visualizar las zonas, empiece arrastrando una variable desde la paleta de variables o seleccionando Mostrar zonas.

Figura 20-14
Zonas de variables



El espacio de características tiene zonas para los ejes x , y y z .

Desplazamiento de variables a zonas

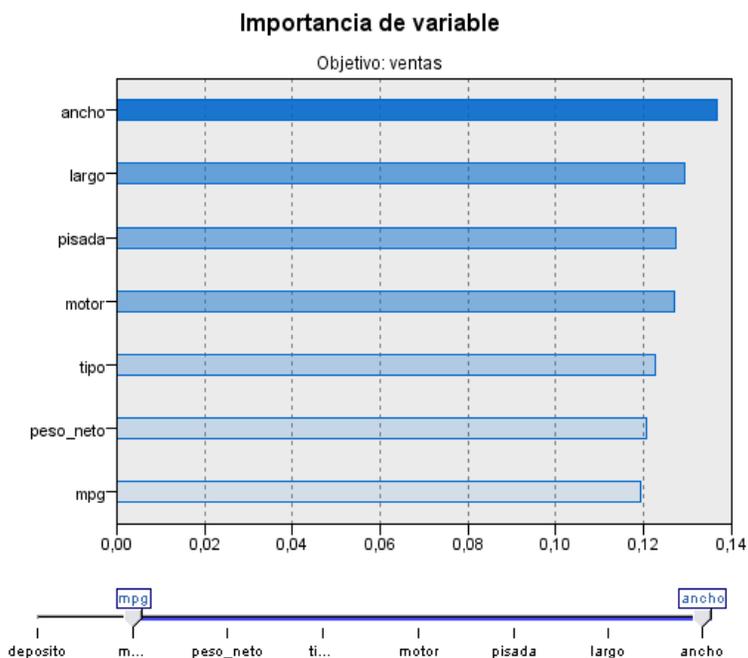
Éstas son algunas reglas generales y sugerencias para desplazar variables a zonas:

- Para desplazar una variable a una zona, pulse y arrastre la variable desde la paleta de variables y suéltela en la zona. Si selecciona Mostrar zonas, también puede pulsar con el botón derecho en una zona y seleccionar una variable que desee añadir a la zona.
- Si arrastra una variable de la paleta de variables a una zona que ya esté ocupada por otra variable, la nueva variable sustituirá a la anterior.
- Si arrastra una variable de una zona a una zona que ya esté ocupada por otra variable, las variables intercambiarán posiciones.

- Si pulsa en la X de una zona, eliminará la variable de dicha zona.
- Si hay varios elementos gráficos en la visualización, cada elemento gráfico puede tener sus propias zonas de variables asociadas. Primero, seleccione el elemento gráfico que desee.

Importancia de la variable

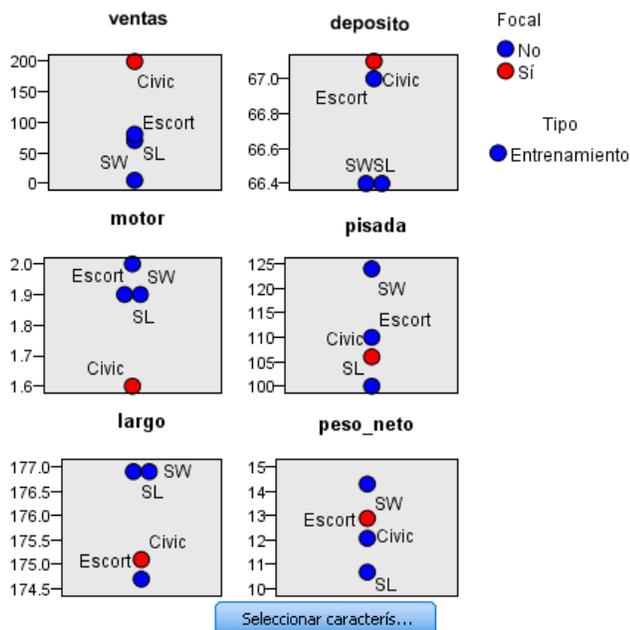
Figura 20-15
Importancia de variable



Normalmente, desea centrar sus esfuerzos de modelado en las variables que importan más y considera eliminar o ignorar las que importan menos. El gráfico de importancia de la variable le ayuda a hacerlo indicando la importancia relativa de cada variable en la estimación del modelo. Como las variables son relativas, la suma de los valores de todas las variables de la visualización es 1,0. La importancia de variable no está relacionada con la precisión del modelo. Sólo está relacionada con la importancia de cada variable para realizar un pronóstico, independientemente de si éste es preciso o no.

Homólogos

Figura 20-16
Gráfico de homólogos



Este gráfico muestra los casos focales y sus k vecinos más próximos en cada función y en el destino. Está disponible si se selecciona un caso focal en el espacio de funciones.

Forma de enlace. El gráfico Homólogos se enlaza con el espacio de funciones de dos formas.

- Los casos seleccionados (focal) en el espacio de funciones se muestran en el gráfico Homólogos, juntos con sus k vecinos más próximos.
- El valor de k seleccionado en el espacio de funciones se utiliza en el gráfico Homólogos.

Distancias de vecinos más próximos

Figura 20-17
Distancias de vecinos más próximos

Caso focal	Vecinos más próximos			Distancias más próximas		
	1	2	3	1	2	3
Civic	SL	Escort	SW	0,053	0,059	0,064

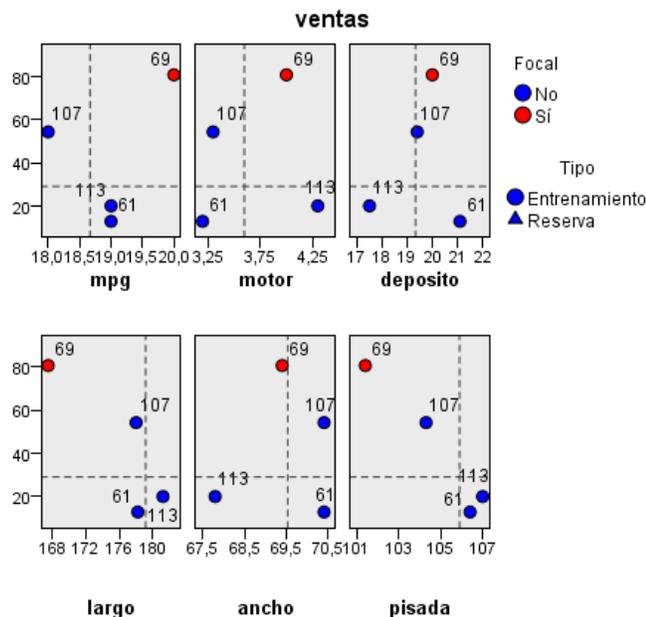
Esta tabla muestra los k vecinos más próximos y las distancias de casos focales únicamente. Está disponible si se especifica un identificador de caso focal en la pestaña Variables, y sólo muestra los casos focales identificados por esta variable.

Cada fila de:

- La columna Caso focal contiene el valor de la variable de etiqueta de caso del caso focal; si las etiquetas de caso no se definen, esta columna contendrá el número de caso del caso focal.
- La i^{a} columna del grupo Vecinos más próximos contiene el valor de la variable de etiqueta de caso del i^{o} vecino más próximo al caso focal; si las etiquetas de caso no se definen, esta columna contendrá el número de caso del i^{o} vecino más próximo al caso focal.
- La i^{a} columna del grupo Distancias más próximas contiene la distancia del i^{o} vecino más próximo al caso focal.

Mapa de cuadrantes

Figura 20-18
Mapa de cuadrantes

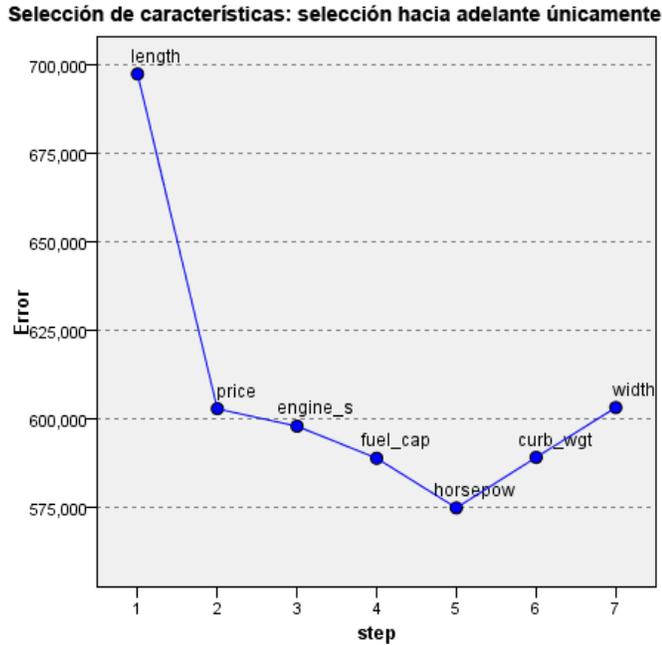


Este gráfico muestra los casos focales y sus k vecinos más próximos en un diagrama de dispersión (o gráfico de puntos, dependiendo del nivel de medición del destino) con el destino en el eje y y una función de escala en el eje x , panelado por funciones. Está disponible si hay un destino y se selecciona un caso focal en el Espacio de funciones.

- Se dibujan líneas de referencia para las variables continuas en las medias variables en la partición de entrenamiento.

Registro de errores de selección de funciones

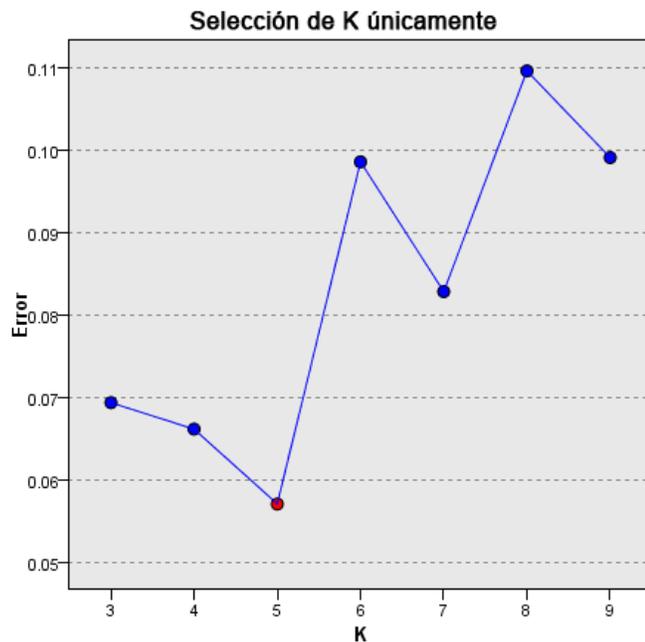
Figura 20-19
Sel. características



Señala en la vista de gráfico el error (la tasa de error o de error cuadrático, dependiendo del nivel de medición del destino) en el eje y para el modelo con la función enumerada en el eje x (además de todas las funciones a la izquierda del eje x). Este gráfico está disponible si hay un destino y la selección de funciones está activada.

Registro de errores de selección de k

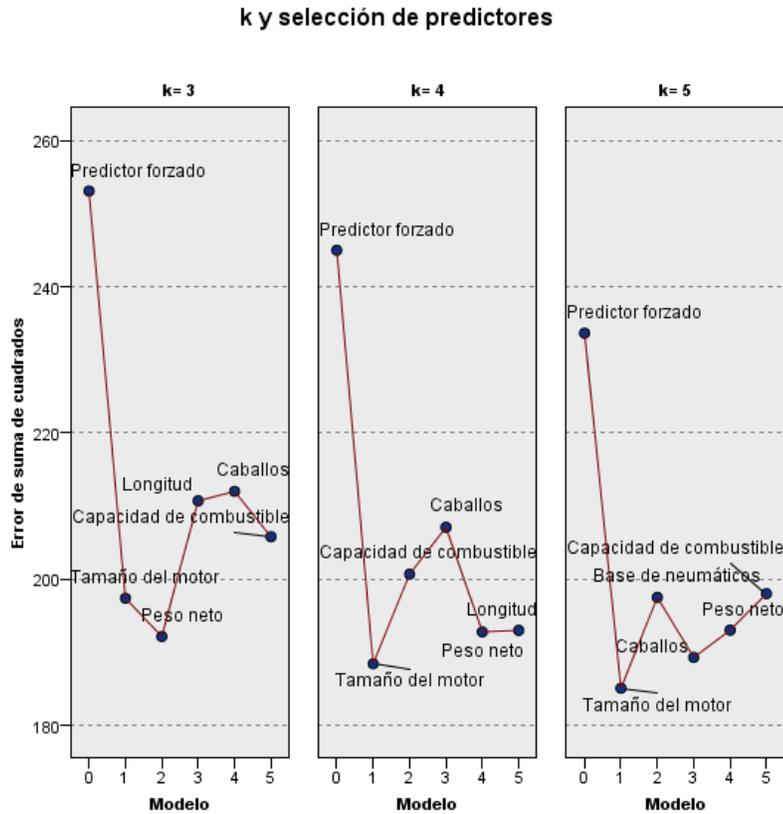
Figura 20-20
Selección de k



Señala en la vista de gráfico el error (la tasa de error o de error cuadrático, dependiendo del nivel de medición del destino) en el eje y para el modelo con el número de vecinos más próximos (k) en el eje x . Este gráfico está disponible si hay un destino y la selección de k está activada.

Registro de errores de selección de funciones y k

Figura 20-21
Selección de funciones y k



Estos son los gráficos de selección de funciones (consulte [Registro de errores de selección de funciones el p. 148](#)), panelados por k . Este gráfico está disponible si hay un destino y la selección de funciones y k están activadas.

Tabla de clasificación

Figura 20-22
Tabla de clasificación

Partición		Pronósticos		
		0	1	Porcentaje correcto
Entrenamiento	0	111	1	99.11%
	1	7	33	82.50%
	Porcentaje global	77.64%	22.37%	94.74%

Esta tabla muestra la clasificación cruzada de los valores observados en comparación con los valores pronosticados del destino, en función de la partición. Está disponible si hay un destino y es categórico.

- La fila (Perdidos) de la partición de reserva contiene casos de reserva con los valores perdidos en el destino. Estos casos contribuyen a los valores de Muestra de reserva: Valores de Porcentaje global, pero no a los valores de Porcentaje correcto.

Resumen de error

Figura 20-23
Resumen de errores

Partición	Sum-of-Squares Error
Entrenamiento	622043

Esta tabla está disponible si hay una variable de destino. Muestra el error asociado con el modelo, la suma de cuadrados de un destino continuo y la tasa de error (100% – porcentaje global correcto) de un destino categórico.

Análisis discriminante

El análisis discriminante crea un modelo predictivo para la pertenencia al grupo. El modelo está compuesto por una función discriminante (o, para más de dos grupos, un conjunto de funciones discriminantes) basada en combinaciones lineales de las variables predictoras que proporcionan la mejor discriminación posible entre los grupos. Las funciones se generan a partir de una muestra de casos para los que se conoce el grupo de pertenencia; posteriormente, las funciones pueden ser aplicadas a nuevos casos que dispongan de medidas para las variables predictoras pero de los que se desconozca el grupo de pertenencia.

Nota: La variable de agrupación puede tener más de dos valores. Los códigos de la variable de agrupación han de ser números enteros y es necesario especificar sus valores máximo y mínimo. Los casos con valores fuera de estos límites se excluyen del análisis.

Ejemplo. Por término medio, las personas de los países de zonas templadas consumen más calorías por día que las de los trópicos, y una proporción mayor de la población de las zonas templadas vive en núcleos urbanos. Un investigador desea combinar esta información en una función para determinar cómo de bien un individuo es capaz de discriminar entre los dos grupos de países. El investigador considera además que el tamaño de la población y la información económica también pueden ser importantes. El análisis discriminante permite estimar los coeficientes de la función discriminante lineal, que tiene el aspecto de la parte derecha de una ecuación de regresión lineal múltiple. Es decir, utilizando los coeficientes a , b , c y d , la función es:

$$D = a * \text{clima} + b * \text{urbanos} + c * \text{población} + d * \text{producto interior bruto per cápita}$$

Si estas variables resultan útiles para discriminar entre las dos zonas climáticas, los valores de D serán diferentes para los países templados y para los tropicales. Si se utiliza un método de selección de variables por pasos, quizás no se necesite incluir las cuatro variables en la función.

Estadísticos. Para cada variable: medias, desviaciones típicas, ANOVA univariado. Para cada análisis: M de Box, matriz de correlaciones intra-grupos, matriz de covarianzas intra-grupos, matriz de covarianzas de los grupos separados, matriz de covarianzas total. Para cada función discriminante canónica: autovalores, porcentaje de varianza, correlación canónica, lambda de Wilks, chi-cuadrado. Para cada paso: probabilidades previas, coeficientes de la función de Fisher, coeficientes de función no tipificados, lambda de Wilks para cada función canónica.

Datos. La variable de agrupación debe tener un número limitado de categorías distintas, codificadas como números enteros. Las variables independientes que sean nominales deben ser recodificadas a variables dummy o de contraste.

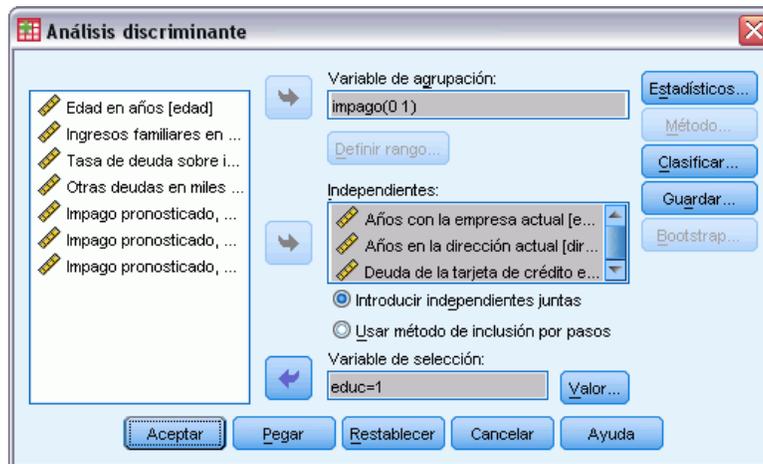
Supuestos. Los casos deben ser independientes. Las variables predictoras deben tener una distribución normal multivariada y las matrices de varianzas-covarianzas intra-grupos deben ser iguales en todos los grupos. Se asume que la pertenencia al grupo es mutuamente exclusiva (es decir, ningún caso pertenece a más de un grupo) y exhaustiva de modo colectivo (es decir, todos los casos son miembros de un grupo). El procedimiento es más efectivo cuando la pertenencia al

grupo es una variable verdaderamente categórica; si la pertenencia al grupo se basa en los valores de una variable continua (por ejemplo, un cociente de inteligencia alto respecto a uno bajo), considere el uso de la regresión lineal para aprovechar la información más rica ofrecida por la propia variable continua.

Para obtener un análisis discriminante

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Clasificar > Discriminante...

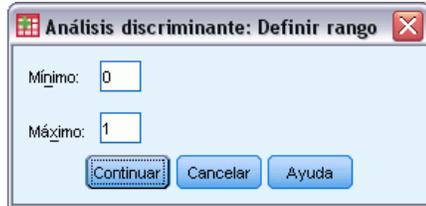
Figura 21-1
Cuadro de diálogo Análisis discriminante



- ▶ Seleccione una variable de agrupación con valores enteros y pulse en Definir rango para especificar las categorías de interés.
- ▶ Seleccione las variables independientes o predictoras. (Si la variable de agrupación no tiene valores enteros, la opción Recodificación automática en el menú Transformar creará una variable que los tenga).
- ▶ Seleccione el método de introducción de las variables independientes.
 - **Introducir independientes juntas.** Introducir simultáneamente todas las variables independientes que satisfacen el criterio de tolerancia.
 - **Usar método de inclusión por pasos.** Utiliza el análisis por pasos para controlar la entrada y la salida de variables.
- ▶ Si lo desea, seleccione casos mediante una variable de selección.

Análisis discriminante: Definir rango

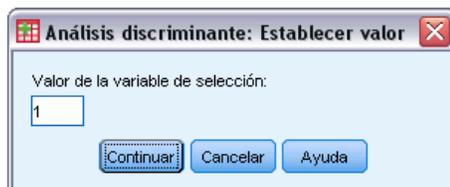
Figura 21-2
Cuadro de diálogo Análisis discriminante: Definir rango



Especifique los valores mínimo y máximo de la variable de agrupación para el análisis. Los casos con valores fuera de este rango no se utilizan en el análisis discriminante, pero sí se clasifican en uno de los grupos existentes a partir de los resultados que obtengan en el análisis. Los valores mínimo y máximo deben ser números enteros.

Análisis discriminante: Seleccionar casos

Figura 21-3
Cuadro de diálogo Análisis discriminante: Establecer valor



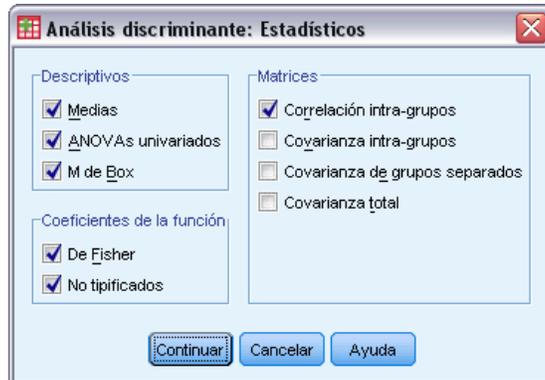
Para seleccionar casos para el análisis:

- ▶ En el cuadro de diálogo Análisis discriminante, seleccione una variable de selección.
- ▶ Pulse en Valor para introducir un número entero como valor de selección.

Sólo se utilizan los casos con el valor especificado en la variable de selección para derivar las funciones discriminantes. Tanto para los casos seleccionados como para los no seleccionados se generan resultados de clasificaciones y estadísticos. Este proceso ofrece un mecanismo para clasificar casos nuevos basados en datos previos o para dividir los datos en subconjuntos de contraste y comprobación para realizar procedimientos de validación en el modelo generado.

Análisis discriminante: Estadísticos

Figura 21-4
Cuadro de diálogo Análisis discriminante: Estadísticos



Descriptivos. Las opciones disponibles son: Medias (que incluye las desviaciones típicas), ANOVAs univariados y prueba *M* de Box.

- **Medias.** Muestra la media y desviación típica totales y las medias y desviaciones típicas de grupo, para las variables independientes.
- **ANOVAs univariados.** Realiza un análisis de varianza de un factor sobre la igualdad de las medias de grupo para cada variable independiente.
- **M de Box.** Contraste sobre la igualdad de las matrices de covarianza de los grupos. Para tamaños de muestras suficientemente grandes, un valor de *p* no significativo quiere decir que no hay suficiente evidencia de que las varianzas sean diferentes. Esta prueba es sensible a las desviaciones de la normalidad multivariada.

Coeficientes de la función. Las opciones disponibles son: Coeficientes de clasificación de Fisher y Coeficientes no tipificados.

- **De Fisher.** Muestra los coeficientes de la función de clasificación de Fisher que pueden utilizarse directamente para la clasificación. Se obtiene un conjunto de coeficientes para cada grupo, y se asigna un caso al grupo para el que tiene una mayor puntuación discriminante (valor de función de clasificación).
- **No tipificados.** Muestra los coeficientes de la función discriminante sin estandarizar.

Matrices. Las matrices de coeficientes disponibles para las variables independientes son las de: Correlación intra-grupos, Covarianza intra-grupos, Covarianza de grupos separados y Covarianza total.

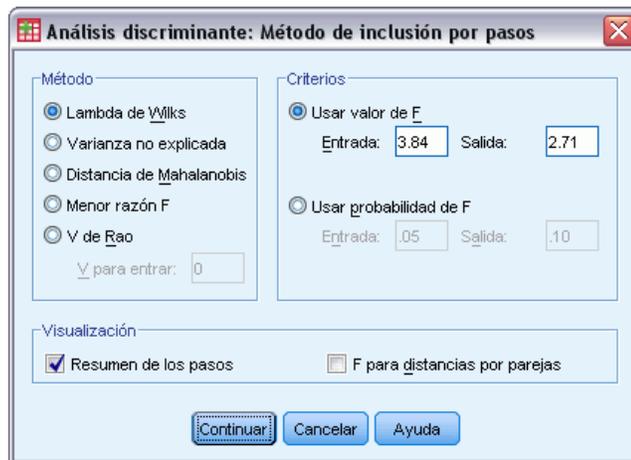
- **Correlación intra-grupos.** Muestra la matriz de correlaciones intra-grupos combinada, que se obtiene de promediar las matrices de covarianza individuales para todos los grupos antes de calcular las correlaciones.
- **Covarianza intra-grupos.** Muestra la matriz de covarianza intra-grupos combinada, la cual puede diferir de la matriz de covarianza total. La matriz se obtiene de promediar, para todos los grupos, las matrices de covarianza individuales.

- **Covarianza de grupos separados.** Muestra las matrices de covarianza de cada grupo por separado.
- **Covarianza total.** Muestra la matriz de covarianza para todos los casos, como si fueran una única muestra.

Análisis discriminante: Método de inclusión por pasos

Figura 21-5

Cuadro de diálogo Análisis discriminante: Método de inclusión por pasos



Método. Seleccione el estadístico que se va a utilizar para introducir o eliminar nuevas variables. Las alternativas disponibles son la lambda de Wilks, la varianza no explicada, la distancia de Mahalanobis, la menor razón F y la V de Rao. Con la V de Rao se puede especificar el incremento mínimo de V para introducir una variable.

- **lambda de Wilks.** Método para la selección de variables por pasos del análisis discriminante que selecciona las variables para su introducción en la ecuación basándose en cuánto contribuyen a disminuir la lambda de Wilks. En cada paso se introduce la variable que minimiza la lambda de Wilks global.
- **Varianza no explicada.** En cada paso se introduce la variable que minimiza la suma de la variación no explicada entre los grupos.
- **Distancia de Mahalanobis.** Medida de cuánto difieren del promedio para todos los casos los valores en las variables independientes de un caso dado. Una distancia de Mahalanobis grande identifica un caso que tenga valores extremos en una o más de las variables independientes.
- **Menor razón F.** Método para la selección de variables en los análisis por pasos que se basa en maximizar la razón F , calculada a partir de la distancia de Mahalanobis entre los grupos.
- **V de Rao.** Medida de las diferencias entre las medias de los grupos. También se denomina la traza de Lawley-Hotelling. En cada paso, se incluye la variable que maximiza el incremento de la V de Rao. Después de seleccionar esta opción, introduzca el valor mínimo que debe tener una variable para poder incluirse en el análisis.

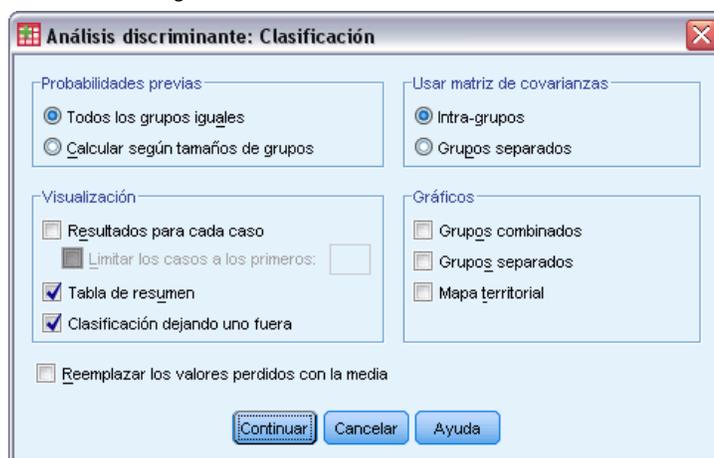
Criterios. Las alternativas disponibles son Usar valor de F y Usar probabilidad de F . Introduzca valores para introducir y eliminar variables.

- **Usar valor de F.** Una variable se introduce en el modelo si su valor de F es mayor que el valor de entrada, y se elimina si su valor de F es menor que el valor de salida. La entrada debe ser mayor que la salida y ambos valores deben ser positivos. Para introducir más variables en el modelo, disminuya el valor de entrada. Para eliminar más variables del modelo, eleve el valor de salida.
- **Usar probabilidad de F.** Una variable se introduce en el modelo si el nivel de significación de su valor de F es menor que el valor de entrada, y se elimina si el nivel de significación de su valor de F es mayor que el valor de salida. La entrada debe ser menor que la salida y ambos valores deben ser positivos. Para introducir más variables en el modelo, aumente el valor de entrada. Para eliminar más variables del modelo, disminuya el valor de salida.

Representación. Resumen de los pasos muestra los estadísticos para todas las variables después de cada paso; F para distancias por parejas muestra una matriz de razones F por parejas para cada pareja de grupos.

Análisis discriminante: Clasificar

Figura 21-6
Cuadro de diálogo Análisis discriminante: Clasificar



Probabilidades previas. Esta opción determina si se corrigen los coeficientes de clasificación teniendo en cuenta la información previa sobre la pertenencia a los grupos.

- **Todos los grupos iguales.** Se suponen probabilidades previas iguales para todos los grupos. Esta opción no tiene ningún efecto sobre los coeficientes.
- **Calcular según tamaños de grupos.** Los tamaños de los grupos observados de la muestra determinan las probabilidades previas de la pertenencia a los grupos. Por ejemplo, si el 50% de las observaciones incluidas en el análisis corresponden al primer grupo, el 25% al segundo y el 25% al tercero, se corregirán los coeficientes de clasificación para aumentar la probabilidad de la pertenencia al primer grupo respecto a los otros dos.

Representación. Las opciones de presentación disponibles son: Resultados por casos, Tabla de resumen y Clasificación dejando uno fuera.

- **Resultados para cada caso.** Se muestran, para cada caso, los códigos del grupo real de pertenencia, el grupo pronosticado, las probabilidades posteriores y las puntuaciones discriminantes.
- **Tabla de resumen.** Número de casos correcta e incorrectamente asignados a cada uno de los grupos, basándose en el análisis discriminante. En ocasiones se denomina "Matriz de Confusión".
- **Clasificación dejando uno fuera.** Se clasifica cada caso del análisis mediante la función derivada de todos los casos, excepto el propio caso. También se conoce como método U.

Reemplazar los valores perdidos con la media. Seleccione esta opción para sustituir la media de una variable independiente para un valor perdido sólo durante la fase de clasificación.

Usar matriz de covarianzas. Existe la opción de clasificar los casos utilizando una matriz de covarianzas intra-grupos o una matriz de covarianzas de los grupos separados.

- **Intra-grupos.** Se utiliza la matriz de covarianza intra-grupos combinada para clasificar los casos.
- **Grupos separados.** Para la clasificación se utilizan las matrices de covarianza de los grupos separados. Dado que la clasificación se basa en las funciones discriminantes y no en las variables originales, esta opción no siempre es equivalente a la discriminación cuadrática.

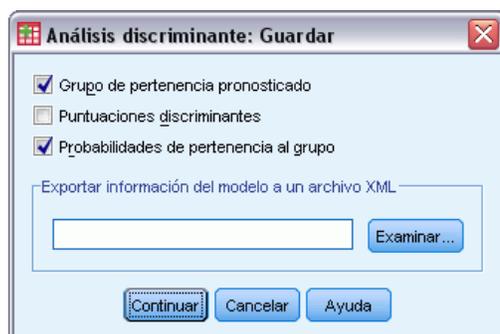
Diagramas. Las opciones de gráficos disponibles son: Grupos combinados, Grupos separados y Mapa territorial.

- **Grupos combinados.** Crea un diagrama de dispersión, con todos los grupos, de los valores en las dos primeras funciones discriminantes. Si sólo hay una función, en su lugar se muestra un histograma.
- **Grupos separados.** Crea diagramas de dispersión, de los grupos por separado, para los valores en las dos primeras funciones discriminantes. Si sólo hay una función, en su lugar se muestra un histograma.
- **Mapa territorial.** Gráfico de las fronteras utilizadas para clasificar los casos en grupos a partir de los valores en las funciones. Los números corresponden a los grupos en los que se clasifican los casos. La media de cada grupo se indica mediante un asterisco situado dentro de sus fronteras. No se mostrará el mapa si sólo hay una función discriminante.

Análisis discriminante: Guardar

Figura 21-7

Cuadro de diálogo Análisis discriminante: Guardar nuevas variables



Es posible añadir variables nuevas al archivo de datos activo. Las opciones disponibles son las de grupo de pertenencia pronosticado (una única variable), puntuaciones discriminantes (una variable para cada función discriminante en la solución) y probabilidades de pertenencia al grupo según las puntuaciones discriminantes (una variable para cada grupo).

También se puede exportar información del modelo al archivo especificado en formato XML (PMML). Puede utilizar este archivo de modelo para aplicar la información del modelo a otros archivos de datos para puntuarlo.

Funciones adicionales del comando DISCRIMINANT

La sintaxis de comandos también le permite:

- Realizar varios análisis discriminantes (con un comando) y controlar el orden en el que se introducen las variables (mediante el subcomando `ANALYSIS`).
- Especificar probabilidades previas para la clasificación (mediante el subcomando `PRIORS`).
- Mostrar matrices de estructura y de configuración rotadas (mediante el subcomando `ROTATE`).
- Limitar el número de funciones discriminantes extraídas (mediante el subcomando `FUNCTIONS`).
- Restringir la clasificación a los casos que están seleccionados (o no seleccionados) para el análisis (mediante el subcomando `SELECT`).
- Leer y analizar una matriz de correlaciones (mediante el subcomando `MATRIX`).
- Escribir una matriz de correlaciones para su análisis posterior (mediante el subcomando `MATRIX`).

Consulte la *Referencia de sintaxis de comandos* para obtener información completa de la sintaxis.

Análisis factorial

El análisis factorial intenta identificar variables subyacentes, o **factores**, que expliquen la configuración de las correlaciones dentro de un conjunto de variables observadas. El análisis factorial se suele utilizar en la reducción de los datos para identificar un pequeño número de factores que explique la mayoría de la varianza observada en un número mayor de variables manifiestas. También puede utilizarse para generar hipótesis relacionadas con los mecanismos causales o para inspeccionar las variables para análisis subsiguientes (por ejemplo, para identificar la colinealidad antes de realizar un análisis de regresión lineal).

El procedimiento de análisis factorial ofrece un alto grado de flexibilidad:

- Existen siete métodos de extracción factorial disponibles.
- Existen cinco métodos de rotación disponibles, entre ellos el oblimin directo y el promax para rotaciones no ortogonales.
- Existen tres métodos disponibles para calcular las puntuaciones factoriales; y las puntuaciones pueden guardarse como variables para análisis adicionales.

Ejemplo. ¿Qué actitudes subyacentes hacen que las personas respondan a las preguntas de una encuesta política de la manera en que lo hacen? Examinando las correlaciones entre los elementos de la encuesta se deduce que hay una superposición significativa entre los diversos subgrupos de elementos (las preguntas sobre los impuestos tienden a estar correlacionadas entre sí, las preguntas sobre temas militares también están correlacionadas entre sí, y así sucesivamente). Con el análisis factorial, se puede investigar el número de factores subyacentes y, en muchos casos, identificar lo que los factores representan conceptualmente. Adicionalmente, se pueden calcular las puntuaciones factoriales para cada encuestado, que pueden utilizarse en análisis subsiguientes. Por ejemplo, es posible construir un modelo de regresión logística para predecir el comportamiento de voto basándose en las puntuaciones factoriales.

Estadísticos. Para cada variable: número de casos válidos, media y desviación típica. Para cada análisis factorial: matriz de correlaciones de variables, incluidos niveles de significación, determinante, inversa; matriz de correlaciones reproducida, que incluye anti-imagen; solución inicial (comunalidades, autovalores y porcentaje de varianza explicada); KMO (medida de la adecuación muestral de Kaiser-Meyer-Olkin) y prueba de esfericidad de Bartlett; solución sin rotar, que incluye saturaciones factoriales, comunalidades y autovalores; y solución rotada, que incluye la matriz de configuración rotada y la matriz de transformación. Para rotaciones oblicuas: las matrices de estructura y de configuración rotadas; matriz de coeficientes para el cálculo de las puntuaciones factoriales y matriz de covarianzas entre los factores. Gráficos: gráfico de sedimentación y gráfico de las saturaciones de los dos o tres primeros factores.

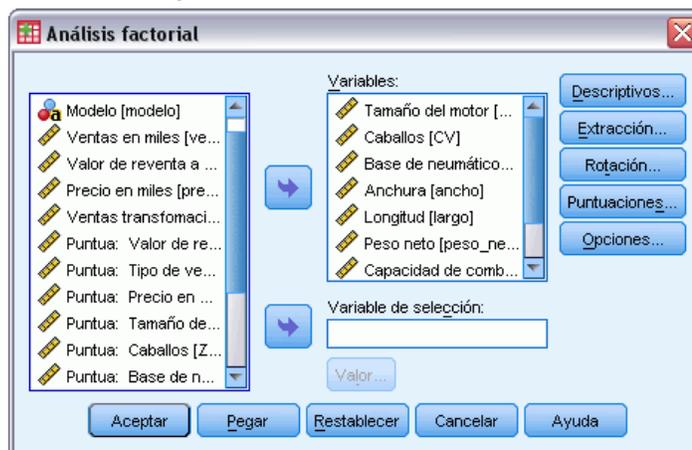
Datos. Las variables deben ser cuantitativas a nivel de **intervalo** o de **razón**. Los datos categóricos (como la religión o el país de origen) no son adecuados para el análisis factorial. Los datos para los cuales razonablemente se pueden calcular los coeficientes de correlación de Pearson, deberían ser adecuados para el análisis factorial.

Supuestos. Los datos deben tener una distribución normal bivariada para cada pareja de variables y las observaciones deben ser independientes. El modelo de análisis factorial especifica que las variables vienen determinadas por los factores comunes (los factores estimados por el modelo) y por factores únicos (los cuales no se superponen entre las distintas variables observadas); las estimaciones calculadas se basan en el supuesto de que ningún factor único está correlacionado con los demás, ni con los factores comunes.

Para obtener un análisis factorial

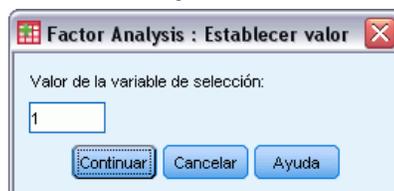
- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Reducción de dimensiones > Factor...
- ▶ Seleccione las variables para el análisis factorial.

Figura 22-1
Cuadro de diálogo Análisis factorial



Selección de casos en el análisis factorial

Figura 22-2
Cuadro de diálogo Análisis factorial: Establecer valor



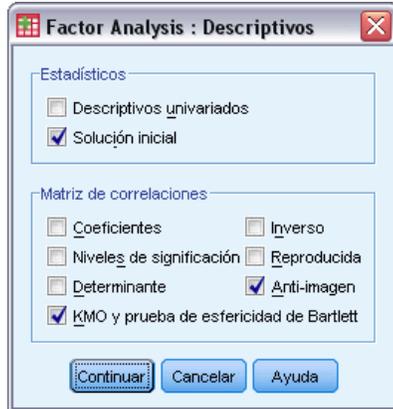
Para seleccionar casos para el análisis:

- ▶ Seleccione una variable de selección.
- ▶ Pulse en Valor para introducir un número entero como valor de selección.

En el análisis factorial, sólo se usarán los casos con ese valor para la variable de selección.

Análisis factorial: Descriptivos

Figura 22-3
Cuadro de diálogo Análisis factorial: Descriptivos



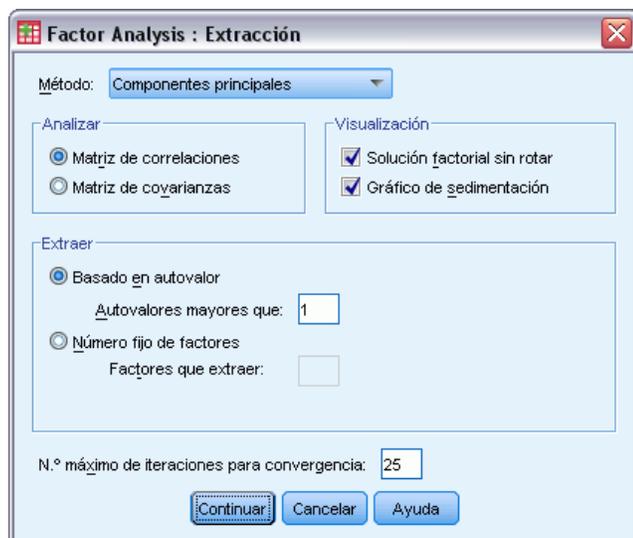
Estadísticos. Los descriptivos univariados incluyen la media, la desviación típica y el número de casos válidos para cada variable. La solución inicial muestra las comunalidades iniciales, los autovalores y el porcentaje de varianza explicada.

Matriz de correlaciones. Las opciones disponibles son: coeficientes, niveles de significación, determinante, inversa, reproducida, anti-imagen y KMO y prueba de esfericidad de Bartlett.

- **KMO y prueba de esfericidad de Bartlett.** La medida de la adecuación muestral de Kaiser-Meyer-Olkin contrasta si las correlaciones parciales entre las variables son pequeñas. La prueba de esfericidad de Bartlett contrasta si la matriz de correlaciones es una matriz identidad, que indicaría que el modelo factorial es inadecuado.
- **Reproducida.** Matriz de correlaciones estimada a partir de la solución factorial. También se muestran las correlaciones residuales (la diferencia entre la correlación observada y la estimada).
- **Anti-imagen.** La matriz de correlaciones anti-imagen contiene los negativos de los coeficientes de correlación parcial y la matriz de covarianza anti-imagen contiene los negativos de las covarianzas parciales. En un buen modelo factorial la mayoría de los elementos no diagonales deben ser pequeños. En la diagonal de la matriz de correlaciones anti-imagen se muestra la medida de adecuación muestral para esa variable.

Análisis factorial: Extracción

Figura 22-4
Cuadro de diálogo Análisis factorial: Extracción



Método. Permite especificar el método de extracción factorial. Los métodos disponibles son: Componentes principales, Mínimos cuadrados no ponderados, Mínimos cuadrados generalizados, Máxima verosimilitud, factorización de Ejes principales, factorización Alfa y factorización Imagen.

- **Análisis de componentes principales.** Método para la extracción de factores utilizada para formar combinaciones lineales no correlacionadas de las variables observadas. El primer componente tiene la varianza máxima. Las componentes sucesivas explican progresivamente proporciones menores de la varianza y no están correlacionadas unas con otras. El análisis principal de las componentes se utiliza para obtener la solución factorial inicial. No se puede utilizar cuando una matriz de correlaciones es singular.
- **Método de mínimos cuadrados no ponderados.** Método de extracción de factores que minimiza la suma de los cuadrados de las diferencias entre las matrices de correlación observada y reproducida, ignorando las diagonales.
- **Método de Mínimos cuadrados generalizados.** Método de extracción de factores que minimiza la suma de los cuadrados de las diferencias entre las matrices de correlación observada y reproducida. Las correlaciones se ponderan por el inverso de su unicidad, de manera que las variables que tengan un valor alto de unicidad reciban una ponderación menor que aquéllas que tengan un valor bajo de unicidad.
- **Método de máxima verosimilitud.** Método de extracción factorial que proporciona las estimaciones de los parámetros que con mayor probabilidad ha producido la matriz de correlaciones observada, si la muestra procede de una distribución normal multivariada. Las correlaciones se ponderan por el inverso de la unicidad de las variables, y se emplea un algoritmo iterativo.
- **Factorización de ejes principales.** Método para la extracción de factores que parte de la matriz de correlaciones original con los cuadrados de los coeficientes de correlación múltiple insertados en la diagonal principal como estimaciones iniciales de las comunalidades. Las

saturaciones factoriales resultantes se utilizan para estimar de nuevo las comunalidades que reemplazan a las estimaciones previas de comunalidad en la diagonal. Las iteraciones continúan hasta que el cambio en las comunalidades, de una iteración a la siguiente, satisfaga el criterio de convergencia para la extracción.

- **Alfa.** Método de extracción factorial que considera a las variables incluidas en el análisis como una muestra del universo de las variables posibles. Este método maximiza el Alfa de Cronbach para los factores.
- **Factorización imagen.** Método para la extracción de factores, desarrollado por Guttman y basado en la teoría de las imágenes. La parte común de una variable, llamada la imagen parcial, se define como su regresión lineal sobre las restantes variables, en lugar de ser una función de los factores hipotéticos.

Analizar. Permite especificar o una matriz de correlaciones o una matriz de covarianzas.

- **Matriz de correlaciones.** Es útil si las variables de su análisis se miden sobre escalas distintas.
- **Matriz de covarianzas.** Es útil si se desea aplicar el análisis factorial a varios grupos con distintas varianzas para cada variable.

Extraer. Se pueden retener todos los factores cuyos autovalores excedan un valor especificado o retener un número específico de factores.

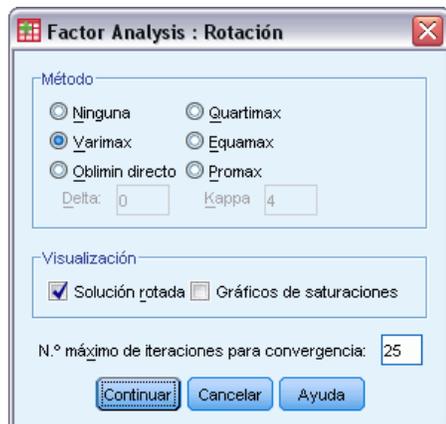
Mostrar. Permite solicitar la solución factorial sin rotar y el gráfico de sedimentación de los autovalores.

- **Solución factorial sin rotar.** Muestra las saturaciones factoriales sin rotar (la matriz de configuración factorial), las comunalidades y los autovalores de la solución factorial.
- **Gráfico de sedimentación.** Gráfico de la varianza que se asocia a cada factor. Este gráfico se utiliza para determinar cuántos factores se deben retenerse. Típicamente el gráfico muestra la clara ruptura entre la pronunciada pendiente de los factores más importantes y el descenso gradual de los restantes (los sedimentos).

Nº máximo de iteraciones para convergencia. Permite especificar el número máximo de pasos que el algoritmo puede seguir para estimar la solución.

Análisis factorial: Rotación

Figura 22-5
Cuadro de diálogo Análisis factorial: Rotación



Método. Permite seleccionar el método de rotación factorial. Los métodos disponibles son: varimax, equamax, quartimax, oblimin directo y promax.

- **Método varimax.** Método de rotación ortogonal que minimiza el número de variables que tienen saturaciones altas en cada factor. Simplifica la interpretación de los factores.
- **Criterio Oblimin directo.** Método para la rotación oblicua (no ortogonal). Si delta es igual a cero (el valor por defecto) las soluciones son las más oblicuas. A medida que delta se va haciendo más negativo, los factores son menos oblicuos. Para anular el valor por defecto 0 para delta, introduzca un número menor o igual que 0,8.
- **Método quartimax.** Método de rotación que minimiza el número de factores necesarios para explicar cada variable. Simplifica la interpretación de las variables observadas.
- **Método equamax.** Método de rotación que es combinación del método varimax, que simplifica los factores, y el método quartimax, que simplifica las variables. Se minimiza tanto el número de variables que saturan alto en un factor como el número de factores necesarios para explicar una variable.
- **Rotación Promax.** Rotación oblicua que permite que los factores estén correlacionados. Esta rotación se puede calcular más rápidamente que una rotación oblimin directa, por lo que es útil para conjuntos de datos grandes.

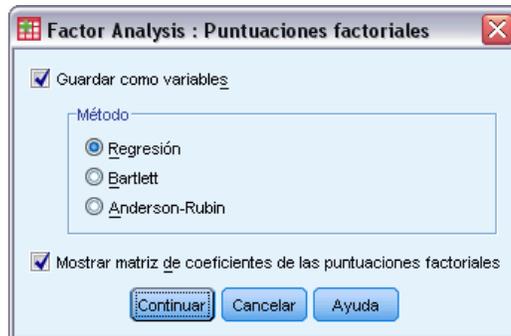
Mostrar. Permite incluir los resultados de la solución rotada, así como los gráficos de las saturaciones para los dos o tres primeros factores.

- **Solución rotada.** Debe seleccionarse un método de rotación para obtener la solución rotada. Para las rotaciones ortogonales, se muestran la matriz de configuración rotada y la matriz de transformación de factor. Para las rotaciones oblicuas, se muestran las matrices de correlaciones de factor, estructura y patrón.
- **Diagrama de las saturaciones factoriales.** Representación tridimensional de las saturaciones factoriales para los tres primeros factores. En una solución de dos factores, se representa un diagrama bidimensional. Si sólo se extrae un factor no se muestra el gráfico. Si se solicita la rotación, los diagramas representan las soluciones rotadas.

Nº máximo de iteraciones para convergencia. Permite especificar el número máximo de pasos que el algoritmo puede seguir para llevar a cabo la rotación.

Análisis factorial: Puntuaciones factoriales

Figura 22-6
Cuadro de diálogo Análisis factorial: Puntuaciones factoriales



Guardar como variables. Crea una nueva variable para cada factor en la solución final.

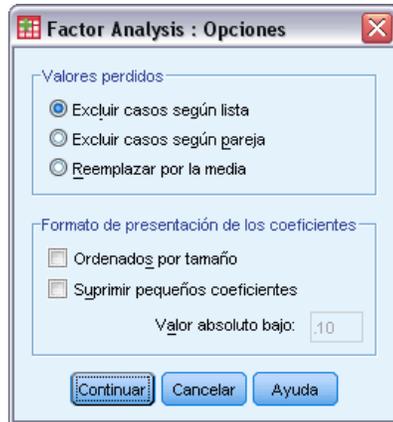
Método. Los métodos alternativos para calcular las puntuaciones factoriales son: regresión, Bartlett, y Anderson-Rubin.

- **Método de regresión.** Método para estimar los coeficientes de las puntuaciones factoriales. Las puntuaciones que se producen tienen una media de 0 y una varianza igual al cuadrado de la correlación múltiple entre las puntuaciones factoriales estimadas y los valores factoriales verdaderos. Las puntuaciones pueden correlacionarse incluso si los factores son ortogonales.
- **Puntuaciones de Bartlett.** Método para estimar los coeficientes de las puntuaciones factoriales. Las puntuaciones resultantes tienen una media de 0. Se minimiza la suma de cuadrados de los factores únicos sobre el rango de las variables.
- **Método de Anderson-Rubin.** Método para calcular los coeficientes para las puntuaciones factoriales; es una modificación del método de Bartlett, que asegura la ortogonalidad de los factores estimados. Las puntuaciones resultantes tienen una media 0, una desviación típica de 1 y no correlacionan entre sí.

Mostrar matriz de coeficientes de las puntuaciones factoriales. Muestra los coeficientes por los cuales se multiplican las variables para obtener puntuaciones factoriales. También muestra las correlaciones entre las puntuaciones factoriales.

Análisis factorial: Opciones

Figura 22-7
Cuadro de diálogo Análisis factorial: Opciones



Valores perdidos. Permite especificar el tratamiento que reciben los valores perdidos. Las selecciones disponibles son: Excluir casos **según lista**, Excluir casos **según pareja** y Reemplazar por la media.

Formato de presentación de los coeficientes. Permite controlar aspectos de las matrices de resultados. Los coeficientes se ordenan por tamaño y se suprimen aquellos cuyos valores absolutos sean menores que el valor especificado.

Funciones adicionales del comando **FACTOR**

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Especificar los criterios de convergencia para la iteración durante la extracción y la rotación.
- Especificar gráficos factoriales rotados individuales.
- Especificar el número de puntuaciones factoriales que se van a guardar.
- Especificar valores diagonales para el método de factorización del eje principal.
- Escribir matrices de correlación o matrices de carga factorial en el disco para su análisis posterior.
- Leer y analizar matrices de correlación o matrices de carga factorial.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Selección de procedimientos para la conglomeración

Los análisis de conglomerados se pueden realizar mediante los procedimientos de análisis de conglomerados en dos fases, jerárquico o de K-medias. Cada uno de estos procedimientos emplea un algoritmo distinto en la creación de conglomerados y contiene opciones que no están disponibles en los otros.

Análisis de conglomerados en dos fases. En algunas aplicaciones, se puede seleccionar como método el procedimiento Análisis de conglomerados en dos fases. Ofrece una serie de funciones únicas que se detallan a continuación:

- Selección automática del número más apropiado de conglomerados y medidas para la selección de los distintos modelos de conglomerado.
- Posibilidad de crear modelos de conglomerado basados al mismo tiempo en variables categóricas y continuas.
- Posibilidad de guardar el modelo de conglomerados en un archivo XML externo y, a continuación, leer el archivo y actualizar el modelo de conglomerados con datos más recientes.

Asimismo, el procedimiento Análisis de conglomerados en dos fases puede analizar archivos de datos grandes.

Análisis de conglomerados jerárquico. El uso del procedimiento Análisis de conglomerados jerárquico se limita a archivos de datos más pequeños (cientos de objetos por conglomerar) y ofrece una serie de funciones únicas que se detallan a continuación:

- Posibilidad de conglomerar casos o variables.
- Posibilidad de calcular un rango de soluciones posibles y guardar los conglomerados de pertenencia para cada una de dichas soluciones.
- Distintos métodos de formación de conglomerados, transformación de variables y medida de disimilaridad entre conglomerados.

Siempre que todas las variables sean del mismo tipo, el procedimiento Análisis de conglomerados jerárquico podrá analizar variables de intervalo (continuas), de recuento o binarias.

Análisis de conglomerados de K-medias. El uso del procedimiento Análisis de conglomerados de K-medias se limita a datos continuos y requiere que el usuario especifique previamente el número de conglomerados y ofrece una serie de funciones únicas que se detallan a continuación:

- Posibilidad de guardar las distancias desde los centros de los conglomerados hasta los distintos objetos.
- Posibilidad de leer los centros de los conglomerados iniciales y guardar los centros de los conglomerados finales desde un archivo IBM® SPSS® Statistics externo.

Asimismo, el procedimiento Análisis de conglomerados de K-medias puede analizar archivos de datos grandes.

Análisis de conglomerados en dos fases

El procedimiento Análisis de conglomerados en dos fases es una herramienta de exploración diseñada para descubrir las agrupaciones naturales (o conglomerados) de un conjunto de datos que, de otra manera, no sería posible detectar. El algoritmo que emplea este procedimiento incluye varias atractivas funciones que lo hacen diferente de las técnicas de conglomeración tradicionales:

- **Tratamiento de variables categóricas y continuas.** Al suponer que las variables son independientes, es posible aplicar una distribución normal multinomial conjunta en las variables continuas y categóricas.
- **Selección automática del número de conglomerados.** Mediante la comparación de los valores de un criterio de selección del modelo para diferentes soluciones de conglomeración, el procedimiento puede determinar automáticamente el número óptimo de conglomerados.
- **Escalabilidad.** Mediante la construcción de un árbol de características de conglomerados (CF) que resume los registros, el algoritmo en dos fases puede analizar archivos de datos de gran tamaño.

Ejemplo. Las empresas minoristas y de venta de productos para el consumidor suelen aplicar técnicas de conglomeración a los datos que describen los hábitos de consumo, sexo, edad, nivel de ingresos, etc. de los clientes. Estas empresas adaptan sus estrategias de desarrollo de productos y de marketing en función de cada grupo de consumidores para aumentar las ventas y el nivel de fidelidad a la marca.

Figura 24-1
Cuadro de diálogo *Análisis de conglomerados en dos fases*



Medida de distancia. Esta opción determina cómo se calcula la similaridad entre dos conglomerados.

- **Log-verosimilitud.** La medida de la verosimilitud realiza una distribución de probabilidad entre las variables. Las variables continuas se supone que tienen una distribución normal, mientras que las variables categóricas se supone que son multinomiales. Se supone que todas las variables son independientes.
- **Euclídea.** La medida euclídea es la distancia según una “línea recta” entre dos conglomerados. Sólo se puede utilizar cuando todas las variables son continuas.

Número de conglomerados. Esta opción permite especificar cómo se va a determinar el número de conglomerados.

- **Determinar automáticamente.** El procedimiento determinará automáticamente el número “óptimo” de conglomerados, utilizando el criterio especificado en el grupo Criterio de conglomeración. Si lo desea, introduzca un entero positivo para especificar el número máximo de conglomerados que el procedimiento debe tener en cuenta.
- **Especificar número fijo.** Permite fijar el número de conglomerados de la solución. Introduzca un número entero positivo.

Recuento de variables continuas. Este grupo proporciona un resumen de las especificaciones acerca de la tipificación de variables continuas realizadas en el cuadro de diálogo Opciones. [Si desea obtener más información, consulte el tema Opciones del análisis de conglomerados en dos fases el p. 172.](#)

Criterio de conglomeración. Esta opción determina cómo el algoritmo de conglomeración determina el número de conglomerados. Se puede especificar tanto el criterio de información bayesiano (BIC) como el criterio de información de Akaike (AIC).

Datos. Este procedimiento trabaja tanto con variables continuas como categóricas. Los casos representan los objetos que se van a conglomerar y las variables representan los atributos en los que se va a basar la conglomeración.

Orden de casos. Observe que el árbol de características de conglomerados y la solución final pueden depender del orden de los casos. Para minimizar los efectos del orden, ordene los casos aleatoriamente. Puede que desee obtener varias soluciones distintas con los casos ordenados en distintos órdenes aleatorios para comprobar la estabilidad de una solución determinada. En situaciones en que esto resulta difícil debido a unos tamaños de archivo demasiado grandes, se pueden sustituir varias ejecuciones por una muestra de casos ordenados con distintos órdenes aleatorios.

Supuestos. La medida de la distancia de la verosimilitud supone que las variables del modelo de conglomerados son independientes. Además, se supone que cada variable continua tiene una distribución normal (de Gauss) y que cada variable categórica tiene una distribución multinomial. Las comprobaciones empíricas internas indican que este procedimiento es bastante robusto frente a las violaciones tanto del supuesto de independencia como de las distribuciones, pero aún así es preciso tener en cuenta hasta qué punto se cumplen estos supuestos.

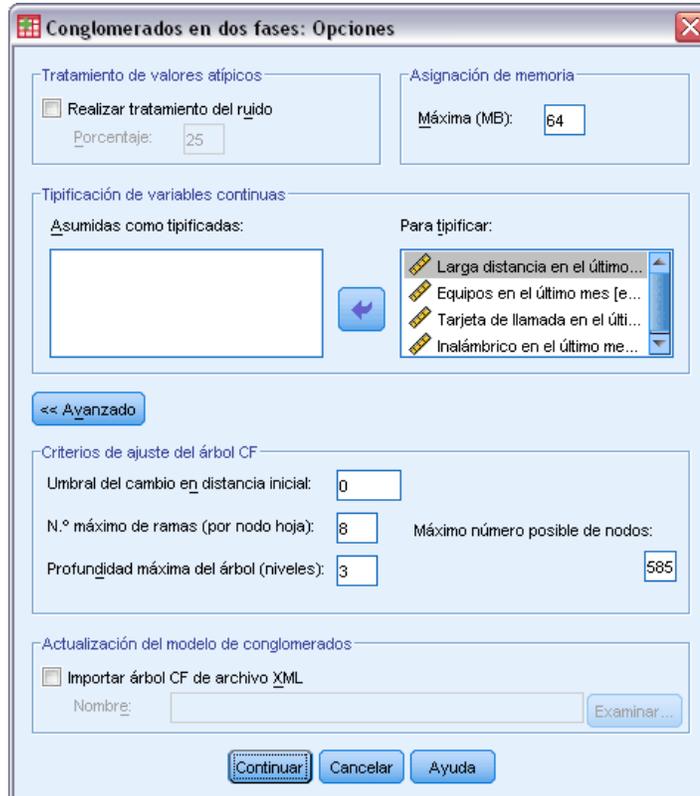
Utilice el procedimiento de [correlaciones bivariadas](#) para comprobar la independencia de dos variables continuas. Utilice el procedimiento de [tablas de contingencia](#) para comprobar la independencia de dos variables categóricas. Utilice el procedimiento de [medias](#) para comprobar la independencia entre una variable continua y una variable categórica. Utilice el procedimiento de [exploración](#) para comprobar la normalidad de una variable continua. Utilice el procedimiento de [prueba de chi-cuadrado](#) para comprobar si una variable categórica tiene especificada una distribución multinomial.

Para obtener un análisis de conglomerados en dos fases

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Clasificar > Conglomerado de bietápico...
- ▶ Seleccione una o varias variables categóricas o continuas.
Si lo desea, puede:
 - Ajustar los criterios utilizados para generar los conglomerados.
 - Seleccionar los ajustes para el tratamiento del ruido, la asignación de memoria, la tipificación de las variables y la entrada del modelo de conglomerados.
 - Solicitar resultados del visor de modelos.
 - Guardar los resultados del modelo en el archivo de trabajo o en un archivo XML externo.

Opciones del análisis de conglomerados en dos fases

Figura 24-2
Cuadro de diálogo Opciones de conglomerados en dos fases



Tratamiento de valores atípicos. Este grupo permite tratar los valores atípicos de manera especial durante la conglomeración si se llena el árbol de características de los conglomerados (CF). El árbol CF se considera lleno si no puede aceptar ningún caso más en un nodo hoja y no hay ningún nodo hoja que se pueda dividir.

- Si selecciona el tratamiento del ruido y el árbol CF se llena, se hará volver a crecer después de colocar los casos existentes en hojas poco densas en una hoja de “ruido”. Se considera que una hoja es poco densa si contiene un número de casos inferior a un determinado porcentaje de casos del máximo tamaño de hoja. Tras volver a hacer crecer el árbol, los valores atípicos se colocarán en el árbol CF en caso de que sea posible. Si no es así, se descartarán los valores atípicos.
- Si no selecciona el tratamiento del ruido y el árbol CF se llena, se hará volver a crecer utilizando un umbral del cambio en distancia mayor. Tras la conglomeración final, los valores que no se puedan asignar a un conglomerado se considerarán como valores atípicos. Al conglomerado de valores atípicos se le asigna un número de identificación de -1 y no se incluirá en el recuento del número de conglomerados.

Asignación de memoria. Este grupo permite especificar la cantidad máxima de memoria en megabytes (MB) que puede utilizar el algoritmo de conglomeración. Si el procedimiento supera este máximo, utilizará el disco para almacenar la información que no se pueda colocar en la memoria. Especifique un número mayor o igual que 4.

- Consulte con el administrador del sistema si desea conocer el valor máximo que puede especificar en su sistema.
- Si este valor es demasiado bajo, es posible que el algoritmo no consiga obtener el número correcto o deseado de conglomerados.

Tipificación de variables. El algoritmo de conglomeración trabaja con variables continuas tipificadas. Todas las variables continuas que no estén tipificadas deben dejarse como variables en la lista Para tipificar. Para ahorrar algún tiempo y trabajo para el ordenador, puede seleccionar todas las variables continuas que ya haya tipificado como variables en la lista Asumidas como tipificadas.

Opciones avanzadas

Criterios de ajuste del árbol CF. Los siguientes ajustes del algoritmo de conglomeración se aplican específicamente al árbol de características de conglomerados (CF) y deberán cambiarse con cuidado:

- **Umbral del cambio en distancia inicial.** Éste es el umbral inicial que se utiliza para hacer crecer el árbol CF. Si se ha insertado una determinada hoja en el árbol CF que produciría una densidad inferior al umbral, la hoja no se dividirá. Si la densidad supera el umbral, se dividirá la hoja.
- **Nº máximo de ramas (por nodo hoja).** Número máximo de nodos filiales que puede tener una hoja.
- **Máxima profundidad de árbol.** Número máximo de niveles que puede tener un árbol CF.
- **Máximo número posible de nodos.** Indica el número máximo de nodos del árbol CF que puede generar potencialmente el procedimiento, de acuerdo con la función $(b^{d+1} - 1) / (b - 1)$, donde b es el número máximo de ramas y d es la profundidad máxima del árbol. Tenga en cuenta que un árbol CF excesivamente grande puede agotar los recursos del sistema y afectar negativamente al rendimiento del procedimiento. Como mínimo, cada nodo requiere 16 bytes.

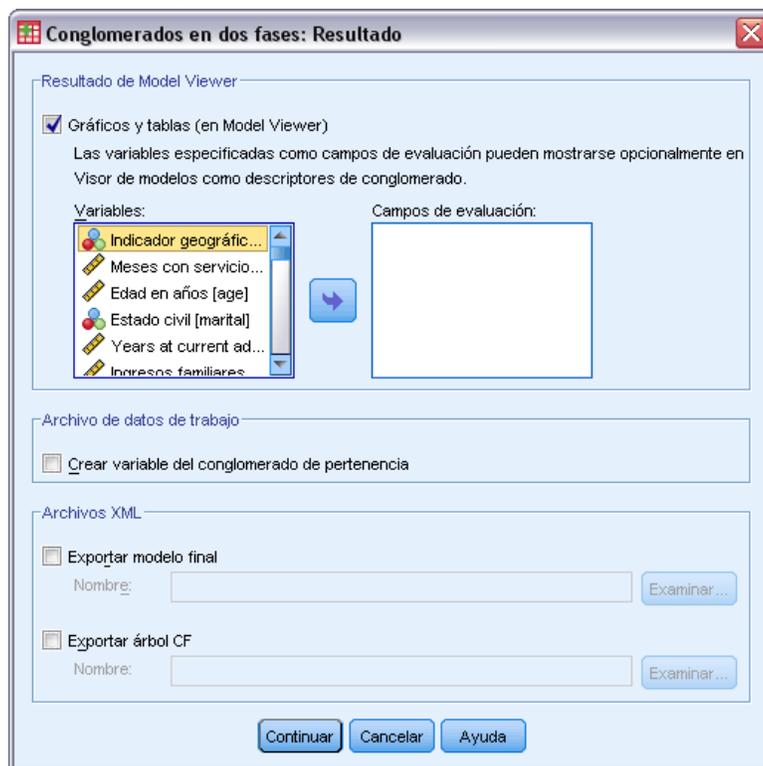
Actualización del modelo de conglomerados. Este grupo permite importar y actualizar un modelo de conglomerados generado en un análisis anterior. El archivo de entrada contiene el árbol CF en formato XML. A continuación, se actualizará el modelo con los datos existentes en el archivo activo. Debe seleccionar los nombres de variable en el cuadro de diálogo principal en el mismo orden en que se especificaron en el análisis anterior. El archivo XML permanecerá inalterado, a no ser que escriba específicamente la nueva información del modelo en el mismo nombre de archivo. [Si desea obtener más información, consulte el tema Resultados de análisis de conglomerados en dos fases el p. 174.](#)

Si se ha especificado una actualización del modelo de conglomerados, se utilizarán las opciones pertenecientes a la generación del árbol CF que se especificaron para el modelo original. Concretamente, se utilizarán los ajustes del modelo guardado acerca de la medida de distancia, el tratamiento del ruido, la asignación de memoria y los criterios de ajuste del árbol CF, por lo que se ignorarán todos los ajustes de estas opciones que se hayan especificado en los cuadros de diálogo.

Nota: Al realizar una actualización del modelo de conglomerados, el procedimiento supone que ninguno de los casos seleccionados en el conjunto de datos activo se utilizó para crear el modelo de conglomerados original. El procedimiento también supone que los casos utilizados en la actualización del modelo proceden de la misma población que los casos utilizados para crear el modelo; es decir, se supone que las medias y las varianzas de las variables continuas y los niveles de las variables categóricas son los mismos en ambos conjuntos de casos. Si los conjuntos de casos “nuevo” y “antiguo” proceden de poblaciones heterogéneas, deberá ejecutar el procedimiento Análisis de conglomerados en dos fases para los conjuntos combinados de casos para obtener los resultados óptimos.

Resultados de análisis de conglomerados en dos fases

Figura 24-3
Cuadro de diálogo Conglomerados en dos fases: Resultados



Resultado del visor de salida. Este grupo proporciona opciones para la presentación los resultados de la conglomeración.

- **Gráficos y tablas.** Muestra los resultados relacionados con los modelos, incluyendo tablas y gráficos. Las tablas de la vista de modelo incluyen un resumen del modelo y una cuadrícula de conglomerados por funciones. El resultado gráfico de la vista de modelo incluye un gráfico

de calidad del conglomerado, de tamaño de conglomerado, de importancia de la variable, de cuadrícula de comparación de conglomerados e información de la casilla.

- **Campos de evaluación.** Calcula los datos del conglomerado de las variables que no se han utilizado en su creación. Los campos de evaluación se pueden mostrar junto con las características de entrada del visor de modelos seleccionándolas en el cuadro de diálogo subordinado Visualización. Los campos con valores perdidos se ignoran.

Archivo de datos de trabajo. Este grupo permite guardar las variables en el conjunto de datos activo.

- **Crear variable del conglomerado de pertenencia.** Esta variable contiene un número de identificación de conglomerado para cada caso. El nombre de esta variable es *tsc_n*, donde *n* es un número entero positivo que indica el ordinal de la operación de almacenamiento del conjunto de datos activo realizada por este procedimiento en una determinada sesión.

Archivos XML. El modelo de conglomerados final y el árbol CF son dos tipos de archivos de resultados que se pueden exportar en formato XML.

- **Exportar modelo final.** También se puede exportar el modelo de conglomerado final al archivo especificado en formato XML (PMML). Puede utilizar este archivo de modelo para aplicar la información del modelo a otros archivos de datos para puntuarlo.
- **Exportar árbol CF.** Esta opción permite guardar el estado actual del árbol de conglomerados y actualizarlo más tarde utilizando nuevos datos.

El visor de conglomerados

Los modelos de conglomerados se suelen utilizar para buscar grupos (o conglomerados) de registros similares basados en las variables examinadas, donde la similitud entre los miembros del mismo grupo es alta y es baja entre miembros de grupos diferentes. Los resultados pueden utilizarse para identificar las asociaciones que, de otra manera, no serían aparentes. Por ejemplo, mediante el análisis de conglomerados de preferencias del cliente, de nivel de ingresos y de hábitos de consumo, se podría identificar los tipos de clientes con más probabilidad de responder a una campaña de marketing particular.

Existen dos métodos para interpretar los resultados de una presentación de conglomerados:

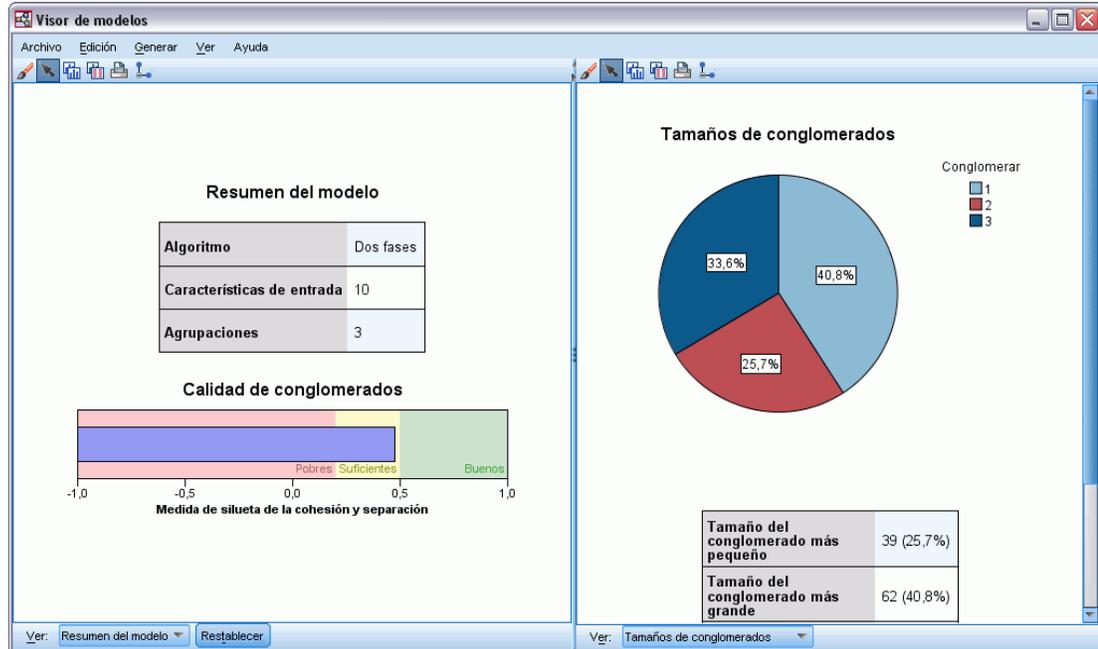
- Examinar los conglomerados para determinar las características únicas de cada conglomerado. *¿Contiene uno de los conglomerados todos los socios con un alto nivel de ingresos? ¿Contiene este conglomerado más registros que otros?*
- Examinar los campos de todos los conglomerados para determinar la forma en que los valores se distribuyen en ellos. *¿Determina el nivel de educación la pertenencia a un conglomerado? ¿Distingue la puntuación de crédito alto entre la pertenencia a un conglomerado o a otro?*

Puede utilizar las vistas principales y las diferentes vistas vinculadas en el visor de conglomerados para obtener una mayor perspectiva que le ayuda a responder a estas preguntas.

Si desea ver información sobre el modelo de conglomerado, active el objeto Visor de modelos pulsando dos veces sobre él en el visor.

Visor de conglomerados

Figura 24-4
Visor de conglomerados con visualización predeterminada



El Visor de conglomerados se compone de dos paneles, la vista principal en la parte izquierda y la vista relacionada o auxiliar de la derecha. Hay dos vistas principales:

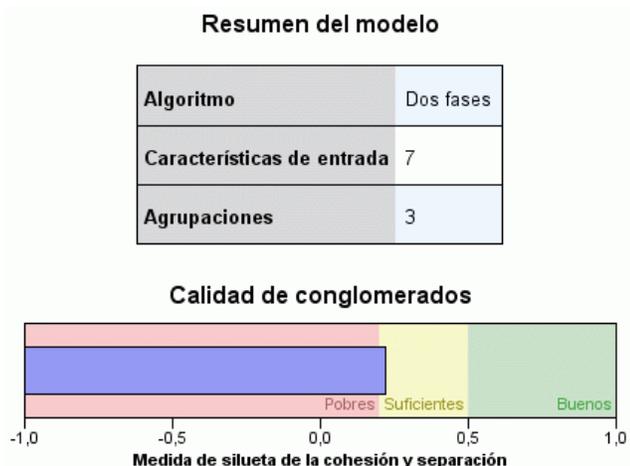
- Resumen del modelo (predeterminado). Si desea obtener más información, consulte el tema [Vista Resumen del modelo](#) el p. 177.
- Conglomerados. Si desea obtener más información, consulte el tema [Vista de conglomerados](#) el p. 178.

Hay cuatro vistas relacionadas/auxiliares:

- Importancia del predictor. Si desea obtener más información, consulte el tema [Vista Importancia del predictor de conglomerados](#) el p. 181.
- Tamaños de conglomerados (predeterminado) Si desea obtener más información, consulte el tema [Vista de tamaños de conglomerados](#) el p. 182.
- Distribución de casillas. Si desea obtener más información, consulte el tema [Vista Distribución de casillas](#) el p. 183.
- Comparación de conglomerados. Si desea obtener más información, consulte el tema [Vista Comparación de conglomerados](#) el p. 184.

Vista Resumen del modelo

Figura 24-5
Vista Resumen del modelo en el panel principal



La vista Resumen del modelo muestra una instantánea o resumen del modelo de conglomerado, incluyendo una medida de silueta de la cohesión y separación de conglomerados sombreada para indicar resultados pobres, correctos o buenos. Esta instantánea le permite comprobar rápidamente si la calidad es insuficiente, en cuyo caso puede optar por volver al nodo de modelado para cambiar los ajustes del modelo de conglomerado para producir mejores resultados.

Los resultados serán pobres, correctos o buenos de acuerdo con el trabajo de Kaufman y Rousseeuw (1990) sobre la interpretación de estructuras de conglomerados. En la vista Resumen del modelo, un resultado “bueno” indica que los datos reflejan una evidencia razonable o sólida de que existe una estructura de conglomerados, de acuerdo con la valoración Kaufman y Rousseeuw; una resultado “correcto” indica que esa evidencia es débil, y un resultado “pobre” significa que, según esa valoración, no hay evidencias obvias.

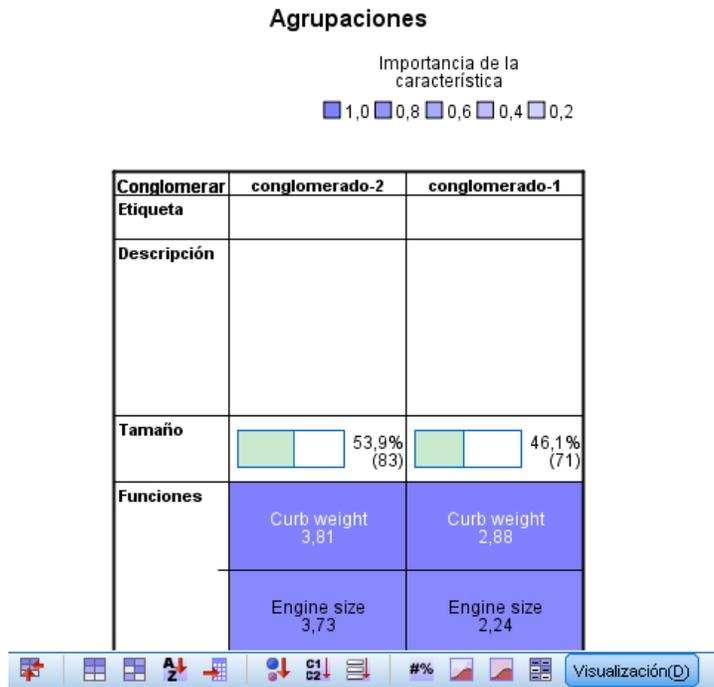
Las medias de medida de silueta, en todos los registros, $(B-A) / \max(A,B)$, donde A es la distancia del registro al centro de su conglomerado y B es la distancia del registro al centro del conglomerado más cercano al que no pertenece. Un coeficiente de silueta de 1 podría implicar que todos los casos están ubicados directamente en los centros de sus conglomerados. Un valor de -1 significaría que todos los casos se encuentran en los centros de conglomerado de otro conglomerado. Un valor de 0 implica, de media, que los casos están equidistantes entre el centro de su propio conglomerado y el siguiente conglomerado más cercano.

El resumen incluye una tabla que contiene la siguiente información:

- **Algoritmo.** El algoritmo de conglomeración utilizado, por ejemplo, “Dos fases”.
- **Características de entrada.** El número de campos, también conocidos como **entradas o predictores**.
- **Conglomerados.** Número de conglomerados de la solución.

Vista de conglomerados

Figura 24-6
Vista Centros de conglomerados del panel principal



La vista Conglomerados contiene una cuadrícula de conglomerados por funciones que incluye nombres de conglomerados, tamaños y perfiles para cada conglomerado.

Las columnas de la cuadrícula contienen la siguiente información:

- **Conglomerado.** Números de conglomerados creados por el algoritmo.
- **Etiqueta.** Etiquetas aplicadas a cada conglomerado (está en blanco de forma predeterminada). Pulse dos veces la casilla para introducir una etiqueta que describa el contenido del conglomerado, por ejemplo “Compradores de automóviles de lujo”.
- **Descripción.** Cualquier descripción de los contenidos de los conglomerados (está en blanco de forma predeterminada). Pulse dos veces la casilla para introducir una descripción del conglomerado, por ejemplo “Más de 55 años de edad, profesionales, con ingresos superiores a 100.000 €”.
- **Tamaño.** El tamaño de cada conglomerado como porcentaje de la muestra general del conglomerado. Cada casilla de tamaño de la cuadrícula muestra una barra vertical que muestra el porcentaje de tamaño del conglomerado, un porcentaje de tamaño en formato numérico y los recuentos de casos de conglomerado.
- **Funciones** Los predictores o entradas individuales, ordenados por importancia general de forma predeterminada. Si hay columnas con tamaños iguales, se muestran en orden ascendente en función de los miembros del conglomerado.

La importancia general de la característica se indica por el color del sombreado del fondo de la casilla, siendo más oscuro cuanto más importante sea la característica. Una guía sobre la tabla indica la importancia vinculada a cada color de casilla de característica.

Cuando pasa el ratón por una casilla, se muestra el nombre completo/etiqueta de la característica y el valor de importancia de la casilla. Es posible que aparezca más información, en función de la vista y tipo de característica. En la vista Centros de conglomerados, esto incluye la estadística de casilla y el valor de la casilla, por ejemplo: “Media: 4.32”. En las características categóricas, la casilla muestra el nombre de la categoría (modal) más frecuente y su porcentaje.

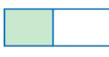
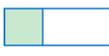
En la vista Conglomerados, puede seleccionar varias formas de mostrar la información de conglomerados:

- Transponer conglomerados y características [Si desea obtener más información, consulte el tema Transponer conglomerados y características el p. 179.](#)
- Clasificar características [Si desea obtener más información, consulte el tema Clasificar características el p. 180.](#)
- Clasificar conglomerados [Si desea obtener más información, consulte el tema Clasificar conglomerados el p. 180.](#)
- Seleccionar contenido de casilla [Si desea obtener más información, consulte el tema Contenido de casilla el p. 180.](#)

Transponer conglomerados y características

Por defecto, los conglomerados se muestran como columnas y las características se muestran como filas. Para invertir esta visualización, pulse el botón Transponer conglomerados y características a la izquierda de los botones Clasificar características. Por ejemplo, puede que desea hacer esto cuando se muestren muchos conglomerados para reducir la cantidad de desplazamiento horizontal necesario para visualizar los datos.

Figura 24-7
Conglomerados transpuestos en el panel principal

Conglomerado	Etiqueta	Descripción	Tamaño	
cluster-1			 45,0% (91)	BP HIGH (41,8%)
cluster-3			 35,0% (70)	BP NORMAL (51,4%)
cluster-2			 19,0% (39)	BP HIGH (100,0%)

Clasificar características

Los botones Clasificar características por le permiten seleccionar la cantidad de casillas de características:

- **Importancia global** Este es el orden de clasificación predeterminado. Las características se clasifican en orden descendente de importancia general y el orden de clasificación es el mismo entre los distintos conglomerados. Si hay características que empatan en valores de importancia, éstas se muestran en orden de clasificación ascendente según el nombre.
- **Importancia dentro del conglomerado** Las características se clasifican con respecto de su importancia para cada conglomerado. Si hay características que empatan en valores de importancia, éstas se muestran en orden de clasificación ascendente según el nombre. Si esta opción está seleccionada, el orden de clasificación suele variar en los diferentes conglomerados.
- **Nombre.** Las características se clasifican por nombre en orden alfabético.
- **Orden de los datos** Las características se clasifican por orden en el conjunto de datos.

Clasificar conglomerados

Por defecto, los conglomerados se clasifican en orden de tamaño descendente. Los botones Clasificar conglomerados por le permiten ordenarlos por nombre en orden alfabético o, si ha creado etiquetas de únicas, por orden de etiqueta alfanumérico.

Las características con la misma etiqueta se clasifican por nombre de conglomerado. Si los conglomerados se clasifican por etiqueta y modifica la etiqueta de un conglomerado, el orden de clasificación se actualiza automáticamente.

Contenido de casilla

Los botones Casillas le permiten cambiar la visualización del contenido de casillas de características y campos de evaluación.

- **Centros de los conglomerados.** Por defecto, las casillas muestran nombres/etiquetas de características y la tendencia central para cada combinación de conglomerado/característica. La media se muestra para los campos continuos y el modo (categoría más frecuente) con porcentaje de categoría para los campos categóricos.
- **Distribuciones absolutas.** Muestra nombres/etiquetas de características y distribuciones absolutas de las características de cada conglomerado. En el caso de las funciones categóricas, la visualización muestra gráficos de barras superpuestas con las categorías ordenadas en orden ascendente de valores de datos. En las características continuas, la visualización muestra un gráfico de densidad suave que utiliza los mismos puntos finales e intervalos para cada conglomerado.

La visualización en color rojo oscuro muestra la distribución de conglomerados, mientras que la más clara representa los datos generales.

- **Distribuciones relativas** Muestra los nombres/etiquetas de características y las distribuciones relativas en las casillas. En general, las visualizaciones son similares a las mostradas para las distribuciones absolutas, sólo que en su lugar se muestran distribuciones relativas.

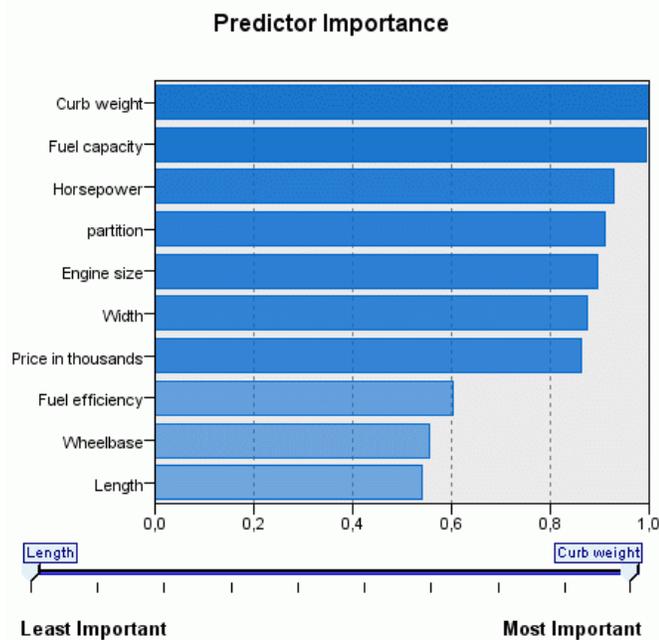
La visualización en color rojo oscuro muestra la distribución de conglomerados, mientras que la más clara representa los datos generales.

- **Vista básica.** Si hay muchos conglomerados, puede resultar difícil ver todos los detalles sin desplazarse. Para reducir la cantidad de desplazamiento, seleccione esta vista para cambiar la visualización a una versión más compacta de la tabla.

Vista Importancia del predictor de conglomerados

Figura 24-8

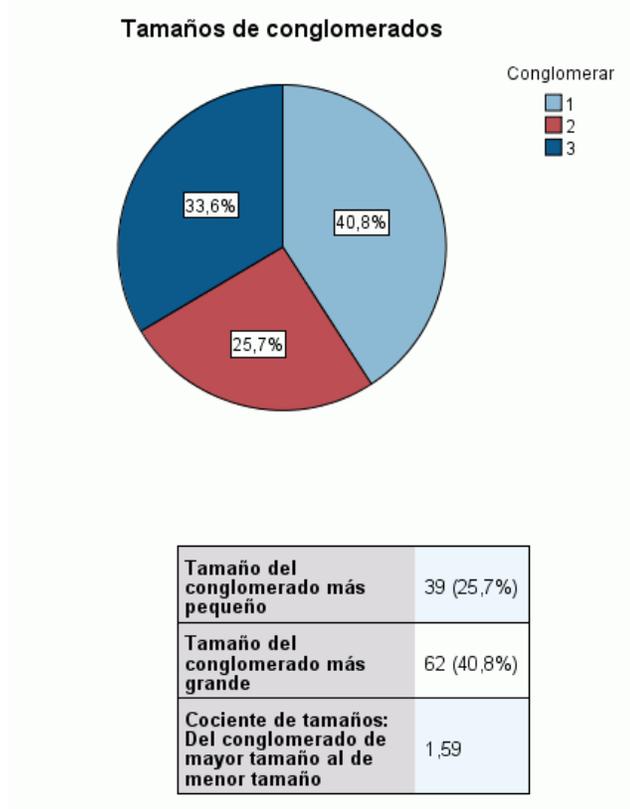
Vista Importancia del predictor de conglomerados del panel de vínculos



La vista Importancia del predictor muestra la importancia relativa de cada campo en la estimación del modelo.

Vista de tamaños de conglomerados

Figura 24-9
Vista Tamaños de conglomerados del panel de vínculos



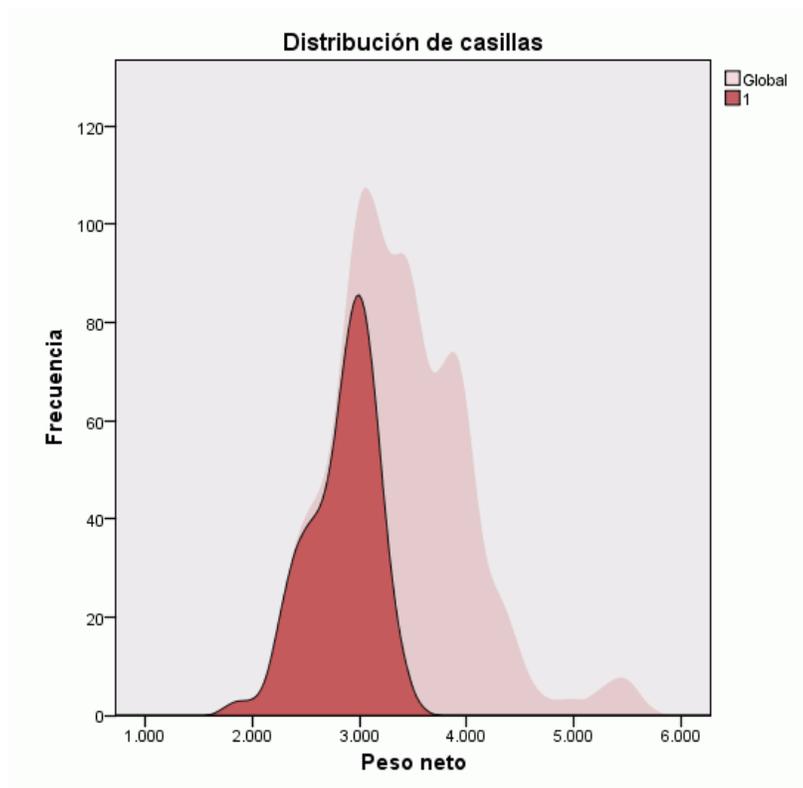
La vista Tamaños de conglomerados muestra el gráfico de sectores que contiene cada conglomerado. El tamaño de porcentaje de cada conglomerado se muestra en cada sector, pase el ratón sobre cada sector para mostrar el recuento de ese sector.

Bajo el gráfico, una tabla enumera la siguiente información de tamaño:

- El tamaño del conglomerado más pequeño (un recuento y porcentaje del conjunto).
- El tamaño del conglomerado mayor (un recuento y porcentaje del conjunto).
- La proporción entre el tamaño del mayor conglomerado y el del menor.

Vista Distribución de casillas

Figura 24-10
Vista Distribución de casillas del panel de vínculos

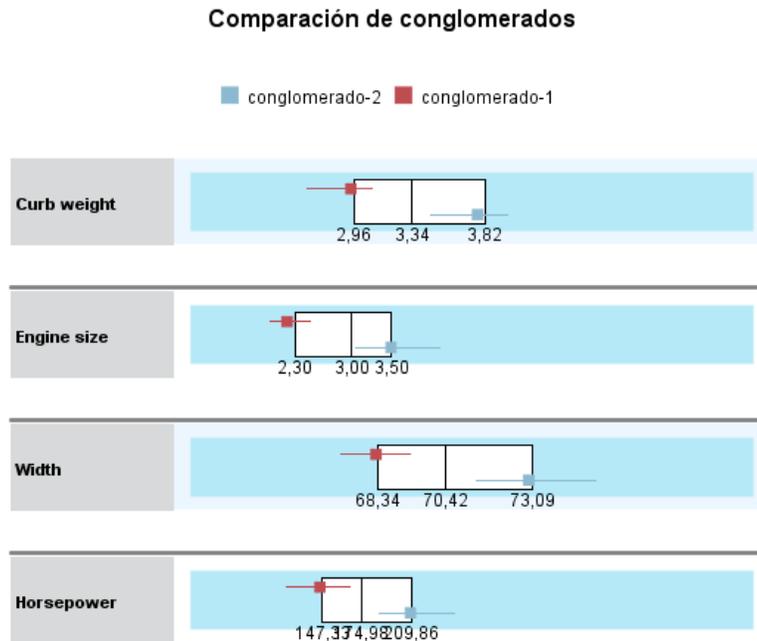


La vista Distribución de casillas muestra un gráfico expandido y más detallado de la distribución de los datos para cualquier casilla que seleccione en el panel principal Conglomerados.

Vista Comparación de conglomerados

Figura 24-11

Vista Comparación de conglomerados del panel de vínculos



La vista Comparación de conglomerados se compone de un diseño en estilo de cuadrícula, con características en las filas y conglomerados seleccionados en las columnas. Esta vista le ayuda a entender mejor los factores de los que se componen los conglomerados, y le permite ver las diferencias entre los conglomerados no sólo con respecto a los datos generales, sino entre sí.

Para seleccionar conglomerados para su visualización, pulse en la parte superior de la columna del conglomerado en el panel principal Conglomerados. Pulse las teclas Ctrl o Mayús y pulse para seleccionar o cancelar la selección de más de un conglomerado para su comparación.

Nota: Puede seleccionar que se muestren hasta cinco conglomerados.

Los conglomerados se muestran en el orden en que se seleccionaron, mientras que el orden de los campos viene determinado por la opción Clasificar características por. Si selecciona Importancia dentro del conglomerado, los campos siempre se clasifican por importancia general.

Los gráficos de fondo muestran las distribuciones generales de cada característica:

- Las características categóricas aparecen como gráficos de puntos, donde el tamaño del punto indica la categoría más frecuente/modal para cada conglomerado (por característica).
- Las características continuas se muestran como diagramas de caja, que muestran las medianas globales y las amplitudes intercuartiles.

En estas vistas de fondo aparecen superpuestos diagramas de caja para los conglomerados seleccionados:

- En las características continuas hay marcadores de puntos cuadrados y líneas horizontales que indican el rango de mediana e intercuartil de cada conglomerado.
- Cada conglomerado viene representado por un color distinto, que se muestra en la parte superior de la vista.

Navegación en el Visor de conglomerados

El visor de conglomerados es una pantalla interactiva. Puede:

- Seleccionar un campo o conglomerado para ver más detalles.
- Comparar conglomerados para seleccionar elementos de interés.
- Alterar la visualización.
- Transponer ejes.

Uso de las barras de herramientas

Puede controlar la información que aparece en los paneles izquierdo y derecho mediante las opciones de la barra de herramientas. Puede cambiar la orientación de la pantalla (de arriba a abajo, de izquierda a derecha, o de derecha a izquierda) mediante los controles de la barra de herramientas. Además, también puede restablecer el visor a los ajustes predeterminados, y abrir un cuadro de diálogo para especificar el contenido de la vista Conglomerados en el panel principal.

Figura 24-12

Barras de herramientas de control de los datos que se muestran en el Visor de conglomerados



Las opciones Clasificar características por, Clasificar conglomerados por, Casillas y Mostrar sólo están disponibles cuando selecciona la vista Conglomerados en el panel principal. [Si desea obtener más información, consulte el tema Vista de conglomerados el p. 178.](#)

	Consulte Transponer conglomerados y características el p. 179
	Consulte Clasificar características por el p. 180
	Consulte Clasificar conglomerados por el p. 180
	Consulte Casillas el p. 180

Control de la visualización de conglomerados

Para controlar qué se muestra en la vista Conglomerados del panel principal, pulse el botón Mostrar y se abrirá el cuadro de diálogo Mostrar.

Figura 24-13
Visor de conglomerados - Opciones de Mostrar



Funciones Está seleccionado por defecto. Para ocultar todas las características de entrada, cancele la selección de la casilla de verificación.

Campos de evaluación Seleccione los campos de evaluación (campos que no se usan para crear el modelo de conglomerado, sino que se envían al visor de modelos para evaluar los conglomerados) que desea mostrar, ya que ninguno se muestra de forma predeterminada. *Nota:* Esta casilla de verificación no está disponible si no hay ningún campo de evaluación disponible.

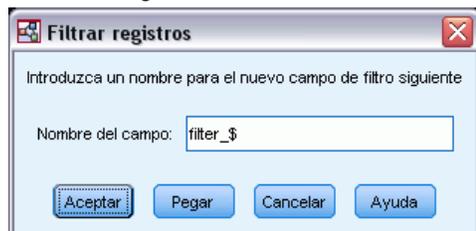
Descripciones de conglomerados Está seleccionado por defecto. Para ocultar todas las casillas de descripción de conglomerado, cancele la selección de la casilla de verificación.

Tamaños de conglomerados Está seleccionado por defecto. Para ocultar todas las casillas de tamaño de conglomerado, cancele la selección de la casilla de verificación.

Número máximo de categorías Especifique el número máximo de categorías que se mostrarán en gráficos de características categóricas. El valor predeterminado es 20.

Filtrado de registros

Figura 24-14
Visor de conglomerados - Filtrado de casos



Si desea obtener más información sobre los casos de un determinado conglomerado o grupo de conglomerados, puede seleccionar un subconjunto de registros para realizar un análisis más detallado en los conglomerados seleccionados.

- ▶ Seleccione los conglomerados en la vista Conglomerado del Visor de conglomerados. Mantenga pulsada la tecla Ctrl al mismo tiempo que pulsa el botón del ratón para seleccionar varios conglomerados.
- ▶ Seleccione en los menús:
Generar > Filtrar registros...
- ▶ Introduzca un nombre de variable de filtro. Los registros de los conglomerados seleccionados recibirán un valor igual a 1 para este campo. Todos los demás registros recibirán un valor igual a 0 y se excluirán de los análisis subsiguientes hasta que se modifique el estado del filtro.
- ▶ Pulse en Aceptar.

Análisis de conglomerados jerárquico

Este procedimiento intenta identificar grupos relativamente homogéneos de casos (o de variables) basándose en las características seleccionadas, mediante un algoritmo que comienza con cada caso (o cada variable) en un conglomerado diferente y combina los conglomerados hasta que sólo queda uno. Es posible analizar las variables brutas o elegir de entre una variedad de transformaciones de estandarización. Las medidas de distancia o similaridad se generan mediante el procedimiento Proximidades. Los estadísticos se muestran en cada etapa para ayudar a seleccionar la mejor solución.

Ejemplo. ¿Existen grupos identificables de programas televisivos que atraigan a audiencias similares dentro de cada grupo? Con el análisis de conglomerados jerárquico, podría agrupar los programas de TV (los casos) en grupos homogéneos basados en las características del espectador. Esto se puede utilizar para identificar segmentos de mercado. También puede agrupar ciudades (los casos) en grupos homogéneos, de manera que se puedan seleccionar ciudades comparables para probar diversas estrategias de marketing.

Estadísticos. Historial de conglomeración, matriz de distancias (o similaridades) y pertenencia a los conglomerados para una solución única o una serie de soluciones. Gráficos: dendrogramas y diagramas de témpanos.

Datos. Las variables pueden ser cuantitativas, binarias o datos de recuento (frecuencias). El escalamiento de las variables es un aspecto importante, ya que las diferencias en el escalamiento pueden afectar a las soluciones de conglomeración. Si las variables muestran grandes diferencias en el escalamiento (por ejemplo, una variable se mide en dólares y la otra se mide en años), debería considerar la posibilidad de estandarizarlas (esto puede llevarse a cabo automáticamente mediante el propio procedimiento Análisis de conglomerados jerárquico).

Orden de casos. Si hay distancias empatadas o similitudes en los datos de entrada o si éstas se producen entre los conglomerados actualizados durante la unión, la solución de conglomerado resultante puede depender del orden de los casos del archivo. Puede que desee obtener varias soluciones distintas con los casos ordenados en distintos órdenes aleatorios para comprobar la estabilidad de una solución determinada.

Supuestos. Las medidas de distancia o similaridad empleadas deben ser adecuadas para los datos analizados (véase el procedimiento Proximidades para obtener más información sobre la elección de las medidas de distancia y similaridad). Asimismo, debe incluir todas las variables relevantes en el análisis. Si se omiten variables de interés la solución obtenida puede ser equívoca. Debido a que el análisis de conglomerados jerárquico es un método exploratorio, los resultados deben considerarse provisionales hasta que sean confirmados mediante otra muestra independiente.

Para obtener un análisis de conglomerados jerárquico

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Clasificar > Conglomerados jerárquicos...

Figura 25-1
Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados jerárquico

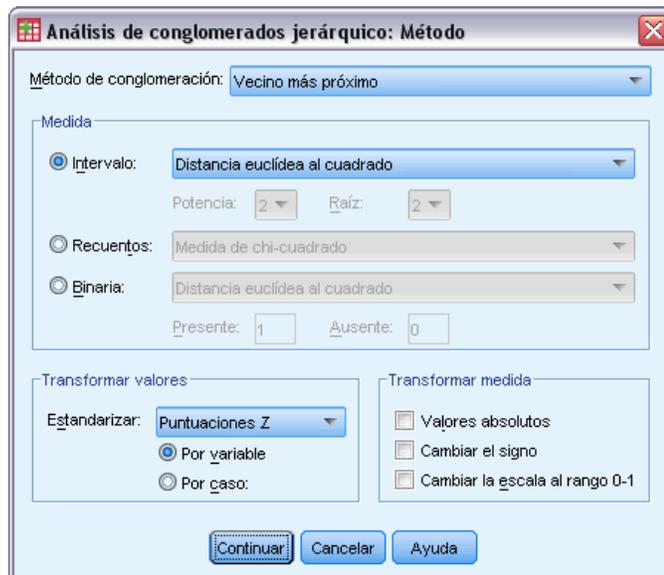


- Si está aglomerando casos, seleccione al menos una variable numérica. Si está aglomerando variables, seleccione al menos tres variables numéricas.

Si lo desea, puede seleccionar una variable de identificación para etiquetar los casos.

Análisis de conglomerados jerárquico: Método

Figura 25-2
Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados jerárquico: Método



Método de conglomeración. Las opciones disponibles son: Vinculación inter-grupos, Vinculación intra-grupos, Vecino más próximo, Vecino más lejano, Agrupación de centroides, Agrupación de medianas y Método de Ward.

Medida. Permite especificar la medida de distancia o similitud que será empleada en la aglomeración. Seleccione el tipo de datos y la medida de distancia o similitud adecuada:

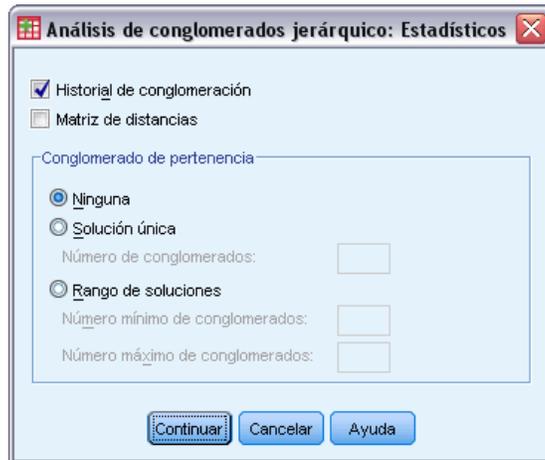
- **Intervalo.** Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, Coseno, Correlación de Pearson, Chebychev, Bloque, Minkowski y Personalizada.
- **Recuentos.** Las opciones disponibles son: Medida de chi-cuadrado y Medida de phi-cuadrado.
- **Binaria.** Las opciones disponibles son: Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, Diferencia de tamaño, Diferencia de configuración, Varianza, Dispersión, Forma, Concordancia simple, Correlación phi de 4 puntos, Lambda, D de Anderberg, Dice, Hamann, Jaccard, Kulczynski 1, Kulczynski 2, Lance y Williams, Ochiai, Rogers y Tanimoto, Russel y Rao, Sokal y Sneath 1, Sokal y Sneath 2, Sokal y Sneath 3, Sokal y Sneath 4, Sokal y Sneath 5, Y de Yule y Q de Yule.

Transformar valores. Permite estandarizar los valores de los datos, para los casos o las variables, antes de calcular las proximidades (no está disponible para datos binarios). Los métodos disponibles de estandarización son: Puntuaciones z , Rango -1 a 1, Rango 0 a 1, Magnitud máxima de 1, Media de 1 y Desviación típica 1.

Transformar medidas. Permite transformar los valores generados por la medida de distancia. Se aplican después de calcular la medida de distancia. Las opciones disponibles son: Valores absolutos, Cambiar el signo y Cambiar la escala al rango 0–1.

Análisis de conglomerados jerárquico: Estadísticos

Figura 25-3
Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados jerárquico:



Historial de conglomeración. Muestra los casos o conglomerados combinados en cada etapa, las distancias entre los casos o los conglomerados que se combinan, así como el último nivel del proceso de aglomeración en el que cada caso (o variable) se unió a su conglomerado correspondiente.

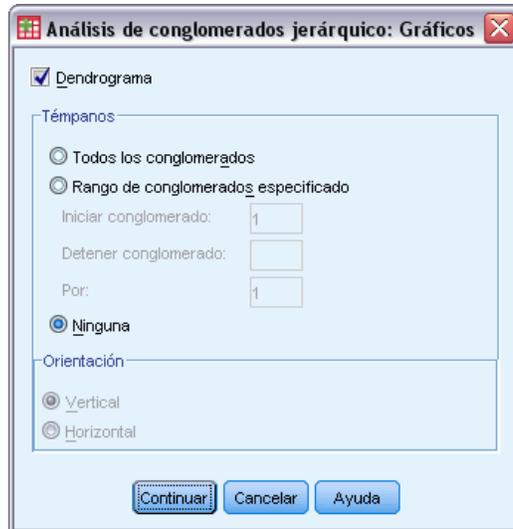
Matriz de distancias. Proporciona las distancias o similitudes entre los elementos.

Conglomerado de pertenencia. Muestra el conglomerado al cual se asigna cada caso en una o varias etapas de la combinación de los conglomerados. Las opciones disponibles son: Solución única y Rango de soluciones.

Análisis de conglomerados jerárquico: Gráficos

Figura 25-4

Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados jerárquico: Gráficos



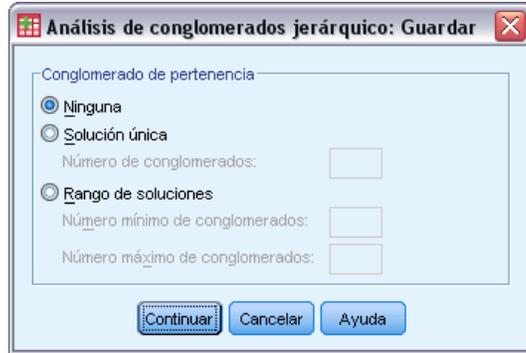
Dendrograma. Muestra un **dendrograma**. Los dendrogramas pueden emplearse para evaluar la cohesión de los conglomerados que se han formado y proporcionar información sobre el número adecuado de conglomerados que deben conservarse.

Témpanos. Muestra un **diagrama de témpanos**, que incluye todos los conglomerados o un rango especificado de conglomerados. Los diagramas de témpanos muestran información sobre cómo se combinan los casos en los conglomerados, en cada iteración del análisis. La orientación permite seleccionar un diagrama vertical u horizontal.

Análisis de conglomerados jerárquico: Guardar variables nuevas

Figura 25-5

Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados jerárquico: Guardar variables nuevas



Conglomerado de pertenencia. Permite guardar los conglomerados de pertenencia para una solución única o un rango de soluciones. Las variables guardadas pueden emplearse en análisis posteriores para explorar otras diferencias entre los grupos.

Funciones adicionales de la sintaxis de comandos CLUSTER

El procedimiento Conglomerado jerárquico utiliza la sintaxis de comandos CLUSTER. Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Utilizar varios métodos de agrupación en un único análisis.
- Leer y analizar una matriz de proximidades.
- Escribir una matriz de distancias para su análisis posterior.
- Especificar cualquier valor para la potencia y la raíz en la medida de distancia personalizada (potencia).
- Especificar nombres para variables guardadas.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Análisis de conglomerados de *K*-medias

Este procedimiento intenta identificar grupos de casos relativamente homogéneos basándose en las características seleccionadas y utilizando un algoritmo que puede gestionar un gran número de casos. Sin embargo, el algoritmo requiere que el usuario especifique el número de conglomerados. Puede especificar los centros iniciales de los conglomerados si conoce de antemano dicha información. Puede elegir uno de los dos métodos disponibles para clasificar los casos: la actualización de los centros de los conglomerados de forma iterativa o sólo la clasificación. Asimismo, puede guardar la pertenencia a los conglomerados, información de la distancia y los centros de los conglomerados finales. Si lo desea, puede especificar una variable cuyos valores sean utilizados para etiquetar los resultados por casos. También puede solicitar los estadísticos F de los análisis de varianza. Aunque estos estadísticos son oportunistas (ya que el procedimiento trata de formar grupos que de hecho difieran), el tamaño relativo de los estadísticos proporciona información acerca de la contribución de cada variable a la separación de los grupos.

Ejemplo. ¿Cuáles son los grupos identificables de programas de televisión que atraen audiencias parecidas dentro de cada grupo? Con el análisis de conglomerados de k -medias, podría agrupar los programas de televisión (los casos) en k grupos homogéneos, basados en las características del televidente. Este proceso se puede utilizar para identificar segmentos de mercado. También puede agrupar ciudades (los casos) en grupos homogéneos, de manera que se puedan seleccionar ciudades comparables para probar diversas estrategias de marketing.

Estadísticos. Para la solución completa: centros iniciales de los conglomerados, tabla de ANOVA. Para cada caso: información del conglomerado, distancia desde el centro del conglomerado.

Datos. Las variables deben ser cuantitativas en el nivel de intervalo o de razón. Si las variables son binarias o recuentos, utilice el procedimiento Análisis de conglomerados jerárquicos.

Orden de casos y centro de conglomerados iniciales. El algoritmo por defecto para elegir centros de conglomerados iniciales no es invariable con respecto a la ordenación de casos. La opción Usar medias actualizadas del cuadro de diálogo Iterar hace que la solución resultante dependa potencialmente del orden de casos con independencia de cómo se eligen los centros de conglomerados iniciales. Si va a utilizar alguno de estos métodos, puede que desee obtener varias soluciones distintas con los casos ordenados en distintos órdenes aleatorios para comprobar la estabilidad de una solución determinada. La especificación de los centros de conglomerados iniciales y la no utilización de la opción Usar medias actualizadas evita los problemas relacionados con el orden de casos. No obstante, la ordenación de los centros de conglomerados iniciales puede afectar a la solución en caso de haber distancias empatadas desde los casos a los centros de conglomerados. Para evaluar la estabilidad de una solución determinada, puede comparar los resultados de los análisis con las distintas permutaciones de los valores de centros iniciales.

Supuestos. Las distancias se calculan utilizando la distancia euclídea simple. Si desea utilizar otra medida de distancia o de similaridad, utilice el procedimiento Análisis de conglomerados jerárquicos. El escalamiento de variables es una consideración importante. Si sus variables

utilizan diferentes escalas (por ejemplo, una variable se expresa en dólares y otra, en años), los resultados podrían ser equívocos. En estos casos, debería considerar la estandarización de las variables antes de realizar el análisis de conglomerados de k -medias (esta tarea se puede hacer en el procedimiento Descriptivos). Este procedimiento supone que ha seleccionado el número apropiado de conglomerados y que ha incluido todas las variables relevantes. Si ha seleccionado un número inapropiado de conglomerados o ha omitido variables relevantes, los resultados podrían ser equívocos.

Para obtener un análisis de conglomerados de K-medias

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Clasificar > Conglomerado de K medias...

Figura 26-1
Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados de K-medias



- ▶ Seleccione las variables que se van a utilizar en el análisis de conglomerados.
- ▶ Especifique el número de conglomerados. (Este número no debe ser inferior a 2 ni superior al número de casos del archivo de datos.)
- ▶ Seleccione Iterar y clasificar o Sólo clasificar.
- ▶ Si lo desea, seleccione una variable de identificación para etiquetar los casos.

Eficacia del análisis de conglomerados de K-medias

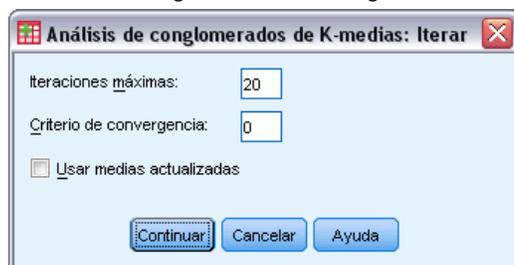
El comando de análisis de conglomerados de k -medias es eficaz principalmente porque no calcula las distancias entre todos los pares de casos, como hacen muchos algoritmos de conglomeración, como el utilizado por el comando de conglomeración jerárquica.

Para conseguir la máxima eficacia, tome una muestra de los casos y seleccione el método Iterar y clasificar para determinar los centros de los conglomerados. Seleccione Escribir finales en. A continuación, restaure el archivo de datos completo, seleccione el método Sólo clasificar y seleccione Leer iniciales de para clasificar el archivo completo utilizando los centros estimados a partir de la muestra. Se puede escribir y leer desde un archivo o conjunto de datos. Los conjuntos de datos están disponibles para su uso posterior durante la misma sesión, pero no se guardarán como archivos a menos que se hayan guardado explícitamente antes de que finalice la sesión. El nombre de un conjunto de datos debe cumplir las normas de denominación de variables.

Análisis de conglomerados de K-medias: Iterar

Figura 26-2

Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados de K-medias: Iterar



Nota: estas opciones sólo están disponibles si se selecciona el método Iterar y clasificar en el cuadro de diálogo Análisis de conglomerados de K-medias.

Nº máximo de iteraciones. Limita el número de iteraciones en el algoritmo k -medias. La iteración se detiene después de este número de iteraciones, incluso si no se ha satisfecho el criterio de convergencia. Este número debe estar entre el 1 y el 999.

Para reproducir el algoritmo utilizado por el comando Quick Cluster en las versiones previas a la 5.0, establezca Máximo de iteraciones en 1.

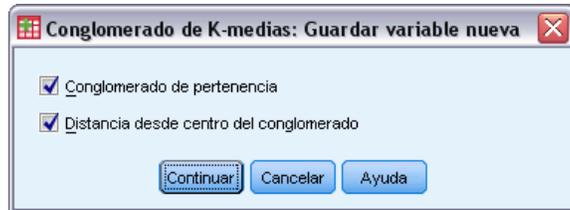
Criterio de convergencia. Determina cuándo cesa la iteración. Representa una proporción de la distancia mínima entre los centros iniciales de los conglomerados, por lo que debe ser mayor que 0 pero no mayor que 1. Por ejemplo, si el criterio es igual a 0,02, la iteración cesará si una iteración completa no mueve ninguno de los centros de los conglomerados en una distancia superior al dos por ciento de la distancia menor entre cualquiera de los centros iniciales.

Usar medias actualizadas. Permite solicitar la actualización de los centros de los conglomerados tras la asignación de cada caso. Si no selecciona esta opción, los nuevos centros de los conglomerados se calcularán después de la asignación de todos los casos.

Análisis de conglomerados de K-medias: Guardar

Figura 26-3

Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados de K-medias: Guardar



Puede guardar información sobre la solución como nuevas variables para que puedan ser utilizadas en análisis subsiguientes:

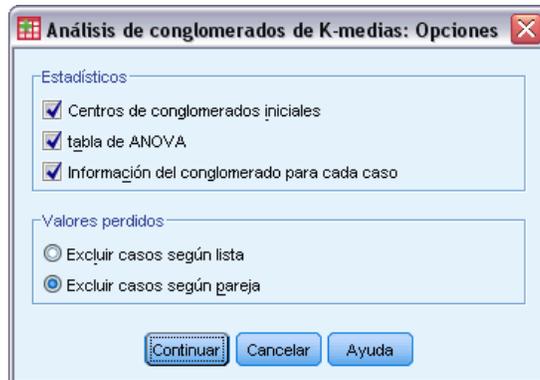
Conglomerado de pertenencia. Crea una nueva variable que indica el conglomerado final al que pertenece cada caso. Los valores de la nueva variable van desde el 1 hasta el número de conglomerados.

Distancia desde centro del conglomerado. Crea una nueva variable que indica la distancia euclídea entre cada caso y su centro de clasificación.

Análisis de conglomerados de K-medias: Opciones

Figura 26-4

Cuadro de diálogo Análisis de conglomerados de K-medias: Opciones



Estadísticos. Puede seleccionar los siguientes estadísticos: Centros de conglomerados iniciales, Tabla de ANOVA e Información del conglomerado para cada caso.

- **Centros de conglomerados iniciales.** Primera estimación de las medias de las variables para cada uno de los conglomerados. Por defecto se selecciona entre los datos un número de casos debidamente espaciados igual al número de conglomerados. Los centros iniciales de los conglomerados se utilizan como criterio para una primera clasificación y, a partir de ahí, se van actualizando.

- **Tabla de ANOVA.** Muestra una tabla de análisis de varianza que incluye las pruebas F univariadas para cada variable de aglomeración. Las pruebas F son sólo descriptivas y las probabilidades resultantes no se deben interpretar. La tabla de ANOVA no se mostrará si se asignan todos los casos a un único conglomerado.
- **Información del conglomerado para cada caso.** Muestra, para cada caso, el conglomerado final asignado y la distancia euclídea entre el caso y el centro del conglomerado utilizado para clasificar el caso. También muestra la distancia euclídea entre los centros de los conglomerados finales.

Valores perdidos. Las opciones disponibles son: Excluir casos según lista o Excluir casos según pareja.

- **Excluir casos según lista.** Excluye los casos con valores perdidos para cualquier variable de agrupación del análisis.
- **Excluir casos según pareja.** Asigna casos a los conglomerados en función de las distancias que se calculan desde todas las variables con valores no perdidos.

Funciones adicionales del comando QUICK CLUSTER

El procedimiento de conglomerados de K-medias utiliza la sintaxis de comandos `QUICK CLUSTER`. Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Aceptar los primeros casos k como primeros centros de conglomerados iniciales y, por lo tanto, evitar la lectura de datos que normalmente se utiliza para calcularlos.
- Especificar los centros de conglomerados iniciales directamente como parte de la sintaxis de comandos.
- Especificar nombres para variables guardadas.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Pruebas no paramétricas

Las pruebas no paramétricas hacen supuestos mínimos acerca de la distribución subyacente de los datos. Las pruebas que están disponibles en estos cuadros de diálogo, se pueden agrupar en tres categorías amplias en función de cómo se organizan los datos:

- Una prueba para una muestra analiza un campo.
- Una prueba para muestras relacionadas compara dos o más campos para el mismo conjunto de casos.
- Una prueba para muestras independientes analiza un campo que se agrupa por categorías de otro campo.

Pruebas no paramétricas para una muestra

Una prueba no paramétricas para una muestra identifica diferencias en campos únicos mediante una o más pruebas no paramétricas. Las pruebas no paramétricas no dan por hecho que sus datos sigan la distribución normal.

Figura 27-1

Pestaña *Objetivo de Pruebas no paramétricas para una muestra*

Identifica diferencias en campos únicos mediante una o más pruebas no paramétricas. Las pruebas no paramétricas no dan por hecho que sus datos sigan la distribución normal.

¿Cuál es su objetivo?

Cada objetivo se corresponde con una configuración por defecto diferente de la ficha Configuración que puede personalizar aun más si lo desea.

- Comparar automáticamente datos observados con el valor hipotetizado
- Probar la aleatoriedad de la secuencia
- Personalizar análisis

Descripción

Compara automáticamente los datos observados con el valor hipotetizado mediante la prueba binomial, la prueba de chi-cuadrado o la prueba Kolmogorov-Smirnov. La prueba seleccionada varía según sus datos.

¿Cuál es su objetivo? Los objetivos le permiten especificar rápidamente ajustes de prueba diferentes y comunes.

- **Comparar automáticamente datos observados con el valor hipotetizado.** Este objetivo aplica la prueba binomial a campos categóricos con sólo dos categorías, la prueba de chi-cuadrado al resto de campos categóricos y la prueba de Kolmogorov-Smirnov a campos continuos.

- **Probar la aleatoriedad de la secuencia.** Este objetivo utiliza la prueba de rachas para comprobar la aleatoriedad de la secuencia observada de valores de datos.
- **Análisis personalizado.** Seleccione esta opción si desea modificar manualmente la configuración de la prueba de la pestaña Configuración. Tenga en cuenta que esta configuración se selecciona automáticamente si realiza cambios posteriores a muchas opciones de la pestaña Configuración que sean incompatibles con los del objetivo seleccionado actualmente.

Para obtener Pruebas no paramétricas para una muestra

Seleccione en los menús:

Analizar > Pruebas no paramétricas > Una muestra...

- ▶ Pulse en Ejecutar.

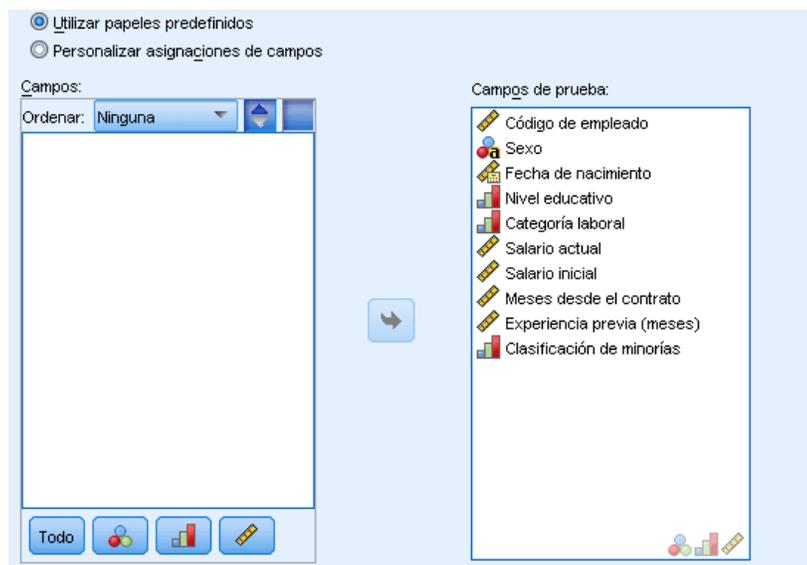
Si lo desea, puede:

- Especifique un objetivo en la pestaña Objetivos.
- Especifique asignaciones de campo en la pestaña Campos.
- Especifique la configuración de experto en la pestaña Configuración.

Pestaña Campos

Figura 27-2

Pestaña Campos de Pruebas no paramétricas para una muestra



La pestaña Campos especifica los campos que se deben comprobar.

Utilizar papeles predefinidos. Esta opción utiliza información de campos existentes. Todos los campos con un papel predefinido como Entrada o Ambos se utilizarán como campos de prueba. Al menos un campo de prueba es necesario.

Utilizar asignaciones de campos personalizadas. Esta opción le permite sobrescribir papeles de campos. Después de seleccionar esta opción, especifique los campos siguientes.

- **Campos de prueba.** Seleccione uno o más campos de prueba.

Pestaña Configuración

La pestaña Configuración contiene diferentes grupos de ajustes que puede modificar para ajustar con precisión la forma en que el algoritmo procesa sus datos. Si realiza algún cambio en la configuración por defecto que sea incompatible con el objetivo seleccionado actualmente, la pestaña Objetivo se actualiza automáticamente para seleccionar la opción Personalizar análisis.

Seleccionar pruebas

Figura 27-3
Configuración de Pruebas de Pruebas no paramétricas para una muestra

Estos ajustes especifican las pruebas que realizarán en los campos especificados en la pestaña Campos.

Seleccione automáticamente las pruebas en función de los datos. Esta configuración aplica la prueba binomial a campos categóricos con sólo dos categorías válidas (sin valores ausentes), la prueba de chi-cuadrado al resto de campos categóricos y la prueba de Kolmogorov-Smirnov a campos continuos.

Personalizar pruebas. Esta configuración permite especificar las pruebas que se ejecutarán.

- **Comparar la probabilidad binaria observada con el valor hipotetizado (prueba binomial).** La prueba binomial se puede aplicar a todos los campos. Produce una prueba de una muestra que comprueba si la distribución observada de un campo de marca (un campo categórico con sólo dos categorías) es el mismo que lo que se espera de una distribución binomial especificada.

Además, puede solicitar intervalos de confianza. Consulte [Opciones de prueba binomiales](#) para obtener información sobre la configuración de prueba.

- **Comparar las probabilidades observadas con el valor hipotetizado (prueba de chi-cuadrado).** La prueba de chi-cuadrado se aplica a campos nominales y ordinales. Produce una prueba de una muestra que calcula un estadístico chi-cuadrado basado en las diferencias entre las frecuencias observadas y esperadas de las categorías de un campo. Consulte [Opciones de prueba de chi-cuadrado](#) para obtener información sobre la configuración de prueba.
- **Probar la distribución observada con el valor hipotetizado (prueba de Kolmogorov-Smirnov).** La prueba de Kolmogorov-Smirnov se aplica a los campos continuos. Produce una prueba de una muestra de si la función de distribución acumulada de muestra de un campo es homogénea con una distribución uniforme, normal, Poisson o exponencial. Consulte [Opciones de Kolmogorov-Smirnov](#) para obtener información sobre la configuración de prueba.
- **Comparar mediana con el valor hipotetizado (prueba de Wilcoxon de los rangos con signo).** La prueba de Wilcoxon de los rangos con signo se aplica a campos continuos. Produce una prueba para una muestra del valor de mediana de un campo. Especifique un número como la mediana hipotetizada.
- **Probar la aleatoriedad de la secuencia (prueba de rachas).** La prueba de rachas se aplica a todos los campos. Produce una prueba de una muestra de si la secuencia de valores de un campo de dicotomías es aleatoria. Consulte [Prueba de rachas: Opciones](#) para obtener información sobre la configuración de prueba.

Opciones de prueba binomiales

Figura 27-4

Opciones de prueba binomiales de Pruebas no paramétricas para una muestra

Proporción hipotetizada: 0.5

Intervalo de confianza

- Clopper-Pearson (exacto)
- Jeffreys
- Razón de verosimilitud

Definir éxito para campos categóricos

- Utilizar primera categoría encontrada en los datos
- Especificar valores de éxito

Valores de éxito:

Valor

Definir éxito para campos continuos

Éxito es igual o menos que

- Punto medio de muestra
- Punto de corte personalizado

Punto de corte:

La prueba binomial está diseñada para campos de marca (campos categóricos con sólo dos categorías), pero se aplica a todos los campos mediante reglas para definir “éxito”.

Proporción hipotetizada. Especifica la proporción esperada de registros definidos como “éxitos” o p . Especifique un valor mayor que 0 y menor que 1. El valor por defecto es 0,5.

Intervalo de confianza. Los siguientes métodos permiten calcular intervalos de confianza de datos binarios:

- **Clopper-Pearson (exacto).** Un intervalo exacto basado en la distribución binomial acumulada.
- **Jeffreys.** Un intervalo Bayesian basado en la distribución posterior de p que utiliza la opción Jeffreys anterior.
- **Cociente de verosimilitudes.** Un intervalo basado en la función de verosimilitud para p .

Definir éxito para campos categóricos. Especifica cómo se define “éxito”, el valor(s) de datos se comprueba en la proporción hipotetizada, en los campos categóricos.

- Utilizar primera categoría encontrada en los datos realiza la prueba binomial que utiliza el primer valor encontrado en la muestra para definir “éxito”. Esta opción sólo es aplicable a los campos nominal u ordinal con sólo dos valores; el resto de campos categóricos especificados en la pestaña Campos en los que se utiliza esta opción no se comprobarán. Ésta es la opción por defecto.
- Especificar valores de éxito realiza la prueba binomial que utiliza la lista especificada de valores para definir “éxito”. Especifique una lista de valores de cadena o numérico. No es necesario que los valores de la lista estén en la muestra.

Definir éxito para campos continuos. Especifica cómo se define “éxito”, el valor(s) de datos se comprueba en el valor de prueba, en los campos categóricos. Éxito se define como valores iguales o menores que un punto de corte.

- Punto medio de muestra define el punto de corte en la media de los valores mínimo o máximo.
- Punto de corte personalizado permite especificar un valor para el punto de corte.

Opciones de prueba de chi-cuadrado

Figura 27-5

Opciones de prueba de chi-cuadrado de Pruebas no paramétricas para una muestra

Seleccionar opciones de prueba

Todas las categorías tienen igual probabilidad

Personalizar probabilidad esperada

Probabilidades esperadas:

Categoría	Frecuencia relativa

X

Todas las categorías tienen la misma probabilidad. Produce la misma frecuencia entre todas las categorías en la muestra. Ésta es la opción por defecto.

Personalizar probabilidad esperada. Permite especificar frecuencias desiguales para una lista de categorías específica. Especifique una lista de valores de cadena o numérico. No es necesario que los valores de la lista estén en la muestra. En la columna Categoría, especifique los valores de categorías. En la columna Frecuencia relativa, especifique un valor superior a 0 para cada

categoría. Las frecuencias personalizadas se consideran porcentajes de forma que, por ejemplo, especificar frecuencias de 1, 2 y 3 es equivalente a especificar frecuencias de 10, 20 y 30, y especificar que 1/6 de los registros se esperan en la primera categoría, 1/3 en la segunda y 1/2 en la tercera. Si se especifican probabilidades esperadas personalizadas, los valores de categorías personalizadas deben incluir todos los valores de campo de los datos; de lo contrario la prueba no se realiza en ese campo.

Opciones de Kolmogorov-Smirnov

Figura 27-6

Opciones de Kolmogorov-Smirnov para pruebas no paramétricas para una muestra

Este cuadro de diálogo especifica las distribuciones que se deben comprobar y los parámetros de la distribución hipotetizada.

Normal. Utilizar datos muestrales utiliza la media observada y la desviación típica, Personalizado le permite especificar valores.

Uniforme. Utilizar datos muestrales utiliza los valores observados mínimos y máximos, Personalizado le permite especificar valores.

Exponencial. Media muestral utiliza la media observada, Personalizado le permite especificar valores.

Poisson. Media muestral utiliza la media observada, Personalizado le permite especificar valores.

Prueba de rachas: Opciones

Figura 27-7

Opciones de prueba de rachas de Pruebas no paramétricas para una muestra

The screenshot shows the 'Pruebas no paramétricas' dialog box, specifically the 'Prueba de rachas' section. It is divided into two main panels. The top panel, titled 'Definir grupos para campos categóricos', contains two radio button options: 'Sólo hay 2 categorías en la muestra' (selected) and 'Recodificar datos en 2 categorías'. Below these is a text input field labeled 'Definir primera categoría:' containing the word 'Value'. The bottom panel, titled 'Definir punto de corte para campos continuos', contains three radio button options: 'Mediana muestral' (selected), 'Media muestral', and 'Personalizado:'. Below these is a text input field labeled 'Punto de corte:'.

La prueba está diseñada para campos de marca (campos categóricos con sólo dos categorías), pero se puede aplica a todos los campos mediante reglas para definir grupos.

Definir grupos para campos categóricos

- Sólo hay 2 categorías en la muestra realiza la prueba de rachas utilizando los valores encontrados en la muestra para definir los grupos. Esta opción sólo es aplicable a los campos nominal u ordinal con sólo dos valores; el resto de campos categóricos especificados en la pestaña Campos en los que se utiliza esta opción no se comprobarán.
- Recodificar datos en 2 categorías realiza la prueba de rachas utilizando la lista de valores especificada para definir uno de los grupos. El resto de valores de muestra definen el otro grupo. No es necesario que todos los valores de la lista estén presentes en la muestra, pero debe haber al menos un registro en cada grupo.

Definir punto de corte para campos continuos. Especifica cómo se definen los grupos para campos continuos. El primer grupo se define como valores iguales o menores que un punto de corte.

- Mediana muestral define el punto de corte en la mediana muestral.
- Media muestral define el punto de corte en la media muestral.
- Personalizado permite especificar un valor para el punto de corte.

Opciones de prueba

Figura 27-8
Configuración de Opciones de pruebas de Pruebas no paramétricas para una muestra

Nivel de significación: 0.05

Los intervalos de confianza son %f: 95.0

Casos excluidos

Excluir casos según prueba

Excluir casos según lista

Nivel de significación. Especifica el nivel de significación (alfa) de todas las pruebas. Especifica un valor numérico entre 0 y 1. 0,05 es el valor por defecto.

Intervalo de confianza (%). Esto especifica el nivel de confianza de todos los intervalos de confianza producidos. Especifica un valor numérico entre 0 y 100. 95 es el valor por defecto.

Casos excluidos. Especifica cómo se determinan las pruebas caso por caso.

- Excluir casos según lista significa que los registros con valores perdidos de cualquier campo que se nombran en la pestaña Campos se excluyen de todos los análisis.
- Excluir casos según prueba significa que los registros con valores perdidos para un campo que se utiliza para una prueba específica se omiten de esa prueba. Si se realizan varias pruebas en el análisis, cada prueba se evalúa por separado.

Opciones de Kolmogorov-Smirnov

Figura 27-9
Configuración de Valores perdidos de Pruebas no paramétricas para una muestra

Valores definidos como perdidos por el usuario para campos categóricos

Excluir

Incluir

Los casos con valores definidos como perdidos por el usuario en campos continuos siempre se excluyen.

Valores definidos como perdidos por el usuario para campos categóricos. Para que un registro se incluya en el análisis, los campos categóricos deben tener valores válidos para dicho caso. Estos controles permiten decidir si los valores definidos como perdidos por el usuario se deben tratar como válidos entre los campos categóricos. Los valores perdidos por el sistema y perdidos para campos continuos siempre se tratan como no válidos.

Pruebas no paramétricas de muestras independientes

Las pruebas no paramétricas de muestras independientes identifican diferencias entre dos o más grupos utilizando una o más pruebas no paramétricas. Las pruebas no paramétricas no dan por hecho que sus datos sigan la distribución normal.

Figura 27-10
Pestaña Objetivo de Pruebas no paramétricas de muestras independientes

Identifica diferencias en dos o más campos mediante pruebas no paramétricas. Las pruebas no paramétricas no dan por hecho que sus datos sigan la distribución normal.

¿Cuál es su objetivo?

Cada objetivo se corresponde con una configuración por defecto diferente de la ficha Configuración que puede personalizar aun más si lo desea.

- Comparar automáticamente distribuciones entre grupos
- Comparar medianas entre grupos
- Personalizar análisis

Descripción

Compare automáticamente distribuciones entre grupos mediante la prueba U de Mann-Whitney para 2 muestras o la prueba ANOVA de 1 vía de Kruskal-Wallis para k muestras. La prueba seleccionada varía según sus datos.

¿Cuál es su objetivo? Los objetivos le permiten especificar rápidamente ajustes de prueba diferentes y comunes.

- **Comparar automáticamente distribuciones entre grupos.** Este objetivo aplica la prueba U de Mann-Whitney para datos con 2 grupos o la prueba ANOVA de 1 vía de Kruskal-Wallis para datos con grupos k .
- **Comparar medianas entre grupos.** Este objetivo utiliza la prueba de la mediana para comparar las medianas observadas entre grupos.
- **Análisis personalizado.** Seleccione esta opción si desea modificar manualmente la configuración de la prueba de la pestaña Configuración. Tenga en cuenta que esta configuración se selecciona automáticamente si realiza cambios posteriores a muchas opciones de la pestaña Configuración que sean incompatibles con los del objetivo seleccionado actualmente.

Para obtener pruebas no paramétricas para muestras independientes

Seleccione en los menús:

Analizar > Pruebas no paramétricas > Muestras independientes...

- ▶ Pulse en Ejecutar.

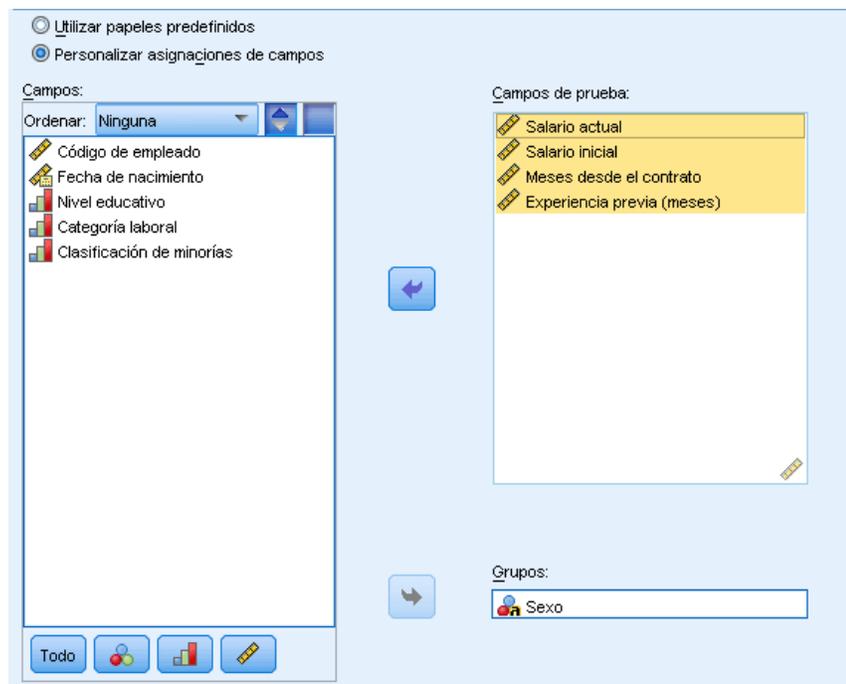
Si lo desea, puede:

- Especifique un objetivo en la pestaña Objetivos.
- Especifique asignaciones de campo en la pestaña Campos.
- Especifique la configuración de experto en la pestaña Configuración.

Pestaña Campos

Figura 27-11

Pestaña Campos de Pruebas no paramétricas de muestras independientes



La pestaña Campos especifica los campos que se deben comprobar y el campo que se utilizará para definir grupos.

Utilizar papeles predefinidos. Esta opción utiliza información de campos existentes. Todos los campos continuos con un papel predefinido como Destino o Ambos se utilizarán como campos de prueba. Si hay un único campo categórico con un papel predefinido como Entrada se utilizará como un campo de agrupación. De lo contrario, no se utilizará por defecto ningún campo de agrupación y deberá utilizar asignaciones de campos personalizadas. Se requiere al menos un campo de prueba y un campo de agrupación.

Utilizar asignaciones de campos personalizadas. Esta opción le permite sobrescribir papeles de campos. Después de seleccionar esta opción, especifique los campos siguientes.

- **Campos de prueba.** Seleccione uno o más campos continuos.
- **Grupos.** Seleccione un campo categórico.

Pestaña Configuración

La pestaña Configuración contiene diferentes grupos de ajustes que puede modificar para ajustar con precisión con la que el algoritmo procesa sus datos. Si realiza algún cambio en la configuración por defecto que sea incompatible con el objetivo seleccionado actualmente, la pestaña Objetivo se actualiza automáticamente para seleccionar la opción Personalizar análisis.

Seleccionar pruebas

Figura 27-12
Configuración de Seleccionar pruebas de Pruebas no paramétricas para una muestra

Estos ajustes especifican las pruebas que realizarán en los campos especificados en la pestaña Campos.

Seleccione automáticamente las pruebas en función de los datos. Esta configuración aplica la prueba U de Mann-Whitney para datos con 2 grupos o la prueba ANOVA de 1 vía de Kruskal-Wallis para datos con grupos k .

Personalizar pruebas. Esta configuración permite especificar las pruebas que se ejecutarán.

- **Comparar distribuciones entre grupos.** Producen pruebas para muestras independientes si las muestras son de la misma población.

U de Mann-Whitney (2 muestras) utiliza el nivel de cada caso para comprobar si los grupos se extraen de la misma población. El primer valor del campo de agrupación define el grupo de control y el segundo define el grupo de comparación. Si el campo de agrupación tiene más de dos valores, esta prueba no se ejecuta.

Kolmogorov-Smirnov (2 muestras) es sensible a cualquier diferencia en la mediana, dispersión, asimetría, etcétera entre las dos distribuciones. Si el campo de agrupación tiene más de dos valores, esta prueba no se ejecuta.

Probar la aleatoriedad de la secuencia (Wald-Wolfowitz para 2 muestras) produce una prueba con pertenencia al grupo como criterio. Si el campo de agrupación tiene más de dos valores, esta prueba no se ejecuta.

ANOVA de 1 vía de Kruskal-Wallis (k muestras) es una extensión de la prueba U de Mann-Whitney y el análogo no paramétrico de análisis de varianza de un factor. Opcionalmente puede solicitar múltiples comparaciones de las muestras k , en comparaciones múltiples todo por parejas o comparaciones por pasos en sentido descendente.

Probar alternativas ordenadas (prueba de Jonckheere-Terpstra para k muestras) es una alternativa más potente que Kruskal-Wallis si las muestras k tienen un orden natural. Por ejemplo, las k poblaciones pueden representar k temperaturas ascendentes. Se contrasta la hipótesis de que diferentes temperaturas producen la misma distribución de respuesta, con la hipótesis alternativa de que cuando la temperatura aumenta, la magnitud de la respuesta aumenta. La hipótesis alternativa se encuentra aquí ordenada; por tanto, la prueba de Jonckheere-Terpstra es la prueba más apropiada. Especifique el orden de las hipótesis alternativas; De menor a mayor estipula una hipótesis alternativa de que el parámetro de ubicación del primer grupo no es igual que el segundo, que a su vez no es igual que el tercero, etcétera; De mayor a menor estipula una hipótesis alternativa de que el parámetro de ubicación del primer grupo no es igual que el segundo, que a su vez no es igual que el tercero, etcétera. Opcionalmente puede solicitar múltiples comparaciones de las muestras k , en comparaciones múltiples todo por parejas o comparaciones por pasos en sentido descendente.

- **Comparar rangos entre grupos.** Produce una prueba de muestras independientes de si las muestras tienen el mismo rango. Reacciones extremas de Moses (2 muestras) comprueba un grupo de control con un grupo de comparación. El primer valor en orden ascendente del campo de agrupación define el grupo de control y el segundo define el grupo de comparación. Si el campo de agrupación tiene más de dos valores, esta prueba no se ejecuta.
- **Comparar medianas entre grupos.** Produce una prueba de muestras independientes de si las muestras tienen la misma mediana. Prueba de la mediana (k muestras) puede utilizar la mediana muestral combinada (calculada con todos los registros del conjunto de datos) o un valor personalizado como la mediana hipotetizada. Opcionalmente puede solicitar múltiples comparaciones de las muestras k , en comparaciones múltiples todo por parejas o comparaciones por pasos en sentido descendente.
- **Estimar intervalos de confianza entre grupos.** Hodges-Lehman (2 muestras) produce una estimación muestras independientes y el intervalo de confianza para la diferencia en las medianas de los dos grupos. Si el campo de agrupación tiene más de dos valores, esta prueba no se ejecuta.

Opciones de prueba

Figura 27-13

Configuración de Opciones de prueba de Pruebas no paramétricas para una muestra

Nivel de significación: 0.05

Los intervalos de confianza son %f: 95.0

Casos excluidos

Excluir casos según prueba

Excluir casos según lista

Nivel de significación. Especifica el nivel de significación (alfa) de todas las pruebas. Especifica un valor numérico entre 0 y 1. 0,05 es el valor por defecto.

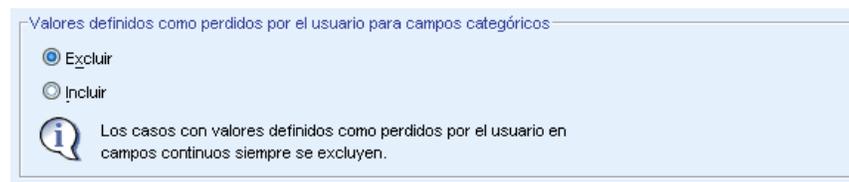
Intervalo de confianza (%). Esto especifica el nivel de confianza de todos los intervalos de confianza producidos. Especifica un valor numérico entre 0 y 100. 95 es el valor por defecto.

Casos excluidos. Especifica cómo se determinan las pruebas caso por caso. Excluir casos según lista significa que los registros con valores perdidos de cualquier campo que se nombran en cualquier subcomando se excluyen de todos los análisis. Excluir casos según prueba significa que los registros con valores perdidos para un campo que se utiliza para una prueba específica se omiten de esa prueba. Si se realizan varias pruebas en el análisis, cada prueba se evalúa por separado.

Valores definidos como perdidos por el usuario

Figura 27-14

Configuración de Valores definidos como perdidos por el usuario de Pruebas no paramétricas para una muestra



Valores definidos como perdidos por el usuario para campos categóricos. Para que un registro se incluya en el análisis, los campos categóricos deben tener valores válidos para dicho caso. Estos controles permiten decidir si los valores definidos como perdidos por el usuario se deben tratar como válidos entre los campos categóricos. Los valores perdidos por el sistema y perdidos para campos continuos siempre se tratan como no válidos.

Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas

Identifica diferencias entre dos o más campos relacionados mediante una o más pruebas no paramétricas. Las pruebas no paramétricas no dan por hecho que sus datos sigan la distribución normal.

Consideraciones sobre los datos Cada registro corresponde a un asunto concreto para el que se almacenan dos o más medidas relacionadas en campos separados del conjunto de datos. Por ejemplo, es posible analizar un estudio sobre la efectividad de un plan de dietas mediante pruebas no paramétricas de muestras relacionadas si el peso de cada sujeto se mide a intervalos regulares y se almacena como campos como *Peso previo a la dieta*, *Peso intermedio* y *Peso tras la dieta*. Estos campos están “relacionados”.

Figura 27-15
Pestaña *Objetivo de Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas*

Identifica diferencias en dos o más campos relacionados mediante una o más pruebas no paramétricas. Las pruebas no paramétricas no dan por hecho que sus datos sigan la distribución normal.

¿Cuál es su objetivo?

Cada objetivo se corresponde con una configuración por defecto diferente de la ficha Configuración que puede personalizar aun más si lo desea.

- Comparar automáticamente datos observados con datos hipotetizados
- Personalizar análisis

Descripción

Comparar automáticamente los datos observados con datos hipotetizados mediante la prueba de McNemar, la prueba Q de Cochran, la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo o ANOVA de 2 vías de Friedman por rangos. La prueba seleccionada varía según sus datos.

¿Cuál es su objetivo? Los objetivos le permiten especificar rápidamente ajustes de prueba diferentes y comunes.

- **Comparar automáticamente datos observados con datos hipotetizados.** Este objetivo aplica la prueba de McNemar a datos categóricos cuando se especifican 2 campos, la prueba Q de Cochran datos categóricos cuando se especifican más de 2 campos, la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo a datos continuos cuando se especifican 2 campos y ANOVA de 2 vías de Friedman por rangos a datos continuos cuando se especifican más de 2 campos.
- **Análisis personalizado.** Seleccione esta opción si desea modificar manualmente la configuración de la prueba de la pestaña Configuración. Tenga en cuenta que esta configuración se selecciona automáticamente si realiza cambios posteriores a muchas opciones de la pestaña Configuración que sean incompatibles con los del objetivo seleccionado actualmente.

Cuando se especifican campos de diferentes niveles de medición, primero se separan por nivel de medición y después se aplica la prueba adecuada a cada grupo. Por ejemplo, si selecciona Comparar automáticamente datos observados con el valor hipotetizado como objetivo y especifica 3 campos continuos y 2 campos nominales, se aplicará la prueba de Friedman a los campos continuos y la prueba de McNemar a los campos nominales.

Para obtener pruebas no paramétricas para muestras relacionadas

Elija en los menús:

Analizar > Pruebas no paramétricas > Muestras relacionadas...

- ▶ Pulse en Ejecutar.

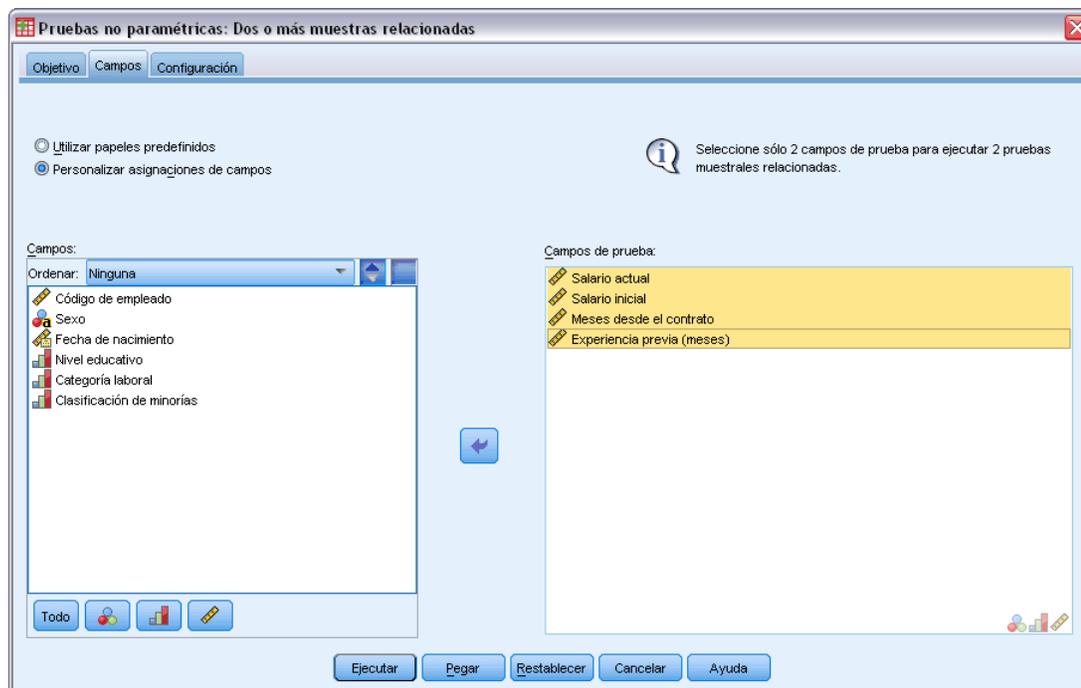
Si lo desea, puede:

- Especifique un objetivo en la pestaña Objetivos.

- Especifique asignaciones de campo en la pestaña Campos.
- Especifique la configuración de experto en la pestaña Configuración.

Pestaña Campos

Figura 27-16
Pestaña Campos de Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas



La pestaña Campos especifica los campos que se deben comprobar.

Utilizar papeles predefinidos. Esta opción utiliza información de campos existentes. Todos los campos con un papel predefinido como Destino o Ambos se utilizarán como campos de prueba. Se requieren al menos dos campos de prueba.

Utilizar asignaciones de campos personalizadas. Esta opción le permite sobrescribir papeles de campos. Después de seleccionar esta opción, especifique los campos siguientes:

- **Campos de prueba.** Seleccione dos o más campos. Cada campo corresponde a una muestra relacionada diferente.

Pestaña Configuración

La pestaña Configuración contiene diferentes grupos de ajustes que puede modificar para ajustar con precisión con la que el procedimiento procesa sus datos. Si realiza algún cambio en la configuración por defecto que sea incompatible con el resto de objetivos, la pestaña Objetivo se actualiza automáticamente para seleccionar la opción Personalizar análisis.

Seleccionar pruebas

Figura 27-17
Configuración de Seleccionar pruebas de Pruebas no paramétricas para muestras relacionadas

Estos ajustes especifican las pruebas que realizarán en los campos especificados en la pestaña Campos.

Seleccione automáticamente las pruebas en función de los datos. Esta configuración aplica la prueba de McNemar a datos categóricos cuando se especifican 2 campos, la prueba Q de Cochran a datos categóricos cuando se especifican más de 2 campos, la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo a datos continuos cuando se especifican 2 campos y ANOVA de 2 vías de Friedman por rangos a datos continuos cuando se especifican más de 2 campos.

Personalizar pruebas. Esta configuración permite especificar las pruebas que se ejecutarán.

- **Probar si hay cambios en datos binarios.** Prueba de McNemar (2 muestras) se puede aplicar a campos categóricos. Produce una prueba de muestras relacionadas de si las combinaciones de valores entre dos campos de marca (campos categóricos con dos valores únicamente) son igualmente probables. Si hay más de dos campos especificados en la pestaña Campos, esta prueba no se realiza. Consulte [Prueba de McNemar: Definir éxito](#) para obtener información sobre la configuración de prueba. Q de Cochran (k muestras) se puede aplicar a campos categóricos. Produce una prueba de muestras relacionadas de si las combinaciones de valores entre k campos de marca (campos categóricos con dos valores únicamente) son igualmente probables. Opcionalmente puede solicitar múltiples comparaciones de las muestras k , en comparaciones múltiples todo por parejas o comparaciones por pasos en sentido descendente. Consulte [Q de Cochran: Definir éxito](#) para obtener información sobre la configuración de prueba.
- **Probar si hay cambios en datos multinomiales.** Prueba de homogeneidad marginal (2 muestras) produce una prueba de muestras relacionadas de combinaciones de valores entre dos campos ordinales emparejados igualmente probables. La prueba de homogeneidad marginal se suele utilizar en situaciones de medidas repetidas. Se trata de una extensión de la prueba de

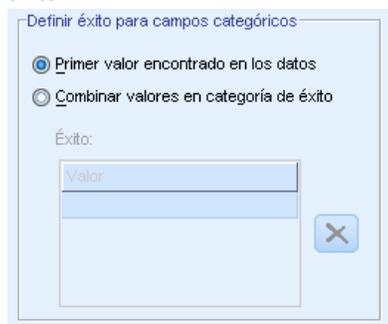
McNemar a partir de la respuesta binaria a la respuesta multinomial. Si hay más de dos campos especificados en la pestaña Campos, esta prueba no se realiza.

- **Comparar diferencia de la mediana con el valor hipotetizado.** Cada una de estas pruebas producen una prueba de muestras relacionadas de si la diferencia de la mediana entre dos campos continuos es diferente de 0. Si hay más de dos campos especificados en la pestaña Campos, estas pruebas no se realizan.
- **Estimar intervalo de confianza.** Produce un cálculo de muestras relacionadas y un intervalo de confianza para la diferencia de la mediana entre dos campos continuos emparejados. Si hay más de dos campos especificados en la pestaña Campos, esta prueba no se realiza.
- **Cuantificar asociaciones.** Coeficiente de concordancia de Kendall (k muestras) produce un coeficiente de concordancia entre evaluadores, donde cada registro es un valor de evaluador de varios elementos (campos). Opcionalmente puede solicitar múltiples comparaciones de las muestras k , en comparaciones múltiples todo por parejas o comparaciones por pasos en sentido descendente.
- **Comparar distribuciones.** ANOVA de 2 vías de Friedman por rangos (k muestras) produce una muestra relacionada de si las muestras relacionadas k se han extraído de la misma población. Opcionalmente puede solicitar múltiples comparaciones de las muestras k , en comparaciones múltiples todo por parejas o comparaciones por pasos en sentido descendente.

Prueba de McNemar: Definir éxito

Figura 27-18

Prueba de McNemar de Pruebas no paramétricas para muestras relacionadas: configuración de Definir éxito



La prueba de McNemar está diseñada para campos de marca (campos categóricos con sólo dos categorías), pero se aplica a todos los campos categóricos mediante reglas para definir “éxito”.

Definir éxito para campos categóricos. Especifica cómo se define “éxito” en los campos categóricos.

- Utilizar primera categoría encontrada en los datos realiza la prueba que utiliza el primer valor encontrado en la muestra para definir “éxito”. Esta opción sólo es aplicable a los campos nominal u ordinal con sólo dos valores; el resto de campos categóricos especificados en la

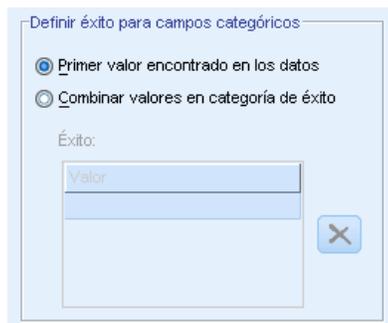
pestaña Campos en los que se utiliza esta opción no se comprobarán. Este es el método por defecto.

- Especificar valores de éxito realiza la prueba que utiliza la lista especificada de valores para definir “éxito”. Especifique una lista de valores de cadena o numérico. No es necesario que los valores de la lista estén en la muestra.

Q de Cochran: Definir éxito

Figura 27-19

Prueba Q de Cochran de Pruebas no paramétricas para muestras relacionadas: Definir éxito



La prueba de Q de Cochran está diseñada para campos de marca (campos categóricos con sólo dos categorías), pero se aplica a todos los campos categóricos mediante reglas para definir “éxito”.

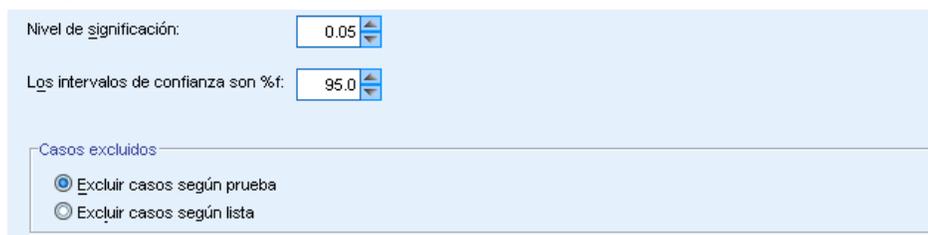
Definir éxito para campos categóricos. Especifica cómo se define “éxito” en los campos categóricos.

- Utilizar primera categoría encontrada en los datos realiza la prueba que utiliza el primer valor encontrado en la muestra para definir “éxito”. Esta opción sólo es aplicable a los campos nominal u ordinal con sólo dos valores; el resto de campos categóricos especificados en la pestaña Campos en los que se utiliza esta opción no se comprobarán. Este es el método por defecto.
- Especificar valores de éxito realiza la prueba que utiliza la lista especificada de valores para definir “éxito”. Especifique una lista de valores de cadena o numérico. No es necesario que los valores de la lista estén en la muestra.

Opciones de prueba

Figura 27-20

Configuración de Opciones de prueba de Pruebas no paramétricas para muestras relacionadas



Nivel de significación. Especifica el nivel de significación (alfa) de todas las pruebas. Especifica un valor numérico entre 0 y 1. 0,05 es el valor por defecto.

Intervalo de confianza (%). Esto especifica el nivel de confianza de todos los intervalos de confianza producidos. Especifica un valor numérico entre 0 y 100. 95 es el valor por defecto.

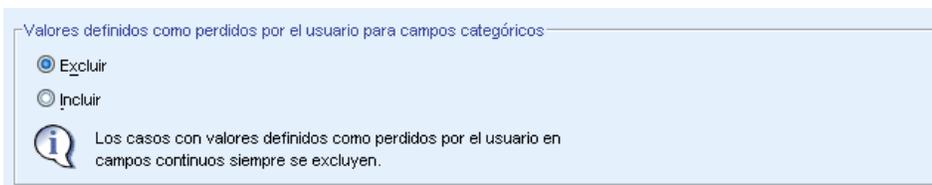
Casos excluidos. Especifica cómo se determinan las pruebas caso por caso.

- Excluir casos según lista significa que los registros con valores perdidos de cualquier campo que se nombran en cualquier subcomando se excluyen de todos los análisis.
- Excluir casos según prueba significa que los registros con valores perdidos para un campo que se utiliza para una prueba específica se omiten de esa prueba. Si se realizan varias pruebas en el análisis, cada prueba se evalúa por separado.

Valores definidos como perdidos por el usuario

Figura 27-21

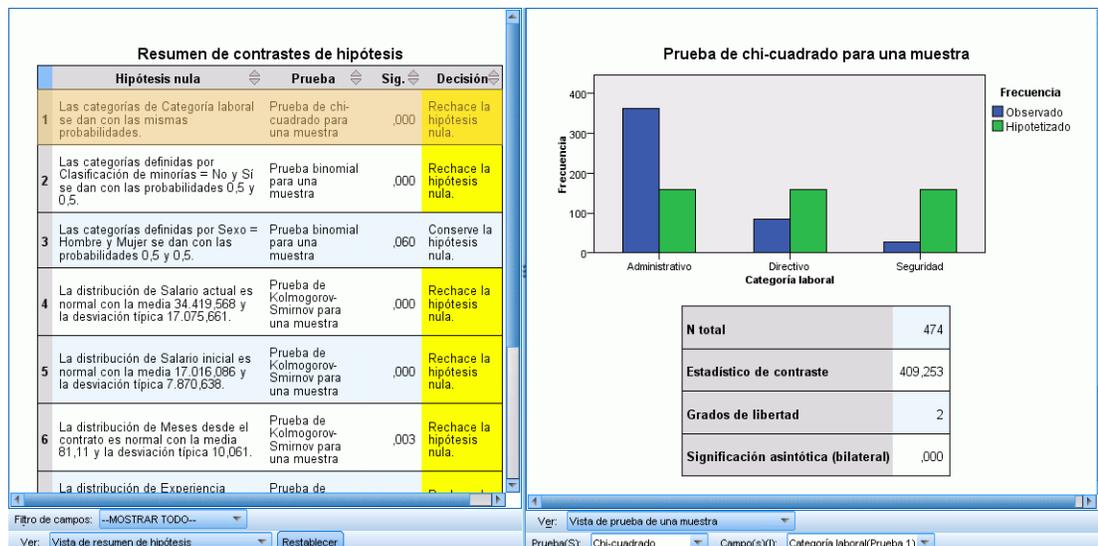
Configuración de Valores definidos como perdidos por el usuario de Pruebas no paramétricas para muestras relacionadas



Valores definidos como perdidos por el usuario para campos categóricos. Para que un registro se incluya en el análisis, los campos categóricos deben tener valores válidos para dicho caso. Estos controles permiten decidir si los valores definidos como perdidos por el usuario se deben tratar como válidos entre los campos categóricos. Los valores perdidos por el sistema y perdidos para campos continuos siempre se tratan como no válidos.

Vista de modelos

Figura 27-22
Vista de modelos de pruebas no paramétricas



Este procedimiento crea un objeto Visor de modelos en el visor. Al activar (pulsando dos veces) este objeto se obtiene una vista interactiva del modelo. La vista de modelos se compone de una ventana con dos paneles, la vista principal en la parte izquierda y la vista relacionada o auxiliar de la derecha.

Existen dos vistas principales:

- Resumen de hipótesis. Esta es la vista por defecto. Si desea obtener más información, consulte el tema [Resumen de hipótesis](#) el p. 218.
- Resumen de intervalo de confianza. Si desea obtener más información, consulte el tema [Resumen de intervalo de confianza](#) el p. 220.

Hay siete vistas relacionadas/auxiliares:

- Prueba de una muestra. Es la vista por defecto si se han solicitado pruebas de una muestra. Si desea obtener más información, consulte el tema [Pruebas de una muestra](#) el p. 220.
- Prueba de muestras relacionadas. Es la vista por defecto si se han solicitado pruebas de muestras relacionadas y no pruebas de una muestra. Si desea obtener más información, consulte el tema [Prueba de muestras relacionadas](#) el p. 225.
- Prueba de muestras independientes. Es la vista por defecto si no se han solicitado pruebas de muestras relacionadas ni pruebas de una muestra. Si desea obtener más información, consulte el tema [Prueba de muestras independientes](#) el p. 232.
- Información de campos categóricos. Si desea obtener más información, consulte el tema [Información de campos categóricos](#) el p. 240.
- Información de campos continuos. Si desea obtener más información, consulte el tema [Información de campos continuos](#) el p. 241.

- Comparaciones por parejas. Si desea obtener más información, consulte el tema [Comparaciones por parejas](#) el p. 242.
- Subconjuntos homogéneos. Si desea obtener más información, consulte el tema [Subconjuntos homogéneos](#) el p. 243.

Resumen de hipótesis

Figura 27-23
Resumen de hipótesis

Resumen de contrastes de hipótesis			
Hipótesis nula	Prueba	Sig.	Decisión
1 Las categorías de Categoría laboral se dan con las mismas probabilidades.	Prueba de chi-cuadrado para una muestra	,000	Rechace la hipótesis nula.
2 Las categorías definidas por Clasificación de minorías = No y Sí se dan con las probabilidades 0,5 y 0,5.	Prueba binomial para una muestra	,000	Rechace la hipótesis nula.
3 Las categorías definidas por Sexo = Hombre y Mujer se dan con las probabilidades 0,5 y 0,5.	Prueba binomial para una muestra	,060	Conserve la hipótesis nula.
4 La distribución de Salario actual es normal con la media 34.419,568 y la desviación típica 17.075,661.	Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	,000	Rechace la hipótesis nula.
5 La distribución de Salario inicial es normal con la media 17.016,086 y la desviación típica 7.870,638.	Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	,000	Rechace la hipótesis nula.
6 La distribución de Meses desde el contrato es normal con la media 81,11 y la desviación típica 10,061.	Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	,003	Rechace la hipótesis nula.
7 La distribución de Experiencia previa (meses) es normal con la media 95,861 y la desviación típica 104,586.	Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	,000	Rechace la hipótesis nula.
8 La distribución de Código de empleado es normal con la media 237,5 y la desviación típica 136,976.	Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	,082	Conserve la hipótesis nula.

Se muestran significaciones exactas. El nivel de significación es de ,05.

Filtro de campos: --MOSTRAR TODO--

Ver: Vista de resumen de hipótesis

La vista Resumen de modelos es una instantánea, un resumen de un vistazo de las pruebas no paramétricas. Enfatiza las hipótesis y decisiones nulas, centrando la atención en los valores p más significativos.

- Cada fila corresponde a una prueba distinta. Al pulsar en una fila se muestra información adicional acerca de la prueba en la vista vinculada.

- Al pulsar en el encabezado de cualquier columna las filas se ordenan por los valores de esa columna.
- El botón Restablecer le permite devolver el Visor de modelos a su estado original.
- La lista desplegable Filtro de campos le permite mostrar únicamente las pruebas que incluyeron el campo seleccionado. Por ejemplo, si selecciona *Salario inicial* en la lista desplegable Filtro de campos, sólo se mostrarán dos pruebas en el Resumen de hipótesis.

Figura 27-24

Resumen de hipótesis; filtrado por Salario inicial

Resumen de contrastes de hipótesis			
Hipótesis nula	Prueba	Sig.	Decisión
5 La distribución de Salario inicial es normal con la media 17.016,086 y la desviación típica 7.870,638.	Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra	,000	Rechace la hipótesis nula.

Se muestran significaciones exactas. El nivel de significación es de ,05.

Filtro de campos: Salario inicial

Ver: Vista de resumen de hipótesis Restablecer

Resumen de intervalo de confianza

Figura 27-25
Resumen de intervalo de confianza

Tipo de intervalo de confianza	Parámetro	Estimación	Intervalo de confianza asintótico 95%	
			Inferior	Superior
Tasa de éxito binomial para una muestra (Clopper-Pearson)	Probabilidad(Sexo=Hombre).	,544	,498	,590
Tasa de éxito binomial para una muestra (Jeffreys)	Probabilidad(Sexo=Hombre).	,544	,499	,589
Tasa de éxito binomial para una muestra (Clopper-Pearson)	Probabilidad(Sexo=Hombre).	,544	,499	,589

Ver: Vista de resumen de intervalo de confianza Restablecer

Resumen de intervalo de confianza le muestra los intervalos de confianza producidos por las pruebas no paramétricas.

- Cada fila corresponde a un intervalo de confianza distinto.
- Al pulsar en el encabezado de cualquier columna las filas se ordenan por los valores de esa columna.

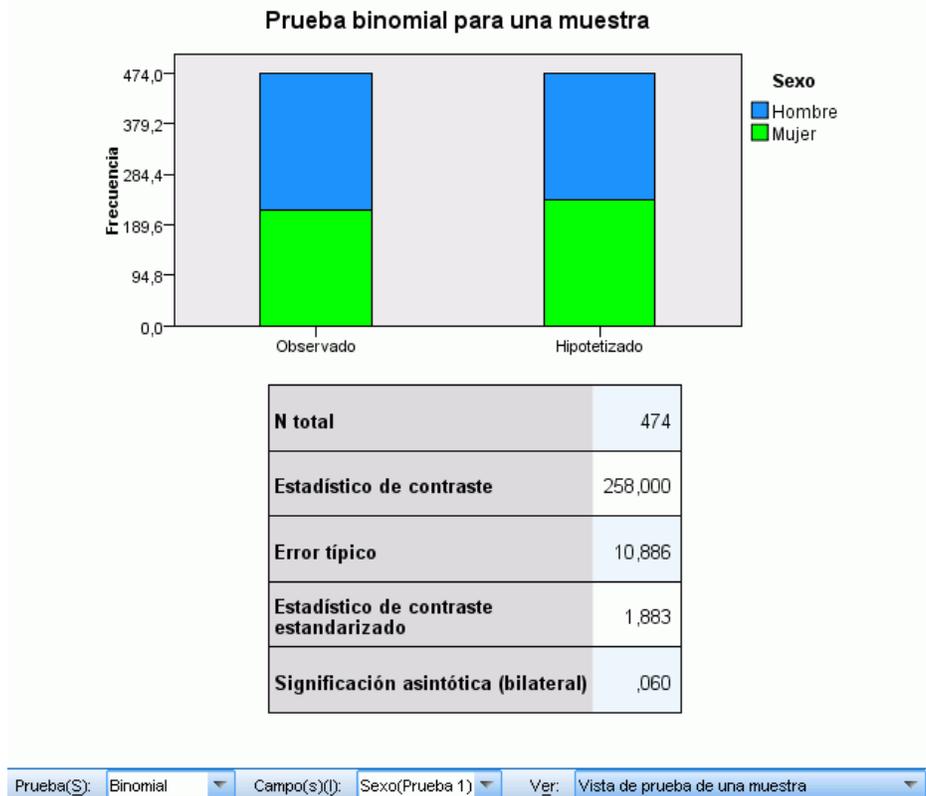
Pruebas de una muestra

La vista de prueba de una muestra incluye detalles relacionados con cualquier prueba no paramétrica de una muestra solicitada. La información que se muestra depende de la prueba seleccionada.

- La lista desplegable Prueba le permite seleccionar un tipo concreto de prueba de una muestra.
- La lista desplegable Campo(s) le permite seleccionar un campo que se haya comprobado mediante la prueba seleccionada en la lista desplegable Prueba.

Prueba binomial

Figura 27-26
Vista de prueba de una muestra, prueba binomial



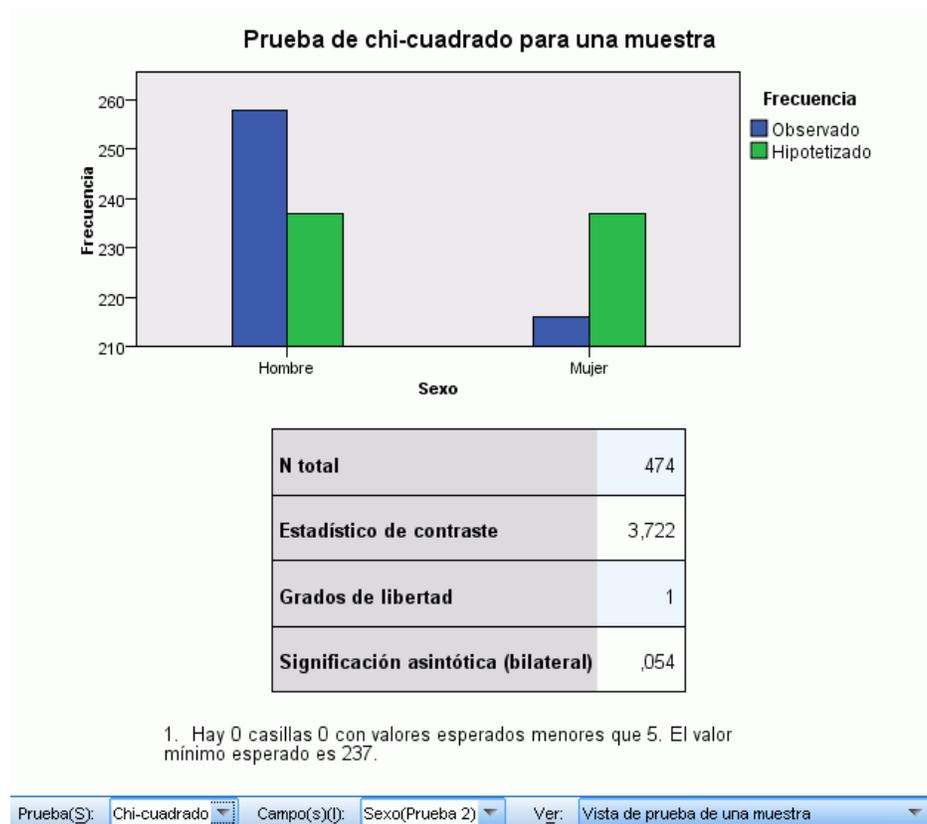
La prueba binomial muestra un gráfico de barras apiladas y una tabla de pruebas.

- El gráfico de barras apiladas muestra las frecuencias observadas e hipotetizadas de las categorías “éxito” y “fallo” del campo de prueba, con los “fallos” apilados sobre los “éxitos”. Al pasar el ratón sobre una barra se muestran los porcentajes de categoría en una sugerencia. Las diferencias visibles en las barras indican que el campo de prueba puede no tener la distribución binomial hipotetizada.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de chi-cuadrado

Figura 27-27

Vista de prueba de una muestra, prueba de chi-cuadrado



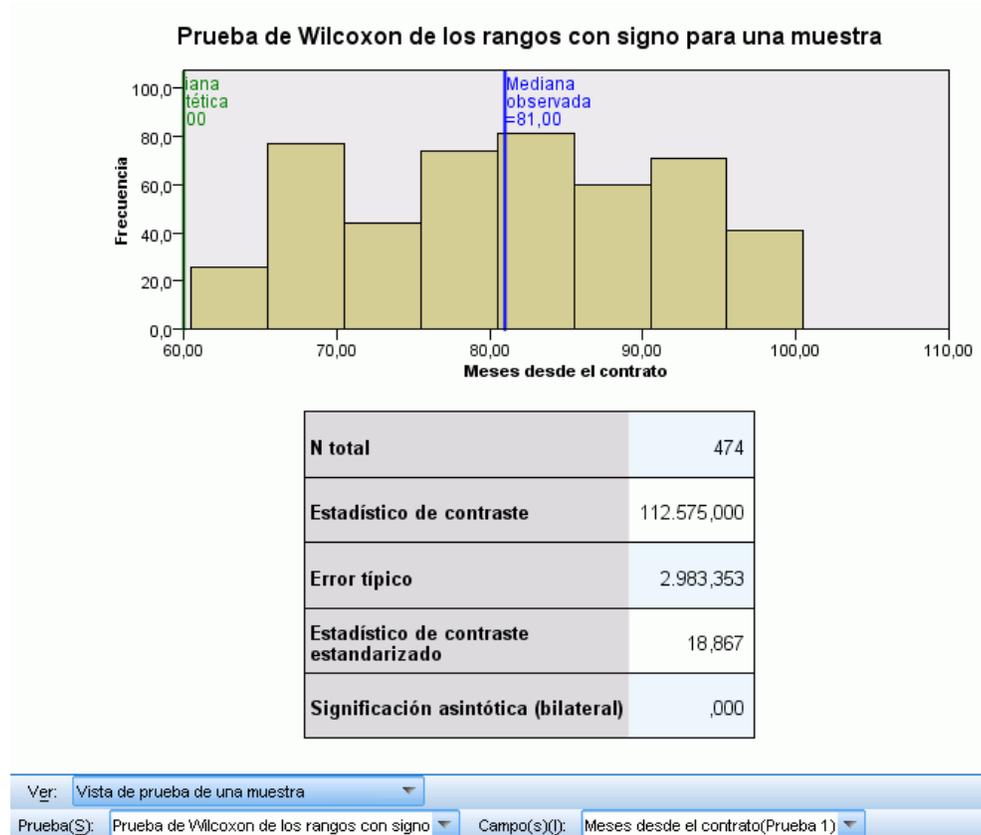
La vista Prueba de chi-cuadrado muestra un gráfico de barras apiladas y una tabla de pruebas.

- El gráfico de barras agrupadas muestra las frecuencias observadas e hipotetizadas para cada categoría del campo de pruebas. Al pasar el ratón sobre una barra se muestran las frecuencias observadas e hipotetizadas y sus diferencias (residuales) en una sugerencia. Las diferencias visibles entre las barras observadas y las hipotetizadas indican que el campo de prueba puede no tener la distribución hipotetizada.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de Wilcoxon de los rangos con signo

Figura 27-28

Vista de prueba de una muestra, prueba de Wilcoxon de los rangos con signo



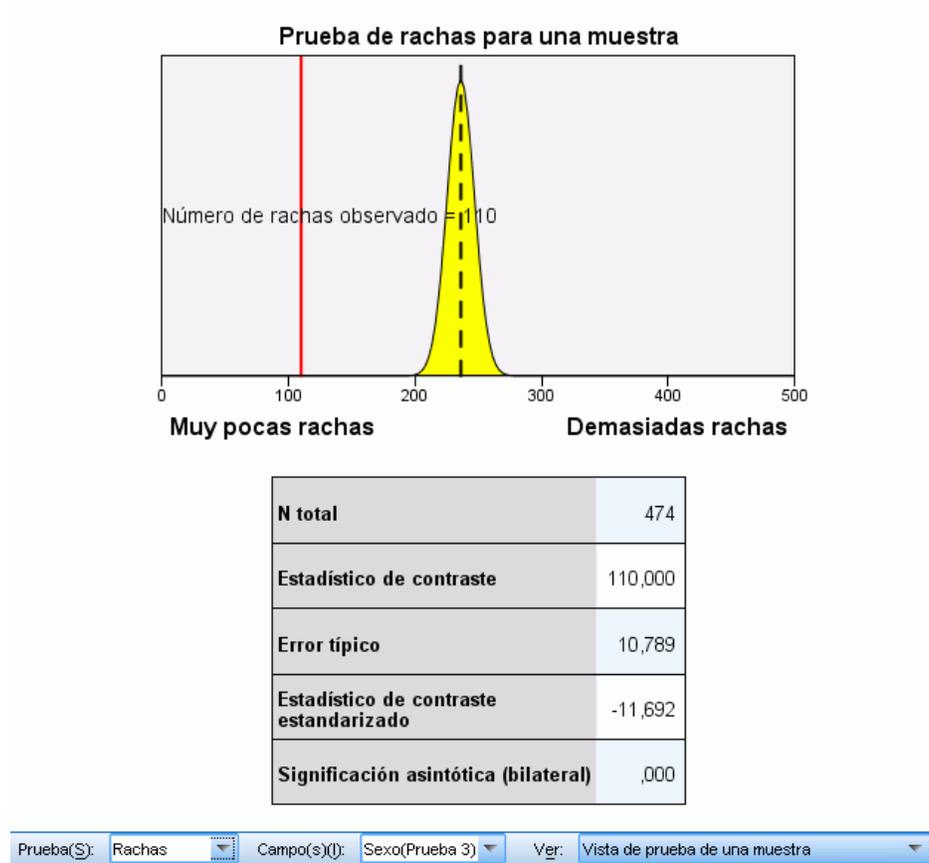
La vista Prueba de Wilcoxon de los rangos con signo muestra un histograma y una tabla de pruebas.

- El histograma incluye líneas verticales que muestran las medianas observadas e hipotéticas.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de rachas

Figura 27-29

Vista de prueba de una muestra, prueba de rachas



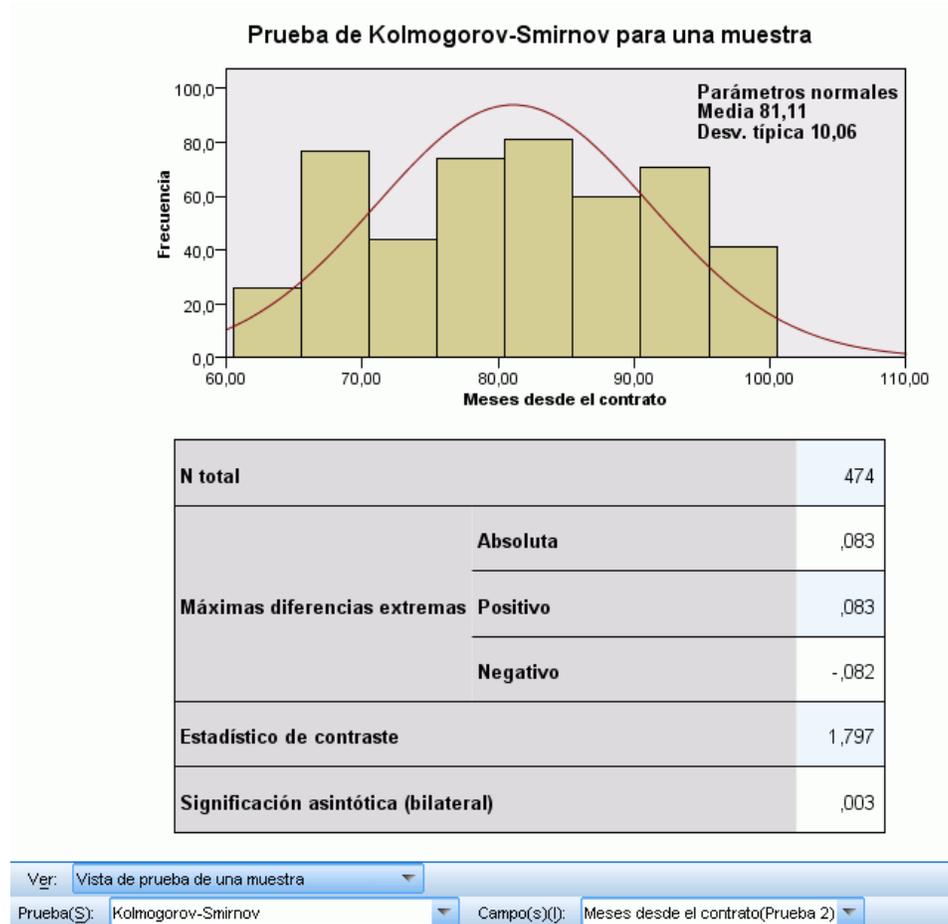
La vista Prueba de rachas muestra un gráfico y una tabla de pruebas.

- El gráfico muestra la distribución normal con el número observado de rachas marcado con una línea vertical. Tenga en cuenta que cuando se realiza la prueba exacta, ésta no se basa en la distribución normal.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de Kolmogorov-Smirnov

Figura 27-30

Vista de prueba de una muestra, prueba de Kolmogorov-Smirnov



La vista Prueba de Kolmogorov-Smirnov muestra un histograma y una tabla de pruebas.

- El histograma incluye una superposición de la función de densidad de probabilidad para la distribución exponencial, Poisson, normal o uniforme hipotetizada. Tenga en cuenta que la prueba se basa en distribuciones acumuladas, y las Diferencias más extremas indicadas en la tabla deben interpretarse con respecto a las distribuciones acumuladas.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de muestras relacionadas

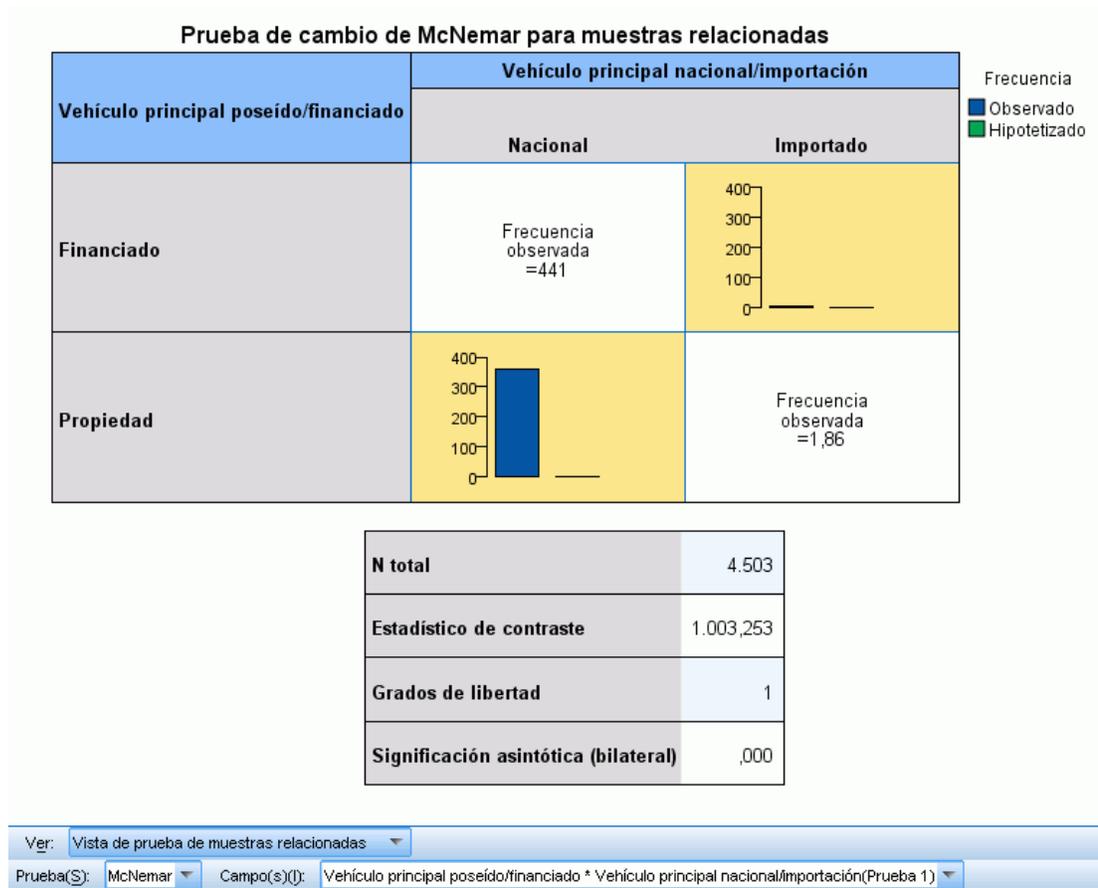
La vista de prueba de una muestra incluye detalles relacionados con cualquier prueba no paramétrica de una muestra solicitada. La información que se muestra depende de la prueba seleccionada.

- La lista desplegable Prueba le permite seleccionar un tipo concreto de prueba de una muestra.
- La lista desplegable Campo(s) le permite seleccionar un campo que se haya comprobado mediante la prueba seleccionada en la lista desplegable Prueba.

Prueba de McNemar

Figura 27-31

Vista de prueba de muestras relacionadas, prueba de McNemar



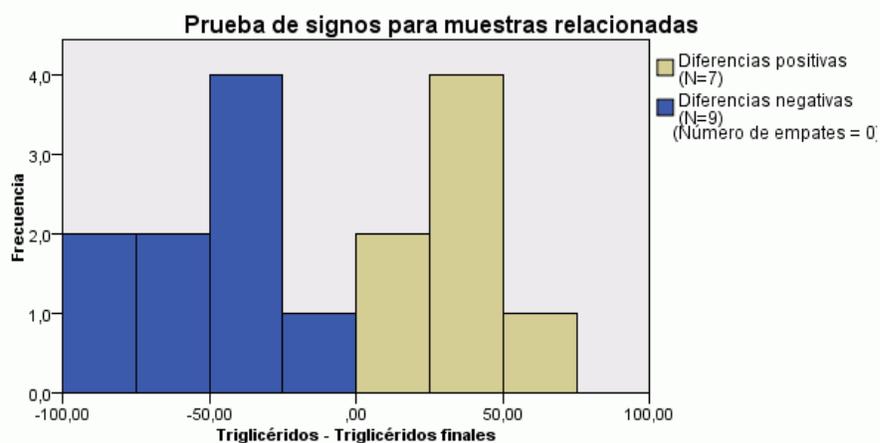
La vista Prueba de McNemar muestra un gráfico de barras apiladas y una tabla de pruebas.

- El gráfico de barras agrupadas muestra las frecuencias observadas e hipotetizadas para las casillas no diagonales de la tabla 2×2 definida por los campos de prueba.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de los signos

Figura 27-32

Vista de prueba de muestras relacionadas, prueba de los signos



N total	16
Estadístico de contraste	7,000
Error típico	2,000
Estadístico de contraste estandarizado	-,250
Significación asintótica (bilateral)	,803
Significación exacta (bilateral)	,804

1. El valor p exacto se calcula en función de la distribución binomial porque hay 25 casos o menos.

Ver: Vista de prueba de muestras relacionadas

Prueba(S): Signo Campo(s)(I): Triglicéridos - Triglicéridos finales(Prueba 1)

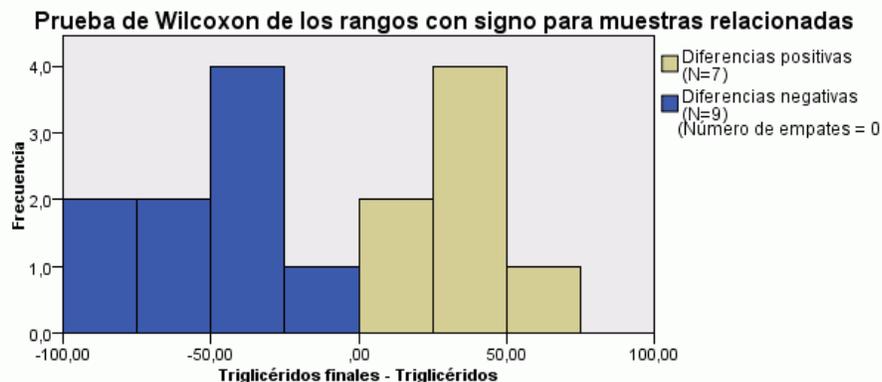
La vista Prueba de los signos muestra un histograma apilado y una tabla de pruebas.

- El histograma apilado muestra las diferencias entre los campos, usando el signo de la diferencia como el campo de apilado.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de Wilcoxon de los rangos con signo

Figura 27-33

Vista de prueba de muestras relacionadas, prueba de Wilcoxon de los rangos con signo



N total	16
Estadístico de contraste	45,000
Error típico	19,339
Estadístico de contraste estandarizado	-1,189
Significación asintótica (bilateral)	,234

Ver: Vista de prueba de muestras relacionadas

Prueba(S): Prueba de Wilcoxon de los rangos con signo Campo(s)(I): Triglicéridos finales - Triglicéridos(Prueba 2)

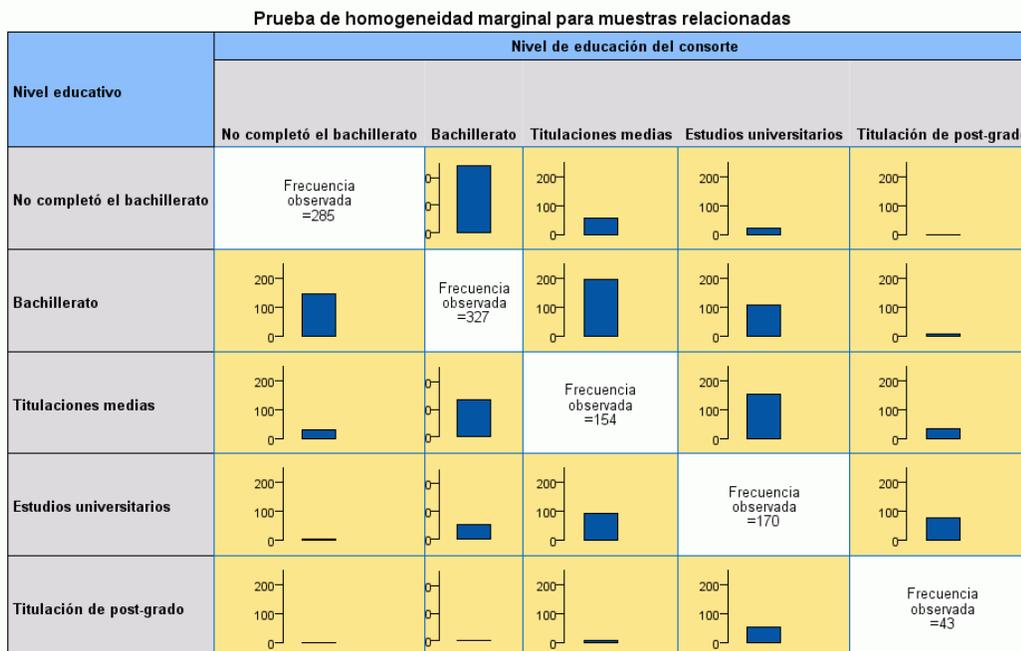
La vista Prueba de Wilcoxon de los rangos con signo muestra un histograma apilado y una tabla de pruebas.

- El histograma apilado muestra las diferencias entre los campos, usando el signo de la diferencia como el campo de apilado.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de homogeneidad marginal

Figura 27-34

Vista de prueba de muestras relacionadas, prueba de homogeneidad marginal



N total	2.401
Estadístico de contraste	2.630,000
Error típico	25,397
Estadístico de contraste estandarizado	10,671
Significación asintótica (bilateral)	,000

Prueba(S): Homogeneidad marginal Campo(s)(0): Nivel educativo * Nivel de educación del consorte(Prueba 1) Ver: Vista de prueba de muestras relacionadas

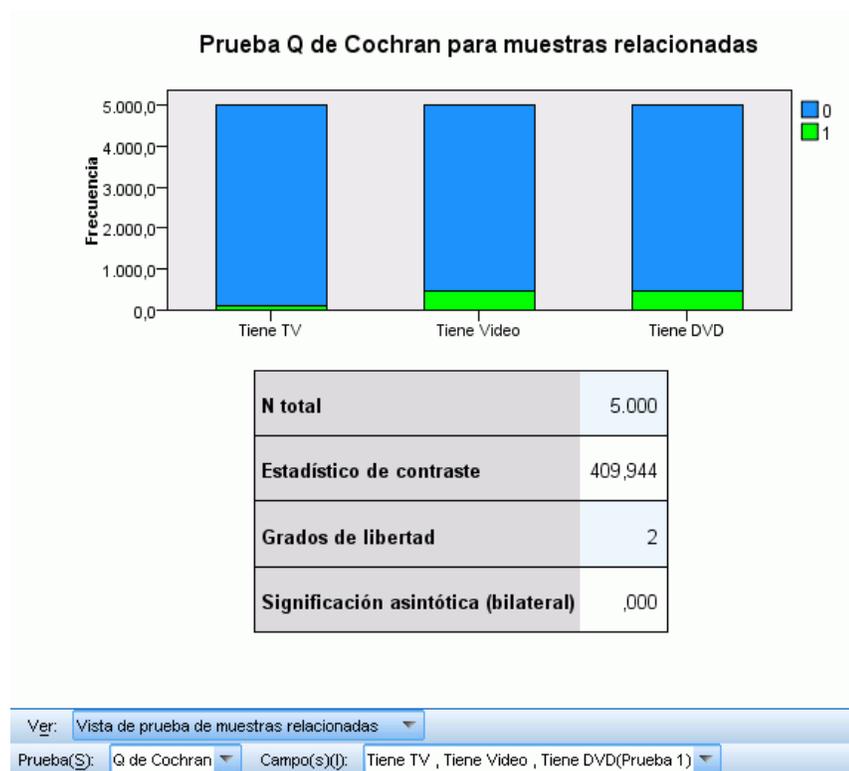
La vista Prueba de homogeneidad marginal muestra un gráfico de barras apiladas y una tabla de pruebas.

- El gráfico de barras agrupadas muestra las frecuencias observadas para las casillas no diagonales de la tabla definida por los campos de prueba.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba Q de Cochran

Figura 27-35

Vista de prueba de muestras relacionadas, prueba Q de Cochran



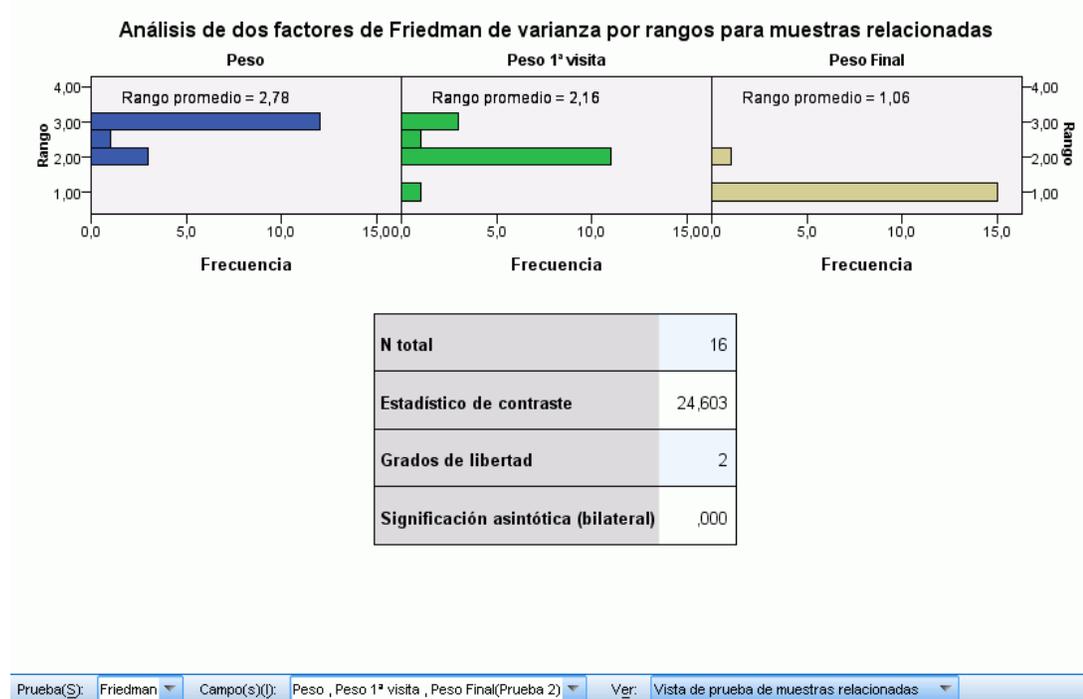
La vista Prueba Q de Cochran muestra un gráfico de barras apiladas y una tabla de pruebas.

- El gráfico de barras apiladas muestra las frecuencias observadas de las categorías “éxito” y “fallo” de los campos de prueba, con los “fallos” apilados sobre los “éxitos”. Al pasar el ratón sobre una barra se muestran los porcentajes de categoría en una sugerencia.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Análisis de dos factores de Friedman de varianza por rangos

Figura 27-36

Vista de prueba de muestras relacionadas, análisis de dos factores de Friedman de varianza por rangos



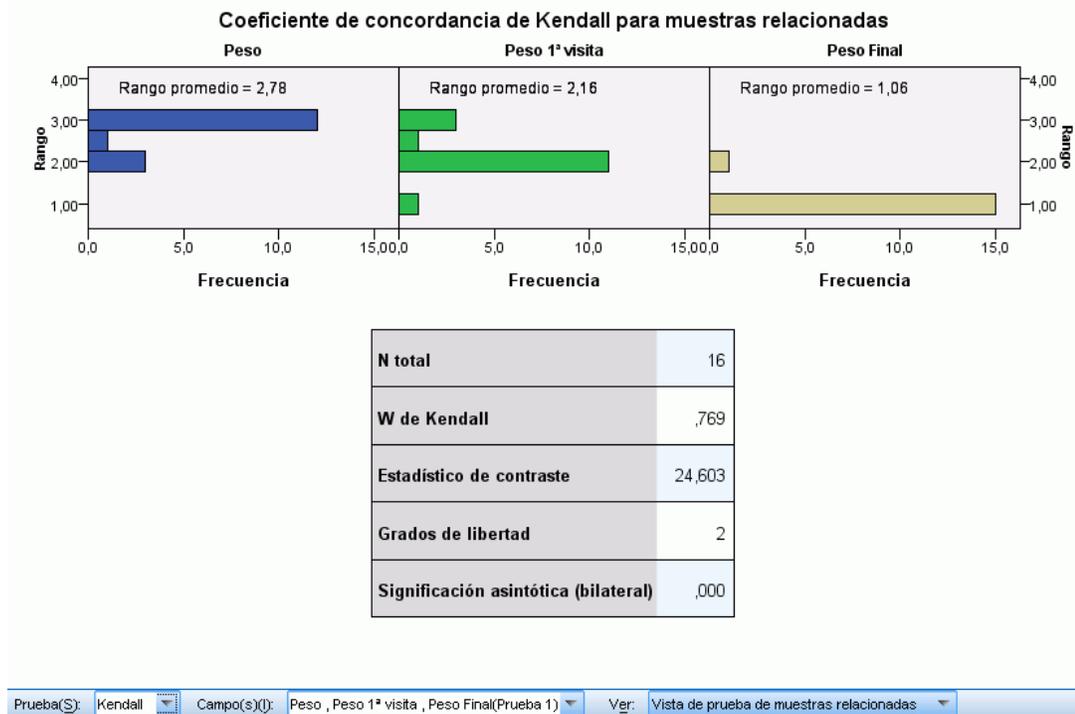
La vista Análisis de dos factores de Friedman de varianza por rangos muestra histogramas panelados y una tabla de pruebas.

- Los histogramas muestran la distribución observada de rangos, panelados por los campos de pruebas.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Coefficiente de concordancia de Kendall

Figura 27-37

Vista de la prueba de muestras relacionadas, coeficiente de concordancia de Kendall



La vista Coeficiente de concordancia de Kendall muestra histogramas panelados y una tabla de pruebas.

- Los histogramas muestran la distribución observada de rangos, panelados por los campos de pruebas.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de muestras independientes

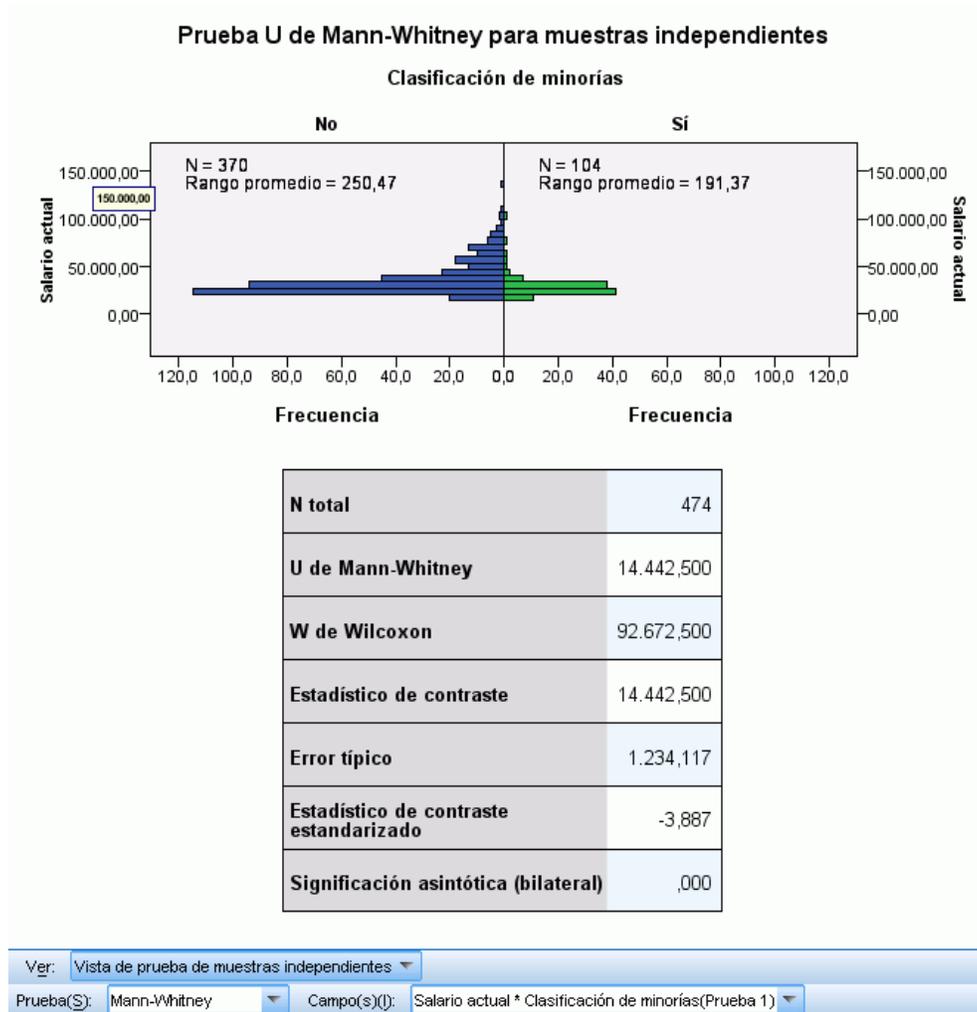
La vista Prueba de muestras independientes incluye detalles relacionados con cualquier prueba no paramétrica de muestras independientes solicitada. La información que se muestra depende de la prueba seleccionada.

- La lista desplegable Prueba le permite seleccionar un tipo concreto de prueba de muestra independiente.
- La lista desplegable Campo(s) le permite seleccionar una combinación de prueba y campo de agrupación que se haya comprobado mediante la prueba seleccionada en la lista desplegable Prueba.

Prueba de Mann-Whitney

Figura 27-38

Vista de prueba de muestras independientes, prueba de Mann-Whitney



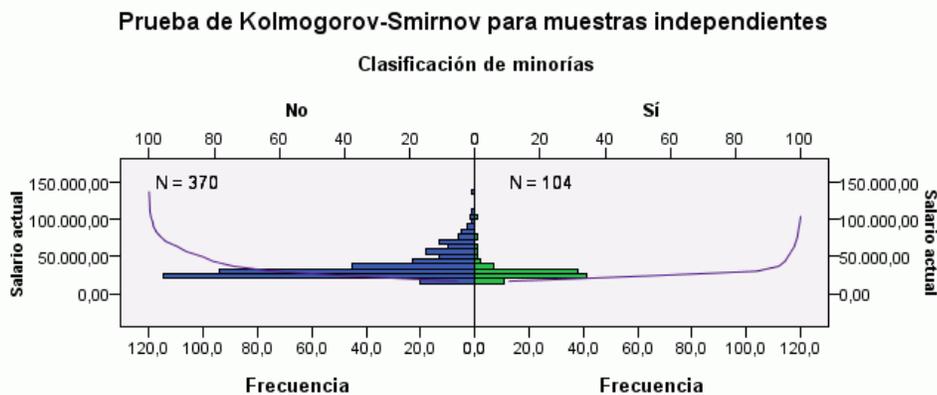
La vista Prueba de Mann-Whitney muestra un gráfico de pirámide de población y una tabla de pruebas.

- El gráfico de pirámide de población muestra histogramas seguidos en función de las categorías del campo de agrupación, anotando el número de registros de cada grupo y el rango promedio del grupo.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de Kolmogorov-Smirnov

Figura 27-39

Vista de prueba de muestras independientes, prueba de Kolmogorov-Smirnov



N total	474
Absoluta	,264
Máximas diferencias extremas Positivo	,014
Negativo	-,264
Estadístico de contraste	2,378
Significación asintótica (bilateral)	,000

Ver: Vista de prueba de muestras independientes

Prueba(S): Kolmogorov-Smirnov Campo(s)(I): Salario actual * Clasificación de minorías(Prueba 2) Acumulado

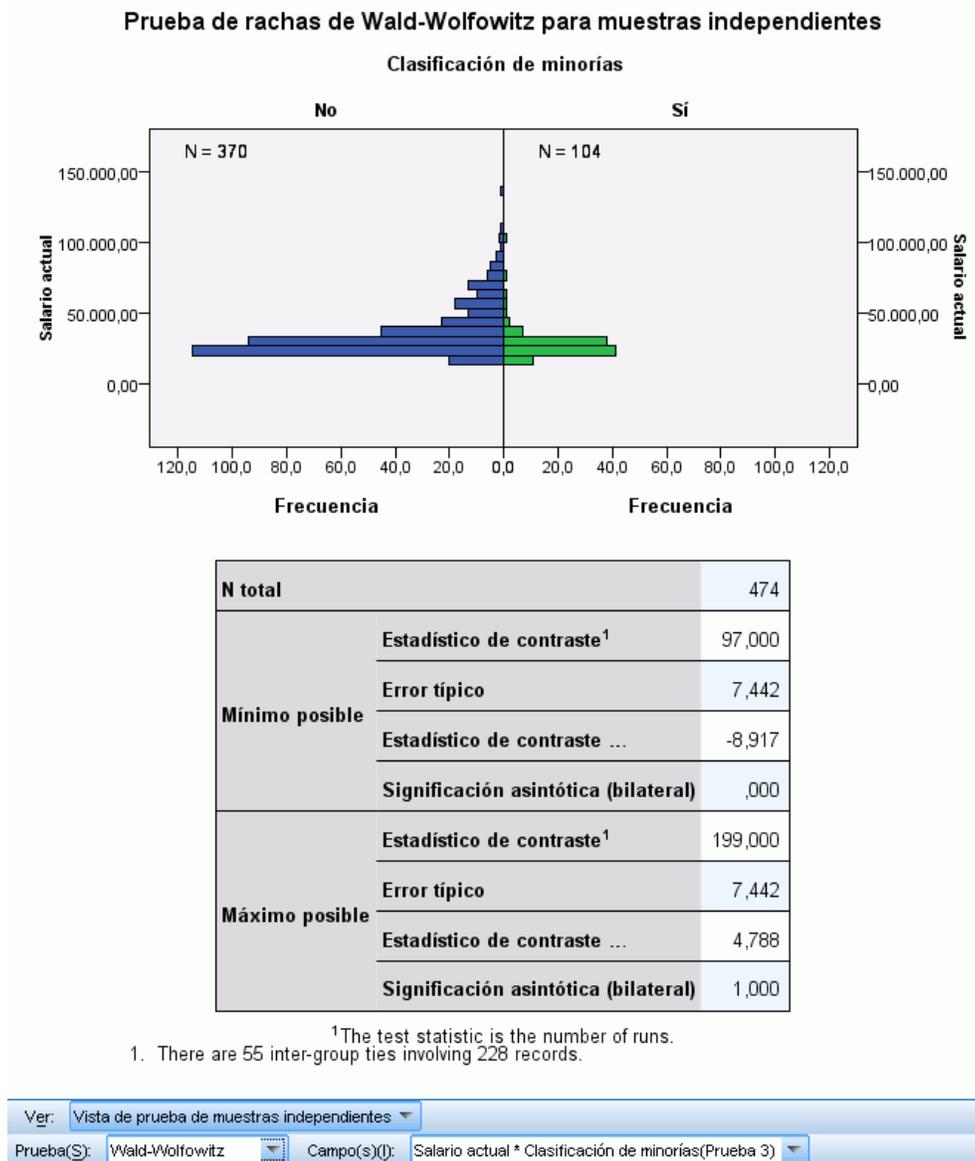
La vista Prueba de Kolmogorov-Smirnov muestra un gráfico de pirámide de población y una tabla de pruebas.

- El gráfico de pirámide de población muestra histogramas seguidos en función de las categorías del campo de agrupación, anotando el número de registros de cada grupo. Las líneas de distribución acumulada observadas pueden mostrarse u ocultarse pulsando el botón Acumulado.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de rachas de Wald-Wolfowitz

Figura 27-40

Vista de prueba de muestras independientes, prueba de rachas de Wald-Wolfowitz



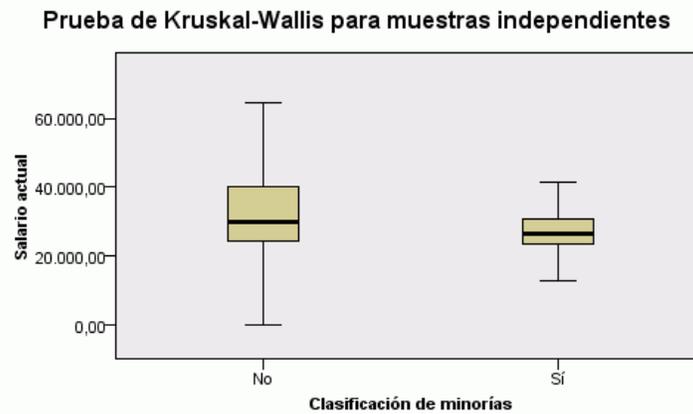
La vista Prueba de rachas de Wald-Wolfowitz muestra un gráfico de barras apiladas y una tabla de pruebas.

- El gráfico de pirámide de población muestra histogramas seguidos en función de las categorías del campo de agrupación, anotando el número de registros de cada grupo.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de Kruskal-Wallis

Figura 27-41

Vista de prueba de muestras independientes, prueba de Kruskal-Wallis



N total	474
Estadístico de contraste	15,112
Grados de libertad	1
Significación asintótica (bilateral)	,000

1. Las estadísticas de prueba se ajustan para empates.
2. No se realizan múltiples comparaciones porque hay menos de tres campos.

Ver: Vista de prueba de muestras independientes

Prueba(S): Kruskal-Wallis Campo(s)(I): Salario actual * Clasificación de minorías(Prueba 4)

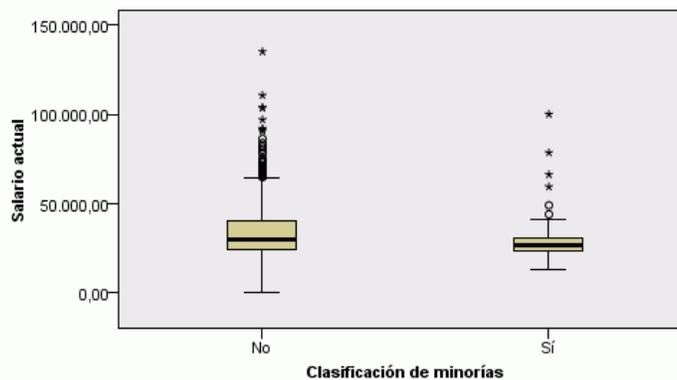
La vista Prueba de Kruskal-Wallis muestra diagramas de caja y una tabla de pruebas.

- Se muestran diagramas de caja distintos para cada categoría del campo de agrupación. Al pasar el ratón sobre un cuadro se muestra la el rango promedio en una sugerencia.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de Jonckheere-Terpstra

Figura 27-42

Vista de prueba de muestras independientes, prueba de Jonckheere-Terpstra

Prueba de Jonckheere-Terpstra de alternativas ordenadas para muestras independientes

N total	474
Estadístico de contraste	14.442,500
Error típico	1.234,117
Estadístico de contraste estandarizado	-3,887
Significación asintótica (bilateral)	,000

1. No se realizan múltiples comparaciones porque hay menos de tres campos.

Ver: Vista de prueba de muestras independientes ▼
 Prueba(S): Jonckheere-Terpstra ▼ Campo(s)(l): Salario actual * Clasificación de minorías(Prueba 5) ▼

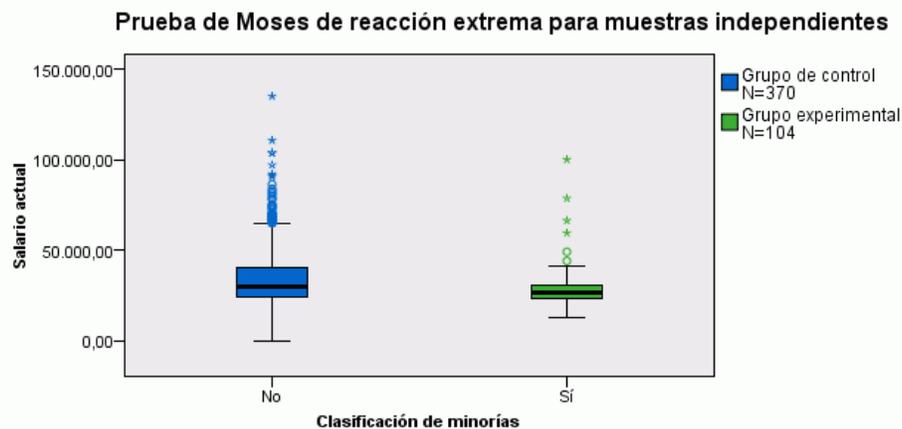
La vista Prueba de Jonckheere-Terpstra muestra diagramas de caja y una tabla de pruebas.

- Se muestran diagramas de caja distintos para cada categoría del campo de agrupación.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de Moses de reacción extrema

Figura 27-43

Vista de prueba de muestras independientes, prueba de Moses de reacción extrema



N total		474
Grupo de control observado	Estadístico de contraste¹	474,000
	Significación exacta (unilateral)	1,000
Grupo de control recortado	Estadístico de contraste¹	423,000
	Significación exacta (unilateral)	,341
Valores atípicos recortados de cada extremo		19,000

¹The test statistic is the span.

Ver: Vista de prueba de muestras independientes

Prueba(S): Moses Campo(s)(I): Salario actual * Clasificación de minorías(Prueba 6) ID de registro

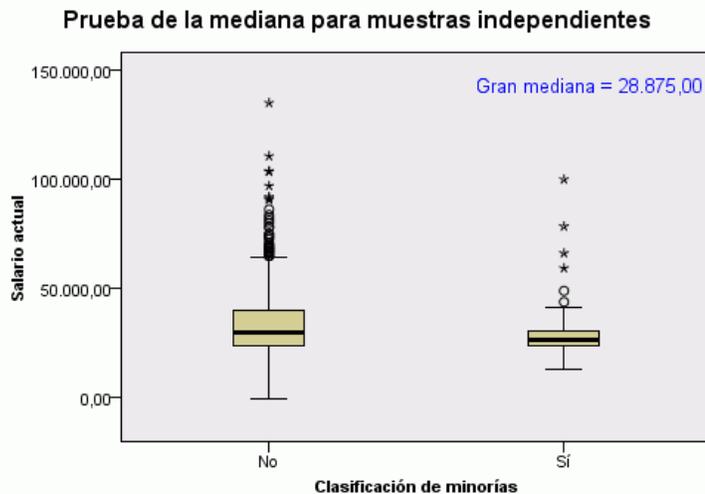
La vista Prueba de Moses de reacción extrema muestra diagramas de caja y una tabla de pruebas.

- Se muestran diagramas de caja distintos para cada categoría del campo de agrupación. Las etiquetas de punto pueden mostrarse u ocultarse pulsando el botón ID de registro.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Prueba de la mediana

Figura 27-44

Vista de prueba de muestras independientes, prueba de la mediana



N total	474	
Mediana	28.875,000	
Estadístico de contraste	14,240	
Grados de libertad	1	
Significación asintótica (bilateral)	,000	
Corrección por continuidad de Yates	Chi-cuadrado	13,414
	Grados de libertad	1
	Significación asintótica (bilateral)	,000

1. No se realizan múltiples comparaciones porque hay menos de tres campos.

Ver: Vista de prueba de muestras independientes

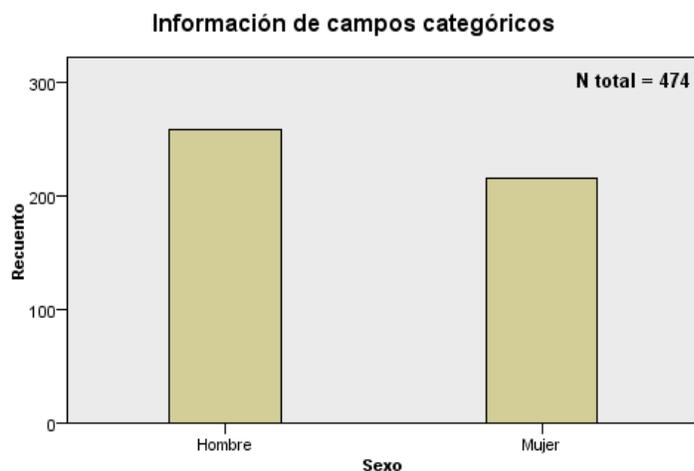
Prueba(S): Mediana Campo(s)(I): Salario actual * Clasificación de minorías(Prueba 7)

La vista Prueba de la mediana muestra diagramas de caja y una tabla de pruebas.

- Se muestran diagramas de caja distintos para cada categoría del campo de agrupación.
- La tabla muestra detalles de la prueba.

Información de campos categóricos

Figura 27-45
Información de campos categóricos



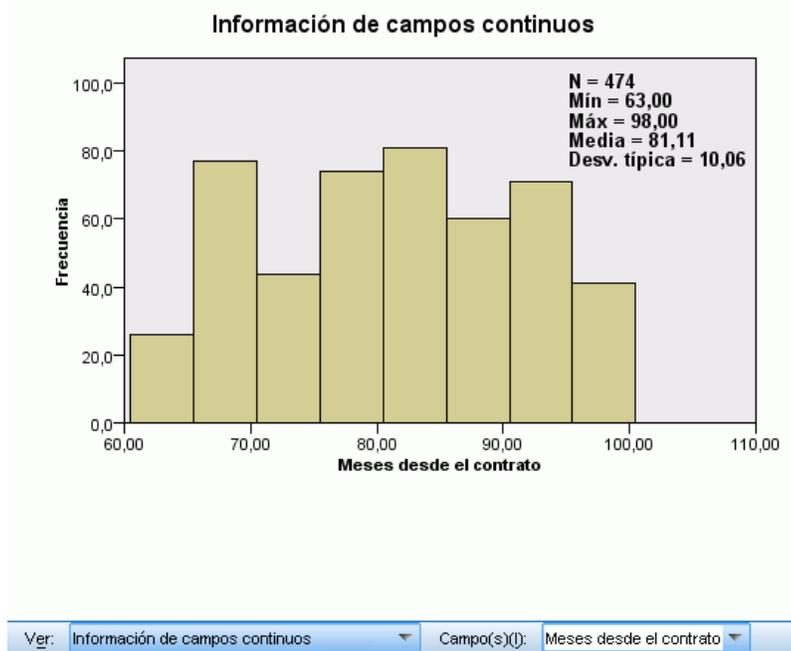
Ver: Información de campos categóricos Campo(s): Sexo

La vista Información de campos categóricos muestra un gráfico de barras para el campo categórico seleccionado en la lista desplegable Campo(s). La lista de campos disponibles está restringida a los campos categóricos utilizados en la prueba seleccionada actualmente en la vista Resumen de hipótesis.

- Al pasar el ratón sobre una barra se muestran los porcentajes de categoría en una sugerencia.

Información de campos continuos

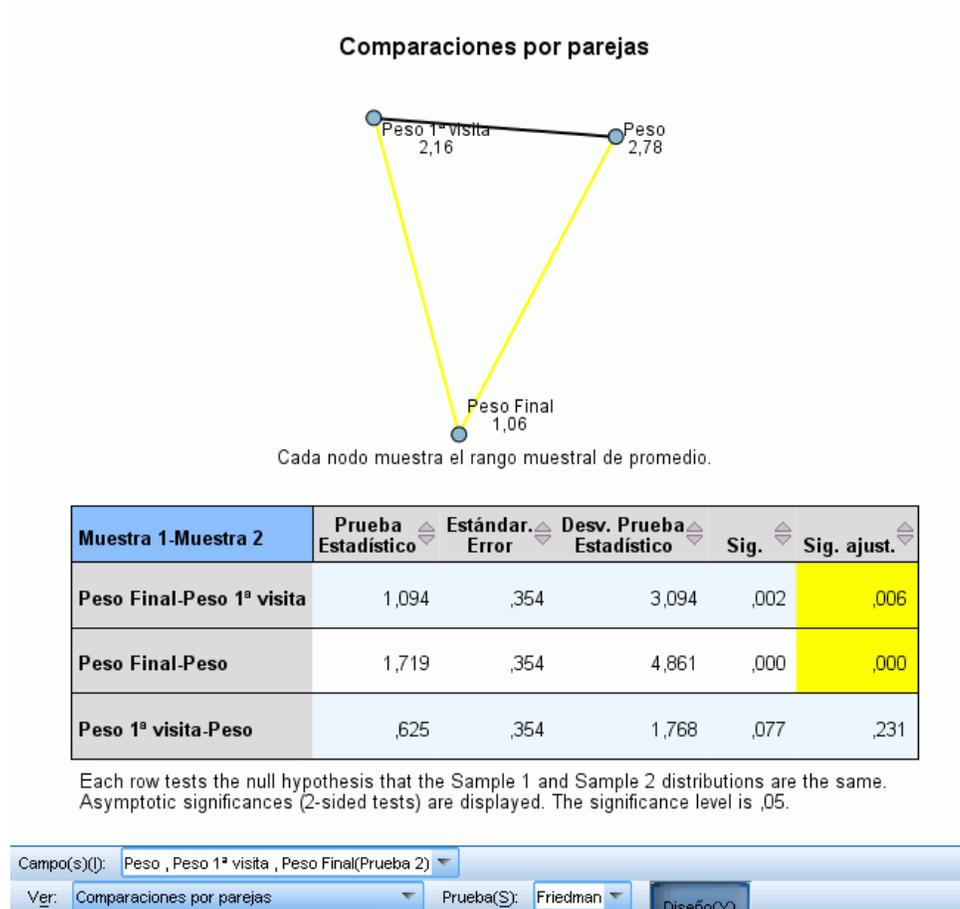
Figura 27-46
Información de campos continuos



La vista Información de campos continuos muestra un histograma del campo continuo seleccionado en la lista desplegable Campo(s). La lista de campos disponibles está restringida a los campos continuos utilizados en la prueba seleccionada actualmente en la vista Resumen de hipótesis.

Comparaciones por parejas

Figura 27-47
Comparaciones por parejas



La vista Comparaciones por parejas muestra un gráfico de distancias de red y una tabla de comparaciones producidas por pruebas no paramétricas de muestras k cuando se solicitan múltiples comparaciones de pares.

- El gráfico de distancias de red es una representación gráfica de la tabla de comparaciones en la que las distancias entre nodos de la red corresponden a las diferencias entre las muestras. Las líneas amarillas corresponden a diferencias estadísticamente importantes, mientras que las líneas negras corresponden a diferencias no significativas. Al pasar el ratón por una línea de la red se muestra una sugerencia con la significación corregida de la diferencia entre los nodos conectados por la línea.
- La tabla de comparaciones muestra los resultados numéricos de todas las comparaciones de parejas. Cada fila corresponde a una comparación de parejas distinta. Al pulsar en el encabezado de cualquier columna las filas se ordenan por los valores de esa columna.

Subconjuntos homogéneos

Figura 27-48
Subconjuntos homogéneos

		Subconjunto		
		1	2	3
Ejemplo ¹	Peso Final	1,063		
	Peso 1ª visita		2,156	
	Peso			2,781
Estadístico de contraste		. ²	. ²	. ²
Sig. (2-lateral)				
Sig. ajustada (2-lateral)				

Los subconjuntos homogéneos se basan en significaciones asintóticas. El nivel de significación es de ,05.

¹Cada casilla muestra el rango muestral de promedio.

²Unable to compute because the subset contains only one sample.

Campo(s)(l):

Ver: Prueba(S):

La vista Subconjuntos homogéneos muestra una tabla de comparaciones generadas por pruebas no paramétricas de muestras k cuando se solicitan múltiples comparaciones por pasos.

- Cada fila del grupo Muestra corresponde a una muestra relacionada distinta (representada en los datos mediante campos distintos). Las muestras que no son muy diferentes estadísticamente se agrupan en los mismos subconjuntos de color, y hay una columna separada por cada subconjunto identificado. Cuando todas las muestras son muy diferentes estadísticamente, hay un subconjunto separado para cada muestra. Si ninguna de las muestras es muy diferente estadísticamente, hay un único subconjunto.
- Se calcula una estadística de prueba, un valor de significación y un valor de significación corregida para cada subconjunto que contenga más de una muestra.

Funciones adicionales del comando NPTESTS

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Especificar pruebas para una muestra, para muestras independientes y para muestras relacionadas en una única ejecución del procedimiento.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Cuadros de diálogo antiguos

Hay diferentes cuadros de diálogo “antiguos” que también realizan pruebas no paramétricas. Estos cuadros de diálogo admiten la funcionalidad que ofrece la opción Pruebas exactas.

Prueba de chi-cuadrado. Tabula una variable en categorías y calcula un estadístico de chi-cuadrado basándose en las diferencias entre las frecuencias observadas y las esperadas.

Prueba binomial. Compara la frecuencia observada en cada categoría de una variable dicotómica con las frecuencias esperadas en la distribución binomial.

Prueba de rachas. Comprueba si el orden de aparición de dos valores de una variable es aleatorio.

Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra. Compara la función de distribución acumulativa observada de una variable con una distribución teórica especificada, que puede ser normal, uniforme, exponencial o de Poisson.

Pruebas para dos muestras independientes. Compara dos grupos de casos en una variable. Se encuentran disponibles la prueba U de Mann-Whitney, la prueba de Kolmogorov-Smirnov para dos muestras, la prueba de Moses de reacciones extremas y la prueba de rachas de Wald-Wolfowitz.

Pruebas para dos muestras relacionadas. Compara las distribuciones de dos variables. La prueba de Wilcoxon de los rangos con signo, la prueba de signos y la prueba de McNemar.

Pruebas para varias muestras independientes. Compara dos o más grupos de casos en una variable. Se encuentran disponibles la prueba de Kruskal-Wallis, la prueba de la mediana y la prueba de Jonckheere-Terpstra.

Pruebas para varias muestras relacionadas. Compara las distribuciones de dos o más variables. Se encuentran disponibles la prueba de Friedman, la W de Kendall y la Q de Cochran.

Además, para todas las pruebas citadas anteriormente están disponibles los cuartiles y la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y, por último, el número de casos no perdidos.

Prueba de chi-cuadrado

El procedimiento Prueba de chi-cuadrado tabula una variable en categorías y calcula un estadístico de chi-cuadrado. Esta prueba de bondad de ajuste compara las frecuencias observadas y esperadas en cada categoría para contrastar que todas las categorías contengan la misma proporción de valores o que cada categoría contenga una proporción de valores especificada por el usuario.

Ejemplos. La prueba de chi-cuadrado podría utilizarse para determinar si una bolsa de caramelos contiene en igualdad de proporción caramelos de color azul, marrón, verde, naranja, rojo y amarillo. También podría utilizarse para ver si una bolsa de caramelos contiene un 5% de color azul, un 30% de color marrón, un 10% de color verde, un 20% de color naranja, un 15% de color rojo y un 15% de color amarillo.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo y cuartiles. Número y porcentaje de casos perdidos y no perdidos; número de casos observados y esperados de cada categoría; residuos y estadístico de chi-cuadrado.

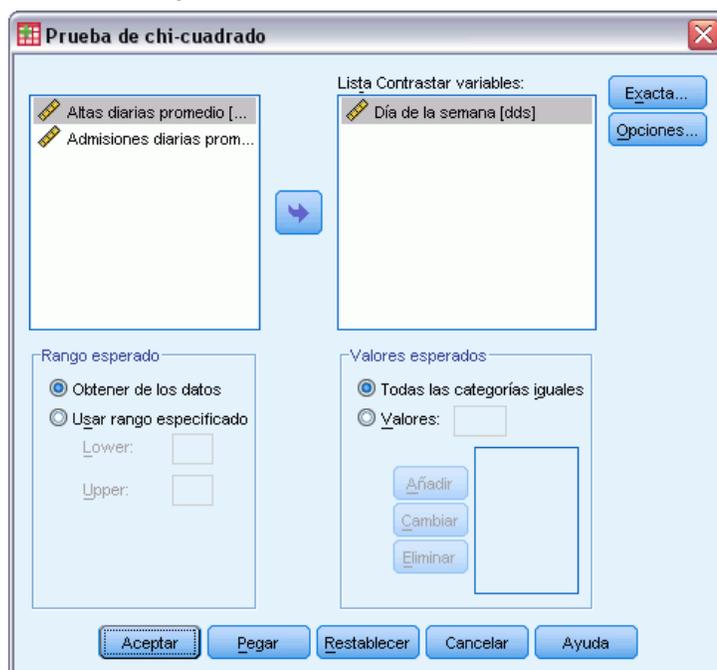
Datos. Use variables categóricas numéricas ordenadas o no ordenadas (niveles de medida ordinal o nominal). Para convertir las variables de cadena en variables numéricas, utilice el procedimiento Recodificación automática, disponible en el menú Transformar.

Supuestos. Las pruebas no paramétricas no requieren supuestos sobre la forma de la distribución subyacente. Se asume que los datos son una muestra aleatoria. Las frecuencias esperadas para cada categoría deberán ser 1 como mínimo. No más de un 20% de las categorías deberán tener frecuencias esperadas menores que 5.

Para obtener una prueba de chi-cuadrado

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > Chi-cuadrado...

Figura 27-49
Cuadro de diálogo Prueba de chi-cuadrado



- Seleccione una o más variables de contraste. Cada variable genera una prueba independiente.
- Si lo desea, puede pulsar en Opciones para obtener estadísticos descriptivos, cuartiles y controlar el tratamiento de los datos perdidos.

Prueba de chi-cuadrado: Rango y valores esperados

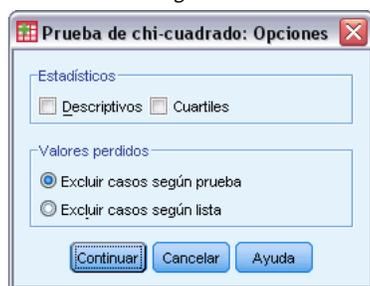
Rango esperado. Por defecto, cada valor distinto de la variable se define como una categoría. Para establecer categorías dentro de un rango específico, seleccione Usar rango especificado e introduzca valores enteros para los límites inferior y superior. Se establecerán categorías para cada valor entero dentro del rango inclusivo y los casos con valores fuera de los límites se excluirán. Por

ejemplo, si se especifica 1 como límite inferior y 4 como límite superior, únicamente se utilizarán los valores enteros entre 1 y 4 para la prueba de chi-cuadrado.

Valores esperados. Por defecto, todas las categorías tienen valores esperados iguales. Las categorías pueden tener proporciones esperadas especificadas por el usuario. Seleccione Valores, introduzca un valor mayor que 0 para cada categoría de la variable de contraste y, a continuación, pulse en Añadir. Cada vez que se añade un valor, éste aparece al final de la lista de valores. El orden de los valores es importante; corresponde al orden ascendente de los valores de categoría de la variable de contraste. El primer valor de la lista corresponde al valor de grupo mínimo de la variable de contraste y el último valor corresponde al valor máximo. Los elementos de la lista de valores se suman y, a continuación, cada valor se divide por esta suma para calcular la proporción de casos esperados en la categoría correspondiente. Por ejemplo, una lista de valores de 3, 4, 5, 4 especifica unas proporciones esperadas de 3/16, 4/16, 5/16 y 4/16.

Prueba de chi-cuadrado: Opciones

Figura 27-50
Cuadro de diálogo Prueba de chi-cuadrado: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando *NPARTESTS* (prueba de chi-cuadrado)

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Especificar diferentes valores mínimo y máximo o las frecuencias esperadas para diferentes variables (mediante el subcomando `CHISQUARE`).
- Contrastar la misma variable respecto a las diferentes frecuencias esperadas, o bien usar diferentes rangos (mediante el subcomando `EXPECTED`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Prueba binomial

El procedimiento Prueba binomial compara las frecuencias observadas de las dos categorías de una variable dicotómica con las frecuencias esperadas en una distribución binomial con un parámetro de probabilidad especificado. Por defecto, el parámetro de probabilidad para ambos grupos es 0,5. Para cambiar las probabilidades, puede introducirse una proporción de prueba para el primer grupo. La probabilidad del segundo grupo será 1 menos la probabilidad especificada para el primer grupo.

Ejemplo. Si se lanza una moneda al aire, la probabilidad de que salga cara es 1/2. Basándose en esta hipótesis, se lanza una moneda al aire 40 veces y se anotan los resultados (cara o cruz). De la prueba binomial, podría deducir que en 3/4 de los lanzamientos salió cara y que el nivel crítico es pequeño (0,0027). Estos resultados indican que no es verosímil que la probabilidad de que salga cara sea 1/2; probablemente la moneda presenta una tendencia a caer por un sentido determinado.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles.

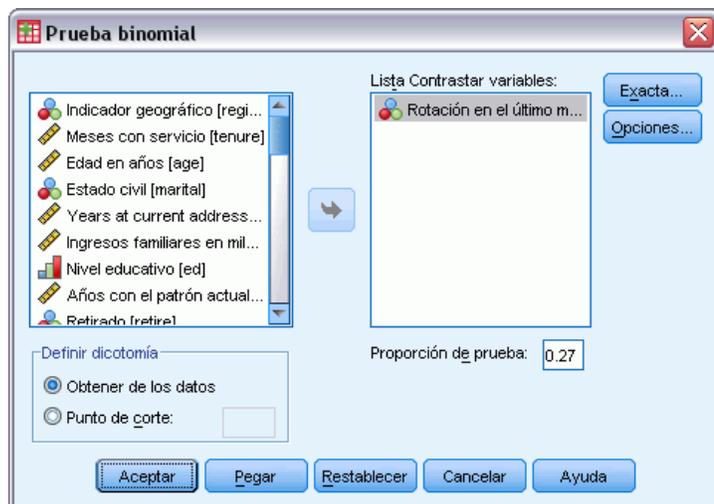
Datos. Las variables de contraste deben ser numéricas y dicotómicas. Para convertir las variables de cadena en variables numéricas, utilice el procedimiento Recodificación automática, disponible en el menú Transformar. Una **variable dicotómica** es una variable que sólo puede tomar dos valores posibles: *sí* o *no*, *verdadero* o *falso*, 0 ó 1, etc. El primer valor encontrado en los datos define el primer grupo y el otro valor define el segundo grupo. Si las variables no son dicotómicas, debe especificar un punto de corte. El punto de corte asigna los casos con valores menores o iguales que el punto de corte del primer grupo y asigna el resto de los casos a un segundo grupo.

Supuestos. Las pruebas no paramétricas no requieren supuestos sobre la forma de la distribución subyacente. Se asume que los datos son una muestra aleatoria.

Para obtener una prueba binomial

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > Binomial...

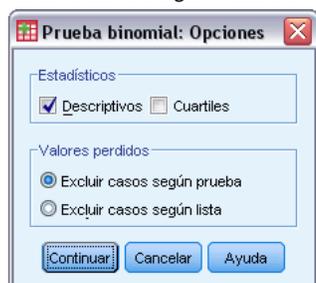
Figura 27-51
Cuadro de diálogo Prueba binomial



- ▶ Seleccione una o más variables de contraste numéricas.
- ▶ Si lo desea, puede pulsar en Opciones para obtener estadísticos descriptivos, cuartiles y controlar el tratamiento de los datos perdidos.

Prueba binomial: Opciones

Figura 27-52
Cuadro de diálogo Prueba binomial: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Se excluirán de todos los análisis los casos con valores perdidos de cualquier variable.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (Prueba binomial)

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Seleccionar grupos específicos (y excluir otros grupos) si una variable tiene más de dos categorías (mediante el subcomando `BINOMIAL`).
- Especificar diferentes probabilidades o puntos de corte para diferentes variables (mediante el subcomando `BINOMIAL`).
- Contrastar la misma variable respecto a diferentes probabilidades o puntos de corte (mediante el subcomando `EXPECTED`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Prueba de rachas

El procedimiento Prueba de rachas contrasta si es aleatorio el orden de aparición de dos valores de una variable. Una racha es una secuencia de observaciones similares. Una muestra con un número excesivamente grande o excesivamente pequeño de rachas sugiere que la muestra no es aleatoria.

Ejemplos. Suponga que se realiza una encuesta a 20 personas para saber si comprarían un producto. Si todas estas personas fueran del mismo sexo, se pondría seriamente en duda la supuesta aleatoriedad de la muestra. La prueba de rachas se puede utilizar para determinar si la muestra fue extraída de manera aleatoria.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles.

Datos. Las variables deben ser numéricas. Para convertir las variables de cadena en variables numéricas, utilice el procedimiento Recodificación automática, disponible en el menú Transformar.

Supuestos. Las pruebas no paramétricas no requieren supuestos sobre la forma de la distribución subyacente. Utilice muestras de distribuciones de probabilidad continua.

Para obtener una prueba de rachas

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > Rachas...

Figura 27-53
Adición de un punto de corte personalizado



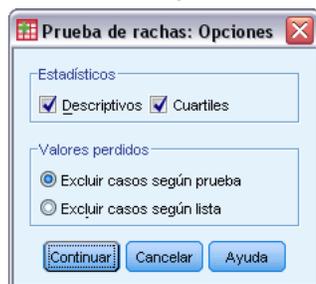
- ▶ Seleccione una o más variables de contraste numéricas.
- ▶ Si lo desea, puede pulsar en Opciones para obtener estadísticos descriptivos, cuartiles y controlar el tratamiento de los datos perdidos.

Prueba de rachas: punto de corte

Punto de corte. Especifica un punto de corte para dicotomizar las variables seleccionadas. Puede utilizar como punto de corte los valores observados para la media, la mediana o la moda, o bien un valor especificado. Los casos con valores menores que el punto de corte se asignarán a un grupo y los casos con valores mayores o iguales que el punto de corte se asignarán a otro grupo. Se lleva a cabo una prueba para cada punto de corte seleccionado.

Prueba de rachas: Opciones

Figura 27-54
Cuadro de diálogo Prueba de rachas: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (Prueba de rachas)

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Especificar puntos de corte diferentes para las distintas variables (con el subcomando `RUNS`).
- Contrastar la misma variable con distintos puntos de corte personalizados (con el subcomando `RUNS`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra

El procedimiento Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra compara la función de distribución acumulada observada de una variable con una distribución teórica determinada, que puede ser la normal, la uniforme, la de Poisson o la exponencial. La Z de Kolmogorov-Smirnov se calcula a partir de la diferencia mayor (en valor absoluto) entre las funciones de distribución acumuladas teórica y observada. Esta prueba de bondad de ajuste contrasta si las observaciones podrían razonablemente proceder de la distribución especificada.

Ejemplo. Muchas pruebas paramétricas requieren que las variables se distribuyan de forma normal. La prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra se puede utilizar para comprobar que una variable (por ejemplo *ingresos*) se distribuye normalmente.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles.

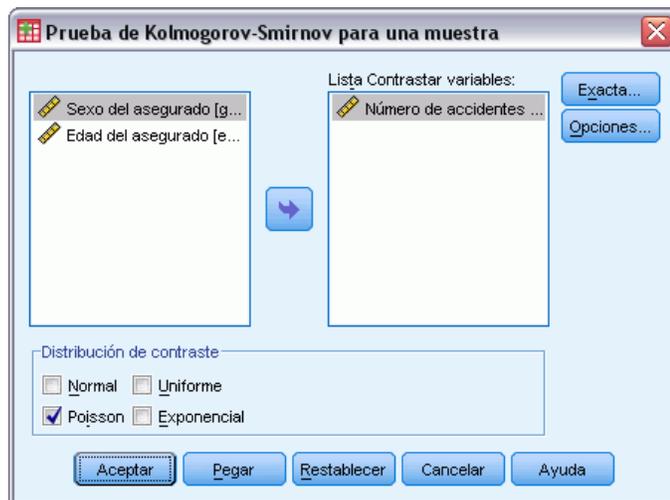
Datos. Utilice variables cuantitativas (a nivel de medida de razón o de intervalo).

Supuestos. La prueba de Kolmogorov-Smirnov asume que los parámetros de la distribución de contraste se han especificado previamente. Este procedimiento estima los parámetros a partir de la muestra. La media y la desviación típica de la muestra son los parámetros de una distribución normal, los valores mínimo y máximo de la muestra definen el rango de la distribución uniforme, la media muestral es el parámetro de la distribución de Poisson y la media muestral es el parámetro de la distribución exponencial. La capacidad de la prueba para detectar desviaciones a partir de la distribución hipotetizada puede disminuir gravemente. Para contrastarla con una distribución normal con parámetros estimados, considere la posibilidad de utilizar la prueba de K-S Lilliefors (disponible en el procedimiento Explorar).

Para obtener una prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > K-S de 1 muestra...

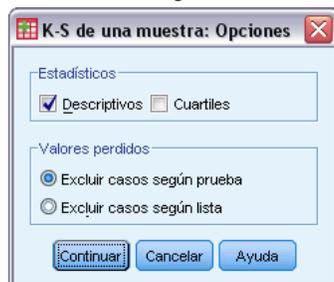
Figura 27-55
Cuadro de diálogo Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra



- Seleccione una o más variables de contraste numéricas. Cada variable genera una prueba independiente.
- Si lo desea, puede pulsar en Opciones para obtener estadísticos descriptivos, cuartiles y controlar el tratamiento de los datos perdidos.

Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra: Opciones

Figura 27-56
Cuadro de diálogo Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra)

El lenguaje de sintaxis de comandos también permite especificar los parámetros de la distribución de contraste (con el subcomando $K-S$).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Pruebas para dos muestras independientes

El procedimiento Pruebas para dos muestras independientes compara dos grupos de casos existentes en una variable.

Ejemplo. Se han desarrollado nuevos correctores dentales diseñados para que sean más cómodos y estéticos, así como para facilitar un progreso más rápido en la realineación de la dentadura. Para averiguar si el nuevo corrector debe llevarse tanto tiempo como el modelo antiguo, se eligen 10 niños al azar para que lleven este último y otros 10 niños para que usen el nuevo. Mediante la prueba U de Mann-Whitney podría descubrir que, de media, los niños que llevaban el nuevo corrector tenían que llevarlo puesto menos tiempo que los que llevaban el antiguo.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: U de Mann-Whitney, reacciones extremas de Moses, Z de Kolmogorov-Smirnov, rachas de Wald-Wolfowitz.

Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Utilice muestras independientes y aleatorias. La prueba Mann-Whitney U comprueba la igualdad de las dos distribuciones. Para utilizarla para comprobar sus diferencias en la ubicación entre dos distribuciones, se debe asumir que las distribuciones tienen la misma forma.

Para obtener pruebas para dos muestras independientes

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > 2 muestras independientes...

Figura 27-57
Cuadro de diálogo Pruebas para dos muestras independientes



- ▶ Seleccione una o más variables numéricas.
- ▶ Seleccione una variable de agrupación y pulse en Definir grupos para segmentar el archivo en dos grupos o muestras.

Dos muestras independientes: Tipos de pruebas

Tipo de prueba. Hay cuatro pruebas disponibles para contrastar si dos muestras (grupos) independientes proceden de una misma población.

La **prueba U de Mann-Whitney** es la más conocida de las pruebas para dos muestras independientes. Es equivalente a la prueba de la suma de rangos de Wilcoxon y a la prueba de Kruskal-Wallis para dos grupos. La prueba de Mann-Whitney contrasta si dos poblaciones muestreadas son equivalentes en su posición. Las observaciones de ambos grupos se combinan y clasifican, asignándose el rango promedio en caso de producirse empates. El número de empates debe ser pequeño en relación con el número total de observaciones. Si la posición de las poblaciones es idéntica, los rangos deberían mezclarse aleatoriamente entre las dos muestras. La prueba calcula el número de veces que una puntuación del grupo 1 precede a una puntuación del grupo 2 y el número de veces que una puntuación del grupo 2 precede a una puntuación del grupo 1. El estadístico U de Mann-Whitney es el menor de estos dos números. También se muestra el estadístico W de la suma de rangos de Wilcoxon. W es la suma de los rangos del grupo en el rango menor, salvo que los grupos tengan el mismo rango medio, en cuyo caso es la suma de rangos del grupo que se nombra en último lugar en el cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Definir grupos.

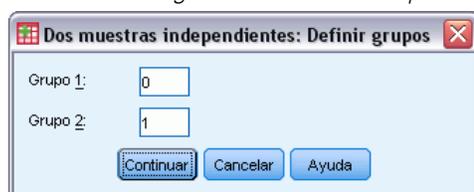
La **prueba Z de Kolmogorov-Smirnov** y la **prueba de rachas de Wald-Wolfowitz** son pruebas más generales que detectan las diferencias entre las posiciones y las formas de las distribuciones. La prueba de Kolmogorov-Smirnov se basa en la diferencia máxima absoluta entre las funciones de distribución acumulada observadas para ambas muestras. Cuando esta diferencia es significativamente grande, se consideran diferentes las dos distribuciones. La prueba de rachas de Wald-Wolfowitz combina y ordena las observaciones de ambos grupos. Si las dos

muestras proceden de una misma población, los dos grupos deben dispersarse aleatoriamente en la ordenación de los rangos.

La **prueba de reacciones extremas de Moses** presupone que la variable experimental afectará a algunos sujetos en una dirección y a otros sujetos en la dirección opuesta. La prueba contrasta las respuestas extremas comparándolas con un grupo de control. Esta prueba se centra en la amplitud del grupo de control y supone una medida de la influencia de los valores extremos del grupo experimental en la amplitud al combinarse con el grupo de control. El grupo de control se define en el cuadro Grupo 1 del cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Definir grupos. Las observaciones de ambos grupos se combinan y ordenan. La amplitud del grupo de control se calcula como la diferencia entre los rangos de los valores mayor y menor del grupo de control más 1. Debido a que los valores atípicos ocasionales pueden distorsionar fácilmente el rango de la amplitud, de manera automática se recorta de cada extremo un 5% de los casos de control.

Pruebas para dos muestras independientes: Definir grupos

Figura 27-58
Cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Definir grupos



Para segmentar el archivo en dos grupos o muestras, introduzca un valor entero para el Grupo 1 y otro valor para el Grupo 2. Los casos con otros valores se excluyen del análisis.

Pruebas para dos muestras independientes: Opciones

Figura 27-59
Cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (Dos muestras independientes)

El lenguaje de sintaxis de comandos permite especificar el número de casos que se recortarán en la prueba de Moses (con el subcomando `MOSES`).

Consulte la *Referencia de sintaxis de comandos* para obtener información completa de la sintaxis.

Pruebas para dos muestras relacionadas

El procedimiento Pruebas para dos muestras relacionadas compara las distribuciones de dos variables.

Ejemplo. En general, cuando una familia vende su casa ¿logra obtener la cantidad que pide inicialmente? Si aplica la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo a 10 casas, podría descubrir que siete familias reciben menos cantidad de la solicitada, una recibe más y dos familias reciben el precio solicitado.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: Wilcoxon de los rangos con signo, signo, McNemar. Si se ha instalado la opción Pruebas exactas (disponible sólo en los sistemas operativos Windows), la prueba de homogeneidad marginal también estará disponible.

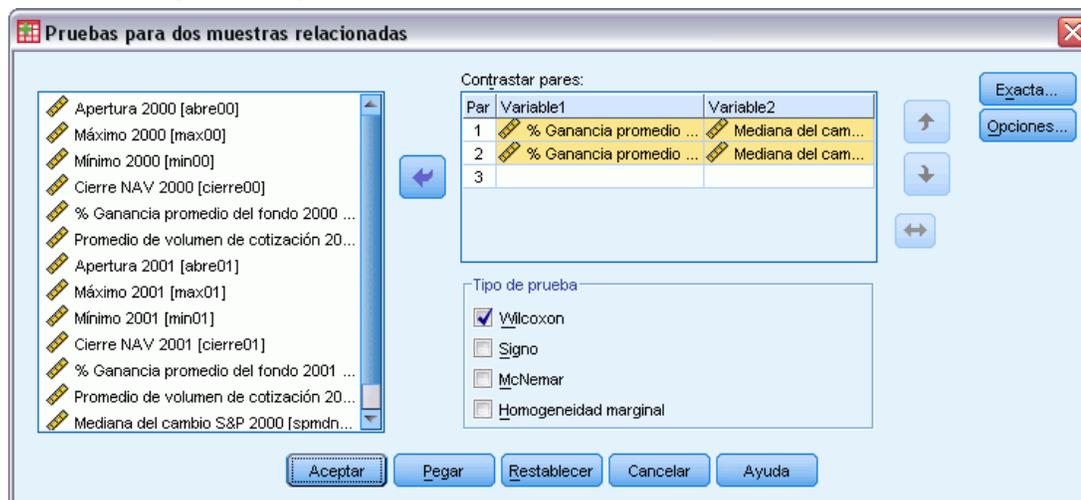
Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Aunque no se suponen distribuciones en particular para las dos variables, se supone que la distribución de población de las diferencias emparejadas es simétrica.

Para obtener pruebas para dos muestras relacionadas

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > 2 muestras relacionadas...

Figura 27-60
Cuadro de diálogo Pruebas para dos muestras relacionadas



- Seleccione uno o más pares de variables.

Dos muestras relacionadas: Tipos de pruebas

Las pruebas de esta sección comparan las distribuciones de dos variables relacionadas. La prueba apropiada depende del tipo de datos.

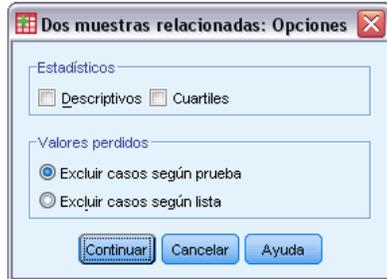
Si los datos son continuos, use la prueba de los signos o la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo. La **prueba de los signos** calcula las diferencias entre las dos variables para todos los casos y clasifica las diferencias como positivas, negativas o empatadas. Si las dos variables tienen una distribución similar, el número de diferencias positivas y negativas no difiere de forma significativa. La **prueba de Wilcoxon de los rangos con signo** tiene en cuenta la información del signo de las diferencias y de la magnitud de las diferencias entre los pares. Dado que la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo incorpora más información acerca de los datos, es más potente que la prueba de los signos.

Si los datos son binarios, use la **prueba de McNemar**. Esta prueba se utiliza normalmente en una situación de medidas repetidas, en la que la respuesta de cada sujeto se obtiene dos veces, una antes y otra después de que ocurra un evento especificado. La prueba de McNemar determina si la tasa de respuesta inicial (antes del evento) es igual a la tasa de respuesta final (después del evento). Esta prueba es útil para detectar cambios en las respuestas causadas por la intervención experimental en los diseños del tipo antes-después.

Si los datos son categóricos, use la **prueba de homogeneidad marginal**. Se trata de una extensión de la prueba de McNemar a partir de la respuesta binaria a la respuesta multinomial. Contrasta los cambios de respuesta, utilizando la distribución de chi-cuadrado, y es útil para detectar cambios de respuesta causados por intervención experimental en diseños antes-después. La prueba de homogeneidad marginal sólo está disponible si se ha instalado Pruebas exactas.

Pruebas para dos muestras relacionadas: Opciones

Figura 27-61
Cuadro de diálogo *Dos muestras relacionadas: Opciones*



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando *NPAR TESTS (Dos muestras relacionadas)*

El lenguaje de sintaxis de comandos también permite contrastar una variable con cada variable de la lista.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Pruebas para varias muestras independientes

El procedimiento Pruebas para varias muestras independientes compara dos o más grupos de casos respecto a una variable.

Ejemplo. ¿Es diferente el tiempo medio en que se fundirán las bombillas de 100 vatios de tres marcas distintas? A partir del análisis de varianza de un factor de Kruskal-Wallis, puede comprobar que las tres marcas sí se diferencian en su vida media.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: H de Kruskal-Wallis, de la mediana.

Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Utilice muestras independientes y aleatorias. La prueba H de Kruskal-Wallis requiere que las muestras comparadas tengan formas similares.

Para obtener pruebas para varias muestras independientes

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > K muestras independientes...

Figura 27-62
Definición de la prueba de la mediana



- Seleccione una o más variables numéricas.
- Seleccione una variable de agrupación y pulse en Definir rango para especificar los valores enteros máximo y mínimo para la variable de agrupación.

Tipos de pruebas para varias muestras independientes

Se hallan disponibles tres pruebas para determinar si varias muestras independientes proceden de la misma población. La prueba *H* de Kruskal-Wallis, la prueba de la mediana y la prueba de Jonckheere-Terpstra contrastan si varias muestras independientes proceden de la misma población.

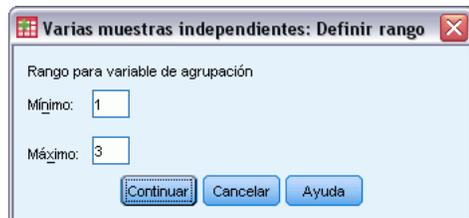
La prueba **H de Kruskal-Wallis**, una extensión de la prueba *U* de Mann-Whitney, es el análogo no paramétrico del análisis de varianza de un factor y detecta las diferencias en la localización de las distribuciones. La **prueba de la mediana**, que es una prueba más general pero no tan potente, detecta diferencias distribucionales en la localización y en la forma. La prueba *H* de Kruskal-Wallis y la prueba de la mediana suponen que no existe una ordenación *a priori* de las poblaciones *k* de las cuales se extraen las muestras.

Cuando *existe* una ordenación natural *a priori* (ascendente o descendente) de las poblaciones *k*, la prueba **Jonckheere-Terpstra** es más potente. Por ejemplo, las *k* poblaciones pueden representar *k* temperaturas ascendentes. Se contrasta la hipótesis de que diferentes temperaturas producen la misma distribución de respuesta, con la hipótesis alternativa de que cuando la temperatura aumenta, la magnitud de la respuesta aumenta. La hipótesis alternativa se encuentra aquí ordenada; por tanto, la prueba de Jonckheere-Terpstra es la prueba más apropiada. La prueba de Jonckheere-Terpstra estará disponible sólo si ha instalado el módulo adicional Pruebas exactas.

Varias muestras independientes: Definir rango

Figura 27-63

Cuadro de diálogo Varias muestras independientes: Definir rango

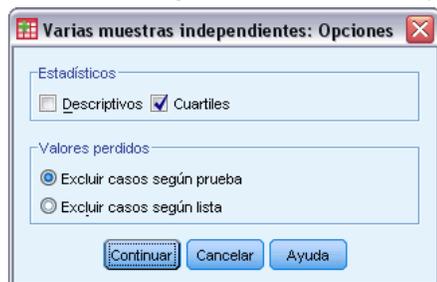


Para definir el rango, introduzca valores enteros para el mínimo y el máximo que se correspondan con las categorías mayor y menor de la variable de agrupación. Se excluyen los casos con valores fuera de los límites. Por ejemplo, si indica un valor mínimo de 1 y un valor máximo de 3, únicamente se utilizarán los valores enteros entre 1 y 3. Debe indicar ambos valores y el valor mínimo ha de ser menor que el máximo.

Varias muestras independientes: Opciones

Figura 27-64

Cuadro de diálogo Varias muestras independientes: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (K muestras independientes)

El lenguaje de sintaxis de comandos permite especificar un valor distinto al de la mediana observada para la prueba de la mediana (mediante el subcomando `MEDIAN`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Pruebas para varias muestras relacionadas

El procedimiento Pruebas para varias muestras relacionadas compara las distribuciones de dos o más variables.

Ejemplo. ¿Asocia la gente diferentes niveles de prestigio a doctores, abogados, policías y profesores? Se pide a diez personas que ordenen estas cuatro profesiones por orden de prestigio. La prueba de Friedman indica que la gente asocia diferentes niveles de prestigio con estas cuatro profesiones.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: Friedman, W de Kendall y Q de Cochran.

Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Las pruebas no paramétricas no requieren supuestos sobre la forma de la distribución subyacente. Utilice muestras aleatorias y dependientes.

Para obtener pruebas para varias muestras relacionadas

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > K muestras relacionadas...

Figura 27-65
Selección de Cochran como tipo de prueba



- Seleccione dos o más variables de contraste numéricas.

Tipos de prueba en el procedimiento Pruebas para varias muestras relacionadas

Hay tres pruebas disponibles para comparar las distribuciones de diversas variables relacionadas.

La **prueba de Friedman** es el equivalente no paramétrico de un diseño de medidas repetidas para una muestra o un análisis de varianza de dos factores con una observación por casilla. Friedman contrasta la hipótesis nula de que las k variables relacionadas procedan de la misma población. En cada caso, las k variables se ordenan en un rango de 1 a k . El estadístico de contraste se basa en estos rangos.

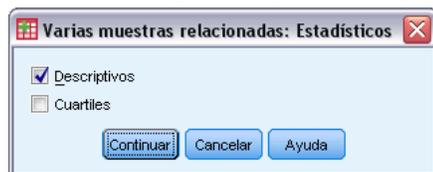
La **W de Kendall** es una normalización del estadístico de Friedman. La prueba W de Kendall se puede interpretar como el coeficiente de concordancia, que es una medida de acuerdo entre evaluadores. Cada caso es un juez o evaluador y cada variable es un elemento o persona que está siendo evaluada. Para cada variable, se calcula la suma de rangos. La W de Kendall varía entre 0 (no hay acuerdo) y 1 (acuerdo completo).

La prueba **Q de Cochran** es idéntica a la prueba de Friedman pero se puede aplicar cuando todas las respuestas son binarias. Esta prueba es una extensión de la prueba de McNemar para la situación de k muestras. La Q de Cochran contrasta la hipótesis de que diversas variables dicotómicas relacionadas tienen la misma media. Las variables se miden al mismo individuo o a individuos emparejados.

Pruebas para varias muestras relacionadas: Estadísticos

Figura 27-66

Cuadro de diálogo Varias pruebas relacionadas: Estadísticos



Puede elegir estadísticos.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (K pruebas relacionadas)

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Prueba binomial

El procedimiento Prueba binomial compara las frecuencias observadas de las dos categorías de una variable dicotómica con las frecuencias esperadas en una distribución binomial con un parámetro de probabilidad especificado. Por defecto, el parámetro de probabilidad para ambos grupos es 0,5. Para cambiar las probabilidades, puede introducirse una proporción de prueba para el primer grupo. La probabilidad del segundo grupo será 1 menos la probabilidad especificada para el primer grupo.

Ejemplo. Si se lanza una moneda al aire, la probabilidad de que salga cara es $1/2$. Basándose en esta hipótesis, se lanza una moneda al aire 40 veces y se anotan los resultados (cara o cruz). De la prueba binomial, podría deducir que en $3/4$ de los lanzamientos salió cara y que el nivel crítico es pequeño (0,0027). Estos resultados indican que no es verosímil que la probabilidad de que salga cara sea $1/2$; probablemente la moneda presenta una tendencia a caer por un sentido determinado.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles.

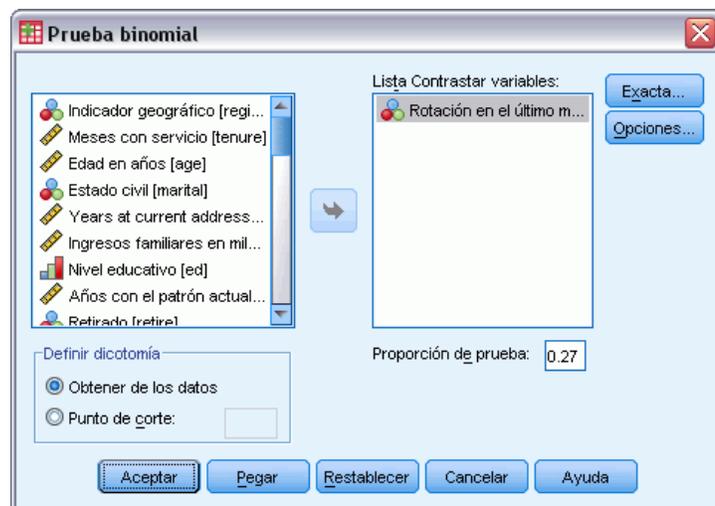
Datos. Las variables de contraste deben ser numéricas y dicotómicas. Para convertir las variables de cadena en variables numéricas, utilice el procedimiento Recodificación automática, disponible en el menú Transformar. Una **variable dicotómica** es una variable que sólo puede tomar dos valores posibles: *sí* o *no*, *verdadero* o *falso*, 0 ó 1, etc. El primer valor encontrado en los datos define el primer grupo y el otro valor define el segundo grupo. Si las variables no son dicotómicas, debe especificar un punto de corte. El punto de corte asigna los casos con valores menores o iguales que el punto de corte del primer grupo y asigna el resto de los casos a un segundo grupo.

Supuestos. Las pruebas no paramétricas no requieren supuestos sobre la forma de la distribución subyacente. Se asume que los datos son una muestra aleatoria.

Para obtener una prueba binomial

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > Binomial...

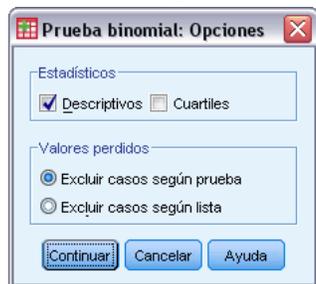
Figura 27-67
Cuadro de diálogo Prueba binomial



- Seleccione una o más variables de contraste numéricas.
- Si lo desea, puede pulsar en Opciones para obtener estadísticos descriptivos, cuartiles y controlar el tratamiento de los datos perdidos.

Prueba binomial: Opciones

Figura 27-68
Cuadro de diálogo Prueba binomial: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Se excluirán de todos los análisis los casos con valores perdidos de cualquier variable.

Funciones adicionales del comando *NPARTESTS* (Prueba binomial)

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Seleccionar grupos específicos (y excluir otros grupos) si una variable tiene más de dos categorías (mediante el subcomando `BINOMIAL`).
- Especificar diferentes probabilidades o puntos de corte para diferentes variables (mediante el subcomando `BINOMIAL`).
- Contrastar la misma variable respecto a diferentes probabilidades o puntos de corte (mediante el subcomando `EXPECTED`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Prueba de rachas

El procedimiento Prueba de rachas contrasta si es aleatorio el orden de aparición de dos valores de una variable. Una racha es una secuencia de observaciones similares. Una muestra con un número excesivamente grande o excesivamente pequeño de rachas sugiere que la muestra no es aleatoria.

Ejemplos. Suponga que se realiza una encuesta a 20 personas para saber si comprarían un producto. Si todas estas personas fueran del mismo sexo, se pondría seriamente en duda la supuesta aleatoriedad de la muestra. La prueba de rachas se puede utilizar para determinar si la muestra fue extraída de manera aleatoria.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles.

Datos. Las variables deben ser numéricas. Para convertir las variables de cadena en variables numéricas, utilice el procedimiento Recodificación automática, disponible en el menú Transformar.

Supuestos. Las pruebas no paramétricas no requieren supuestos sobre la forma de la distribución subyacente. Utilice muestras de distribuciones de probabilidad continua.

Para obtener una prueba de rachas

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > Rachas...

Figura 27-69
Adición de un punto de corte personalizado



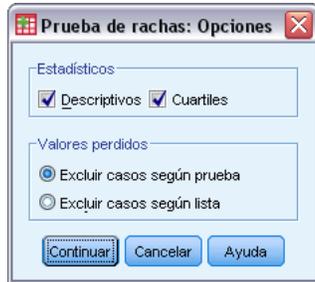
- Seleccione una o más variables de contraste numéricas.
- Si lo desea, puede pulsar en Opciones para obtener estadísticos descriptivos, cuartiles y controlar el tratamiento de los datos perdidos.

Prueba de rachas: punto de corte

Punto de corte. Especifica un punto de corte para dicotomizar las variables seleccionadas. Puede utilizar como punto de corte los valores observados para la media, la mediana o la moda, o bien un valor especificado. Los casos con valores menores que el punto de corte se asignarán a un grupo y los casos con valores mayores o iguales que el punto de corte se asignarán a otro grupo. Se lleva a cabo una prueba para cada punto de corte seleccionado.

Prueba de rachas: Opciones

Figura 27-70
Cuadro de diálogo Prueba de rachas: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (Prueba de rachas)

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Especificar puntos de corte diferentes para las distintas variables (con el subcomando RUNS).
- Contrastar la misma variable con distintos puntos de corte personalizados (con el subcomando RUNS).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra

El procedimiento Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra compara la función de distribución acumulada observada de una variable con una distribución teórica determinada, que puede ser la normal, la uniforme, la de Poisson o la exponencial. La Z de Kolmogorov-Smirnov se calcula a partir de la diferencia mayor (en valor absoluto) entre las funciones de distribución acumuladas teórica y observada. Esta prueba de bondad de ajuste contrasta si las observaciones podrían razonablemente proceder de la distribución especificada.

Ejemplo. Muchas pruebas paramétricas requieren que las variables se distribuyan de forma normal. La prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra se puede utilizar para comprobar que una variable (por ejemplo *ingresos*) se distribuye normalmente.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles.

Datos. Utilice variables cuantitativas (a nivel de medida de razón o de intervalo).

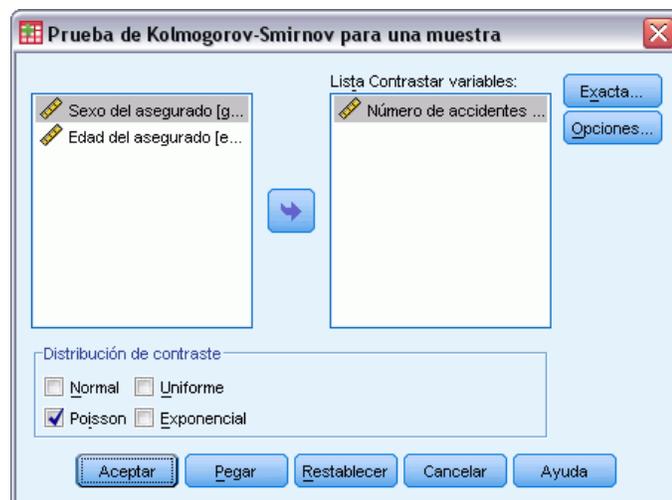
Supuestos. La prueba de Kolmogorov-Smirnov asume que los parámetros de la distribución de contraste se han especificado previamente. Este procedimiento estima los parámetros a partir de la muestra. La media y la desviación típica de la muestra son los parámetros de una distribución normal, los valores mínimo y máximo de la muestra definen el rango de la distribución uniforme, la media muestral es el parámetro de la distribución de Poisson y la media muestral es el parámetro de la distribución exponencial. La capacidad de la prueba para detectar desviaciones a partir de la distribución hipotetizada puede disminuir gravemente. Para contrastarla con una distribución normal con parámetros estimados, considere la posibilidad de utilizar la prueba de K-S Lilliefors (disponible en el procedimiento Explorar).

Para obtener una prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > K-S de 1 muestra...

Figura 27-71

Cuadro de diálogo Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra

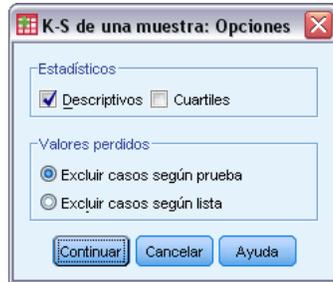


- Seleccione una o más variables de contraste numéricas. Cada variable genera una prueba independiente.
- Si lo desea, puede pulsar en Opciones para obtener estadísticos descriptivos, cuartiles y controlar el tratamiento de los datos perdidos.

Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra: Opciones

Figura 27-72

Cuadro de diálogo Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando *NPARTESTS* (Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra)

El lenguaje de sintaxis de comandos también permite especificar los parámetros de la distribución de contraste (con el subcomando *K-S*).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Pruebas para dos muestras independientes

El procedimiento Pruebas para dos muestras independientes compara dos grupos de casos existentes en una variable.

Ejemplo. Se han desarrollado nuevos correctores dentales diseñados para que sean más cómodos y estéticos, así como para facilitar un progreso más rápido en la realineación de la dentadura. Para averiguar si el nuevo corrector debe llevarse tanto tiempo como el modelo antiguo, se eligen 10 niños al azar para que lleven este último y otros 10 niños para que usen el nuevo. Mediante la prueba *U* de Mann-Whitney podría descubrir que, de media, los niños que llevaban el nuevo corrector tenían que llevarlo puesto menos tiempo que los que llevaban el antiguo.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: *U* de Mann-Whitney, reacciones extremas de Moses, *Z* de Kolmogorov-Smirnov, rachas de Wald-Wolfowitz.

Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Utilice muestras independientes y aleatorias. La prueba Mann-Whitney U comprueba la igualdad de las dos distribuciones. Para utilizarla para comprobar sus diferencias en la ubicación entre dos distribuciones, se debe asumir que las distribuciones tienen la misma forma.

Para obtener pruebas para dos muestras independientes

- Seleccione en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > 2 muestras independientes...

Figura 27-73
Cuadro de diálogo Pruebas para dos muestras independientes



- Seleccione una o más variables numéricas.
- Seleccione una variable de agrupación y pulse en Definir grupos para segmentar el archivo en dos grupos o muestras.

Dos muestras independientes: Tipos de pruebas

Tipo de prueba. Hay cuatro pruebas disponibles para contrastar si dos muestras (grupos) independientes proceden de una misma población.

La **prueba U de Mann-Whitney** es la más conocida de las pruebas para dos muestras independientes. Es equivalente a la prueba de la suma de rangos de Wilcoxon y a la prueba de Kruskal-Wallis para dos grupos. La prueba de Mann-Whitney contrasta si dos poblaciones muestreadas son equivalentes en su posición. Las observaciones de ambos grupos se combinan y clasifican, asignándose el rango promedio en caso de producirse empates. El número de empates debe ser pequeño en relación con el número total de observaciones. Si la posición de las poblaciones es idéntica, los rangos deberían mezclarse aleatoriamente entre las dos muestras. La prueba calcula el número de veces que una puntuación del grupo 1 precede a una puntuación del grupo 2 y el número de veces que una puntuación del grupo 2 precede a una puntuación del grupo 1. El estadístico U de Mann-Whitney es el menor de estos dos números. También se muestra el estadístico W de la suma de rangos de Wilcoxon. W es la suma de los rangos del

grupo en el rango menor, salvo que los grupos tengan el mismo rango medio, en cuyo caso es la suma de rangos del grupo que se nombra en último lugar en el cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Definir grupos.

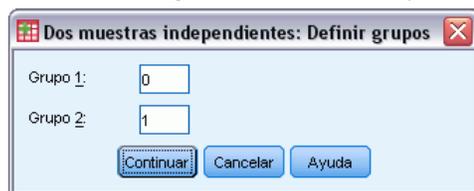
La **prueba Z de Kolmogorov-Smirnov** y la **prueba de rachas de Wald-Wolfowitz** son pruebas más generales que detectan las diferencias entre las posiciones y las formas de las distribuciones. La prueba de Kolmogorov-Smirnov se basa en la diferencia máxima absoluta entre las funciones de distribución acumulada observadas para ambas muestras. Cuando esta diferencia es significativamente grande, se consideran diferentes las dos distribuciones. La prueba de rachas de Wald-Wolfowitz combina y ordena las observaciones de ambos grupos. Si las dos muestras proceden de una misma población, los dos grupos deben dispersarse aleatoriamente en la ordenación de los rangos.

La **prueba de reacciones extremas de Moses** presupone que la variable experimental afectará a algunos sujetos en una dirección y a otros sujetos en la dirección opuesta. La prueba contrasta las respuestas extremas comparándolas con un grupo de control. Esta prueba se centra en la amplitud del grupo de control y supone una medida de la influencia de los valores extremos del grupo experimental en la amplitud al combinarse con el grupo de control. El grupo de control se define en el cuadro Grupo 1 del cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Definir grupos. Las observaciones de ambos grupos se combinan y ordenan. La amplitud del grupo de control se calcula como la diferencia entre los rangos de los valores mayor y menor del grupo de control más 1. Debido a que los valores atípicos ocasionales pueden distorsionar fácilmente el rango de la amplitud, de manera automática se recorta de cada extremo un 5% de los casos de control.

Pruebas para dos muestras independientes: Definir grupos

Figura 27-74

Cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Definir grupos



Para segmentar el archivo en dos grupos o muestras, introduzca un valor entero para el Grupo 1 y otro valor para el Grupo 2. Los casos con otros valores se excluyen del análisis.

Pruebas para dos muestras independientes: Opciones

Figura 27-75

Cuadro de diálogo Dos muestras independientes: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (Dos muestras independientes)

El lenguaje de sintaxis de comandos permite especificar el número de casos que se recortarán en la prueba de Moses (con el subcomando `MOSES`).

Consulte la *Referencia de sintaxis de comandos* para obtener información completa de la sintaxis.

Pruebas para dos muestras relacionadas

El procedimiento Pruebas para dos muestras relacionadas compara las distribuciones de dos variables.

Ejemplo. En general, cuando una familia vende su casa ¿logra obtener la cantidad que pide inicialmente? Si aplica la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo a 10 casas, podría descubrir que siete familias reciben menos cantidad de la solicitada, una recibe más y dos familias reciben el precio solicitado.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: Wilcoxon de los rangos con signo, signo, McNemar. Si se ha instalado la opción Pruebas exactas (disponible sólo en los sistemas operativos Windows), la prueba de homogeneidad marginal también estará disponible.

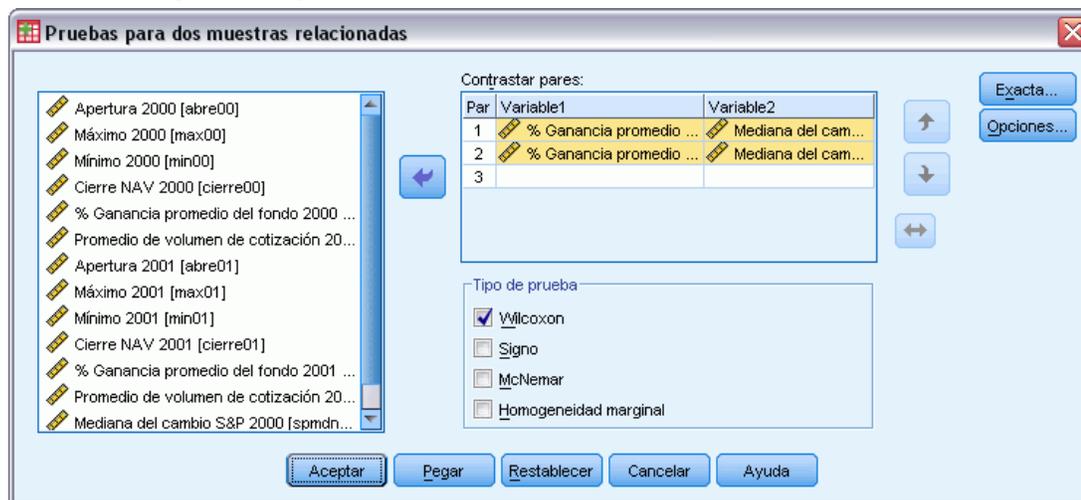
Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Aunque no se suponen distribuciones en particular para las dos variables, se supone que la distribución de población de las diferencias emparejadas es simétrica.

Para obtener pruebas para dos muestras relacionadas

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > 2 muestras relacionadas...

Figura 27-76
Cuadro de diálogo Pruebas para dos muestras relacionadas



- Seleccione uno o más pares de variables.

Dos muestras relacionadas: Tipos de pruebas

Las pruebas de esta sección comparan las distribuciones de dos variables relacionadas. La prueba apropiada depende del tipo de datos.

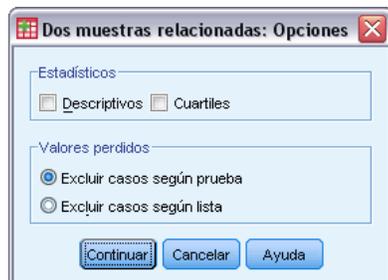
Si los datos son continuos, use la prueba de los signos o la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo. La **prueba de los signos** calcula las diferencias entre las dos variables para todos los casos y clasifica las diferencias como positivas, negativas o empatadas. Si las dos variables tienen una distribución similar, el número de diferencias positivas y negativas no difiere de forma significativa. La **prueba de Wilcoxon de los rangos con signo** tiene en cuenta la información del signo de las diferencias y de la magnitud de las diferencias entre los pares. Dado que la prueba de Wilcoxon de los rangos con signo incorpora más información acerca de los datos, es más potente que la prueba de los signos.

Si los datos son binarios, use la **prueba de McNemar**. Esta prueba se utiliza normalmente en una situación de medidas repetidas, en la que la respuesta de cada sujeto se obtiene dos veces, una antes y otra después de que ocurra un evento especificado. La prueba de McNemar determina si la tasa de respuesta inicial (antes del evento) es igual a la tasa de respuesta final (después del evento). Esta prueba es útil para detectar cambios en las respuestas causadas por la intervención experimental en los diseños del tipo antes-después.

Si los datos son categóricos, use la **prueba de homogeneidad marginal**. Se trata de una extensión de la prueba de McNemar a partir de la respuesta binaria a la respuesta multinomial. Contrasta los cambios de respuesta, utilizando la distribución de chi-cuadrado, y es útil para detectar cambios de respuesta causados por intervención experimental en diseños antes-después. La prueba de homogeneidad marginal sólo está disponible si se ha instalado Pruebas exactas.

Pruebas para dos muestras relacionadas: Opciones

Figura 27-77
Cuadro de diálogo Dos muestras relacionadas: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (Dos muestras relacionadas)

El lenguaje de sintaxis de comandos también permite contrastar una variable con cada variable de la lista.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Pruebas para varias muestras independientes

El procedimiento Pruebas para varias muestras independientes compara dos o más grupos de casos respecto a una variable.

Ejemplo. ¿Es diferente el tiempo medio en que se fundirán las bombillas de 100 vatios de tres marcas distintas? A partir del análisis de varianza de un factor de Kruskal-Wallis, puede comprobar que las tres marcas sí se diferencian en su vida media.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: H de Kruskal-Wallis, de la mediana.

Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Utilice muestras independientes y aleatorias. La prueba H de Kruskal-Wallis requiere que las muestras comparadas tengan formas similares.

Para obtener pruebas para varias muestras independientes

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > K muestras independientes...

Figura 27-78
Definición de la prueba de la mediana



- Seleccione una o más variables numéricas.
- Seleccione una variable de agrupación y pulse en Definir rango para especificar los valores enteros máximo y mínimo para la variable de agrupación.

Tipos de pruebas para varias muestras independientes

Se hallan disponibles tres pruebas para determinar si varias muestras independientes proceden de la misma población. La prueba *H* de Kruskal-Wallis, la prueba de la mediana y la prueba de Jonckheere-Terpstra contrastan si varias muestras independientes proceden de la misma población.

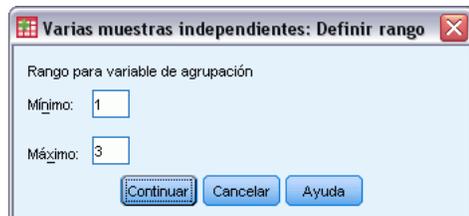
La prueba **H de Kruskal-Wallis**, una extensión de la prueba *U* de Mann-Whitney, es el análogo no paramétrico del análisis de varianza de un factor y detecta las diferencias en la localización de las distribuciones. La **prueba de la mediana**, que es una prueba más general pero no tan potente, detecta diferencias distribucionales en la localización y en la forma. La prueba *H* de Kruskal-Wallis y la prueba de la mediana suponen que no existe una ordenación *a priori* de las poblaciones *k* de las cuales se extraen las muestras.

Cuando *existe* una ordenación natural *a priori* (ascendente o descendente) de las poblaciones *k*, la prueba **Jonckheere-Terpstra** es más potente. Por ejemplo, las *k* poblaciones pueden representar *k* temperaturas ascendentes. Se contrasta la hipótesis de que diferentes temperaturas producen la misma distribución de respuesta, con la hipótesis alternativa de que cuando la temperatura aumenta, la magnitud de la respuesta aumenta. La hipótesis alternativa se encuentra aquí ordenada; por tanto, la prueba de Jonckheere-Terpstra es la prueba más apropiada. La prueba de Jonckheere-Terpstra estará disponible sólo si ha instalado el módulo adicional Pruebas exactas.

Varias muestras independientes: Definir rango

Figura 27-79

Cuadro de diálogo Varias muestras independientes: Definir rango

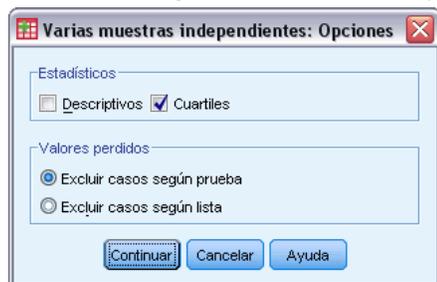


Para definir el rango, introduzca valores enteros para el mínimo y el máximo que se correspondan con las categorías mayor y menor de la variable de agrupación. Se excluyen los casos con valores fuera de los límites. Por ejemplo, si indica un valor mínimo de 1 y un valor máximo de 3, únicamente se utilizarán los valores enteros entre 1 y 3. Debe indicar ambos valores y el valor mínimo ha de ser menor que el máximo.

Varias muestras independientes: Opciones

Figura 27-80

Cuadro de diálogo Varias muestras independientes: Opciones



Estadísticos. Puede elegir uno o los dos estadísticos de resumen.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Valores perdidos. Controla el tratamiento de los valores perdidos.

- **Excluir casos según prueba.** Cuando se especifican varias pruebas, cada una se evalúa separadamente respecto a los valores perdidos.
- **Excluir casos según lista.** Los casos con valores perdidos para cualquier variable se excluyen de todos los análisis.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (K muestras independientes)

El lenguaje de sintaxis de comandos permite especificar un valor distinto al de la mediana observada para la prueba de la mediana (mediante el subcomando `MEDIAN`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Pruebas para varias muestras relacionadas

El procedimiento Pruebas para varias muestras relacionadas compara las distribuciones de dos o más variables.

Ejemplo. ¿Asocia la gente diferentes niveles de prestigio a doctores, abogados, policías y profesores? Se pide a diez personas que ordenen estas cuatro profesiones por orden de prestigio. La prueba de Friedman indica que la gente asocia diferentes niveles de prestigio con estas cuatro profesiones.

Estadísticos. Media, desviación típica, mínimo, máximo, número de casos no perdidos y cuartiles. Pruebas: Friedman, W de Kendall y Q de Cochran.

Datos. Utilice variables numéricas que puedan ser ordenables.

Supuestos. Las pruebas no paramétricas no requieren supuestos sobre la forma de la distribución subyacente. Utilice muestras aleatorias y dependientes.

Para obtener pruebas para varias muestras relacionadas

- Elija en los menús:
Analizar > Pruebas no paramétricas > Cuadros de diálogo antiguos > K muestras relacionadas...

Figura 27-81
Selección de Cochran como tipo de prueba



- Seleccione dos o más variables de contraste numéricas.

Tipos de prueba en el procedimiento Pruebas para varias muestras relacionadas

Hay tres pruebas disponibles para comparar las distribuciones de diversas variables relacionadas.

La **prueba de Friedman** es el equivalente no paramétrico de un diseño de medidas repetidas para una muestra o un análisis de varianza de dos factores con una observación por casilla. Friedman contrasta la hipótesis nula de que las k variables relacionadas procedan de la misma población. En cada caso, las k variables se ordenan en un rango de 1 a k . El estadístico de contraste se basa en estos rangos.

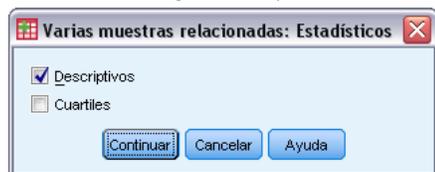
La **W de Kendall** es una normalización del estadístico de Friedman. La prueba W de Kendall se puede interpretar como el coeficiente de concordancia, que es una medida de acuerdo entre evaluadores. Cada caso es un juez o evaluador y cada variable es un elemento o persona que está siendo evaluada. Para cada variable, se calcula la suma de rangos. La W de Kendall varía entre 0 (no hay acuerdo) y 1 (acuerdo completo).

La prueba **Q de Cochran** es idéntica a la prueba de Friedman pero se puede aplicar cuando todas las respuestas son binarias. Esta prueba es una extensión de la prueba de McNemar para la situación de k muestras. La Q de Cochran contrasta la hipótesis de que diversas variables dicotómicas relacionadas tienen la misma media. Las variables se miden al mismo individuo o a individuos emparejados.

Pruebas para varias muestras relacionadas: Estadísticos

Figura 27-82

Cuadro de diálogo Varias pruebas relacionadas: Estadísticos



Puede elegir estadísticos.

- **Descriptivos.** Muestra la media, la desviación típica, el mínimo, el máximo y el número de casos no perdidos.
- **Cuartiles.** Muestra los valores correspondientes a los percentiles 25, 50 y 75.

Funciones adicionales del comando NPAR TESTS (K pruebas relacionadas)

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Análisis de respuestas múltiples

Se ofrecen dos procedimientos para analizar los conjuntos de categorías múltiples y de dicotomías múltiples. El procedimiento Frecuencias de respuestas múltiples muestra tablas de frecuencias. El procedimiento Tablas de contingencia de respuestas múltiples muestra tablas de contingencia de dos y tres dimensiones. Antes de utilizar cualquiera de estos procedimientos, deberá definir conjuntos de respuestas múltiples.

Ejemplo. Este ejemplo ilustra el uso de elementos de respuestas múltiples en un estudio de investigación de mercado. Los datos son ficticios y no deben interpretarse como reales. Una línea aérea podría hacer una encuesta a los pasajeros que realicen una determinada ruta para evaluar las líneas aéreas de la competencia. En este ejemplo, American Airlines desea conocer el uso que hacen sus pasajeros de otras líneas aéreas en la ruta Chicago-Nueva York y la importancia relativa del horario y el servicio a la hora de seleccionar una línea aérea. El encargado del vuelo proporciona a cada pasajero un breve cuestionario durante el embarque. La primera pregunta dice: Rodee con un círculo todas las líneas aéreas con la que haya volado al menos una vez en los últimos seis meses en este mismo trayecto: American, United, TWA, USAir, Otras. Se trata de una pregunta de respuestas múltiples, ya que el pasajero puede marcar más de una respuesta. Sin embargo, la pregunta no se puede codificar directamente, ya que una variable sólo puede tener un valor para cada caso. Deberá utilizar distintas variables para asignar respuestas a cada pregunta. Existen dos formas de hacerlo. Una consiste en definir una variable para cada una de las opciones (por ejemplo, American, United, TWA, USAir y Otras). Si el pasajero marca United, a la variable *united* se le asignará el código 1; en caso contrario se le asignará 0. Éste es un **método de dicotomías múltiples** de asignación de variables. La otra forma de asignar respuestas es el **método de categorías múltiples**, en el que se estima el número máximo de posibles respuestas a la pregunta y se configura el mismo número de variables, con códigos para especificar la línea aérea utilizada. Examinando una muestra de cuestionarios, podría observarse que ningún usuario ha volado en más de tres líneas aéreas diferentes en esta ruta durante los últimos seis meses. Aún más, se observará que debido a la liberalización de las líneas aéreas, aparecen otras 10 en la categoría Otras. Con el método de respuestas múltiples, definiría tres variables, cada una codificada como 1 = *american*, 2 = *united*, 3 = *twa*, 4 = *usair*, 5 = *delta* y así sucesivamente. Si un pasajero determinado marca American y TWA, la primera variable tendrá el código 1, la segunda el 3 y la tercera un código de valor perdido. Otro pasajero podría haber marcado American e introducido Delta. Así, la primera variable tendrá el código 1, la segunda el 5 y la tercera un código de valor perdido. Por el contrario, si utiliza el método de dicotomías múltiples, terminará con 14 variables independientes. Aunque cualquiera de los métodos de asignación anteriores es viable para este estudio, el método seleccionado dependerá de la distribución de respuestas.

Definir conjuntos de respuestas múltiples

El procedimiento Definir conjuntos de respuestas múltiples agrupa variables elementales en conjuntos de categorías múltiples y de dicotomías múltiples, para los que se pueden obtener tablas de frecuencias y tablas de contingencia. Se pueden definir hasta 20 conjuntos de respuestas

múltiples. Cada conjunto debe tener un nombre exclusivo. Para eliminar un conjunto, resáltelo en la lista de conjuntos de respuestas múltiples y pulse en Borrar. Para cambiar un conjunto, resáltelo en la lista, modifique cualquier característica de la definición del conjunto y pulse en Cambiar.

Las variables elementales se pueden codificar como dicotomías o categorías. Para utilizar variables dicotómicas, seleccione Dicotomías para crear un conjunto de dicotomías múltiples. Introduzca un valor entero en Valor contado. Cada variable que tenga al menos una aparición del valor contado se convierte en una categoría del conjunto de dicotomías múltiples. Seleccione Categorías para crear un conjunto de categorías múltiples con el mismo rango de valores que las variables que lo componen. Introduzca valores enteros para los valores máximo y mínimo del rango para las categorías del conjunto de categorías múltiples. El procedimiento suma cada valor entero distinto en el rango inclusivo para todas las variables que lo componen. Las categorías vacías no se tabulan.

A cada conjunto de respuestas múltiples se le debe asignar un nombre exclusivo de hasta siete caracteres. El procedimiento coloca delante del nombre asignado un signo dólar (\$). No se pueden utilizar los siguientes nombres reservados: *casenum*, *sysmis*, *jdate*, *date*, *time*, *length* y *width*. El nombre del conjunto de respuestas múltiples sólo se encuentra disponible para su uso en los procedimientos de respuestas múltiples. No se puede hacer referencia a nombres de conjuntos de respuestas múltiples en otros procedimientos. Si lo desea, puede introducir una etiqueta de variable descriptiva para el conjunto de respuestas múltiples. La etiqueta puede tener hasta 40 caracteres.

Para definir conjuntos de respuestas múltiples

- Elija en los menús:
Analizar > Respuesta múltiple > Definir conjuntos de variables...

Figura 28-1
Cuadro de diálogo Definir conjuntos de respuestas múltiples

- Seleccione dos o más variables.

- ▶ Si las variables están codificadas como dicotomías, indique qué valor desea contar. Si las variables están codificadas como categorías, defina el rango de las categorías.
- ▶ Escriba un nombre distintivo para cada conjunto de respuestas múltiples.
- ▶ Pulse Añadir para añadir el conjunto de respuestas múltiples a la lista de conjuntos definidos.

Frecuencias de respuestas múltiples

El procedimiento Frecuencias de respuestas múltiples produce tablas de frecuencias para conjuntos de respuestas múltiples. En primer lugar es necesario definir uno o más conjuntos de respuestas múltiples (véase “Definir conjuntos de respuestas múltiples”).

Para los conjuntos de dicotomías múltiples, los nombres de categorías que se muestran en los resultados proceden de etiquetas de variable definidas para variables elementales del grupo. Si las etiquetas de variable no están definidas, los nombres de las variables se utilizarán como etiquetas. Para los conjuntos de categorías múltiples, las etiquetas de categoría proceden de las etiquetas de valor de la primera variable del grupo. Si las categorías perdidas para la primera variable están presentes para otras variables del grupo, defina una etiqueta de valor para las categorías perdidas.

Valores perdidos. Los casos con valores perdidos se excluyen en base a tabla por tabla. Si lo desea, puede seleccionar una de las opciones siguientes o ambas:

- **Excluir los casos según lista dentro de las dicotomías.** Excluye los casos con valores perdidos en cualquier variable de la tabulación del conjunto de dicotomías múltiples. Esto sólo se aplica a conjuntos de respuestas múltiples definidos como conjuntos de dicotomías. Por defecto, un caso se considera perdido para un conjunto de dicotomías múltiples si ninguna de sus variables que lo componen contiene el valor contado. Los casos con valores perdidos en algunas variables, pero no en todas, se incluyen en las tabulaciones del grupo si al menos una variable contiene el valor contado.
- **Excluir los casos según lista dentro de las categorías.** Excluye los casos con valores perdidos en cualquier variable de la tabulación del conjunto de categorías múltiples. Esto sólo se aplica a conjuntos de respuestas múltiples definidos como conjuntos de categorías. Por defecto, un caso se considera perdido para un conjunto de categorías múltiples sólo si ninguno de sus componentes tiene valores válidos dentro del rango definido.

Ejemplo. Cada variable creada a partir de una pregunta de una encuesta es una variable elemental. Para analizar un elemento de respuestas múltiples, deberá combinar las variables en uno o dos tipos de conjuntos de respuestas múltiples: un conjunto de dicotomías múltiples o un conjunto de categorías múltiples. Por ejemplo, si una encuesta sobre líneas aéreas preguntara al encuestado cuál de las tres líneas (American, United, TWA) ha utilizado durante los seis últimos meses y usted utilizara variables dicotómicas y definiera un **conjunto de dicotomías múltiples**, cada una de las tres variables del conjunto se convertiría en una categoría de la variable de grupo. Las frecuencias y los porcentajes de las tres líneas aéreas se muestran en una tabla de frecuencias. Si observa que ningún encuestado ha mencionado más de dos líneas aéreas, podría crear dos variables, cada una con tres códigos, uno para cada línea aérea. Si define un **conjunto de categorías múltiples**, los valores se tabulan añadiendo los mismos códigos en las variables elementales juntas. El conjunto de valores resultantes es igual a los de cada una de las variables elementales. Por ejemplo, 30 respuestas para United son la suma de las cinco respuestas de United para la línea aérea 1 y las

25 respuestas de United para la línea aérea 2. Las frecuencias y los porcentajes de las tres líneas aéreas se muestran en una tabla de frecuencias.

Estadísticos. Tablas de frecuencias que muestran recuentos, porcentajes de respuestas, porcentajes de casos, número de casos válidos y número de casos perdidos.

Datos. Utilice conjuntos de respuestas múltiples.

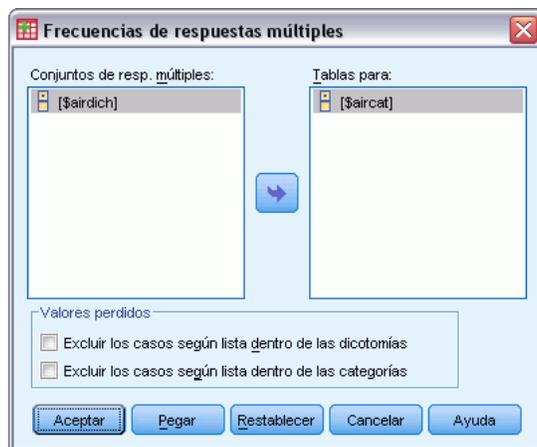
Supuestos. Las frecuencias y los porcentajes proporcionan una descripción útil de los datos de cualquier distribución.

Procedimientos relacionados. El procedimiento Definir conjuntos de respuestas múltiples permite definir este tipo de conjuntos.

Para obtener frecuencias de respuestas múltiples

- En los menús, seleccione:
Analizar > Respuesta múltiple > Frecuencias...

Figura 28-2
Cuadro de diálogo Frecuencias de respuestas múltiples



- Seleccione uno o más conjuntos de respuestas múltiples.

Tablas de contingencia de respuestas múltiples

El procedimiento Tablas de contingencia de respuestas múltiples presenta en forma de tabla de contingencia conjuntos de respuestas múltiples, variables elementales o una combinación. También puede obtener porcentajes de casilla basados en casos o respuestas, modificar la gestión de los valores perdidos u obtener tablas de contingencia emparejadas. Antes debe definir uno o varios conjuntos de respuestas múltiples (véase “Para definir conjuntos de respuestas múltiples”).

Para los conjuntos de dicotomías múltiples, los nombres de categorías que se muestran en los resultados proceden de etiquetas de variable definidas para variables elementales del grupo. Si las etiquetas de variable no están definidas, los nombres de las variables se utilizarán como etiquetas. Para los conjuntos de categorías múltiples, las etiquetas de categoría proceden de las etiquetas de valor de la primera variable del grupo. Si las categorías perdidas para la primera variable están presentes para otras variables del grupo, defina una etiqueta de valor para las categorías perdidas.

El procedimiento muestra las etiquetas de categoría por columnas en tres líneas, con un máximo de ocho caracteres por línea. Para evitar la división de palabras, puede invertir los elementos de las filas y las columnas o volver a definir las etiquetas.

Ejemplo. Tanto los conjuntos de categorías múltiples como los conjuntos de dicotomías múltiples se pueden presentar en forma de tabla de contingencia con otras variables de este procedimiento. Un estudio sobre pasajeros de líneas aéreas solicita a éstos la siguiente información: Marque las líneas aéreas con las que ha volado al menos una vez en los seis últimos meses (American, United, TWA). ¿Qué considera más importante a la hora de seleccionar un vuelo, el horario o el servicio? Seleccione sólo uno. Después de introducir los datos como dicotomías o categorías múltiples y combinarlos en un conjunto, puede presentar en forma de tabla de contingencia las selecciones de línea aérea con la pregunta relativa al servicio o al horario.

Estadísticos. Tabla de contingencia con recuentos de casilla, fila, columna y totales, así como porcentajes de casilla, fila, columna y totales. Los porcentajes de casilla se basan en casos o respuestas.

Datos. Utilice conjuntos de respuestas múltiples o variables categóricas numéricas.

Supuestos. Las frecuencias y los porcentajes proporcionan una útil descripción de los datos de cualquier distribución.

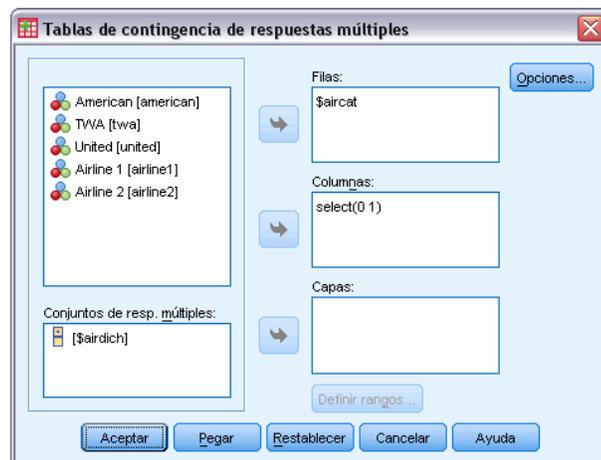
Procedimientos relacionados. El procedimiento Definir conjuntos de respuestas múltiples permite definir este tipo de conjuntos.

Para obtener tablas de contingencia de respuestas múltiples

- En los menús, seleccione:
Analizar > Respuesta múltiple > Tablas de contingencia...

Figura 28-3

Cuadro de diálogo Tablas de contingencia de respuestas múltiples



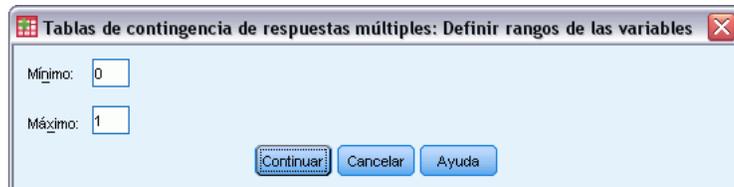
- Seleccione una o más variables numéricas o conjuntos de respuestas múltiples para cada dimensión de la tabla de contingencia.
- Defina el rango de cada variable elemental.

Si lo desea, puede obtener una tabla de contingencia de doble clasificación para cada categoría de una variable de control o conjunto de respuestas múltiples. Seleccione uno o varios elementos para la lista Capas.

Tablas de respuestas múltiples: Definir rangos de las variables

Figura 28-4

Cuadro de diálogo Tablas de respuestas múltiples: Definir rangos de las variables

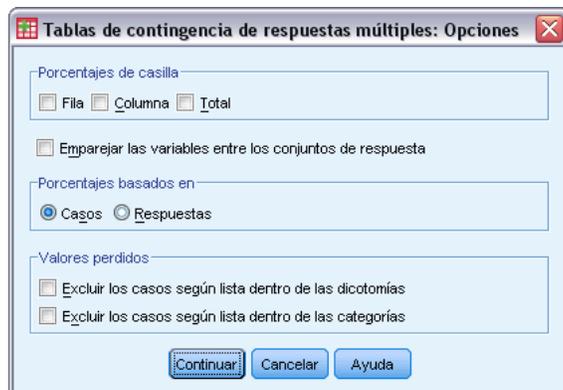


Los rangos de valores deben definirse para cualquier variable elemental de la tabla de contingencia. Introduzca los valores enteros de categoría máximos y mínimos que desee tabular. Las categorías que estén fuera del rango se excluyen del análisis. Se entiende que los valores que estén dentro del rango inclusivo son enteros (los no enteros quedan truncados).

Tablas de contingencia de respuestas múltiples: Opciones

Figura 28-5

Cuadro de diálogo Tablas de contingencia de respuestas múltiples: Opciones



Porcentajes de casilla. Las frecuencias de la casilla siempre se muestran. Puede elegir entre mostrar los porcentajes de fila, los de columna o los de tabla de doble clasificación (totales).

Porcentajes basados en. Los porcentajes de casilla pueden basarse en casos (o encuestados). Esta opción no estará disponible si selecciona la concordancia de variables en conjuntos de categorías múltiples. También se pueden basar en las respuestas. Para los conjuntos de dicotomías múltiples, el número de respuestas es igual al número de valores contados por los casos. Para los conjuntos de categorías múltiples, el número de respuestas es el número de valores del rango definido.

Valores perdidos. Puede elegir una o ambas de las siguientes opciones:

- **Excluir los casos según lista dentro de las dicotomías.** Excluye los casos con valores perdidos en cualquier variable de la tabulación del conjunto de dicotomías múltiples. Esto sólo se aplica a conjuntos de respuestas múltiples definidos como conjuntos de dicotomías. Por defecto, un caso se considera perdido para un conjunto de dicotomías múltiples si ninguna de sus variables que lo componen contiene el valor contado. Los casos con valores perdidos para algunas variables, pero no todas, se incluyen en las tabulaciones del grupo si al menos una variable contiene el valor contado.
- **Excluir los casos según lista dentro de las categorías.** Excluye los casos con valores perdidos en cualquier variable de la tabulación del conjunto de categorías múltiples. Esto sólo se aplica a conjuntos de respuestas múltiples definidos como conjuntos de categorías. Por defecto, un caso se considera perdido para un conjunto de categorías múltiples sólo si ninguno de sus componentes tiene valores válidos dentro del rango definido.

Por defecto, cuando se presentan dos conjuntos de categorías múltiples en forma de tabla de contingencia, el procedimiento tabula cada variable del primer grupo con cada variable del segundo y suma las frecuencias de cada casilla; de esta forma, algunas respuestas pueden aparecer más de una vez en una tabla. Puede seleccionar la opción siguiente:

Emparejar las variables entre los conjuntos de respuesta. Empareja la primera variable del primer grupo con la primera variable del segundo, y así sucesivamente. Si selecciona esta opción, el procedimiento basará los porcentajes de casilla en las respuestas en lugar de hacerlo en los encuestados. El emparejamiento no está disponible para conjuntos de dicotomías múltiples o variables elementales.

Funciones adicionales del comando MULT RESPONSE

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Obtener tablas de contingencia de hasta cinco dimensiones (con el subcomando `BY`).
- Cambiar las opciones de formato de los resultados, incluyendo la supresión de etiquetas de valor (con el subcomando `FORMAT`).

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Informes de los resultados

Los listados de casos y los estadísticos descriptivos son herramientas básicas para estudiar y presentar los datos. Puede obtener listados de casos con el Editor de datos o el procedimiento Resumir, frecuencias y estadísticos descriptivos con el procedimiento Frecuencias, y estadísticos de subpoblación con el procedimiento Medias. Cada uno utiliza un formato diseñado para que la información sea clara. Si desea ver la información con otro formato, las opciones Informe de estadísticos en filas e Informe de estadísticos en columnas le ofrecen el control que precisa para presentar los datos.

Informe de estadísticos en filas

Informe de estadísticos en filas genera informes en los cuales se presentan distintos estadísticos de resumen en filas. También se encuentran disponibles listados de los casos, con o sin estadísticos de resumen.

Ejemplo. Una empresa con una cadena de tiendas registra los datos de sus empleados, incluyendo el salario, el cargo, la tienda y la sección en la que trabaja cada uno. Se podría generar un informe que proporcione los datos individuales de cada empleado (listado) desglosados por tienda y sección (variables de ruptura), con estadísticos de resumen (por ejemplo, el salario medio) por tienda, sección y sección dentro de cada tienda.

Columnas de datos. Muestra una lista de las variables del informe para las que desea obtener el listado de los casos o los estadísticos de resumen y controla el formato de presentación de las columnas de datos.

Romper columnas por. Muestra una lista de las variables de ruptura opcionales que dividen el informe en grupos y controla los estadísticos de resumen y los formatos de presentación de las columnas de ruptura. Si hay varias variables de ruptura, se creará un grupo distinto para cada una de las categorías de las variables de ruptura dentro de las categorías de la variable de ruptura anterior en la lista. Las variables de ruptura deben ser variables categóricas discretas que dividan los casos en un número limitado de categorías con sentido. Los valores individuales de cada variable de ruptura aparecen ordenados en una columna distinta situada a la izquierda de todas las columnas de datos.

Informe. Controla las características globales del informe, incluyendo los estadísticos de resumen globales, la presentación de los valores perdidos, la numeración de las páginas y los títulos.

Mostrar casos. Muestra los valores reales (o etiquetas de valor) de las variables de la columna de datos para cada caso. Esto genera un informe a modo de listado, que puede ser mucho más largo que un informe de resumen.

Presentación preliminar. Muestra sólo la primera página del informe. Esta opción es útil para ver una presentación preliminar del formato del informe sin tener que procesar el informe completo.

Los datos están ordenados. Para los informes con variables de ruptura, el archivo de datos se debe ordenar por los valores de estas variables antes de generar el informe. Si el archivo de datos ya está ordenado por estos valores, se puede ahorrar tiempo de procesamiento seleccionando esta opción. Esta opción es especialmente útil después de generar la presentación preliminar de un informe.

Para obtener un informe de resumen: Estadísticos en filas

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Informes > Informe de estadísticos en filas...
- ▶ Seleccione una o más variables para las columnas de datos. En el informe se genera una columna para cada variable seleccionada.
- ▶ Para los informes ordenados y mostrados por subgrupos, seleccione una o más variables para Romper columnas por.
- ▶ Para los informes con estadísticos de resumen para los subgrupos definidos por las variables de ruptura, seleccione la variable de ruptura de la lista Romper columnas por y pulse en Resumen, en la sección Romper columnas por, para especificar las medidas de resumen.
- ▶ Para los informes con estadísticos de resumen globales, pulse en Resumen para especificar las medidas de resumen.

Figura 29-1
Cuadro de diálogo Informe: Estadísticos en filas



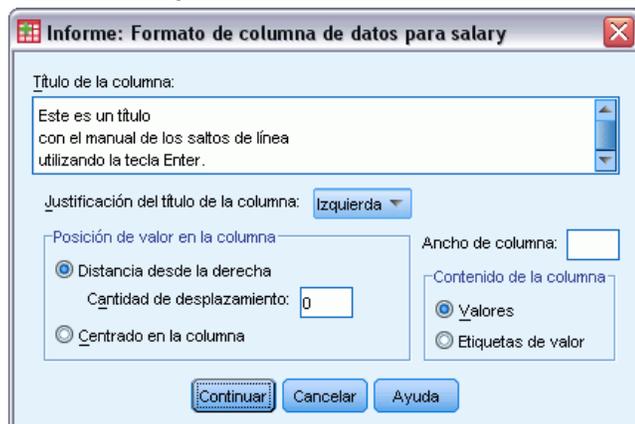
Formato de las columnas de datos y de la ruptura de columnas del informe

Los cuadros de diálogo de formato controlan los títulos y el ancho de las columnas, la alineación del texto y la presentación de los valores de los datos o de las etiquetas de valor. El formato de las columnas de datos controla el formato de las columnas de datos situadas en la parte derecha

de la página del informe. La opción Formato de ruptura controla el formato de las columnas de ruptura situadas en la parte izquierda.

Figura 29-2

Cuadro de diálogo Informe: Formato de columna de datos



Título de la columna. Para la variable seleccionada, controla el título de la columna. Los títulos largos se ajustan de forma automática dentro de la columna. Utilice la tecla Intro para insertar manualmente líneas de separación donde desee ajustar los títulos.

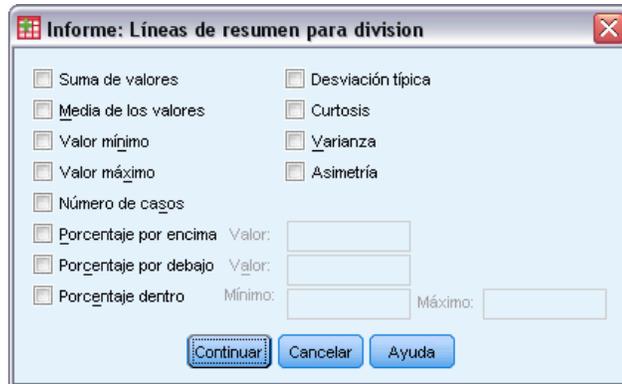
Posición de valor en la columna. Para la variable seleccionada, controla la alineación de los valores de los datos o de las etiquetas de valor dentro de la columna. La alineación de los valores o de las etiquetas no afecta a la alineación de los encabezados de las columnas. Puede sangrar el contenido de la columna por un número específico de caracteres o centrar el contenido.

Contenido de la columna. Para la variable seleccionada, controla la presentación de los valores de los datos o de las etiquetas de valor definidas. Los valores de los datos siempre se muestran para cualquier valor que no tenga etiquetas de valor definidas. No se encuentra disponible para las columnas de datos en los informes estadísticos en columnas.

Líneas de resumen finales y Líneas de resumen del informe

Los dos cuadros de diálogo Líneas de resumen controlan la presentación de los estadísticos de resumen para los grupos de ruptura y para el informe entero. Líneas de resumen controla los estadísticos de subgrupo para cada categoría definida por las variables de ruptura. Líneas de resumen finales controla los estadísticos globales que se muestran al final del informe.

Figura 29-3
Cuadro de diálogo Informe: Líneas de resumen

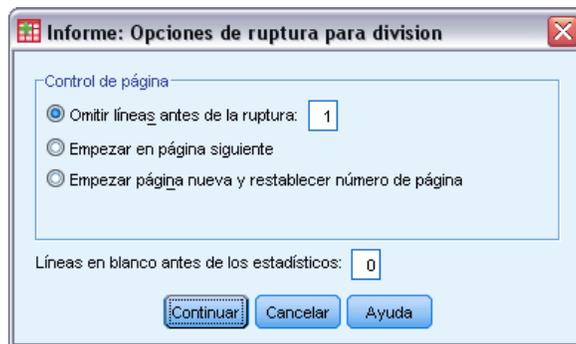


Los estadísticos de resumen disponibles son: suma, media, valor mínimo, valor máximo, número de casos, porcentaje de casos por encima y por debajo de un valor especificado, porcentaje de casos dentro de un rango de valores especificado, desviación típica, curtosis, varianza y asimetría.

Opciones de ruptura del informe

Opciones de ruptura controla el espaciado y la paginación de la información de la categoría de ruptura.

Figura 29-4
Cuadro de diálogo Informe: Opciones de ruptura



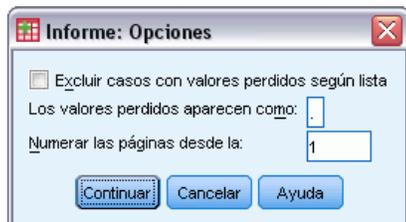
Control de página. Controla el espaciado y la paginación para las categorías de la variable de ruptura seleccionada. Puede especificar un número de líneas en blanco entre las categorías de ruptura o empezar cada categoría de ruptura en una página nueva.

Líneas en blanco antes de los estadísticos. Controla el número de líneas en blanco entre las etiquetas o los datos de la categoría de ruptura y los estadísticos de resumen. Esta opción es especialmente útil para los informes combinados que incluyan tanto el listado de los casos individuales como los estadísticos de resumen para las categorías de ruptura; en estos informes puede insertar un espacio entre el listado de los casos y los estadísticos de resumen.

Opciones del informe

Informe: Opciones controla el tratamiento y la presentación de los valores perdidos y la numeración de las páginas del informe.

Figura 29-5
Cuadro de diálogo Informe: Opciones



Excluir casos con valores perdidos según lista. Elimina (del informe) cualquier caso con valores perdidos para cualquier variable del informe.

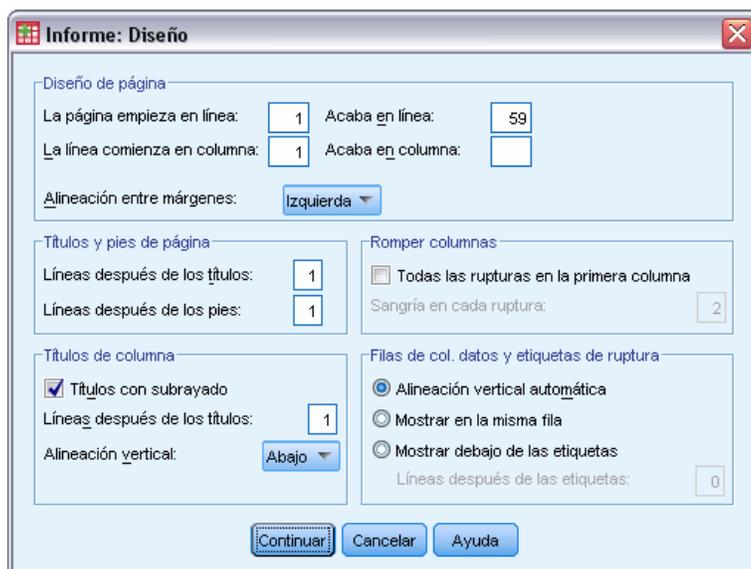
Los valores perdidos aparecen como. Permite especificar el símbolo que representa los valores perdidos en el archivo de datos. Este símbolo sólo puede tener un carácter y se utiliza para representar tanto los valores **perdidos del sistema** como los valores **perdidos definidos por el usuario**.

Numerar las páginas desde la. Permite especificar un número de página para la primera página del informe.

Diseño del informe

Informe: Diseño controla el ancho y alto de cada página del informe, la ubicación del informe dentro de la página y la inserción de etiquetas y líneas en blanco.

Figura 29-6
Cuadro de diálogo Informe: Diseño



Diseño de página. Controla los márgenes de las páginas expresados en líneas (extremos superior e inferior) y caracteres (a la izquierda y a la derecha) y la alineación del informe entre los márgenes.

Títulos y pies de página. Controla el número de líneas que separan los títulos y los pies de página del cuerpo del informe.

Romper columnas por. Controla la presentación de las columnas de ruptura. Si se especifican diversas variables de ruptura, pueden situarse en columnas diferentes o en la primera columna. Si se colocan todas en la primera columna, se generará un informe más estrecho.

Títulos de columna. Controla la presentación de los títulos de columna, incluyendo el subrayado de títulos, el espacio entre los títulos y el cuerpo del informe y la alineación vertical de los títulos de columna.

Filas de col. datos y etiquetas de ruptura. Controla la ubicación de la información de las columnas de datos (valores de datos o estadísticos de resumen) en relación con las etiquetas de ruptura al principio de cada categoría de ruptura. La primera fila de información puede empezar en la misma línea que la etiqueta de categoría de ruptura o en un número de líneas posterior especificado. Esta sección no se encuentra disponible para los informes de estadísticos en columnas.

Títulos del informe

Informe: Títulos controla el contenido y la ubicación de los títulos y los pies de página del informe. Puede especificar un máximo de diez líneas de títulos de página y otras tantas de pies de página, con componentes justificados a la izquierda, en el centro y a la derecha en cada línea.

Figura 29-7
Cuadro de diálogo Informe: Títulos



Si inserta variables en los títulos o en los pies de página, la etiqueta de valor o el valor de la variable actual aparecerá en el título o en el pie de página. Para los títulos se mostrará la etiqueta de valor correspondiente al valor de la variable al principio de la página; para los pies de página, esta etiqueta se mostrará al final de la página. Si no hay etiqueta de valor, se mostrará el valor real.

Variables especiales. Las variables especiales *DATE* y *PAGE* permiten insertar la fecha actual o el número de página en cualquier línea de un encabezado o pie del informe. Si el archivo de datos contiene variables llamadas *DATE* o *PAGE*, no podrá utilizar estas variables en los títulos ni en los pies del informe.

Informe de estadísticos en columnas

Informe de estadísticos en columnas genera informes de resumen en los que diversos estadísticos de resumen aparecen en columnas distintas.

Ejemplo. Una empresa con una cadena de tiendas registra la información de los empleados, incluyendo el salario, el cargo y la sección en la que trabaja cada uno. Se podría generar un informe que proporcione los estadísticos de salario resumidos (por ejemplo, media, mínimo y máximo) para cada sección.

Columnas de datos. Muestra una lista de las variables del informe para las que se desea obtener estadísticos de resumen y controla el formato de presentación y los estadísticos de resumen mostrados para cada variable.

Romper columnas por. Muestra una lista de las variables de segmentación opcionales que dividen el informe en grupos y controla los formatos de presentación de las columnas de ruptura. Si hay varias variables de ruptura, se creará un grupo distinto para cada una de las categorías de las variables de ruptura dentro de las categorías de la variable de ruptura anterior en la lista. Las variables de ruptura deben ser variables categóricas discretas que dividan los casos en un número limitado de categorías con sentido.

Informe. Controla las características globales del informe, incluyendo la presentación de los valores perdidos, la numeración de las páginas y los títulos.

Presentación preliminar. Muestra sólo la primera página del informe. Esta opción es útil para ver una presentación preliminar del formato del informe sin tener que procesar el informe completo.

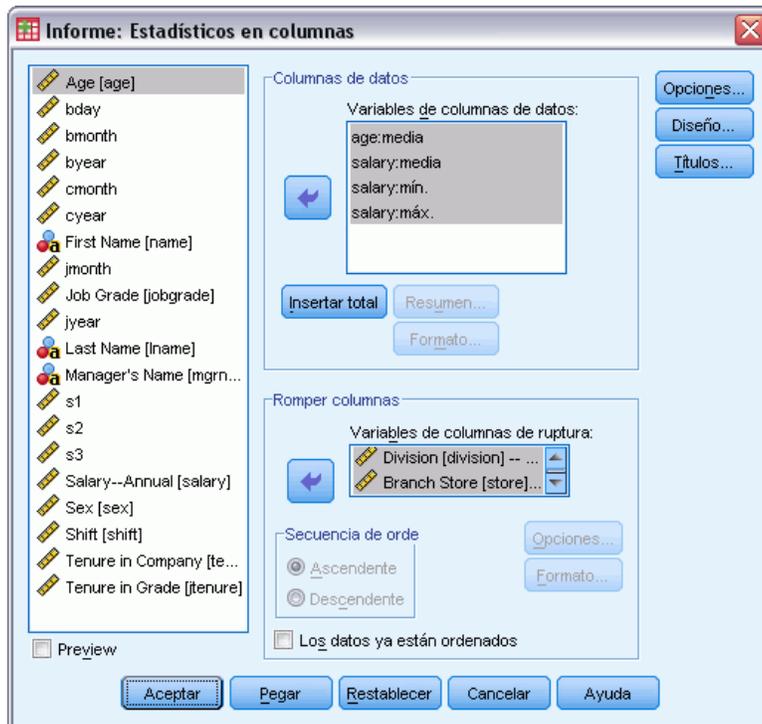
Los datos están ordenados. Para los informes con variables de ruptura, el archivo de datos se debe ordenar por los valores de estas variables antes de generar el informe. Si el archivo de datos ya está ordenado por estos valores, se puede ahorrar tiempo de procesamiento seleccionando esta opción. Esta opción es especialmente útil después de generar la presentación preliminar de un informe.

Para obtener un informe de resumen: Estadísticos en columnas

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Informes > Informe de estadísticos en columnas...
- ▶ Seleccione una o más variables para las columnas de datos. En el informe se genera una columna para cada variable seleccionada.

- ▶ Para cambiar la medida de resumen para una variable, seleccione la variable de la lista de columnas de datos y pulse en Resumen.
- ▶ Para obtener más de una medida de resumen para una variable, seleccione la variable en la lista de origen y desplácela hasta la lista Columnas de datos varias veces, una para cada medida que desee obtener.
- ▶ Para mostrar una columna con la suma, la media, la razón o cualquier otra función de las columnas existentes, pulse en Insertar total. Al hacerlo se situará una variable llamada *total* en la lista Columnas de datos.
- ▶ Para los informes ordenados y mostrados por subgrupos, seleccione una o más variables para Romper columnas por.

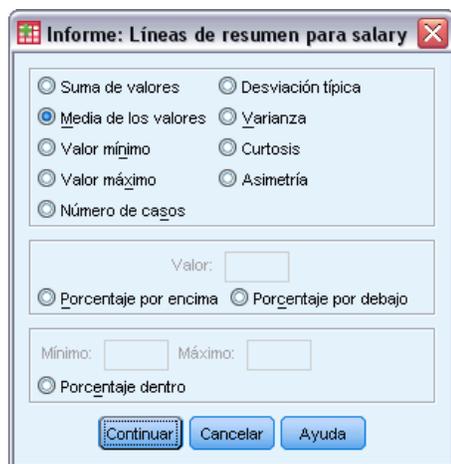
Figura 29-8
Cuadro de diálogo Informe: Estadísticos en las columnas



Función Columna de resumen total

Líneas de resumen controla el estadístico de resumen mostrado para la variable de las columnas de datos seleccionada.

Figura 29-9
Cuadro de diálogo Informe: Líneas de resumen



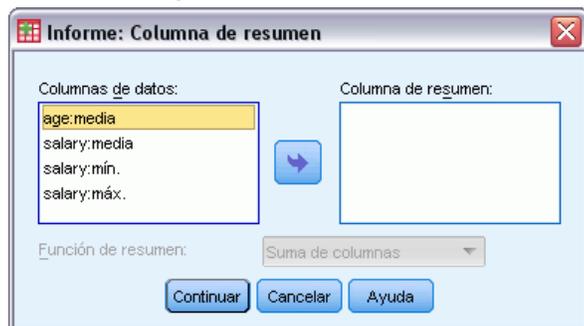
Los estadísticos de resumen disponibles son: suma, media, valor mínimo, valor máximo, número de casos, porcentaje de casos por encima y por debajo de un valor especificado, porcentaje de casos dentro de un rango de valores especificado, desviación típica, varianza, curtosis y asimetría.

Columna de resumen total

Columna de resumen controla los estadísticos de resumen del total que resumen dos o más columnas de datos.

Los estadísticos de resumen del total son la suma de columnas, la media de columnas, el mínimo, el máximo, la diferencia entre los valores de dos columnas, el cociente de los valores de una columna dividido por los valores de otra y el producto de los valores de las columnas multiplicados entre sí.

Figura 29-10
Cuadro de diálogo Informe: Columna de resumen



Suma de columnas. La columna *total* es la suma de las columnas de la lista Columna de resumen.

Media de columnas. La columna *total* es la media de las columnas de la lista Columna de resumen.

Mínimo de columnas. La columna *total* es el mínimo de las columnas de la lista Columna de resumen.

Máximo de columnas. La columna *total* es el máximo de las columnas de la lista Columna de resumen.

1ª columna – 2ª columna. La columna *total* es la resta de las columnas de la lista Columna de resumen. Esta lista debe contener, exactamente, dos columnas.

1ª columna / 2ª columna. La columna *total* es el cociente de las columnas de la lista Columna de resumen. Esta lista debe contener, exactamente, dos columnas.

% 1ª columna / 2ª columna. La columna *total* es el porcentaje de la primera columna dividido por la segunda columna de la lista Columna de resumen. Esta lista debe contener, exactamente, dos columnas.

Producto de columnas. La columna *total* es el producto de las columnas de la lista Columna de resumen.

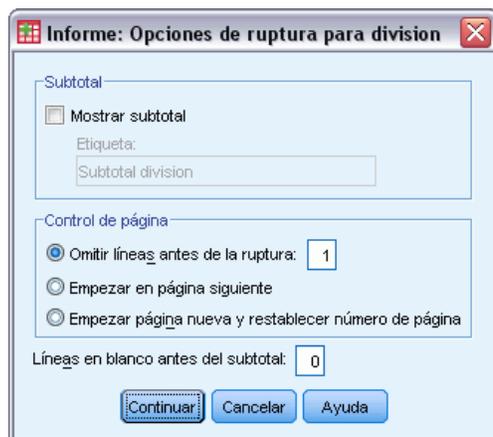
Formato de columna del informe

Las opciones de formato de columna de ruptura y de datos para el informe de estadísticos en columnas son las mismas que las descritas para el informe de estadísticos en filas.

Opciones de la ruptura de columnas para los estadísticos en el informe

Opciones de ruptura controla la presentación del subtotal, el espaciado y la paginación para las categorías de ruptura.

Figura 29-11
Cuadro de diálogo Informe: Opciones de ruptura



Subtotal. Controla los subtotales mostrados para cada categoría de ruptura.

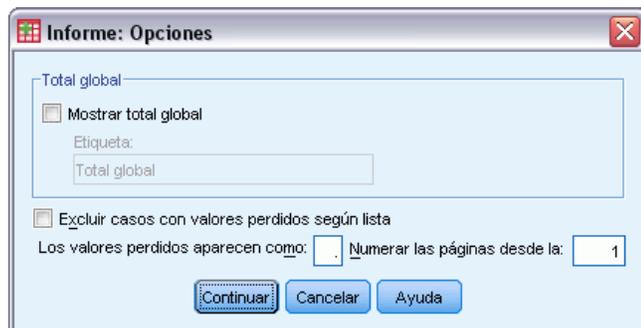
Control de página. Controla el espaciado y la paginación para las categorías de la variable de ruptura seleccionada. Puede especificar un número de líneas en blanco entre las categorías de ruptura o empezar cada categoría de ruptura en una página nueva.

Líneas en blanco antes del subtotal. Controla el número de líneas en blanco entre los datos de las categorías de ruptura y los subtotales.

Opciones de columnas para los estadísticos en el informe

Opciones controla la presentación de los totales finales y de los valores perdidos y la paginación de los informes de estadísticos en columnas.

Figura 29-12
Cuadro de diálogo Informe: Opciones



Total final. Muestra y etiqueta un total global para cada columna que aparece al final de la columna.

Valores perdidos. Permite excluir los valores perdidos del informe o seleccionar un único carácter para indicar estos valores.

Diseño del informe para los estadísticos en columnas

Las opciones de diseño para el informe de estadísticos en columnas son las mismas que las descritas para el informe de estadísticos en filas.

Funciones adicionales del comando REPORT

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Mostrar funciones de resumen diferentes en las columnas de una única línea de resumen.
- Insertar líneas de resumen en las columnas de datos para variables que no sean la variable de la columna de datos o para diversas combinaciones (funciones compuestas) de las funciones de resumen.
- Utilizar Mediana, Moda, Frecuencia y Porcentaje como funciones de resumen.
- Controlar de forma más precisa el formato de presentación de los estadísticos de resumen.
- Insertar líneas en blanco en diversos puntos de los informes.
- Insertar líneas en blanco después de cada n -ésimo caso de los informes en formato de listado.

Debido a la complejidad de la sintaxis de REPORT, a la hora de construir un nuevo informe con sintaxis puede resultarle útil, para aproximar el informe generado a partir de los cuadros de diálogo, copiar y pegar la sintaxis correspondiente y depurar esa sintaxis para generar exactamente el informe que le interese.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Análisis de fiabilidad

El análisis de fiabilidad permite estudiar las propiedades de las escalas de medición y de los elementos que componen las escalas. El procedimiento Análisis de fiabilidad calcula un número de medidas de fiabilidad de escala que se utilizan normalmente y también proporciona información sobre las relaciones entre elementos individuales de la escala. Se pueden utilizar los coeficientes de correlación intraclase para calcular estimaciones de la fiabilidad inter-evaluadores.

Ejemplo. ¿El cuestionario mide la satisfacción del cliente de manera útil? El análisis de fiabilidad le permitirá determinar el grado en que los elementos del cuestionario se relacionan entre sí, obtener un índice global de la replicabilidad o de la consistencia interna de la escala en su conjunto e identificar elementos problemáticos que deberían ser excluidos de la escala.

Estadísticos. Descriptivos para cada variable y para la escala, estadísticos de resumen comparando los elementos, correlaciones y covarianzas inter-elementos, estimaciones de la fiabilidad, tabla de ANOVA, coeficientes de correlación intraclase, T^{cuadrado} de Hotelling y prueba de aditividad de Tukey.

Modelos. Están disponibles los siguientes modelos de fiabilidad:

- **Alfa (Cronbach).** Este modelo es un modelo de consistencia interna, que se basa en la correlación inter-elementos promedio.
- **Dos mitades.** Este modelo divide la escala en dos partes y examina la correlación entre dichas partes.
- **Guttman.** Este modelo calcula los límites inferiores de Guttman para la fiabilidad verdadera.
- **Paralelo.** Este modelo asume que todos los elementos tienen varianzas iguales y varianzas error iguales a través de las réplicas.
- **Paralelo estricto.** Este modelo asume los supuestos del modelo paralelo y también asume que las medias son iguales a través de los elementos.

Datos. Los datos pueden ser dicotómicos, ordinales o de intervalo, pero deben estar codificados numéricamente.

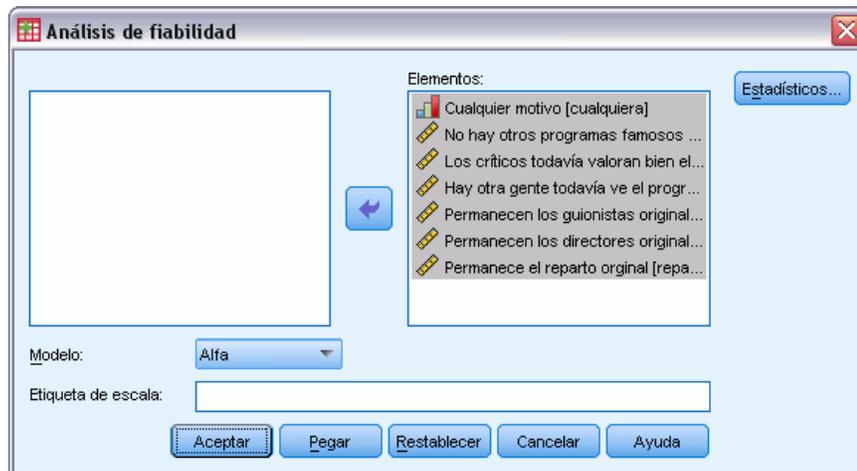
Supuestos. Las observaciones deben ser independientes y los errores no deben estar correlacionados entre los elementos. Cada par de elementos debe tener una distribución normal bivariada. Las escalas deben ser aditivas, de manera que cada elemento esté linealmente relacionado con la puntuación total.

Procedimientos relacionados. Si desea explorar la dimensionalidad de los elementos de la escala (para comprobar si es necesario más de un constructo para explicar el patrón de puntuaciones en los elementos), utilice el Análisis factorial o el Escalamiento multidimensional. Para identificar grupos homogéneos de variables, use el análisis de conglomerados jerárquico para agrupar las variables.

Para obtener un análisis de fiabilidad

- Elija en los menús:
Analizar > Escala > Análisis de fiabilidad...

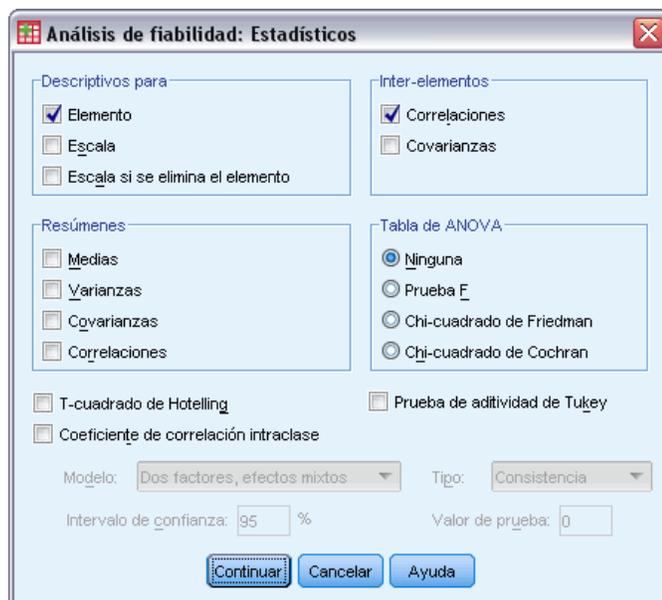
Figura 30-1
Cuadro de diálogo Análisis de fiabilidad



- Seleccione dos o más variables como componentes potenciales de una escala aditiva.
- Elija un modelo de la lista desplegable Modelo.

Análisis de fiabilidad: Estadísticos

Figura 30-2
Cuadro de diálogo Análisis de fiabilidad: Estadísticos



Puede seleccionar diversos estadísticos que describen la escala y sus elementos. Los estadísticos de los que se informa por defecto incluyen el número de casos, el número de elementos y las estimaciones de la fiabilidad, según se explica a continuación:

- **Modelos Alfa.** Coeficiente Alfa; para datos dicotómicos, éste es equivalente al coeficiente 20 de Kuder-Richardson (KR20).
- **Modelos Dos mitades.** Correlación entre formas, fiabilidad de dos mitades de Guttman, fiabilidad de Spearman-Brown (longitud igual y desigual) y coeficiente alfa para cada mitad.
- **Modelos de Guttman.** Coeficientes de fiabilidad lambda 1 a lambda 6.
- **Modelos Paralelo y Estrictamente paralelo.** Prueba de bondad de ajuste del modelo; estimaciones de la varianza error, varianza común y varianza verdadera; correlación común inter-elementos estimada; fiabilidad estimada y estimación de la fiabilidad no sesgada.

Descriptivos para. Genera estadísticos descriptivos para las escalas o los elementos a través de los casos.

- **Elemento.** Genera estadísticos descriptivos para los elementos a través de los casos.
- **Escala.** Genera estadísticos descriptivos para las escalas.
- **Escala si se elimina el elemento.** Muestra estadísticos de resumen para comparar cada elemento con la escala compuesta por otros elementos. Los estadísticos incluyen la media de escala y la varianza si el elemento fuera a eliminarse de la escala, la correlación entre el elemento y la escala compuesta por otros elementos, y alfa de Cronbach si el elemento fuera a eliminarse de la escala.

Resúmenes. Proporciona estadísticos descriptivos sobre las distribuciones de los elementos a través de todos los elementos de la escala.

- **Medias.** Estadísticos de resumen de las medias de los elementos. Se muestran el máximo, el mínimo y el promedio de las medias de los elementos, el rango y la varianza de las medias de los elementos, y la razón de la mayor media sobre la menor media de los elementos.
- **Varianzas.** Estadísticos de resumen de las varianzas de los elementos. Se muestran el máximo, el mínimo y el promedio de las varianzas de los elementos, el rango y la varianza de las varianzas de los elementos y la razón de la mayor varianza sobre la menor varianza de los elementos.
- **Covarianzas.** Estadísticos de resumen de las covarianzas entre los elementos. Se muestran el máximo, el mínimo y el promedio de las covarianzas inter-elementos, el rango y la varianza de las covarianzas inter-elementos, y la razón de la mayor sobre la menor covarianza inter-elementos.
- **Correlaciones.** Estadísticos de resumen para las correlaciones entre los elementos. Se muestran el máximo, el mínimo y el promedio de las correlaciones inter-elementos, el rango y la varianza de las correlaciones inter-elementos, y la razón de la mayor correlación sobre la menor correlación inter-elementos.

Inter-elementos. Genera las matrices de correlaciones o covarianzas entre los elementos.

Tabla de ANOVA. Produce pruebas de medias iguales.

- **Prueba F.** Muestra la tabla de un análisis de varianza de medidas repetidas.

- **Chi-cuadrado de Friedman.** Muestra el chi-cuadrado de Friedman y el coeficiente de concordancia de Kendall. Esta opción es adecuada para datos que se encuentren en el formato de rangos. La prueba de chi-cuadrado sustituye a la prueba F habitual en la tabla de ANOVA.
- **Chi-cuadrado de Cochran.** Muestra la Q de Cochran. Esta opción es adecuada para datos dicotómicos. El estadístico Q sustituye a la F habitual en la tabla de ANOVA.

T-cuadrado de Hotelling. Genera un contraste multivariado sobre la hipótesis nula de que todos los elementos de la escala tienen la misma media.

Prueba de aditividad de Tukey. Genera un contraste sobre el supuesto de que no existe una interacción multiplicativa entre los elementos.

Coefficiente de correlación intraclase. Genera medidas sobre la consistencia o sobre el acuerdo de los valores entre los propios casos.

- **Modelo.** Seleccione el modelo para calcular el coeficiente de correlación intraclase. Los modelos disponibles son: Dos factores, efectos mixtos; Dos factores, efectos aleatorios y Un factor, efectos aleatorios. Seleccione Dos factores, efectos mixtos, si los efectos de personas son aleatorios y los efectos de elementos son fijos, Dos factores, efectos aleatorios, si los efectos de personas y los efectos de elementos son aleatorios; o Un factor, efectos aleatorios si los efectos de personas son aleatorios.
- **Tipo.** Seleccione el tipo de índice. Los tipos disponibles son: Los tipos disponibles son: Consistencia y Acuerdo absoluto.
- **Intervalo de confianza.** Especifica el nivel para el intervalo de confianza. El valor por defecto es 95%.
- **Valor de prueba.** Especifica el valor hipotetizado para el coeficiente, para el contraste de hipótesis. Este valor es el valor con el que se compara el valor observado. El valor por defecto es 0.

Funciones adicionales del comando RELIABILITY

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Leer y analizar una matriz de correlaciones.
- Escribir una matriz de correlaciones para su análisis posterior.
- Especificar una división distinta de la de dos mitades iguales, para el método de dos mitades.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Escalamiento multidimensional

El escalamiento multidimensional trata de encontrar la estructura de un conjunto de medidas de distancia entre objetos o casos. Esta tarea se logra asignando las observaciones a posiciones específicas en un espacio conceptual (normalmente de dos o tres dimensiones) de modo que las distancias entre los puntos en el espacio concuerden al máximo con las disimilaridades dadas. En muchos casos, las dimensiones de este espacio conceptual son interpretables y se pueden utilizar para comprender mejor los datos.

Si las variables se han medido objetivamente, puede utilizar el escalamiento multidimensional como técnica de reducción de datos (el procedimiento Escalamiento multidimensional permitirá calcular las distancias a partir de los datos multivariados, si es necesario). El escalamiento multidimensional puede también aplicarse a valoraciones subjetivas de disimilaridad entre objetos o conceptos. Además, el procedimiento Escalamiento multidimensional puede tratar datos de disimilaridad procedentes de múltiples fuentes, como podrían ser múltiples evaluadores o múltiples sujetos evaluados por un cuestionario.

Ejemplo. ¿Cómo percibe el público las diferencias entre distintos coches? Si posee datos de las valoraciones de similaridad emitidas por los sujetos sobre las diferentes marcas y modelos de coches, puede utilizar el escalamiento multidimensional para identificar las dimensiones que describan las preferencias de los consumidores. Puede encontrar, por ejemplo, que el precio y el tamaño de un vehículo definen un espacio de dos dimensiones, capaz de explicar las similitudes de las que informan los encuestados.

Estadísticos. Para cada modelo: Matriz de datos, Matriz de datos escalada óptimamente, S-stress (de Young), Stress (de Kruskal), R^2 , Coordenadas de los estímulos, Stress promedio y R^2 para cada estímulo (modelos RMDS). Para modelos de diferencias individuales (INDSCAL): ponderaciones del sujeto e índice de peculiaridad para cada sujeto. Para cada matriz en los modelos de escalamiento multidimensional replicado: stress y R^2 para cada estímulo. Gráficos: coordenadas de los estímulos (de dos o tres dimensiones), diagrama de dispersión de las disparidades frente a las distancias.

Datos. Si los datos son de disimilaridad, todas las disimilaridades deben ser cuantitativas y deben estar medidas en la misma métrica. Si los datos son datos multivariantes, las variables pueden ser datos cuantitativos, binarios o de recuento. El escalamiento de las variables es un tema importante, ya que las diferencias en el escalamiento pueden afectar a la solución. Si las variables tienen grandes diferencias en el escalamiento (por ejemplo, una variable se mide en dólares y otra en años), debe considerar la posibilidad de tipificarlas (este proceso puede llevarse a cabo automáticamente con el propio procedimiento Escalamiento multidimensional).

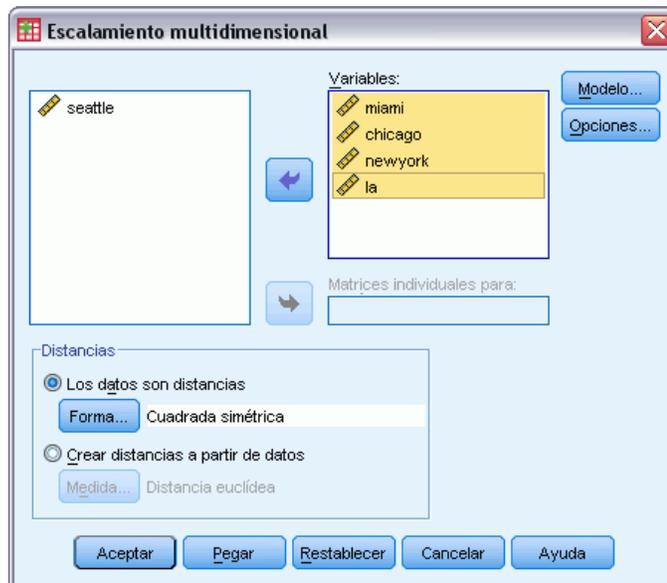
Supuestos. El procedimiento Escalamiento multidimensional está relativamente libre de supuestos distribucionales. Compruebe que selecciona el nivel de medida adecuado (ordinal, de intervalo, o de razón) en el cuadro de diálogo Escalamiento multidimensional: Opciones para asegurar que los resultados se calculan correctamente.

Procedimientos relacionados. Si su objetivo es la reducción de los datos, un método alternativo a tener en cuenta es el análisis factorial, sobre todo si las variables son cuantitativas. Si desea identificar grupos de casos similares, considere complementar el análisis de escalamiento multidimensional con un análisis de conglomerados jerárquico o de k -medias.

Para obtener un análisis de escalamiento multidimensional

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Escala > Escalamiento multidimensional...

Figura 31-1
Cuadro de diálogo Escalamiento multidimensional



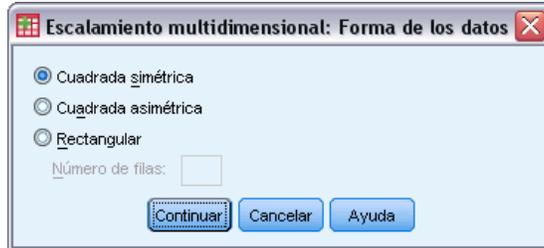
- ▶ Seleccione al menos cuatro variables para su análisis.
- ▶ En el grupo Distancias, seleccione Los datos son distancias o Crear distancias a partir de datos.
- ▶ Si selecciona Crear distancias a partir de datos, también podrá seleccionar una variable de agrupación para matrices individuales. La variable de agrupación puede ser numérica o de cadena.

Si lo desea, tiene la posibilidad de:

- Especifique la forma de la matriz de distancias cuando los datos sean distancias.
- Especifique la medida de distancia que hay que utilizar al crear distancias a partir de datos.

Escalamiento multidimensional: Forma de los datos

Figura 31-2
Cuadro de diálogo Escalamiento multidimensional: Forma

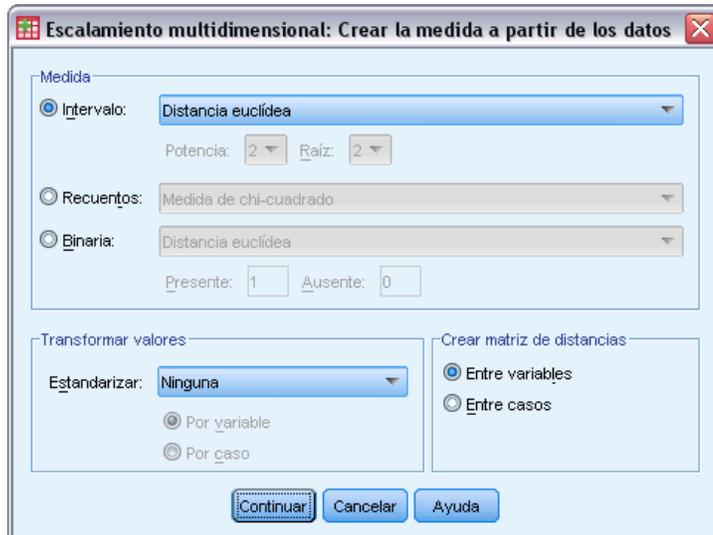


Si el conjunto de datos activo representa distancias entre uno o dos conjuntos de objetos, especifique la forma de la matriz de datos para obtener los resultados correctos.

Nota: No puede seleccionar Cuadrada simétrica si el cuadro de diálogo Modelo especifica la condicionalidad de filas.

Escalamiento multidimensional: Crear la medida a partir de los datos

Figura 31-3
Cuadro de diálogo Escalamiento multidimensional: Crear la medida a partir de los datos



El escalamiento multidimensional utiliza datos de disimilaridad para crear una solución de escalamiento. Si los datos son datos multivariantes (los valores de las variables que se han medido), debe crear los datos de disimilaridad para poder calcular una solución de escalamiento multidimensional. Puede especificar los detalles para la creación de las medidas de disimilaridad a partir de los datos.

Medida. Le permite especificar la medida de disimilaridad para el análisis. Seleccione una opción del grupo Medida que se corresponda con el tipo de datos y, a continuación, elija una de las medidas de la lista desplegable correspondiente a ese tipo de medida. Las opciones disponibles son:

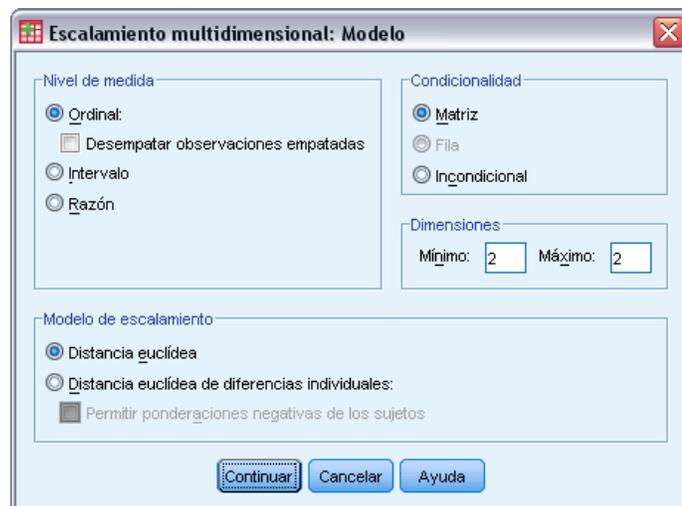
- **Intervalo.** Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, Chebychev, Bloque, Minkowski o Personalizada.
- **Contar apariciones.** Medida de chi-cuadrado o Medida de phi-cuadrado.
- **Binaria.** Distancia euclídea, Distancia euclídea al cuadrado, Diferencia de tamaño, Diferencia de configuración, Varianza o Lance y Williams.

Crear matriz de distancias. Le permite elegir la unidad de análisis. Las opciones son Entre variables o Entre casos.

Transformar valores. En determinados casos, como cuando las variables se miden en escalas muy distintas, puede que desee tipificar los valores antes de calcular las proximidades (no es aplicable a datos binarios). Seleccione un método de estandarización en la lista desplegable Estandarizar. Si no se requiere ninguna estandarización, seleccione Ninguno.

Escalamiento multidimensional: Modelo

Figura 31-4
Cuadro de diálogo Escalamiento multidimensional: Modelo



La estimación correcta de un modelo de escalamiento multidimensional depende de aspectos que atañen a los datos y al modelo en sí.

Nivel de medida. Permite especificar el nivel de medida de los datos. Las opciones son Ordinal, Intervalo y Razón. Si las variables son ordinales, al seleccionar Desempatar observaciones empatadas se solicitará que sean consideradas como variables continuas, de forma que los empates (valores iguales para casos diferentes) se resuelvan óptimamente.

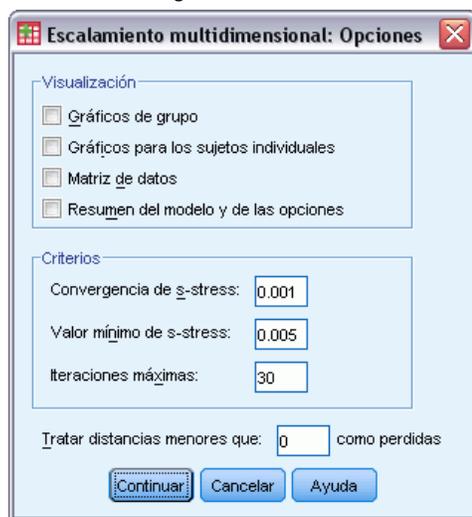
Condicionabilidad. Permite especificar qué comparaciones tienen sentido. Las opciones son Matriz, Fila o Incondicional.

Dimensiones. Permite especificar la dimensionalidad de la solución o soluciones del escalamiento. Se calcula una solución para cada número del rango especificado. Especifique números enteros entre 1 y 6; se permite un mínimo de 1 sólo si selecciona Distancia euclídea como modelo de escalamiento. Para una solución única, especifique el mismo número para el mínimo y el máximo.

Modelo de escalamiento. Permite especificar los supuestos bajo los que se realiza el escalamiento. Las opciones disponibles son Distancia euclídea o Distancia euclídea de diferencias individuales (también conocida como INDSCAL). Para el modelo de Distancia euclídea de diferencias individuales, puede seleccionar Permitir ponderaciones negativas de los sujetos, si es adecuado para los datos.

Escalamiento multidimensional: Opciones

Figura 31-5
Cuadro de diálogo Escalamiento multidimensional: Opciones



Puede especificar opciones para el análisis de escalamiento multidimensional.

Mostrar. Permite seleccionar varios tipos de resultados. Las opciones disponibles son Gráficos de grupo, Gráficos para los sujetos individuales, Matriz de datos y Resumen del modelo y de las opciones.

Criterios. Permite determinar cuándo debe detenerse la iteración. Para cambiar los valores por defecto, introduzca valores para la Convergencia de s-stress, el Valor mínimo de s-stress y el N° máximo de iteraciones.

Tratar distancias menores que n como perdidas. Las distancias menores que este valor se excluyen del análisis.

Funciones adicionales del comando de ALSCAL

Con el lenguaje de sintaxis de comandos también podrá:

- Utilizar tres tipos de modelos adicionales, conocidos como ASCAL, AINDS y GEMSCAL en la literatura acerca del escalamiento multidimensional.

- Realizar transformaciones polinómicas en los datos de intervalo y de razón.
- Analizar similitudes (en lugar de distancias) con los datos ordinales.
- Analizar datos nominales.
- Guardar en archivos varias matrices de ponderación y coordenadas y leerlas posteriormente para el análisis.
- Restringir el despliegamiento multidimensional.

Si desea información detallada sobre la sintaxis, consulte la referencia de sintaxis de comandos (*Command Syntax Reference*).

Estadísticos de la razón

El procedimiento Estadísticos de la razón proporciona una amplia lista de estadísticos de resumen para describir la razón entre dos variables de escala.

Se pueden ordenar los resultados por los valores de una variable de agrupación, en orden ascendente o descendente. Se puede eliminar de los resultados el informe de los estadísticos de la razón y almacenar los resultados en un archivo externo.

Ejemplo. ¿Existe una buena uniformidad en la razón entre el precio de tasación y el precio de venta de viviendas en cada una de las cinco regiones? En los resultados, se puede descubrir que la distribución de las razones varía considerablemente entre regiones.

Estadísticos. Mediana, media, media ponderada, intervalos de confianza, coeficiente de dispersión (CDD), coeficiente de variación centrado en la mediana, coeficiente de variación centrado en la media, el diferencial de precio (DRV), desviación típica, desviación absoluta promedio (DAP), rango, valores mínimos y máximos y el índice de concentración calculado dentro de un rango o porcentaje (especificados por el usuario) respecto a la razón mediana.

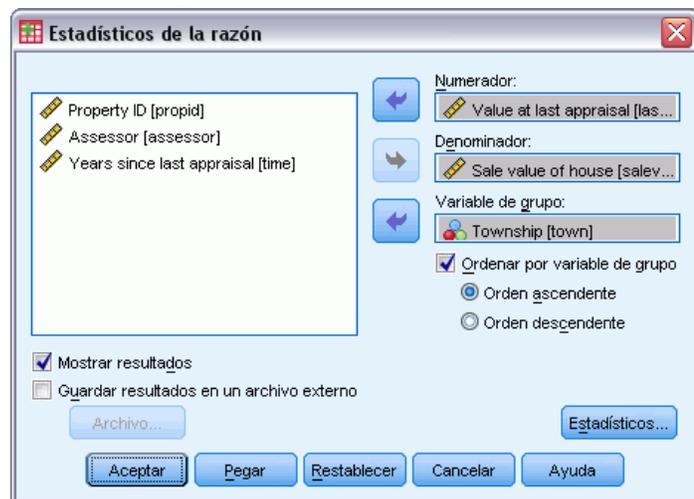
Datos. Utilice códigos numéricos o cadenas para codificar las variables de agrupación (medidas de nivel nominal u ordinal).

Supuestos. Las variables que definen el numerador y el denominador de la razón deben ser variables de escala, que toman valores positivos.

Para obtener estadísticos de la razón

- Elija en los menús:
Analizar > Estadísticos descriptivos > Razón...

Figura 32-1
Cuadro de diálogo Estadísticos de la razón



- ▶ Seleccione una variable de numerador.
- ▶ Seleccione una variable de denominador.

Si lo desea:

- Seleccione una variable de agrupación y especificar el orden de los grupos en los resultados.
- Elija si desea mostrar los resultados en el Visor.
- Elija si desea guardar los resultados en un archivo externo para un uso posterior y especificar el nombre del archivo en el que se van a guardar los resultados.

Estadísticos de la razón

Figura 32-2
Cuadro de diálogo Estadísticos de la razón

Tendencia central. Las medidas de tendencia central son estadísticos que describen la distribución de las razones.

- **Mediana.** Un valor tal que el número de razones menores que este valor es igual al número de razones mayores que el mismo.
- **Media.** El resultado de sumar las razones y dividir la suma entre el número total de razones.
- **Media ponderada.** El resultado de dividir la media del numerador entre la media del denominador. La media ponderada es también la media de las razones ponderadas por el denominador.
- **Intervalos de confianza.** Muestra los intervalos de confianza para la media, la mediana y la media ponderada (si se solicita). Especifique un valor mayor o igual que 0 y menor que 100 como nivel de confianza.

Dispersión. Estos estadísticos miden la cantidad de variación o de dispersión entre los valores observados.

- **DAP.** La desviación absoluta promedio es el resultado de sumar las desviaciones absolutas de las razones respecto a la mediana y dividir el resultado entre el número total de razones.
- **CDD.** El coeficiente de dispersión es el resultado de expresar la desviación absoluta promedio como un porcentaje de la mediana.
- **DRP.** El diferencial relativo al precio, también conocido como el índice de regresibilidad, es el resultado de dividir la media por la media ponderada.
- **CDV centrado en la mediana.** El coeficiente de variación centrado en la mediana es el resultado de expresar la raíz de la media cuadrática de las desviaciones respecto a la mediana como un porcentaje de la mediana.
- **CDV centrado en la media.** El coeficiente de variación centrado en la media es el resultado de expresar la desviación típica como un porcentaje de la media.
- **Desviación típica.** La desviación típica es el resultado de sumar las desviaciones cuadráticas de las razones respecto a la media, dividir la suma por el número total de razones menos uno y extraer la raíz cuadrada positiva.
- **Rango.** El rango es el resultado de restar la razón mínima de la razón máxima.
- **Mínimo.** El mínimo es la razón menor.
- **Máximo.** El máximo es la razón mayor.

Índice de concentración. El coeficiente de concentración mide el porcentaje de razones que están dentro de un intervalo. Se puede calcular de dos maneras:

- **Razones dentro del.** En este caso, el intervalo se define de forma explícita especificando los valores superior e inferior del intervalo. Introduzca valores para las proporciones superior e inferior y pulse en Añadir para obtener un intervalo.
- **Razones en.** En este caso, el intervalo se define de forma implícita al especificar el porcentaje de la mediana. Introduzca un valor entre 0 y 100 y pulse en Añadir. El límite inferior del intervalo será igual a $(1 - 0.01 \times \text{valor}) \times \text{mediana}$, y el límite superior será igual a $(1 + 0.01 \times \text{valor}) \times \text{mediana}$.

Curvas COR

Este procedimiento es un método útil para evaluar la realización de esquemas de clasificación en los que exista una variable con dos categorías por las que se clasifiquen los sujetos.

Ejemplo. Un banco tiene interés en clasificar a sus clientes dependiendo de si se retrasarán o no en el pago de sus préstamos; por tanto, se desarrollan métodos especiales para tomar estas decisiones. Las curvas COR se pueden utilizar para evaluar el grado de acierto de estos métodos.

Estadísticos. Es un área situada bajo la curva COR con un intervalo de confianza y puntos de coordenadas de la curva COR. Gráficos: Curva COR.

Métodos. Se puede calcular la estimación del área situado bajo la curva COR de forma paramétrica o no paramétrica mediante un modelo exponencial binegativo.

Datos. Las variables de contraste son cuantitativas. Las variables de contraste suelen estar constituidas por probabilidades, resultantes de un análisis discriminante o de una regresión logística, o bien compuestas por puntuaciones atribuidas en una escala arbitraria que indican el «grado de convicción» que tiene un evaluador de que el sujeto pueda pertenecer a una u otra categoría. La variable de estado puede ser de cualquier tipo e indicar la categoría real a la que pertenece un sujeto. El valor de la variable de estado indica la categoría que se debe considerar *positiva*.

Supuestos. Se considera que los números ascendentes de la escala del evaluador representan la creciente convicción de que el sujeto pertenece a una categoría. Por el contrario, los números descendentes representan la creciente convicción de que el sujeto pertenece a la otra categoría. El usuario deberá elegir qué dirección es *positiva*. También se considera que se conoce la categoría *real* a la que pertenece el sujeto.

Para obtener una curva COR

- ▶ Elija en los menús:
Analizar > Curva COR...

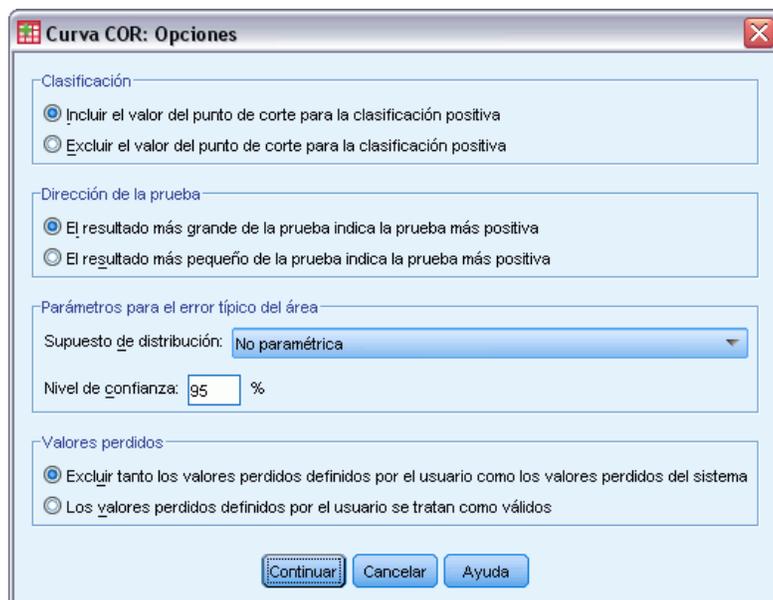
Figura 33-1
Cuadro de diálogo Curva COR



- ▶ Seleccione una o más variables de probabilidad de contraste.
- ▶ Elija una variable de estado.
- ▶ Identifique el valor *positivo* para la variable de estado.

Curvas COR: Opciones

Figura 33-2
Cuadro de diálogo Curva COR: Opciones



Puede seleccionar las opciones siguientes para su análisis:

Clasificación. Permite especificar si se debe incluir o excluir el valor del punto de corte al realizar una clasificación *positiva*. Este ajuste no afecta a los resultados.

Dirección de la prueba. Permite especificar la dirección de la escala según la categoría *positiva*.

Parámetros para el error típico del área. Permite especificar el método de estimación del error típico del área situada bajo la curva. Los métodos disponibles son el no paramétrico y el exponencial binegativo. También se puede establecer el nivel para el intervalo de confianza. El rango disponible es entre el 50,1% y el 99,9%.

Valores perdidos. Permite especificar el tratamiento que reciben los valores perdidos.

Simulación

Los modelos predictivos, como una regresión lineal, requieren un conjunto de entradas conocidas para predecir un resultado o valor de destino. En muchas aplicaciones del mundo real, sin embargo, los valores de las entradas son inciertos. La simulación permite explicar la incertidumbre de las entradas en modelos predictivos y evaluar la posibilidad de varios resultados del modelo en presencia de esa incertidumbre. Por ejemplo, tiene un modelo de beneficio que incluye el coste de los materiales como una entrada, pero hay incertidumbre en ese coste por la volatilidad del mercado. Puede utilizar la simulación para modelar esa incertidumbre y determinar el efecto que tiene en los beneficios.

La simulación de IBM® SPSS® Statistics utiliza el método de Monte Carlo. Las entradas inciertas se modelan con distribuciones de probabilidad (como la distribución triangular), y los valores simulados de esas entradas se generan a partir de esas distribuciones. Las entradas cuyos valores se conocen se mantienen fijas en los valores conocidos. El modelo predictivo se evalúa utilizando un valor simulado para cada entrada incierta y los valores fijos de las entradas conocidas para calcular el destino (u destinos) del modelo. El proceso se repite muchas veces (normalmente decenas de miles o cientos de miles de veces), resultando en una distribución de los valores de destino que es posible utilizar para responder las preguntas de una naturaleza probabilística. En el contexto de SPSS Statistics, cada repetición del proceso genera un caso diferente (registro) de datos que consiste en el conjunto de valores simulados de las entradas inciertas, los valores de las entradas fijas y el destino (o destinos) predichos del modelo.

Para ejecutar una simulación, necesita especificar datos como el modelo predictivo, las distribuciones de probabilidad de las entradas inciertas, las correlaciones entre esas entradas y los valores de entradas fijas. Una vez haya especificado todos los detalles de una simulación, puede ejecutarla y, opcionalmente, guardar las especificaciones en un archivo de **plan de simulación**. Puede compartir el plan de simulación con otros usuarios, que pueden ejecutar la simulación sin necesidad de comprender los detalles de su creación.

Existen dos interfaces disponibles para trabajar con simulaciones. El Generador de simulaciones es una interfaz avanzada para usuarios que diseñan y ejecutan simulaciones. Proporciona el conjunto completo de funciones para diseñar una simulación, guardar las especificaciones en un archivo de plan de simulación, especificar los resultados y ejecutar la simulación. Puede crear una simulación basada en un archivo de modelo de IBM SPSS, o en un conjunto de ecuaciones personalizadas que defina en el Generador de simulaciones. También puede cargar un plan de simulación existente en el Generador de simulaciones, modificar cualquiera de los ajustes y ejecutar la simulación, con la opción adicional de guardar el plan actualizado. Para los usuarios que tengan un plan de simulación y desean preferentemente ejecutar la simulación, existe una interfaz más simple. Permite modificar ajustes que permiten ejecutar la simulación en condiciones diferentes, pero no proporciona todas las funciones del Generador de simulaciones para el diseño de simulaciones.

[Para diseñar una simulación de un modelo predictivo definido en un archivo de modelo](#)

[Para diseñar una simulación del modelo predictivo definido por ecuaciones personalizadas](#)

[Para ejecutar una simulación de un plan de simulación](#)

Para diseñar una simulación basada en un archivo de modelo

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Simulación...

- ▶ Pulse en Seleccionar Archivo modelo SPSS y en Continuar.

- ▶ Abra el archivo de modelo que desee.

El archivo modelo puede ser un archivo XML o ZIP que contenga el PMML modelo creado a partir de IBM® SPSS® Statistics o IBM® SPSS® Modeler. [Si desea obtener más información, consulte el tema Pestaña Modelo el p. 315.](#)

- ▶ En la pestaña Simulación (del Generador de simulaciones), especifique las distribuciones de probabilidad de las entradas simuladas y los valores de entradas fijas. Si el conjunto de datos activo contiene datos históricos de entradas simuladas, pulse en Ajustar todas para determinar automáticamente la mejor distribución de cada entrada, y para determinar las correlaciones entre ellas.
- ▶ Pulse en Ejecutar para ejecutar la simulación. Por defecto, el plan de simulación, que especifica los detalles de la simulación, se guarda en la ubicación especificada en los ajustes de almacenamiento.

También puede intentar lo siguiente:

- Modificar la ubicación del plan de simulación guardado.
- Especificar correlaciones conocidas entre entradas simuladas.
- Especificar los análisis de susceptibilidad para investigar el efecto de variar el valor de una entrada fija o variar un parámetro de distribución de una entrada simulada.
- Especificar opciones avanzadas como, por ejemplo, establecer el número máximo de casos para generar o solicitar muestreos de cola.
- Personalizar los resultados.
- Guardar los datos simulados en un archivo de datos.

Para diseñar una simulación basada en ecuaciones personalizadas

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Simulación...

- ▶ Pulse en Escribir las ecuaciones y en Continuar.

- ▶ Pulse en Nueva ecuación en la pestaña Modelo (del Generador de simulaciones) para definir cada ecuación del modelo predictivo.

- ▶ Pulse en la pestaña Simulación y especifique las distribuciones de probabilidad de entradas simuladas y valores de entradas fijas. Si el conjunto de datos activo contiene datos históricos de entradas simuladas, pulse en Ajustar todas para determinar automáticamente la mejor distribución de cada entrada, y para determinar las correlaciones entre ellas.

- ▶ Pulse en Ejecutar para ejecutar la simulación. Por defecto, el plan de simulación, que especifica los detalles de la simulación, se guarda en la ubicación especificada en los ajustes de almacenamiento.

También puede intentar lo siguiente:

- Modificar la ubicación del plan de simulación guardado.
- Especificar correlaciones conocidas entre entradas simuladas.
- Especificar los análisis de susceptibilidad para investigar el efecto de variar el valor de una entrada fija o variar un parámetro de distribución de una entrada simulada.
- Especificar opciones avanzadas como, por ejemplo, establecer el número máximo de casos para generar o solicitar muestreos de cola.
- Personalizar los resultados.
- Guardar los datos simulados en un archivo de datos.

Para ejecutar una simulación de un plan de simulación

Existen dos opciones disponibles para ejecutar una simulación a partir de un plan de simulación. Puede utilizar el cuadro de diálogo Ejecutar simulación, que está diseñado para ejecutarse a partir de un plan de simulación, o bien puede utilizar el Generador de simulaciones.

Para utilizar el cuadro de diálogo Ejecutar simulación:

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Simulación...
- ▶ Pulse en Abrir un plan de simulación existente.
- ▶ Asegúrese de que la casilla de verificación Abrir en el Generador de simulaciones no está seleccionada y pulse en Continuar.
- ▶ Abra el plan de simulación que desee.
- ▶ Pulse en Ejecutar en el cuadro de diálogo Ejecutar simulación.

También puede intentar lo siguiente:

- Configurar o modificar los análisis de susceptibilidad para investigar el efecto de variar el valor de una entrada fija o variar un parámetro de distribución de una entrada simulada.
- Reajustar las distribuciones y correlaciones de entradas simuladas en nuevos datos.
- Cambiar la distribución de una entrada simulada.
- Personalizar los resultados.
- Guardar los datos simulados en un archivo de datos.

Para ejecutar la simulación del Generador de simulaciones:

- ▶ Seleccione en los menús:
Analizar > Simulación...
- ▶ Pulse en Abrir un plan de simulación existente.
- ▶ Seleccione la casilla de verificación Abrir en el Generador de simulaciones y pulse en Continuar.
- ▶ Abra el plan de simulación que desee.

- ▶ Modifique los ajustes que desee en la pestaña Simulación.
- ▶ Pulse en Ejecutar para ejecutar la simulación.

También puede intentar lo siguiente:

- Guardar los ajustes modificados en un nuevo plan de simulación o sobrescribir el plan de simulación existente.
- Reajustar las distribuciones y correlaciones de entradas simuladas en nuevos datos.
- Personalizar los resultados.
- Guardar los datos simulados en un archivo de datos.

Generador de simulaciones

El Generador de simulaciones proporciona la gama completa de funciones para diseñar y ejecutar simulaciones. Permite ejecutar las siguientes tareas generales:

- Diseñar y ejecutar una simulación de un modelo de IBM SPSS definido en un archivo de modelo PMML.
- Diseñar y ejecutar una simulación de un modelo predictivo definido por un conjunto de ecuaciones personalizadas que especifique.
- Ejecutar una simulación basada en un plan de simulación existente, pudiendo modificar los ajustes del plan.

Pestaña Modelo

La pestaña Modelo especifica el origen del modelo predictivo de la simulación.

Seleccione un archivo de modelo SPSS. Esta opción especifica que el modelo predictivo se define en un archivo de modelo IBM SPSS. Un archivo modelo IBM SPSS es un archivo XML o ZIP que contiene el PMML modelo creado a partir de IBM® SPSS® Statistics o IBM® SPSS® Modeler. Los modelos predictivos están creados por procedimientos, como Regresión lineal y Árboles de decisión en SPSS Statistics, y se puede exportar a un archivo de modelo. Puede utilizar un archivo de modelo diferente pulsando en Examinar y desplazándose al archivo que desee.

Modelos PMML admitidos por Simulación

Regresión lineal
Modelo lineal generalizado
Regresión logística binaria
Regresión logística multinomial
Regresión multinomial ordinal
Regresión de Cox
Árbol
Árbol potenciado (C5)
Discriminante

Conglomerado de dos fases
Conglomerado de K-medias
Red neuronal
Conjunto de reglas (Lista de decisiones)

Nota: No se admite en Simulación el uso de modelos PMML que tengan múltiples campos de destino (variables) o divisiones.

Escriba las ecuaciones para el modelo. Esta opción especifica que el modelo predictivo se compone de una o más ecuaciones personalizadas que puede crear el usuario. Cree las ecuaciones pulsando en Nueva ecuación. Se abrirá el Editor de ecuaciones. Puede modificar ecuaciones existentes, copiarlas para utilizarlas como plantillas de nuevas ecuaciones, reordenarlas y eliminarlas.

- El Generador de simulaciones no admite sistemas de ecuaciones simultáneas o ecuaciones que no son lineales en la variable destino.
- Las ecuaciones personalizadas se evalúan en el orden en que se especifican. Si la ecuación de un destino especificado depende de otro destino, el otro destino se debe definir mediante una ecuación anterior.

Por ejemplo, teniendo en cuenta el conjunto de ecuaciones siguiente, la ecuación de *beneficios* depende de los valores de *ingresos* y *gastos*, por lo que las ecuaciones de *ingresos* y *gastos* deben anteceder a la ecuación de *beneficios*.

```

ingresos= precio*volumen
gastos= fijos + volumen*(unidad_coste_materiales +
unidad_costes_laborales)
beneficios = ingresos - gastos

```

Editor de ecuaciones

El Editor de ecuaciones permite crear o modificar una ecuación personalizada de su modelo predictivo.

- La expresión de la ecuación puede contener campos del conjunto de datos activo o nuevos campos de entrada que define en el Editor de ecuaciones.
 - Puede especificar propiedades del destino como su nivel de medición, etiquetas de valores y si los resultados están generados para el destino.
 - Puede utilizar los destinos de ecuaciones definidas anteriormente como entradas de la ecuación actual, permitiéndole crear ecuaciones acopladas.
 - Puede adjuntar un comentario descriptivo a la ecuación. Los comentarios se muestran junto con la ecuación de la pestaña Modelo.
- ▶ Introduzca el nombre del destino. Opcionalmente, pulse en Editar en el cuadro de texto Destino para abrir el cuadro de diálogo Entradas definidas, permitiendo cambiar las propiedades por defecto del destino.
 - ▶ Para crear una expresión, puede pegar los componentes en el campo Expresión numérica o escribir directamente en dicho campo.

- Puede crear su expresión utilizando campos del conjunto de datos activo o puede definir nuevas entradas pulsando en el botón Nuevo. Se abrirá el cuadro de diálogo Definir entradas.
- Puede pegar las funciones seleccionando un grupo de la lista Grupo de funciones y pulsando dos veces en la función de la lista de funciones (o seleccione la función y pulse en la flecha que se encuentra sobre la lista Grupo de funciones). Cumplimente los parámetros indicados por los signos de interrogación. El grupo de funciones con la etiqueta Todo contiene una lista de todas las funciones variables. En un área reservada del cuadro de diálogo se muestra una breve descripción de la función actualmente seleccionada.
- Las constantes de cadena deben ir entre comillas.
- Si los valores contienen decimales, debe utilizarse una coma(,) como indicador decimal.

Nota: La simulación no admite ecuaciones personalizadas con destinos de cadena.

Entradas definidas

El cuadro de diálogo Entradas definidas permite definir nuevas entradas y las propiedades de los destinos.

Nombre. Especifica el nombre del destino o la entrada.

Destino. Puede especificar el nivel de medición del destino. El nivel de medición por defecto es continuo. También puede especificar si se creará el resultado para este destino. Por ejemplo, en el caso de un grupo de ecuaciones acopladas es posible que solo le interese el resultado del destino de la ecuación final, por lo que suprimiría el resultado del resto de destinos.

Entrada que se simulará. Especifica que los valores de la entrada se simularán de acuerdo con una distribución de probabilidad especificada (la distribución de probabilidad se especifica en la pestaña Simulación). El nivel de medición determina el conjunto predeterminado de distribuciones que se consideran al encontrar la mejor distribución de la entrada (pulsando Ajustar o Ajustar todas en la pestaña de Simulación). Por ejemplo, si el nivel de medición es ordinal, la distribución binomial (adecuada de datos ordinales) se consideraría, pero la distribución normal no.

Entrada de valor fijo. Especifica que se conoce el valor de la entrada y que se fijará en el valor conocido. Las entradas fijas pueden ser numéricas o de cadena. Especifique un valor para la entrada fija. Los valores de cadena no deben ir entre comillas.

Etiquetas de valor. Puede especificar etiquetas de valores de destino, entradas simuladas y fijas. Las etiquetas de valores se utilizan en gráficos y tablas de resultados.

Pestaña Simulación

La pestaña Simulación especifica todas las propiedades de la simulación diferentes a la del modelo predictivo. Puede ejecutar las siguientes tareas generales en la pestaña Simulación:

- Especificar las distribuciones de probabilidad de las entradas simuladas y valores de entradas fijas.
- Especificar correlaciones entre entradas simuladas.

- Especificar opciones avanzadas como muestreos de cola y criterios para ajustar distribuciones a datos históricos.
- Personalizar los resultados.
- Especificar la ubicación en la que guardar el plan de simulación y opcionalmente, guardar los datos simulados.

Campos simulados

Para ejecutar una simulación, todas las entradas del modelo predictivo se deben especificar como fijas o simuladas. Las entradas simuladas son aquellas cuyos valores son inciertos y se generarán a partir de una distribución de probabilidad especificada. Las distribuciones con mejores ajustes de las entradas simuladas, junto con las correlaciones entre ellas, se pueden determinar automáticamente a partir de datos históricos para esas entradas. También puede especificar manualmente las distribuciones o correlaciones si los datos históricos no están disponibles o si necesita distribuciones o correlaciones específicas.

Las entradas fijas son aquellas cuyos valores se conocen y permanecen constantes en cada caso generado en la simulación. Por ejemplo, tiene un modelo de regresión lineal de ventas como una función de un número de entradas incluyendo el precio y desea mantener el precio fijo en el mercado actual. A continuación especificaría el precio como entrada fija.

Ajuste automático de distribuciones y cálculo de correlaciones de entradas simuladas. Si la base de datos activa contiene datos históricos de las entradas que desee simular, puede encontrar automáticamente las distribuciones que mejor se ajustan a esas entradas, así como determinar las correlaciones entre ellas. Los pasos son los siguientes:

- ▶ Compruebe que todas las entradas del modelo que desee simular coinciden con el campo correcto en el conjunto de datos activo. Las entradas de modelo se enumeran en la columna Entrada y la columna Ajustar a muestra el campo correspondiente en el conjunto de datos activo. Puede relacionar una entrada con un campo diferente en el conjunto de datos activo seleccionando un elemento diferente en la lista desplegable Ajustar a.

Un valor de *-Ninguno-* en la columna Ajustar a indica que la entrada no se ha podido relacionar automáticamente a un campo en el conjunto de datos activo. Por defecto, las entradas de modelo se relacionan con los campos del conjunto de datos en el nombre y el nivel de medición. Si el conjunto de datos activo no contiene datos históricos de la entrada, especifique manualmente la distribución de la entrada o especifique la entrada como entrada fija, tal y como se describe a continuación. *Nota:* El ajuste de distribución no admite el ajuste con campos de cadena. Si el modelo predictivo contiene una entrada de cadena, debe especificarla como una entrada fija.

- ▶ Pulse en Ajustar todas.

La distribución con mejor ajuste y sus parámetros asociados se muestran en la columna Distribución junto con una representación de la distribución superpuesta en un histograma (o gráfico de barras) de los datos históricos. Las correlaciones entre las entradas simuladas se muestran en los ajustes de correlaciones. Puede examinar los resultados de ajuste y personalizar el ajuste de distribución automático de una entrada concreta seleccionando la fila de la entrada y pulsando en Detalles del ajuste. [Si desea obtener más información, consulte el tema Detalles del ajuste el p. 321.](#)

Puede ejecutar el ajuste de distribución automático de una entrada concreta seleccionando la fila de la entrada y pulsando en Ajustar. Las correlaciones de todas las entradas simuladas que corresponden con los campos del conjunto de datos activo también se calculan automáticamente.

Nota: En entradas continuas y ordinales, si no se puede encontrar un ajuste aceptable para cualquiera de las distribuciones de prueba, se sugiere la distribución empírica como el ajuste más adecuado. En entradas continuas, la distribución empírica es la función de distribución acumulada de los datos históricos. En entradas ordinales, la distribución empírica es la distribución categórica de los datos históricos.

Distribuciones de especificación manuales. Puede especificar manualmente la distribución de probabilidad de cualquier entrada simulada seleccionando la distribución que desee de la lista desplegable Tipo e introduciendo los parámetros de distribución de la rejilla Parámetros. Una vez haya introducido los parámetros de una distribución, un gráfico de muestra de la distribución, basado en los parámetros específicos, se mostrará junto a la rejilla Parámetros. A continuación se incluyen algunas notas sobre distribuciones concretas:

- **Categóricas.** La distribución categórica describe un campo de entrada que tiene un número fijo de valores numéricos, referido como categorías. Cada categoría tiene una probabilidad asociada, de forma que la suma de las probabilidades de todas las categorías es igual a uno. Para introducir una categoría, pulse en la columna de la izquierda en la rejilla Parámetros y sustituya el texto “valor” por una categoría especificada como valor numérico. Introduzca la probabilidad asociada con la categoría en la columna de la derecha.
- **Binomial negativa - Fallos.** Describe la distribución del número de fallos en una secuencia de intentos antes de detectar un número especificado de éxitos. El parámetro *thresh* es el número especificado de éxitos y el parámetro *prob* es la probabilidad de éxito en cualquier prueba.
- **Binomial negativa - Intentos.** Describe la distribución del número de intentos necesarios para detectar un número especificado de éxitos. El parámetro *thresh* es el número especificado de éxitos y el parámetro *prob* es la probabilidad de éxito en cualquier prueba.
- **Rango.** Esta distribución consiste en un conjunto de intervalos con una probabilidad asignada a cada intervalo de forma que la suma de probabilidades en todos los intervalos es igual a 1. Los valores en un intervalo concreto se generan a partir de una distribución uniforme definida en ese intervalo. Los intervalos se especifican introduciendo un valor mínimo, un valor máximo y una probabilidad asociada.

Por ejemplo, usted cree que el coste de una materia prima tiene un 40% de posibilidades de caer entre 10 - 15 dólares por unidad y un 60% de posibilidades de caer entre 15 - 20 dólares por unidad. Modelaría el coste con una distribución del rango de los dos intervalos [10 - 15] y [15 - 20], definiendo la probabilidad asociada con el primer intervalo a 0,4 y la probabilidad asociada con el segundo intervalo a 0,6. Los intervalos no tienen que ser contiguos y se pueden superponer. Por ejemplo, podría especificar los intervalos 10 - 15 y 20 - 25 o 10 - 15 y 13 - 16.

- **Weibull.** El parámetro *c* es un parámetro de ubicación opcional, que especifica dónde se encuentra el origen de la distribución.

Los parámetros de las siguientes distribuciones tienen el mismo significado en las funciones variables aleatorias asociadas disponibles en el cuadro de diálogo Calcular variable: Bernoulli, Beta, Binomial, Exponencial, Gamma, Lognormal, Binomial negativa (Intentos y Fallos), Normal, Poisson y Uniforme.

Especificación de entradas fijas. Especifica una entrada fija seleccionando Fija en la lista desplegable Tipo de la columna Distribución, e introduciendo el valor fijo. El valor puede ser numérico o cadena, dependiendo de si la entrada es numérica o de cadena. Los valores de cadena no deben ir entre comillas.

Especificación de límites en valores simulados. La mayoría de distribuciones admiten la especificación de los límites superiores e inferiores de los valores simulados. Puede especificar un límite inferior introduciendo un valor en el cuadro de texto Mín y especificar un límite superior introduciendo un valor en el cuadro de texto Máx.

Bloqueo de entradas simuladas. Bloquea una entrada simulada seleccionando la casilla de verificación en la columna con el icono de bloqueo, excluye la entrada del ajuste de distribución automático. Es muy útil si especifica una distribución manualmente y desea garantizar que no se verá afectada por el ajuste de distribución automático. El bloqueo también es muy útil si desea compartir el plan de simulación con los usuarios que lo ejecutarán en el cuadro de diálogo Ejecutar simulación y desea evitar los cambios en algunas distribuciones. En este sentido, las distribuciones de las entradas bloqueadas no se pueden modificar en el cuadro de diálogo Ejecutar simulación.

Análisis de susceptibilidad. Los análisis de susceptibilidad permiten investigar el efecto de los cambios sistemáticos en una entrada fija o en un parámetro de distribución de una entrada estimulada generando un conjunto independiente de casos simulados—una simulación separada—para cada valor especificado. Para especificar los análisis de susceptibilidad, seleccione una entrada fija o simulada y pulse en Análisis de susceptibilidad. El análisis de susceptibilidad está limitado a una única entrada fija o un parámetro de distribución único de una entrada simulada. [Si desea obtener más información, consulte el tema Análisis de susceptibilidad el p. 321.](#)

Iconos de estado de Ajustar

Los iconos de la columna Ajustar a indican el estado de ajuste de cada campo de entrada.



No se ha especificado una distribución para la entrada y la entrada no se ha especificado como fija. Para ejecutar la simulación, debe especificar una distribución para esta entrada o definirla como fija y especificar el valor fijo.



La entrada se ha fijado anteriormente a un campo que no existe en el conjunto de datos activo. No se necesita ninguna acción salvo que desee volver a ajustar la distribución de la entrada al conjunto de datos activo.



La mejor distribución de ajuste se ha sustituido por una distribución diferente del cuadro de diálogo Detalles del ajuste.



La entrada se define a la mejor distribución de ajuste.



La distribución se ha especificado manualmente o se han especificado las iteraciones del análisis de susceptibilidad para esta entrada.

Detalles del ajuste

El cuadro de diálogo Detalles del ajuste muestra los resultados del ajuste de distribución automático de una entrada concreta. Las distribuciones se ordenan por idoneidad de ajuste, con la distribución de mejor ajuste en primer lugar. Puede sustituir la distribución de mejor ajuste seleccionando el botón de opción de la distribución que desee en la columna Utilizar. Al seleccionar un botón de opción en la columna Utilizar también muestra un gráfico de distribución superpuesto en un histograma (o gráfico de barras) de los datos históricos de esa entrada.

Estadísticos de ajuste. Por defecto, en los campos continuos, la prueba Anderson-Darling se utiliza para determinar su idoneidad. Del mismo modo, y para los campos continuos únicamente, puede especificar la prueba Kolmogorov-Smirnoff de idoneidad, seleccionando esa opción en los ajustes Opciones avanzadas. En entradas continuas, los resultados de ambas pruebas se muestran en la columna Estadísticos de ajuste (A para Anderson-Darling y K para Kolmogorov-Smirnoff), usando la prueba elegida para ordenar las distribuciones. En las entradas ordinales y nominales se utiliza la comprobación de chi-cuadrado. También se muestran los valores p asociados con las pruebas.

Parámetros. Los parámetros de distribución asociados con cada distribución ajustada se muestran en la columna Parámetros. Los parámetros de las siguientes distribuciones tienen el mismo significado en las funciones variables aleatorias asociadas disponibles en el cuadro de diálogo Calcular variable: Bernoulli, Beta, Binomial, Exponencial, Gamma, Lognormal, Binomial negativa (Intentos y Fallos), Normal, Poisson y Uniforme. En la distribución categórica, los nombres de los parámetros son las categorías y los valores de parámetros son las probabilidades asociadas.

Reajuste con un conjunto de distribución personalizado. Por defecto, el nivel de medida de la entrada se utiliza para determinar el conjunto de distribuciones consideradas para el reajuste de distribución automático. Por ejemplo, las distribuciones continuas como Lognormal y Gamma se consideran cuando se ajusta una entrada continua; pero las distribuciones discretas como Poisson y Binomial, no. Puede elegir un subconjunto de las distribuciones por defecto seleccionando las distribuciones que desee en la columna Reajustar. También puede sustituir el conjunto por defecto de distribuciones seleccionando un nivel de medida diferente en la lista desplegable Tratar como (Medida) y seleccionando las distribuciones que desee en la columna Reajustar. Pulse en Ejecutar reajuste para volver a ajustar con el conjunto de distribución personalizado.

Análisis de susceptibilidad

Los análisis de susceptibilidad permiten investigar el efecto de modificar una entrada fija o un parámetro de distribución de una entrada simulada en un conjunto específico de valores. Se genera un conjunto independiente de casos simulados (una simulación separada) para cada valor especificado, lo que le permite investigar el efecto de modificar la entrada. Cada conjunto de casos simulados se denomina **iteración**.

Iterar. Esta opción permite especificar el conjunto de valores en el que se modificará la entrada.

- Si modifica el valor de un parámetro de distribución, seleccione el parámetro que desee de la lista desplegable. Introduzca el conjunto de valores en el valor Parámetro mediante la rejilla de iteraciones. Al pulsar en Continuar se añadirán los valores especificados en la

rejilla Parámetros de la entrada asociada, con un índice que especifica el número de iteración del valor.

- En las distribuciones categóricas y de rango, las probabilidades de las categorías o intervalos respectivamente se pueden variar, pero los valores de las categorías y los puntos finales de los intervalos no se pueden modificar. Seleccione una categoría o intervalo cuya probabilidad desea variar y especifique el conjunto de probabilidades en el valor del parámetro mediante la rejilla de iteración. Las probabilidades de otras categorías o intervalos se ajustarán automáticamente.

Sin iteraciones. Utilice esta opción para cancelar las iteraciones de una entrada. Si pulsa en Continuar eliminará las iteraciones.

Correlaciones

Las entradas de los modelos predictivos se conocen como correlacionadas, por ejemplo altura y ponderación. Las correlaciones entre las entradas que se simularán se deben tener en cuenta para garantizar que los valores simulados mantengan esas correlaciones.

Recalcular correlaciones al ajustar. Esta opción especifica que las correlaciones entre las entradas simuladas se calculen automáticamente al ajustar las distribuciones en el conjunto de datos activo mediante las acciones Ajustar todas o Ajustar en los ajustes de Campos simulados.

No recalcular correlaciones al ajustar. Seleccione esta opción si desea especificar manualmente las correlaciones y evitar que se sobrescriban al ajustar automáticamente distribuciones en el conjunto de datos activo. Los valores introducidos en la rejilla de correlaciones deben ser entre -1 y 1. Un valor de 0 especifica que no existe una correlación entre los pares de entradas asociados.

Restablecer. Restablece todas las correlaciones a 0.

Opciones avanzadas

Número máximo de casos. Especifica el número máximo de casos de datos simulados y los valores de destinos asociados que se generarán. Si se especifica el análisis de susceptibilidad, es el número máximo de casos de cada iteración.

Destino de criterios de parada. Si su modelo predictivo contiene más de un destino, podrá seleccionar el destino al que se aplican los criterios de parada.

Criterios de parada. Estas opciones especifican los criterios para detener la simulación, potencialmente antes de generar el número máximo de casos permitidos.

- **Continuar hasta alcanzar el máximo.** Especifica que los casos simulados se generarán hasta que se alcance el número máximo de casos.
- **Detener cuando las colas se hayan muestreado.** Utilice esta opción si desea asegurarse de que una de las colas de una distribución de destino especificada se ha muestreado correctamente. Los casos simulados se generarán hasta que se complete el muestreo de la cola específica o se alcance el número máximo de casos. Si su modelo predictivo contiene múltiples destinos,

seleccione el destino al que se aplicarán los criterios en la lista desplegable Destino de criterios de parada.

Tipo. Puede definir el límite de la región de cola especificando un valor de destino como 10.000.000 o un percentil como el 99°. Si selecciona Valor en la lista desplegable Tipo, introduzca el valor del límite en el cuadro de texto Valor y utilice la lista desplegable Lado para especificar si es el límite de la región de cola izquierda o la región de cola derecha. Si selecciona Percentil en la lista desplegable Tipo, introduzca un valor en el cuadro de texto Percentil.

Frecuencia. Especifique el número de valores del destino que debe estar en la región para garantizar que la cola se ha muestreado correctamente. La generación de los casos se detendrá cuando se alcance este número.

- **Detener si el intervalo de confianza de la media está en el umbral especificado.** Utilice esta opción si desea asegurarse de que la media de un destino concreto se conoce con un grado especificado de precisión. Los casos simulados se generarán hasta que se alcance el grado específico de precisión o el número máximo de casos. Para utilizar esta opción, especifique un nivel de confianza y un umbral. Los casos simulados se generarán hasta que el intervalo de confianza asociado con el nivel de confianza esté dentro del umbral. Por ejemplo, puede utilizar esta opción para especificar que los casos se generan hasta que el intervalo de confianza de la media al 95% del nivel de confianza esté en el 5% del valor medio. Si su modelo predictivo contiene múltiples destinos, seleccione el destino al que se aplicarán los criterios en la lista desplegable Destino de criterios de parada.

Tipo de umbral. Puede especificar el umbral como un valor numérico o como porcentaje de la media. Si selecciona Valor en la lista desplegable Tipo de umbral, introduzca el umbral en el cuadro de texto Umbral como valor. Si selecciona Porcentaje en la lista desplegable Tipo de umbral, introduzca un valor en el cuadro de texto Umbral como porcentaje.

Número de casos de muestreo. Especifica el número de casos que se utilizarán al ajustar automáticamente las distribuciones de las entradas simuladas en el conjunto de datos activo. Si su conjunto de datos es muy grande, puede que desee limitar el número de casos utilizados para el ajuste de distribución. Si selecciona Limita a N casos, se utilizarán los primeros N casos.

Bondad de criterios de ajuste (Continua). En entradas continuas, puede utilizar la prueba Anderson-Darling o la prueba Kolmogorov-Smirnoff de bondad de ajuste para ordenar distribuciones al ajustar distribuciones de entradas simuladas en el conjunto de datos activo. La prueba Anderson-Darling está seleccionada por defecto y está especialmente recomendada si desea garantizar el mejor ajuste posible en las regiones de cola.

Distribución empírica. En entradas continuas, la distribución empírica es la función de distribución acumulada de los datos históricos. Puede especificar el número de intervalos utilizados para calcular las distribuciones empíricas de las entradas continuas. El valor por defecto es 100 y el máximo es 1.000.

Replicar resultados. Al establecer una semilla aleatoria podrá replicar las simulaciones. Especifique un entero o pulse en Generar, lo que creará un entero pseudo-aleatorio entre 1 y 2147483647, ambos inclusive. El valor por defecto es 498654860.

Funciones de densidad

Estos ajustes permiten personalizar los resultados de las funciones de densidad de probabilidad y las funciones de distribución acumuladas de destinos continuos, así como gráficos de barras de los valores pronosticados de destinos categóricos.

Función de densidad de probabilidad (PDF). La función de densidad de probabilidad muestra la distribución de valores de destino. En destinos continuos, permite determinar la probabilidad de que el destino esté dentro de una región concreta. En destinos categóricos (destinos con un nivel de medición del nominal u ordinal), se genera un gráfico de barras que muestra en porcentaje de casos que entran dentro de cada categoría del destino. Existen otras opciones para los destinos categóricos de modelos PMML disponibles con los valores de Categoría para los ajustes de informes que se describen a continuación.

Para modelos de conglomerados de dos fases y modelos de conglomerados de K-medias, se genera un gráfico de barras de la pertenencia a conglomerados.

Función de distribución acumulada (CDF). La función de distribución acumulada muestra la probabilidad de que el valor del destino sea menor o igual que un valor especificado. Solo está disponible para destinos continuos.

Líneas de referencia (Continuas). Puede solicitar una variedad de líneas de referencia verticales que se añadirán a las funciones de densidad de probabilidad y a las funciones de distribución acumuladas de destinos continuos.

- **Sigmas.** Ahora puede añadir líneas de referencia por encima o por debajo de un número especificado de desviaciones estándar desde la media del objetivo.
- **Percentiles.** Ahora puede añadir líneas de referencia a uno o dos valores de los percentiles de la distribución de cada objetivo introduciendo los valores en los cuadros de texto inferior y superior. Por ejemplo, un valor de 95 en el cuadro de texto superior representa el percentil 95, que es el valor por debajo del cual cae el 95% de las observaciones. Del mismo modo, un valor de 5 en el cuadro de texto inferior representa el percentil 5, que es el valor por debajo del cual cae el 5% de las observaciones.
- **Líneas de referencia personalizadas.** Puede añadir líneas de referencia a los valores especificados del destino.

Nota: Si se muestran varias funciones de densidad o funciones de distribución en un único gráfico (debido a múltiples destinos o resultados de iteraciones del análisis de susceptibilidad), se aplican líneas de referencia (salvo líneas personalizadas) por separado a cada función.

Superponer resultados de destinos continuos diferentes. En el caso de múltiples destinos continuos, especifica si las funciones de distribución de todos estos destinos se muestran en un único gráfico, con un gráfico de funciones de densidad de probabilidad y otra para funciones de distribución acumuladas. Si esta opción no se selecciona, los resultados de cada destino se mostrarán en un gráfico diferente.

Valores de categoría que se incluirán en el informe. En modelos PMML con destinos categóricos, el resultado del modelo es un conjunto de probabilidades pronosticadas, una de cada categoría, en la que el valor de destino entra dentro de cada categoría. La categoría con la mayor probabilidad

se toma como la categoría pronosticada y se utiliza en la generación del gráfico de barras que se describe en el ajuste Función de densidad de probabilidad anterior. Si selecciona Categoría pronosticada se generará el gráfico de barras. Si selecciona Probabilidades pronosticadas se generarán histogramas de la distribución de las probabilidades pronosticadas de cada una de las categorías del destino.

Agrupación de análisis de susceptibilidad. Las simulaciones que incluyen análisis de susceptibilidad generan un conjunto independiente de valores de destino pronosticados para cada iteración que define el análisis (una iteración para cada valor de la entrada que se está variando). Si existen iteraciones, el gráfico de barras de la categoría pronosticada de un destino categórico se muestra como un gráfico de barras conglomerado que incluye los resultados de todas las iteraciones. Puede seleccionar agrupar las categorías o agrupar las iteraciones.

Resultado

Gráficos de tornado. Los gráficos de tornado son gráficos de barra que muestran relaciones entre destinos y entradas simuladas utilizando una variedad de métricas.

- **Correlación del destino con la entrada.** Esta opción crea un gráfico de tornado de los coeficientes de correlación entre un destino especificado y cada una de sus entradas simuladas. Este tipo de gráfico de tornado no admite destinos o entradas simuladas con un nivel de medida nominal.
- **Contribución a la varianza.** Esta opción crea un gráfico de tornado que muestra la contribución a la varianza de un destino de cada una de sus entradas simuladas, lo que permite evaluar el grado en el que cada entrada contribuye a la incertidumbre general del destino. Este tipo de gráfico de tornado no admite destinos o entradas simuladas con un nivel de medida nominal u ordinal.
- **Susceptibilidad del destino para cambiar.** Esta opción crea un gráfico de tornado que muestra el efecto del destino del destino de modulación de cada entrada simulada más o menos un número especificado de desviaciones estándar de la distribución asociada con la entrada. Este tipo de gráfico de tornado no admite destinos o entradas simuladas con un nivel de medida nominal u ordinal.

Diagramas de caja de distribuciones de destino. Los diagramas de caja están disponibles para destinos continuos. Seleccione Superponer resultados de destinos diferentes si su modelo predictivo tiene múltiples destinos continuos y desea visualizar los diagramas de caja de todos los destinos en un gráfico único.

Diagramas de dispersión de destinos frente a entradas. Los diagramas de dispersión frente a entradas simuladas están disponibles para destinos continuos y categóricos e incluyen dispersiones del destino con entradas continuas y categóricas. Los pares que incluyen un destino o una entrada categórica se muestran como un mapa de calor.

Crear una tabla de valores percentiles. En destinos continuos, puede obtener una tabla de percentiles especificados de las distribuciones de destino. Los cuartiles (los percentiles 25, 50 y 75) dividen las observaciones en cuatro grupos de igual tamaño. Si desea un número igual de grupos que no sea cuatro, seleccione Intervalos y especifique el número. Seleccione Percentiles personalizados para especificar percentiles individuales, por ejemplo, el percentil 99.

Estadísticos descriptivos de distribuciones de destino. Esta opción crea tablas de estadísticos descriptivos de destinos continuos y categóricos así como entradas continuas. En destinos continuos, la tabla incluye la media, la desviación estándar, la mediana, el mínimo y el máximo, el intervalo de confianza de la media en el nivel especificado y los percentiles 5 y 95 de la distribución de destino. En destinos categóricos, la tabla incluye el porcentaje de casos que entran en cada categoría del destino. En destinos categóricos de modelos PMML, la tabla también incluye la probabilidad media de cada categoría del destino. En entradas continuas, la tabla incluye la media, desviación estándar, mínima y máxima.

Entradas simuladas que se incluirán en el resultado. Por defecto, todas las entradas simuladas se incluyen en los resultados. Puede excluir las entradas simuladas de las salidas. Se excluirán de los gráficos de tornado, diagramas de dispersión y resultados tabulares.

Formatos de visualización. Puede definir el formato utilizado cuando se visualizan los valores de destinos y entradas (tanto entradas fijas como simuladas).

Guardar

Guardar el plan de esta simulación. Puede guardar las especificaciones actuales de su simulación en un archivo de plan de simulación. Los archivos de plan de simulación tienen la extensión *.splan*. Puede volver a abrir el plan en el Generador de simulaciones, y también puede realizar modificaciones y ejecutar la simulación. Puede compartir el plan de simulación con otros usuarios, que pueden ejecutarlo en el cuadro de diálogo Ejecutar simulación. Los planes de simulación incluyen todas las especificaciones excepto las siguientes: ajustes de Funciones de densidad; Ajustes de resultados de gráficos y tablas; Opciones avanzadas de ajustes, Distribución empírica y Semilla aleatoria.

Guardar los datos simulados como un nuevo archivo de datos. Puede guardar entradas simuladas, entradas fijas y valores de destino pronosticados en un archivo de datos SPSS Statistics, un nuevo conjunto de datos en la sesión actual o un archivo Excel. Cada caso (o fila) del archivo de datos consta de los valores pronosticados de los objetivos junto con las entradas simuladas y las entradas fijas que generan los valores objetivo. Si se especifica el análisis de susceptibilidad, cada iteración genera un conjunto contiguo de casos que se etiquetan con el número de iteración.

Cuadro de diálogo Ejecutar simulación

El cuadro de diálogo Ejecutar simulación está diseñado para usuarios que tienen un plan de simulación y que desean preferentemente ejecutar la simulación. También proporciona las funciones que necesita para ejecutar la simulación en condiciones diferentes. Permite ejecutar las siguientes tareas generales:

- Configurar o modificar los análisis de susceptibilidad para investigar el efecto de variar el valor de una entrada fija o variar un parámetro de distribución de una entrada simulada.
- Reajustar distribuciones de probabilidad de entradas inciertas (y correlaciones entre esas entradas) a nuevos datos.
- Modificar la distribución de una entrada simulada.

- Personalizar los resultados.
- Ejecutar la simulación.

Pestaña Simulación

La pestaña Simulación permite especificar análisis de susceptibilidad, reajustar distribuciones de probabilidad de entradas simuladas y correlaciones entre entradas simuladas en nuevos datos y modificar la distribución de probabilidad asociada con una entrada simulada.

La rejilla Entradas simuladas contiene una entrada para cada entrada de su modelo predictivo. Cada entrada muestra el nombre y el tipo de distribución de probabilidad asociada con la entrada, junto con un gráfico de muestra de la curva de distribución asociada. Cada entrada también tiene un icono de estado asociado (un círculo de color con una marca de verificación) que es útil si está reajustando distribuciones a nuevos datos. Además, las entradas pueden incluir un icono de candado que indica que la entrada está bloqueada y no se puede modificar o reajustar a nuevos datos en el cuadro de diálogo Ejecutar simulación. Para modificar una entrada bloqueada, necesitará abrir el plan de simulación en el Generador de simulaciones.

Cada entrada puede ser simulada o fija. Las entradas simuladas son aquellas cuyos valores son inciertos y se generarán a partir de una distribución de probabilidad especificada. Las entradas fijas son aquellas cuyos valores se conocen y permanecen constantes en cada caso generado en la simulación. Para trabajar con una entrada concreta, seleccione la entrada en la rejilla Entradas simuladas.

Especificación de análisis de susceptibilidad

Los análisis de susceptibilidad permiten investigar el efecto de los cambios sistemáticos en una entrada fija o en un parámetro de distribución de una entrada estimulada generando un conjunto independiente de casos simulados—una simulación separada—para cada valor especificado. Para especificar los análisis de susceptibilidad, seleccione una entrada fija o simulada y pulse en Análisis de susceptibilidad. El análisis de susceptibilidad está limitado a una única entrada fija o un parámetro de distribución único de una entrada simulada. [Si desea obtener más información, consulte el tema Análisis de susceptibilidad el p. 321.](#)

Reajuste de distribuciones a nuevos datos

Para reajustar automáticamente las distribuciones de probabilidad de entradas simuladas (y las correlaciones entre entradas simuladas) a los datos del conjunto de datos activo:

- Compruebe que todas las entradas del modelo coinciden con el campo correcto del conjunto de datos activo. Todas las entradas simuladas se reajustan al campo del conjunto de datos activo especificado en la lista desplegable Campo con esa entrada. Puede identificar fácilmente las

entradas no coincidentes buscando entradas con un icono de estado que incluya una marca de verificación con un signo de interrogación, tal y como se muestra a continuación.



- ▶ Modifique cualquier campo necesario coincidente seleccionando Ajustar a un campo en el conjunto de datos y seleccionando el campo que desee de la lista.
- ▶ Pulse en Ajustar todas.

En cada entrada ajustada, la mejor distribución de ajuste se muestra junto con una representación de la distribución superpuesta en un histograma (o gráfico de barras) de los datos históricos. Si no se encuentra un ajuste aceptable, se utilizará la distribución empírica. En el caso de las entradas que se ajusten a la distribución empírica, solo verá un histograma de los datos históricos porque la distribución empírica está, de hecho, representada por ese histograma.

Nota: Para ver una lista completa de los iconos de estado, consulte el tema [Campos simulados](#) el p. 318.

Modificación de las distribuciones de probabilidad

Puede modificar la distribución de probabilidad de una entrada simulada y, opcionalmente, cambiar una entrada simulada a una entrada fija o viceversa.

- ▶ Seleccione la entrada que desee y seleccione Ajustar la distribución manualmente.
- ▶ Seleccione el tipo de distribución que desee y especifique los parámetros de distribución. Para cambiar una entrada simulada por una entrada fija, seleccione Fija en la lista desplegable Tipo.

Una vez haya introducido los parámetros de una distribución, el gráfico de muestra de la distribución (se muestra en la entrada) se actualizará reflejando sus cambios. Si desea más información acerca de la especificación manual de las distribuciones de probabilidad, consulte el tema [Campos simulados](#) el p. 318.

Pestaña Resultado

La pestaña Resultado permite personalizar los resultados que genera la simulación.

Funciones de densidad. Las funciones de densidad son las medias principales de la prueba del conjunto de resultados de su simulación.

- **Función de densidad de probabilidad** La función de densidad de probabilidad muestra la distribución de los valores de destino, lo que permite determinar la probabilidad de que el destino esté dentro de una región concreta. En destinos con un conjunto fijo de resultados, como “servicio deficiente”, “servicio correcto”, “buen servicio” y “excelente servicio”, se

genera un gráfico de barras que muestra el porcentaje de casos que entran en cada categoría del destino.

- **Función de distribución acumulada.** La función de distribución acumulada muestra la probabilidad de que el valor del destino sea menor o igual que un valor especificado.

Gráficos de tornado. Los gráficos de tornado son gráficos de barra que muestran relaciones entre destinos y entradas simuladas utilizando una variedad de métricas.

- **Correlación del destino con la entrada.** Esta opción crea un gráfico de tornado de los coeficientes de correlación entre un destino especificado y cada una de sus entradas simuladas.
- **Contribución a la varianza.** Esta opción crea un gráfico de tornado que muestra la contribución a la varianza de un destino de cada una de sus entradas simuladas, lo que permite evaluar el grado en el que cada entrada contribuye a la incertidumbre general del destino.
- **Susceptibilidad del destino para cambiar.** Esta opción crea un gráfico de tornado que muestra el efecto del destino del destino de modulación de cada entrada simulada más o menos una desviación estándar de la distribución asociada con la entrada.

Diagramas de dispersión de destinos frente a entradas. Esta opción genera diagramas de dispersión de destinos frente a entradas simuladas. Los pares que incluyen un destino que tiene un conjunto fijo de resultados (o una entrada simulada con un conjunto fijo de valores) se muestran como un mapa de calor.

Diagramas de caja de distribuciones de destino. Esta opción genera diagramas de caja de las distribuciones de destino.

Tabla de cuartiles. Esta opción genera una tabla de cuartiles de las distribuciones de destino. Los cuartiles de una distribución son los percentiles 25, 50 y 75 de la distribución y dividen las observaciones en cuatro grupos de igual tamaño.

Superponer resultados de destinos diferentes. Si el modelo predictivo que simula contiene múltiples destinos, puede especificar si los resultados de destinos diferentes se muestran en un único gráfico. Este ajuste se aplica a los gráficos de funciones de densidad de probabilidad, funciones de distribución acumuladas y diagramas de caja. Por ejemplo, si selecciona esta opción, las funciones de densidad de probabilidad de todos los destinos se mostrarán en un gráfico único.

Guardar el plan de esta simulación. Puede guardar las modificaciones de su simulación en un archivo de plan de simulación. Los archivos de plan de simulación tienen la extensión *.splan*. Puede volver a abrir el plan en el cuadro de diálogo Ejecutar simulación o en el Generador de simulaciones. Los planes de simulación incluyen todas las especificaciones excepto los ajustes de resultados:

Guardar los datos simulados como un nuevo archivo de datos. Puede guardar entradas simuladas, entradas fijas y valores de destino pronosticados en un archivo de datos SPSS Statistics, un nuevo conjunto de datos en la sesión actual o un archivo Excel. Cada caso (o fila) del archivo de datos consta de los valores pronosticados de los objetivos junto con las entradas simuladas y las entradas fijas que generan los valores objetivo. Si se especifica el análisis de susceptibilidad, cada iteración genera un conjunto contiguo de casos que se etiquetan con el número de iteración.

Si requiere más personalizaciones de un resultado que las disponibles aquí, considere ejecutar su simulación desde el Generador de simulaciones. [Si desea obtener más información, consulte el tema Para ejecutar una simulación de un plan de simulación el p. 314.](#)

Trabajo con resultados de gráficos de simulación

A partir de una simulación se generan diferentes gráficos que tienen funciones interactivas que permiten personalizar la vista. Las funciones interactivas están disponibles activando (pulsando dos veces) el objeto de gráfico en el Visor de resultados. Todos los gráficos de simulación son visualizaciones de tablero.

Gráficos de funciones de densidad de probabilidad de destinos continuos. Este gráfico tiene dos líneas de referencia verticales deslizantes que dividen el gráfico en regiones diferentes. La tabla bajo el gráfico muestra la probabilidad de que el destino esté en cada una de las regiones. Si se muestran múltiples funciones de densidad en el mismo gráfico, la tabla tiene una fila separada para las probabilidades asociadas con cada función de densidad. Cada una de las líneas de referencia tiene un deslizador (un triángulo invertido) que permite mover fácilmente la línea. Existe un número adicional de funciones disponibles pulsando en el botón Opciones de gráfico. En concreto, puede definir explícitamente las posiciones de los deslizadores, añadir líneas de referencia fijas y cambiar la vista del gráfico de una curva continua a un histograma o viceversa. [Si desea obtener más información, consulte el tema Opciones de gráfico el p. 331.](#)

Gráficos de funciones de distribución acumulada de destinos continuos. Este gráfico tiene las dos mismas líneas de referencia verticales móviles y la tabla asociada que se describe en el gráfico de funciones de densidad de probabilidad anterior. También proporciona acceso al cuadro de diálogo Opciones de gráfico, que permite definir explícitamente las posiciones de los deslizadores, añadir líneas de referencia fijas y especificar si la función de distribución acumulada se muestra como una función creciente (por defecto) o una función decreciente. [Si desea obtener más información, consulte el tema Opciones de gráfico el p. 331.](#)

Gráficos de barras de destinos categóricos con iteraciones del análisis de susceptibilidad. En los destinos categóricos con iteraciones de análisis de susceptibilidad, los resultados de la categoría de destino pronosticada se muestran como un gráfico de barras agrupadas que incluye los resultados de todas las iteraciones. El gráfico incluye una lista desplegable que permite agrupar según la categoría o la iteración. En modelos de conglomerado de dos fases y modelos de conglomerado de K-medias, puede seleccionar agrupar según el número o iteración de conglomerados.

Diagramas de caja de múltiples destinos con iteraciones del análisis de susceptibilidad. En modelos predictivos con múltiples destinos continuos e iteraciones del análisis de susceptibilidad, si selecciona mostrar diagramas de caja de todos los destinos en un único gráfico, se producirá un diagrama de caja agrupado. El gráfico incluye una lista desplegable que permite agrupar según el destino o la iteración.

Opciones de gráfico

El cuadro de diálogo Opciones de gráfico permite personalizar la vista de los gráficos activados de funciones de densidad de probabilidad y funciones de distribución acumuladas generadas a partir de una simulación.

Ver. La lista desplegable Ver solo se aplica al gráfico de funciones de densidad de probabilidad. Permite cambiar la vista del gráfico de una curva continua a un histograma. Esta función no está disponible si se muestran múltiples funciones de densidad en el mismo gráfico. En ese caso, las funciones de densidad solo se pueden visualizar como curvas continuas.

Ordenar. La lista desplegable Ordenar solo se aplica al gráfico de función de distribución acumulada. Especifica si la función de distribución acumulada se muestra como una función ascendente (por defecto) o una función descendente. Si se muestra como una función descendente, el valor de la función en un punto concreto del eje horizontal es la probabilidad de que el destino se encuentre a la derecha de ese punto.

Posiciones del deslizador. Puede definir explícitamente las posiciones de las líneas de referencia de los deslizadores introduciendo valores en los cuadros de texto Superior e Inferior. Puede eliminar la línea de la izquierda seleccionando -Infinito, definiendo la posición al infinito negativo, y puede eliminar la línea de la derecha seleccionando Infinito, definiendo la posición al infinito.

Líneas de referencia. Puede añadir diferentes líneas de referencia verticales fijas a funciones de densidad de probabilidad y funciones de distribución acumuladas.

- **Sigmas.** Ahora puede añadir líneas de referencia por encima o por debajo de un número especificado de desviaciones estándar desde la media del objetivo.
- **Percentiles.** Ahora puede añadir líneas de referencia a uno o dos valores de los percentiles de la distribución de cada objetivo introduciendo los valores en los cuadros de texto inferior y superior. Por ejemplo, un valor de 95 en el cuadro de texto superior representa el percentil 95, que es el valor por debajo del cual cae el 95% de las observaciones. Del mismo modo, un valor de 5 en el cuadro de texto inferior representa el percentil 5, que es el valor por debajo del cual cae el 5% de las observaciones.
- **Posiciones personalizadas.** Puede añadir líneas de referencia a los valores especificados en el eje horizontal.

Las líneas de referencia se eliminan cancelando la selección de la opción asociada en el cuadro de diálogo Opciones de gráfico y pulsando en Continuar.

Nota: Si se muestran varias funciones de densidad o funciones de distribución en un único gráfico (debido a múltiples destinos o resultados de iteraciones del análisis de susceptibilidad), se aplican líneas de referencia (salvo líneas personalizadas) por separado a cada función.

Avisos

Esta información se ha desarrollado para los productos y servicios ofrecidos en todo el mundo.

Puede que IBM no ofrezca los productos, los servicios o las características de los que se habla en este documento en otros países. Consulte a su representante local de IBM para obtener información acerca de los productos y servicios que está disponibles actualmente en su zona. Toda referencia que se haga de un producto, programa o servicio de IBM no implica que sólo se deba utilizar ese producto, programa o servicio de IBM. En su lugar, puede utilizarse todo producto, programa o servicio con funcionalidades equivalentes que no infrinjan los derechos de propiedad intelectual de IBM. Sin embargo, es responsabilidad del usuario evaluar y comprobar el funcionamiento de todo producto, programa o servicio que no sea de IBM.

IBM puede tener patentes o aplicaciones de patentes pendientes que cubren el asunto descrito en este documento. Este documento no le otorga ninguna licencia para estas patentes. Puede enviar preguntas acerca de las licencias, por escrito, a:

IBM Director of Licensing, IBM Corporation, North Castle Drive, Armonk, NY 10504-1785, Estados Unidos

Si tiene alguna pregunta sobre la licencia relacionada con la información del juego de caracteres de doble byte (DBCS), póngase en contacto con el departamento de propiedad intelectual de IBM de su país o envíe sus preguntas por escrito a:

Intellectual Property Licensing, Legal and Intellectual Property Law, IBM Japan Ltd., 1623-14, Shimotsuruma, Yamato-shi, Kanagawa 242-8502 Japan.

El párrafo siguiente no se aplica a los Reino Unido o cualquier otro país donde tales disposiciones son incompatibles con la legislación local: INTERNATIONAL BUSINESS MACHINES PROPORCIONA ESTA PUBLICACIÓN “TAL CUAL” SIN GARANTÍA DE NINGÚN TIPO, YA SEA EXPRESA O IMPLÍCITA, INCLUYENDO, PERO NO LIMITADA A, LAS GARANTÍAS IMPLÍCITAS DE NO INFRACCIÓN, COMERCIALIZACIÓN O IDONEIDAD PARA UN PROPÓSITO PARTICULAR. Algunos estados no permiten la renuncia a expresar o a garantías implícitas en determinadas transacciones , por lo tanto , esta declaración no se aplique a usted.

Esta información puede incluir imprecisiones técnicas o errores tipográficos. Periódicamente, se efectúan cambios en la información aquí y estos cambios se incorporarán en nuevas ediciones de la publicación. IBM puede realizar mejoras y/o cambios en los productos y/o los programas descritos en esta publicación en cualquier momento sin previo aviso.

Cualquier referencia a sitios Web que no sean de IBM en esta información sólo es ofrecida por comodidad y de ningún modo sirve como aprobación de esos sitios Web. Los materiales en esos sitios Web no forman parte del material de este producto de IBM y el uso de estos sitios Web es bajo su propio riesgo.

IBM puede utilizar cualquier información que le suministre en cualquier forma que considere adecuada, sin incurrir en ninguna obligación para usted.

Los licenciatarios de este programa que deseen tener información sobre el mismo con el objetivo de habilitar: (i) el intercambio de información entre programas creados independientemente y otros programas (incluyendo este) y (ii) el uso común de la información que se ha intercambiado, deben ponerse en contacto con:

IBM Software Group, a la atención de: Licensing, 233 S. Wacker Dr., Chicago, IL 60606, USA.

Esta información estará disponible, bajo las condiciones adecuadas, incluyendo en algunos casos el pago de una cuota.

IBM proporciona el programa bajo licencia que se describe en este documento y todo el material bajo licencia disponible para el mismo bajo los términos de IBM Customer Agreement (Acuerdo de cliente de IBM), IBM International Program License Agreement (Acuerdo de licencia de programa internacional de IBM) o cualquier acuerdo equivalente entre las partes.

Se ha obtenido información acerca de productos que no son de IBM de los proveedores de esos productos, de sus publicaciones anunciadas o de otras fuentes disponibles públicamente. IBM no ha probado estos productos y no puede confirmar la precisión de su rendimiento, su compatibilidad o cualquier otra reclamación relacionada con productos que no sean de IBM. Las preguntas acerca de las aptitudes de productos que no sean de IBM deben dirigirse a los proveedores de dichos productos.

Esta información contiene ejemplos de datos e informes utilizados en operaciones comerciales diarias. Para ilustrarlos lo máximo posible, los ejemplos incluyen los nombres de las personas, empresas, marcas y productos. Todos esos nombres son ficticios y cualquier parecido con los nombres y direcciones utilizados por una empresa real es pura coincidencia.

Si está viendo esta información en copia electrónica, es posible que las fotografías y las ilustraciones en color no aparezcan.

Marcas comerciales

IBM, el logotipo de IBM, [ibm.com](http://www.ibm.com) y SPSS son marcas comerciales de IBM Corporation, registradas en muchas jurisdicciones de todo el mundo. Existe una lista actualizada de marcas comerciales de IBM en Internet en <http://www.ibm.com/legal/copytrade.shtml>.

Adobe, el logotipo Adobe, PostScript y el logotipo PostScript son marcas registradas o marcas comerciales de Adobe Systems Incorporated en Estados Unidos y/o otros países.

Intel, el logotipo de Intel, Intel Inside, el logotipo de Intel Inside, Intel Centrino, el logotipo de Intel Centrino, Celeron, Intel Xeon, Intel SpeedStep, Itanium y Pentium son marcas comerciales o marcas registradas de Intel Corporation o sus filiales en Estados Unidos y otros países.

Java y todas las marcas comerciales y los logotipos basados en Java son marcas comerciales de Sun Microsystems, Inc. en Estados Unidos, otros países o ambos.

Linux es una marca registrada de Linus Torvalds en Estados Unidos, otros países o ambos.

Microsoft, Windows, Windows NT, y el logotipo de Windows son marcas comerciales de Microsoft Corporation en Estados Unidos, otros países o ambos.

UNIX es una marca registrada de The Open Group en Estados Unidos y otros países.

Este producto utiliza WinWrap Basic, Copyright 1993-2007, Polar Engineering and Consulting, <http://www.winwrap.com>.

Otros productos y nombres de servicio pueden ser marcas comerciales de IBM u otras empresas.

Capturas de pantalla de productos de Adobe reimpresas con permiso de Adobe Systems Incorporated.

Capturas de pantalla de productos de Microsoft reimpresas con permiso de Microsoft Corporation.



- agregación autodocimante
 - en modelos lineales, 85
- ajuste de distribución
 - en simulación, 318
- ajuste de distribución automático
 - en simulación, 318
- alfa de Cronbach
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- análisis alfa, 163
- análisis de componentes principales, 160, 163
- análisis de conglomerados
 - Análisis de conglomerados de K-medias, 193
 - Análisis de conglomerados jerárquico, 188
 - eficacia, 195
- Análisis de conglomerados de K-medias
 - almacenamiento de información de conglomerados, 196
 - conceptos básicos, 193
 - conglomerado de pertenencia, 196
 - criterios de convergencia, 195
 - distancias entre conglomerados, 196
 - eficacia, 195
 - ejemplos, 193
 - estadísticos, 193, 196
 - funciones adicionales del comando, 197
 - iteraciones, 195
 - métodos, 193
 - valores perdidos, 196
- Análisis de conglomerados en dos fases, 169
 - almacenamiento en el archivo de trabajo, 174
 - almacenamiento en un archivo externo, 174
 - estadísticos, 174
 - opciones, 172
- Análisis de conglomerados jerárquico, 188
 - almacenamiento de nuevas variables, 192
 - casos de conglomerado, 188
 - conglomerado de pertenencia, 190, 192
 - dendrogramas, 191
 - diagramas de témpanos, 191
 - ejemplo, 188
 - estadísticos, 188, 190
 - funciones adicionales del comando, 192
 - historial de conglomerado, 190
 - matrices de distancias, 190
 - medidas de distancia, 189
 - medidas de similaridad, 189
 - métodos de conglomeración, 189
 - orientación de los gráficos, 191
 - transformación de medidas, 189
 - transformación de valores, 189
 - variables de conglomerado, 188
- Análisis de fiabilidad, 296
 - coeficiente de correlación intraclass, 297
 - correlaciones y covarianzas inter-elementos, 297
 - descriptivos, 297
 - ejemplo, 296
 - estadísticos, 296–297
 - funciones adicionales del comando, 299
 - Kuder-Richardson 20, 297
 - Prueba de aditividad de Tukey, 297
 - tabla de ANOVA, 297
 - χ^2 cuadrado de Hotelling, 297
- análisis de la varianza
 - en ANOVA de un factor, 54
 - en Estimación curvilínea, 120
 - en Medias, 38
 - en Regresión lineal, 110
- análisis de respuestas múltiples
 - Frecuencias de respuestas múltiples, 280
 - tabla de contingencia, 281
 - Tablas de contingencia de respuestas múltiples, 281
 - tablas de frecuencias, 280
- análisis de series temporales
 - predicción, 122
 - predicción de casos, 122
- análisis de susceptibilidad
 - en simulación, 321
- Análisis discriminante, 152
 - almacenamiento de variables de clasificación, 158
 - coeficientes de la función, 155
 - criterios, 156
 - definición de rangos, 154
 - Distancia de Mahalanobis, 156
 - ejemplo, 152
 - estadísticos, 152, 155
 - estadísticos descriptivos, 155
 - exportación de información del modelo, 158
 - funciones adicionales del comando, 159
 - gráficos, 157
 - Lambda de Wilks, 156
 - matrices, 155
 - matriz de covarianzas, 157
 - métodos de inclusión por pasos, 152
 - métodos discriminantes, 156
 - opciones de representación, 156–157
 - probabilidades previas, 157
 - selección de casos, 154
 - V de Rao, 156
 - valores perdidos, 157
 - variables de agrupación, 152
 - variables independientes, 152
- Análisis factorial, 160
 - conceptos básicos, 160
 - convergencia, 163, 165
 - descriptivos, 162
 - ejemplo, 160
 - estadísticos, 160, 162
 - formato de presentación de los coeficientes, 167
 - funciones adicionales del comando, 167
 - gráficos de saturaciones, 165
 - métodos de extracción, 163

- métodos de rotación, 165
- puntuaciones factoriales, 166
- selección de casos, 161
- valores perdidos, 167
- análisis hipotético
 - en simulación, 321
- análisis imagen, 163
- Análisis vecino más cercano, 129
 - almacenamiento de variables, 138
 - opciones, 140
 - particiones, 136
 - salida, 139
 - selección de características, 135
 - vecinos, 133
 - vista de modelo, 141
- ANOVA
 - en ANOVA de un factor, 54
 - en Medias, 38
 - en MLG Univariante, 60
 - en modelos lineales, 97
 - modelo, 62
- ANOVA de un factor, 54
 - comparaciones múltiples, 56
 - contrastes, 55
 - contrastes polinómicos, 55
 - contrastes post hoc, 56
 - estadísticos, 58
 - funciones adicionales del comando, 59
 - opciones, 58
 - valores perdidos, 58
 - variables del factor, 54
- asignación de memoria
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 172
- asimetría
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en el Informe de estadísticos en columnas, 292
 - en el Informe de estadísticos en filas, 287
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- asociación lineal por lineal
 - en Tablas de contingencia, 25
- aumento
 - en modelos lineales, 85
- autovalores
 - en Análisis factorial, 162–163
 - en Regresión lineal, 110
- avisos legales, 332

- bondad de ajuste
 - en regresión ordinal, 115
- Bonferroni
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- C de Dunnett
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- capas
 - en Tablas de contingencia, 23
- categoría de referencia
 - en MLG, 64
- CCI. *Véase* coeficiente de correlación intraclase, 297
- chi-cuadrado, 244
 - asociación lineal por lineal, 25
 - corrección por continuidad de Yates, 25
 - en Tablas de contingencia, 25
 - estadísticos, 246
 - opciones, 246
 - para la independencia, 25
 - Pearson, 25
 - prueba exacta de Fisher, 25
 - prueba para una muestra, 244
 - rango esperado, 245
 - razón de verosimilitud, 25
 - valores esperados, 245
 - valores perdidos, 246
- chi-cuadrado de la razón de verosimilitud
 - en regresión ordinal, 115
 - en Tablas de contingencia, 25
- chi-cuadrado de Pearson
 - en regresión ordinal, 115
 - en Tablas de contingencia, 25
- clasificación
 - en Curva COR..., 309
- coeficiente alfa
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- Coefficiente de concordancia de Kendall (W)
 - Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213
- coeficiente de contingencia
 - en Tablas de contingencia, 25
- coeficiente de correlación de los rangos
 - en Correlaciones bivariadas, 73
- coeficiente de correlación de Spearman
 - en Correlaciones bivariadas, 73
 - en Tablas de contingencia, 25
- coeficiente de correlación intraclase (CCI)
 - en Análisis de fiabilidad, 297
- coeficiente de correlación r
 - en Correlaciones bivariadas, 73
 - en Tablas de contingencia, 25
- coeficiente de dispersión (CDD)
 - en Estadísticos de la razón, 307
- coeficiente de incertidumbre
 - en Tablas de contingencia, 25
- coeficiente de variación (CDV)
 - en Estadísticos de la razón, 307
- coeficientes beta
 - en Regresión lineal, 110
- coeficientes de regresión
 - en Regresión lineal, 110

- columna total
 - en informes, 293
- comparación de grupos
 - en Cubos OLAP, 45
- comparación de variables
 - en Cubos OLAP, 45
- comparaciones múltiples
 - en ANOVA de un factor, 56
- comparaciones múltiples post hoc, 56
- comparaciones por parejas.
 - pruebas no paramétricas, 242
- conglomeración
 - selección de procedimientos, 168
- conglomerados, 175
 - presentación de conglomerados, 176
 - presentación global, 176
- conjuntos
 - en modelos lineales, 89
- conjuntos de respuestas múltiples
 - Libro de códigos, 1
- construcción de términos, 62, 118
- contrastes
 - en ANOVA de un factor, 55
 - en MLG, 64
- contrastes de desviación
 - en MLG, 64
- contrastes de diferencia
 - en MLG, 64
- Contrastes de Helmert
 - en MLG, 64
- contrastes de linealidad
 - en Medias, 38
- contrastes polinómicos
 - en ANOVA de un factor, 55
 - en MLG, 64
- contrastes repetidos
 - en MLG, 64
- contrastes simples
 - en MLG, 64
- control de página
 - en el informe de estadísticos en columnas, 294
 - en informes de estadísticos en filas, 289
- convergencia
 - en Análisis de conglomerados de K-medias, 195
 - en Análisis factorial, 163, 165
- corrección por continuidad de Yates
 - en Tablas de contingencia, 25
- Correlación de Pearson
 - en Correlaciones bivariadas, 73
 - en Tablas de contingencia, 25
- correlaciones
 - de orden cero, 77
 - en Correlaciones bivariadas, 73
 - en Correlaciones parciales, 76
 - en simulación, 322
 - en Tablas de contingencia, 25
- Correlaciones bivariadas
 - coeficientes de correlación, 73
 - estadísticos, 75
 - funciones adicionales del comando, 75
 - nivel de significación, 73
 - opciones, 75
 - valores perdidos, 75
- correlaciones de orden cero
 - en Correlaciones parciales, 77
- Correlaciones parciales, 76
 - correlaciones de orden cero, 77
 - en Regresión lineal, 110
 - estadísticos, 77
 - funciones adicionales del comando, 78
 - opciones, 77
 - valores perdidos, 77
- Criterio de información de Akaike
 - en modelos lineales, 87
- criterio de prevención sobreajustado
 - en modelos lineales, 87
- criterios de información
 - en modelos lineales, 87
- cuartiles
 - en Frecuencias, 9
- Cubos OLAP, 41
 - estadísticos, 42
 - títulos, 46
- curtosis
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en el Informe de estadísticos en columnas, 292
 - en el Informe de estadísticos en filas, 287
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- Curva COR, 309
 - estadísticos y gráficos, 310
- d*
 - en Tablas de contingencia, 25
- d* de Somers
 - en Tablas de contingencia, 25
- Definir conjuntos de respuestas múltiples, 278
 - categorías, 278
 - dicotomías, 278
 - etiquetas del conjunto, 278
 - nombres del conjunto, 278
- dendrogramas
 - en Análisis de conglomerados jerárquico, 191
- descomposición jerárquica, 63
- Descriptivos, 13
 - almacenamiento de puntuaciones *z*, 13
 - estadísticos, 14
 - funciones adicionales del comando, 15
 - orden de presentación, 14

- desviación absoluta promedio (DAP)
 - en Estadísticos de la razón, 307
- desviación típica
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en el Informe de estadísticos en columnas, 292
 - en el Informe de estadísticos en filas, 287
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en MLG Univariante, 70
 - en Resumir, 33
- DfAjuste
 - en Regresión lineal, 107
- DfBeta
 - en Regresión lineal, 107
- diagnósticos de colinealidad
 - en Regresión lineal, 110
- diagnósticos por caso
 - en Regresión lineal, 110
- diagrama de dispersión
 - en simulación, 325
- diagramas de caja
 - comparación de niveles del factor, 19
 - comparación de variables, 19
 - en Explorar, 19
 - en simulación, 325
- diagramas de dispersión
 - en Regresión lineal, 106
- diagramas de dispersión por nivel
 - en Explorar, 19
 - en MLG Univariante, 70
- diagramas de témpanos
 - en Análisis de conglomerados jerárquico, 191
- diccionario
 - Libro de códigos, 1
- diferencia honestamente significativa de Tukey
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- diferencia menos significativa
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- diferencial relativo al precio (DRP)
 - en Estadísticos de la razón, 307
- diferencias entre grupos
 - en Cubos OLAP, 45
- diferencias entre variables
 - en Cubos OLAP, 45
- distancia chi-cuadrado
 - en Distancias, 80
- distancia de bloques
 - en Distancias, 80
- distancia de bloques de ciudad
 - en Análisis de vecinos más próximos, 133
- distancia de Chebychev
 - en Distancias, 80
- Distancia de Cook
 - en MLG, 68
 - en Regresión lineal, 107
- Distancia de Mahalanobis
 - en Análisis discriminante, 156
 - en Regresión lineal, 107
- Distancia de Manhattan
 - en Análisis de vecinos más próximos, 133
- distancia de Minkowski
 - en Distancias, 80
- Distancia euclídea
 - en Análisis de vecinos más próximos, 133
 - en Distancias, 80
- distancia euclídea al cuadrado
 - en Distancias, 80
- Distancias, 79
 - cálculo de distancias entre casos, 79
 - cálculo de distancias entre variables, 79
 - ejemplo, 79
 - estadísticos, 79
 - funciones adicionales del comando, 82
 - medidas de disimilaridad, 80
 - medidas de similitud, 81
 - transformación de medidas, 80–81
 - transformación de valores, 80–81
- distancias de vecinos más próximos
 - en Análisis de vecinos más próximos, 146
- división
 - división entre columnas del informe, 293
- DMS de Fisher
 - en MLG, 66
- eliminación hacia atrás
 - en Regresión lineal, 105
- error típico
 - en Curva COR..., 310
 - en Descriptivos, 14
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en MLG, 68, 70
- error típico de la asimetría
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- error típico de la curtosis
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- error típico de la media
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- escala
 - en Análisis de fiabilidad, 296
 - en Escalamiento multidimensional, 300
- Escalamiento multidimensional, 300
 - condicionalidad, 303

- creación de matrices de distancias, 302
- criterios, 304
- definición de la forma de los datos, 302
- dimensiones, 303
- ejemplo, 300
- estadísticos, 300
- funciones adicionales del comando, 304
- medidas de distancia, 302
- modelos de escalamiento, 303
- niveles de medida, 303
- opciones de visualización, 304
- transformación de valores, 302
- estadístico de Brown-Forsythe
 - en ANOVA de un factor, 58
- estadístico de Cochran
 - en Tablas de contingencia, 25
- estadístico de Mantel-Haenszel
 - en Tablas de contingencia, 25
- estadístico de Welch
 - en ANOVA de un factor, 58
- estadístico Durbin-Watson
 - en Regresión lineal, 110
- estadístico F
 - en modelos lineales, 87
- estadístico *R*
 - en Medias, 38
 - en Regresión lineal, 110
- Estadísticos de la razón, 306
 - estadísticos, 307
- estadísticos de proporciones de columna
 - en Tablas de contingencia, 28
- estadísticos descriptivos
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 174
 - en Descriptivos, 13
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en MLG Univariante, 70
 - en Resumir, 33
- Estimación curvilínea, 120
 - almacenamiento de intervalos de pronóstico, 122
 - almacenamiento de residuos, 122
 - almacenamiento de valores pronosticados, 122
 - análisis de la varianza, 120
 - inclusión de constante, 120
 - modelos, 122
 - predicción, 122
- Estimaciones de Hodges-Lehman
 - Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213
- estimaciones de los parámetros
 - en MLG Univariante, 70
 - en regresión ordinal, 115
- estimaciones de potencia
 - en MLG Univariante, 70
- estimaciones de tamaño de efecto
 - en MLG Univariante, 70
- estimador bponderado de Tukey
 - en Explorar, 18
- estimador en onda de Andrews
 - en Explorar, 18
- estimador-M de Huber
 - en Explorar, 18
- Estimador-M redescendente de Hampel
 - en Explorar, 18
- Estimadores robustos centrales
 - en Explorar, 18
- estudio de control de casos
 - Prueba T para muestras relacionadas, 50
- estudio de pares relacionados
 - en Prueba T para muestras relacionadas, 50
- eta
 - en Medias, 38
 - en Tablas de contingencia, 25
- eta-cuadrado
 - en Medias, 38
 - en MLG Univariante, 70
- Explorar, 17
 - estadísticos, 18
 - funciones adicionales del comando, 21
 - gráficos, 19
 - opciones, 20
 - transformaciones de potencia, 20
 - valores perdidos, 20
- F* múltiple de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- factor de inflación de la varianza
 - en Regresión lineal, 110
- factorización de ejes principales, 163
- fiabilidad de dos mitades
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- fiabilidad de Spearman-Brown
 - en Análisis de fiabilidad, 297
- formato
 - columnas en informes, 286
- Frecuencias, 8
 - estadísticos, 9
 - formatos, 12
 - gráficos, 11
 - orden de presentación, 12
 - supresión de tablas, 12
- frecuencias acumuladas
 - en regresión ordinal, 115
- frecuencias de los conglomerados
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 174
- Frecuencias de respuestas múltiples, 280
 - valores perdidos, 280
- frecuencias esperadas
 - en regresión ordinal, 115
- frecuencias observadas
 - en regresión ordinal, 115

- funciones de densidad de probabilidad
 - en simulación, 324
- funciones de distribución acumulada
 - en simulación, 324
- gamma
 - en Tablas de contingencia, 25
- gamma de Goodman y Kruskal
 - en Tablas de contingencia, 25
- Generador de simulaciones, 315
- gráfico de espacio de funciones
 - en Análisis de vecinos más próximos, 142
- gráficos
 - en Curva COR..., 309
 - etiquetas de caso, 120
- gráficos de barras
 - en Frecuencias, 11
- gráficos de los residuos
 - en MLG Univariante, 70
- gráficos de perfil
 - en MLG, 65
- gráficos de probabilidad normal
 - en Explorar, 19
 - en Regresión lineal, 106
- gráficos de saturaciones
 - en Análisis factorial, 165
- gráficos de sectores
 - en Frecuencias, 11
- gráficos de tallo y hojas
 - en Explorar, 19
- gráficos de tornado
 - en simulación, 325
- gráficos normales sin tendencia
 - en Explorar, 19
- gráficos parciales
 - en Regresión lineal, 106
- GT2 de Hochberg
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- H* de Kruskal-Wallis
 - en Pruebas para dos muestras independientes, 273
- histogramas
 - en Explorar, 19
 - en Frecuencias, 11
 - en Regresión lineal, 106
- historial de iteraciones
 - en regresión ordinal, 115
- homólogos
 - en Análisis de vecinos más próximos, 146
- importancia de variable
 - en Análisis de vecinos más próximos, 145
- importancia del predictor
 - modelos lineales, 93
- índice de concentración
 - en Estadísticos de la razón, 307
- información de campos categóricos
 - pruebas no paramétricas, 240
- información de campos continuos
 - pruebas no paramétricas, 241
- informe de estadísticos en columnas, 291
- Informe de estadísticos en columnas, 291
 - columnas totales, 293
 - control de página, 294
 - diseño de página, 289
 - formato de columnas, 286
 - funciones adicionales del comando, 295
 - numeración de páginas, 295
 - subtotales, 294
 - total final, 295
 - valores perdidos, 295
- Informe de estadísticos en filas, 285
 - columnas de datos, 285
 - columnas de ruptura, 285
 - control de página, 288
 - diseño de página, 289
 - espaciado de ruptura, 288
 - formato de columnas, 286
 - funciones adicionales del comando, 295
 - numeración de páginas, 289
 - ordenación de secuencias, 285
 - pies, 290
 - títulos, 290
 - valores perdidos, 289
 - variables en los títulos, 290
- informes
 - columnas totales, 293
 - comparación de columnas, 293
 - división de valores de las columnas, 293
 - informe de estadísticos en columnas, 291
 - informes de estadísticos en filas, 285
 - multiplicación de valores de las columnas, 293
 - totales compuestos, 293
- Intervalos de Clopper-Pearson
 - Pruebas no paramétricas para una muestra, 201
- intervalos de confianza
 - almacenamiento en Regresión lineal, 107
 - en ANOVA de un factor, 58
 - en Curva COR..., 310
 - en Explorar, 18
 - en MLG, 64, 70
 - en Prueba T para muestras relacionadas, 51
 - en Prueba t para una muestra, 53
 - en Pruebas t para muestras independientes, 49
 - en Regresión lineal, 110
- Intervalos de Jeffreys
 - Pruebas no paramétricas para una muestra, 201
- intervalos de pronóstico
 - almacenamiento en Estimación curvilínea, 122
 - almacenamiento en Regresión lineal, 107

- intervalos de razón de verosimilitud
 - Pruebas no paramétricas para una muestra, 201
- iteraciones
 - en Análisis de conglomerados de K-medias, 195
 - en Análisis factorial, 163, 165
- kappa
 - en Tablas de contingencia, 25
- kappa de Cohen
 - en Tablas de contingencia, 25
- KR20
 - en Análisis de fiabilidad, 297
- Kuder-Richardson 20 (KR20)
 - en Análisis de fiabilidad, 297
- lambda
 - en Tablas de contingencia, 25
- lambda de Goodman y Kruskal
 - en Tablas de contingencia, 25
- Lambda de Wilks
 - en Análisis discriminante, 156
- Libro de códigos, 1
 - estadísticos, 5
 - salida, 2
- listado de casos, 31
- mapa de cuadrantes
 - en Análisis de vecinos más próximos, 147
- marcas comerciales, 333
- matriz de configuración
 - en Análisis factorial, 160
- matriz de correlaciones
 - en Análisis discriminante, 155
 - en Análisis factorial, 160, 162
 - en regresión ordinal, 115
- matriz de covarianzas
 - en Análisis discriminante, 155, 157
 - en MLG, 68
 - en Regresión lineal, 110
 - en regresión ordinal, 115
- matriz de transformación
 - en Análisis factorial, 160
- máxima verosimilitud
 - en Análisis factorial, 163
- máximo
 - comparación de columnas del informe, 293
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- media
 - de varias columnas del informe, 293
 - en ANOVA de un factor, 58
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en el Informe de estadísticos en columnas, 292
 - en el Informe de estadísticos en filas, 287
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
 - subgrupo, 36, 41
- media armónica
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- media geométrica
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- media ponderada
 - en Estadísticos de la razón, 307
- media recortada
 - en Explorar, 18
- mediana
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- mediana agrupada
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- Medias, 36
 - estadísticos, 38
 - opciones, 38
- medias de grupo, 36, 41
- medias de subgrupo, 36, 41
- medias marginales estimadas
 - en MLG Univariante, 70
- medias observadas
 - en MLG Univariante, 70
- medida de diferencia de configuración
 - en Distancias, 80
- medida de diferencia de tamaño
 - en Distancias, 80
- medida de disimilaridad de Lance y Williams, 80
 - en Distancias, 80
- medida de distancia de phi cuadrado
 - en Distancias, 80
- medidas de dispersión
 - en Descriptivos, 14
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
- medidas de distancia
 - en Análisis de conglomerados jerárquico, 189

- en Análisis de vecinos más próximos, 133
 - en Distancias, 80
- medidas de distribución
 - en Descriptivos, 14
 - en Frecuencias, 9
- medidas de similitud
 - en Análisis de conglomerados jerárquico, 189
 - en Distancias, 81
- medidas de tendencia central
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
- mejores subconjuntos
 - en modelos lineales, 87
- mínimo
 - comparación de columnas del informe, 293
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- mínimos cuadrados generalizados
 - en Análisis factorial, 163
- mínimos cuadrados no ponderados
 - en Análisis factorial, 163
- mínimos cuadrados ponderados
 - en Regresión lineal, 103
- MLG
 - almacenamiento de matrices, 68
 - almacenamiento de variables, 68
 - contrastes post hoc, 66
 - gráficos de perfil, 65
 - modelo, 62
 - suma de cuadrados, 62
- MLG Univariante, 60, 71
 - contrastes, 64
 - diagnósticos, 70
 - medias marginales estimadas, 70
 - opciones, 70
 - presentación, 70
- moda
 - en Frecuencias, 9
- modelo compuesto
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo cuadrático
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo cúbico
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo de crecimiento
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo de curva S
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo de escala
 - en regresión ordinal, 118
- modelo de Guttman
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- modelo de potencia
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo de ubicación
 - en regresión ordinal, 117
- modelo estrictamente paralelo
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- modelo exponencial
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo inverso
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo lineal
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo logarítmico
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo logístico
 - en Estimación curvilínea, 122
- modelo paralelo
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- modelos factoriales completos
 - en MLG, 62
- modelos lineales, 83
 - coeficientes, 99
 - conjuntos, 89
 - criterio de información, 91
 - estadístico R cuadrado, 91
 - importancia del predictor, 93
 - medias estimadas, 101
 - nivel de confianza, 86
 - objetivos, 85
 - opciones de Modelo, 90
 - predicho por observado, 94
 - preparación automática de datos, 86, 92
 - reglas de combinación, 89
 - replicación de resultados, 90
 - residuos, 95
 - resumen de creación de modelos, 102
 - resumen de modelo, 91
 - selección de modelos, 87
 - tabla de ANOVA, 97
 - valores atípicos, 96
- modelos personalizados
 - en MLG, 62
- muestra de entrenamiento
 - en Análisis de vecinos más próximos, 136
- muestra reservada
 - en Análisis de vecinos más próximos, 136
- muestras relacionadas, 271, 276
- multiplicación
 - multiplicación entre columnas del informe, 293
- Newman-Keuls
 - en MLG, 66
- numeración de páginas
 - en el informe de estadísticos en columnas, 295
 - en informes de estadísticos en filas, 289

- número de casos
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- número máximo de ramas
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 172
- pasos sucesivos hacia adelante
 - en modelos lineales, 87
- percentiles
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en simulación, 325
- phi
 - en Tablas de contingencia, 25
- PLUM
 - en regresión ordinal, 113
- porcentajes
 - en Tablas de contingencia, 28
- porcentajes de fila
 - en Tablas de contingencia, 28
- porcentajes de la columna
 - en Tablas de contingencia, 28
- porcentajes totales
 - en Tablas de contingencia, 28
- predicción
 - en Estimación curvilínea, 122
- preparación automática de datos
 - en modelos lineales, 92
- primera
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- profundidad del árbol
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 172
- Proximidades
 - en Análisis de conglomerados jerárquico, 188
- prueba *b* de Tukey
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- prueba binomial
 - Pruebas no paramétricas para una muestra, 200–201
- Prueba binomial, 262
 - dicotomías, 262
 - estadísticos, 264
 - funciones adicionales del comando, 264
 - opciones, 264
 - valores perdidos, 264
- Prueba de aditividad de Tukey
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- prueba de chi-cuadrado
 - Pruebas no paramétricas para una muestra, 200, 202
- Prueba de comparación por parejas de Gabriel
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- Prueba de comparación por parejas de Games y Howell
 - en ANOVA de un factor, 56
- en MLG, 66
- prueba de esfericidad de Bartlett
 - en Análisis factorial, 162
- prueba de Friedman
 - en pruebas para varias muestras relacionadas, 276
 - Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213
- prueba de homogeneidad marginal
 - en Pruebas para dos muestras relacionadas, 271
 - Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213
- prueba de Kolmogorov-Smirnov
 - Pruebas no paramétricas para una muestra, 200, 203
- Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra, 266
 - distribución de contraste, 266
 - estadísticos, 268
 - funciones adicionales del comando, 268
 - opciones, 268
 - valores perdidos, 268
- prueba de la mediana
 - en Pruebas para dos muestras independientes, 273
- prueba de Levene
 - en ANOVA de un factor, 58
 - en Explorar, 19
 - en MLG Univariante, 70
- prueba de Lilliefors
 - en Explorar, 19
- prueba de líneas paralelas
 - en regresión ordinal, 115
- prueba de los signos
 - en Pruebas para dos muestras relacionadas, 271
 - Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213
- prueba de McNemar
 - en Pruebas para dos muestras relacionadas, 271
 - en Tablas de contingencia, 25
 - Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213–214
- prueba de muestras independientes
 - pruebas no paramétricas, 232
- prueba de rachas
 - Pruebas no paramétricas para una muestra, 200, 204
- Prueba de rachas
 - estadísticos, 266
 - funciones adicionales del comando, 266
 - opciones, 266
 - puntos de corte, 264–265
 - valores perdidos, 266
- prueba de rangos múltiples de Duncan
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- prueba de reacciones extremas de Moses
 - en Pruebas para dos muestras independientes, 269
- prueba de Scheffé
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- prueba de Shapiro-Wilk
 - en Explorar, 19
- prueba de Wilcoxon de los rangos con signo
 - en Pruebas para dos muestras relacionadas, 271

- Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213
- Pruebas no paramétricas para una muestra, 200
- prueba exacta de Fisher
 - en Tablas de contingencia, 25
- Prueba M de Box
 - en Análisis discriminante, 155
- Prueba Q de Cochran
 - Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 213, 215
- prueba *t*
 - en MLG Univariante, 70
 - en Prueba T para muestras relacionadas, 50
 - en Prueba *t* para una muestra, 52
 - en Pruebas *t* para muestras independientes, 47
- prueba *t* de Dunnett
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- prueba *t* de Sidak
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- prueba *t* de Student, 47
- prueba *t* de Waller-Duncan
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- prueba *t dependiente*
 - en Prueba T para muestras relacionadas, 50
- prueba *t* para dos muestras
 - en Pruebas *t* para muestras independientes, 47
- Prueba T para muestras independientes, 47
 - definición de grupos, 49
 - intervalos de confianza, 49
 - opciones, 49
 - valores perdidos, 49
 - variables de agrupación, 49
 - variables de cadena, 49
- Prueba T para muestras relacionadas, 50
 - opciones, 51
 - selección de variables relacionadas, 50
 - valores perdidos, 51
- Prueba T para una muestra, 52
 - funciones adicionales del comando, 53
 - intervalos de confianza, 53
 - opciones, 53
 - valores perdidos, 53
- pruebas de homogeneidad de las varianzas
 - en ANOVA de un factor, 58
 - en MLG Univariante, 70
- pruebas de normalidad
 - en Explorar, 19
- pruebas no paramétricas
 - chi-cuadrado, 244
 - Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra, 266
 - Prueba de rachas, 264
 - Pruebas para dos muestras independientes, 268
 - Pruebas para dos muestras relacionadas, 271
 - Pruebas para varias muestras independientes, 273
 - Pruebas para varias muestras relacionadas, 276
 - vista de modelo, 217
- Pruebas no paramétricas de muestras independientes, 205
 - ficha Campos, 207
- Pruebas no paramétricas de muestras relacionadas, 210
 - campos, 212
 - prueba de McNemar, 214
 - Prueba Q de Cochran, 215
- Pruebas no paramétricas para una muestra, 198
 - campos, 199
 - prueba binomial, 201
 - prueba de chi-cuadrado, 202
 - prueba de Kolmogorov-Smirnov, 203
 - prueba de rachas, 204
- Pruebas para dos muestras independientes, 268
 - definición de grupos, 270
 - estadísticos, 270
 - funciones adicionales del comando, 271
 - opciones, 270
 - tipos de pruebas, 269
 - valores perdidos, 270
 - variables de agrupación, 270
- Pruebas para dos muestras relacionadas, 271
 - estadísticos, 273
 - funciones adicionales del comando, 273
 - opciones, 273
 - tipos de pruebas, 272
 - valores perdidos, 273
- pruebas para la independencia
 - chi-cuadrado, 25
- Pruebas para varias muestras independientes, 273
 - definición de rango, 275
 - estadísticos, 275
 - funciones adicionales del comando, 275
 - opciones, 275
 - tipos de pruebas, 274
 - valores perdidos, 275
 - variables de agrupación, 275
- Pruebas para varias muestras relacionadas, 276
 - estadísticos, 277
 - funciones adicionales del comando, 277
 - tipos de pruebas, 276
- puntuaciones factoriales, 166
- puntuaciones factoriales de Anderson-Rubin, 166
- puntuaciones factoriales de Bartlett, 166
- puntuaciones *z*
 - almacenamiento como variables, 13
 - en Descriptivos, 13
- Q* de Cochran
 - en pruebas para varias muestras relacionadas, 276
- R* múltiple
 - en Regresión lineal, 110
- R-cuadrado
 - en modelos lineales, 91
- R-cuadrado corregida
 - en modelos lineales, 87

- R-E-G-W F
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- R-E-G-W Q
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- R^2
 - Cambio en R^2 , 110
 - en Medias, 38
 - en Regresión lineal, 110
- R^2 ajustado
 - en Regresión lineal, 110
- R^2 de Cox y Snell
 - en regresión ordinal, 115
- R^2 de McFadden
 - en regresión ordinal, 115
- R^2 de Nagelkerke
 - en regresión ordinal, 115
- Rachas de Wald-Wolfowitz
 - en Pruebas para dos muestras independientes, 269
- rango
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en Estadísticos de la razón, 307
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- rango múltiple de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- razón entre covarianzas
 - en Regresión lineal, 107
- recuento esperado
 - en Tablas de contingencia, 28
- recuento observado
 - en Tablas de contingencia, 28
- reglas de combinación
 - en modelos lineales, 89
- Regresión lineal, 103
 - almacenamiento de nuevas variables, 107
 - bloques, 103
 - estadísticos, 110
 - exportación de información del modelo, 107
 - funciones adicionales del comando, 112
 - gráficos, 106
 - métodos de selección de variables, 105, 111
 - ponderaciones, 103
 - residuos, 107
 - valores perdidos, 111
 - variable de selección, 106
- regresión múltiple
 - en Regresión lineal, 103
- Regresión ordinal, 113
 - estadísticos, 113
 - funciones adicionales del comando, 119
 - modelo de escala, 118
 - modelo de ubicación, 117
 - opciones, 114
 - vínculo, 114
- Regresión por mínimos cuadrados parciales, 124
 - exportar variables, 127
 - modelo, 126
- regression
 - gráficos, 106
 - Regresión lineal, 103
 - regresión múltiple, 103
- residuos
 - almacenamiento en Estimación curvilínea, 122
 - almacenamiento en Regresión lineal, 107
 - en Tablas de contingencia, 28
- residuos de Pearson
 - en regresión ordinal, 115
- residuos eliminados
 - en MLG, 68
 - en Regresión lineal, 107
- residuos estudentizados
 - en Regresión lineal, 107
- residuos no tipificados
 - en MLG, 68
- residuos tipificados
 - en MLG, 68
 - en Regresión lineal, 107
- Respuesta múltiple
 - funciones adicionales del comando, 284
- resumen de error
 - en Análisis de vecinos más próximos, 151
- resumen de hipótesis
 - pruebas no paramétricas, 218
- resumen de intervalo de confianza.
 - pruebas no paramétricas, 220, 225
- Resumir, 31
 - estadísticos, 33
 - opciones, 33
- rho
 - en Correlaciones bivariadas, 73
 - en Tablas de contingencia, 25
- riesgo
 - en Tablas de contingencia, 25
- riesgo relativo
 - en Tablas de contingencia, 25
- rotación equamax
 - en Análisis factorial, 165
- rotación oblimin directa
 - en Análisis factorial, 165
- rotación quartimax
 - en Análisis factorial, 165
- rotación varimax
 - en Análisis factorial, 165
- S-stress
 - en Escalamiento multidimensional, 300
 - selección de características
 - en Análisis de vecinos más próximos, 148

- selección de funciones y k
 - en Análisis de vecinos más próximos, 150
- selección de k
 - en Análisis de vecinos más próximos, 149
- selección hacia delante
 - en Análisis de vecinos más próximos, 135
 - en Regresión lineal, 105
- selección por pasos
 - en Regresión lineal, 105
- simulación, 312, 321
 - ajuste de distribución, 318
 - análisis de susceptibilidad, 321
 - análisis hipotético, 321
 - correlaciones entre entradas, 322
 - creación de nuevas entradas, 317
 - creación de un plan de simulación, 313
 - criterios de parada, 322
 - diagramas de caja, 325
 - diagramas de dispersión, 325
 - editor de ecuaciones, 316
 - ejecución de un plan de simulación, 314, 326
 - especificación de modelo, 315
 - formatos de visualización de destinos y entradas, 325
 - función de densidad de probabilidad, 324
 - función de distribución acumulada, 324
 - Generador de simulaciones, 315
 - gráficos de tornado, 325
 - gráficos interactivos, 330
 - guardar datos simulados, 326
 - guardar plan de simulación, 326
 - modelos admitidos, 315
 - muestreos de cola, 322
 - opciones del diagrama, 331
 - percentiles de distribuciones de destino, 325
 - personalización del ajuste de distribución, 321
 - reajuste de distribuciones a nuevos datos, 327
 - resultados de ajuste de distribución, 321
 - salida, 324–325
- Simulación de Monte Carlo, 312
- stress
 - en Escalamiento multidimensional, 300
- Student-Newman-Keuls
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- subconjuntos homogéneos
 - pruebas no paramétricas, 243
- subtotales
 - en el informe de estadísticos en columnas, 294
- suma
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- suma de cuadrados, 63
 - en MLG, 62
- T2 de Tamhane
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- T3 de Dunnett
 - en ANOVA de un factor, 56
 - en MLG, 66
- tabla de clasificación
 - en Análisis de vecinos más próximos, 150
- tabla de contingencia
 - en Tablas de contingencia, 22
 - respuesta múltiple, 281
- tablas de contingencia, 22
- Tablas de contingencia, 22
 - capas, 23
 - estadísticos, 25
 - formatos, 29
 - gráficos de barras agrupadas, 24
 - presentación de casillas, 28
 - supresión de tablas, 22
 - variables de control, 23
- Tablas de contingencia de respuestas múltiples, 281
 - definición de rangos de valores, 283
 - emparejamiento de las variables entre los conjuntos de respuestas, 283
 - porcentajes basados en casos, 283
 - porcentajes basados en respuestas, 283
 - porcentajes de casilla, 283
 - valores perdidos, 283
- tablas de frecuencias
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 8
- tau de Goodman y Kruskal
 - en Tablas de contingencia, 25
- tau de Kruskal
 - en Tablas de contingencia, 25
- tau-*b*
 - en Tablas de contingencia, 25
- Tau-*b* de Kendall
 - en Correlaciones bivariadas, 73
 - en Tablas de contingencia, 25
- tau-*c*
 - en Tablas de contingencia, 25
- Tau-*c* de Kendall , 25
 - en Tablas de contingencia, 25
- T*^{cuadrado} de Hotelling
 - en Análisis de fiabilidad, 296–297
- términos de interacción, 62, 118
- tipificación
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 172
- títulos
 - en Cubos OLAP, 46
- tolerancia
 - en Regresión lineal, 110
- totales finales
 - en el informe de estadísticos en columnas, 295
- tratamiento del ruido
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 172

- U* de Mann-Whitney
 - en Pruebas para dos muestras independientes, 269
- última
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- umbral inicial
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 172

- V*
 - en Tablas de contingencia, 25
- V* de Cramér
 - en Tablas de contingencia, 25
- V* de Rao
 - en Análisis discriminante, 156
- valores atípicos
 - en Análisis de conglomerados en dos fases, 172
 - en Explorar, 18
 - en Regresión lineal, 106
- valores de influencia
 - en MLG, 68
 - en Regresión lineal, 107
- valores extremos
 - en Explorar, 18
- valores perdidos
 - en Análisis de vecinos más próximos, 140
 - en Análisis factorial, 167
 - en ANOVA de un factor, 58
 - en Correlaciones bivariadas, 75
 - en Correlaciones parciales, 77
 - en Curva COR..., 310
 - en el informe de estadísticos en columnas, 295
 - en el Informe de estadísticos en filas, 289
 - en Explorar, 20
 - en la prueba de chi-cuadrado, 246
 - en las frecuencias de respuestas múltiples, 280
 - en las tablas de contingencia de respuestas múltiples, 283
 - en Prueba binomial, 264
 - en Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra, 268
 - en Prueba de rachas, 266
 - en Prueba T para muestras relacionadas, 51
 - en Prueba t para una muestra, 53
 - en Pruebas para dos muestras independientes, 270
 - en Pruebas para dos muestras relacionadas, 273
 - en Pruebas para varias muestras independientes, 275
 - en Pruebas t para muestras independientes, 49
 - en Regresión lineal, 111
- valores pronosticados
 - almacenamiento en Estimación curvilínea, 122
 - almacenamiento en Regresión lineal, 107
- valores pronosticados ponderados
 - en MLG, 68
- valores tipificados
 - en Descriptivos, 13
- variable de selección
 - en Regresión lineal, 106
- variables de control
 - en Tablas de contingencia, 23
- varianza
 - en Cubos OLAP, 42
 - en Descriptivos, 14
 - en el Informe de estadísticos en columnas, 292
 - en el Informe de estadísticos en filas, 287
 - en Explorar, 18
 - en Frecuencias, 9
 - en Medias, 38
 - en Resumir, 33
- vínculo
 - en regresión ordinal, 114
- visor de conglomerados
 - clasificación de la visualización de características, 180
 - clasificación de la visualización de conglomerados, 180
 - clasificar características, 180
 - clasificar conglomerados, 180
 - clasificar contenido de casillas, 180
 - comparación de conglomerados, 184
 - conceptos básicos, 176
 - distribución de casillas, 183
 - filtrado de registros, 186
 - importancia del predictor, 181
 - información sobre los modelos de conglomerados, 175
 - resumen de modelo, 177
 - tamaño de los conglomerados, 182
 - transponer conglomerados y características, 179
 - uso, 185
 - vista básica, 181
 - vista comparación de conglomerados, 184
 - vista de centros de conglomerados, 178
 - vista de conglomerados, 178
 - vista de resumen, 177
 - vista de tamaños de conglomerados, 182
 - vista distribución de casillas, 183
 - vista importancia del predictor de conglomerados, 181
 - visualización de contenido de casillas, 180
 - voltar conglomerados y características, 179
- vista de modelo
 - en Análisis de vecinos más próximos, 141
 - pruebas no paramétricas, 217
- visualización
 - modelos de conglomerados, 176

- W* de Kendall
 - en pruebas para varias muestras relacionadas, 276

- Z* de Kolmogorov-Smirnov
 - en Prueba de Kolmogorov-Smirnov para una muestra, 266
 - en Pruebas para dos muestras independientes, 269